

medicina

BUENOS AIRES VOL. 75 Supl. II - 2015



2015

MEDICINA

Volumen 75, Supl. II, págs. 1-237

medicina

BUENOS AIRES, VOL. 75 Supl. II - 2015

COMITÉ DE REDACCIÓN

Héctor O. Alonso	Daniel A. Manigot
Pablo J. Azurmendi	Jorge A. Manni
Juan Antonio Barcat	Rodolfo S. Martin
Damasia Becú Villalobos	Guillermo D. Mazzolini
María Marta E. Bracco	Isabel N. P. Miceli
Eduardo L. De Vito	Christiane Dosne Pasqualini
Guillermo Jaim Etcheverry	Rodolfo C. Puche
Isabel N. Kantor	Viviana Ritacco
Basilio A. Kotsias	Guillermo B. Semeniuk

La Tapa (Ver 4)
Bosque petrificado, 1993
Delia Velekson

MEDICINA (Buenos Aires) – Revista bimestral – ISSN 1669-9106

Medicina (B Aires) – Fundada en 1939

REVISTA BIMESTRAL

Registro de la Propiedad Intelectual N° 5254422

Personería Jurídica N° C-7497

Publicación de la Fundación Revista Medicina (Buenos Aires)

Propietario de la publicación: **Fundación Revista Medicina**

Queda hecho el depósito que establece la ley 11723

Publicada con el apoyo del Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva.

MEDICINA no tiene propósitos comerciales. El objeto de su creación ha sido propender al adelanto de la medicina argentina. Los beneficios que pudieran obtenerse serán aplicados exclusivamente a este fin.

Aparece en MEDLINE (PubMed), ISI-THOMSON REUTERS (Journal Citation Report, Current Contents, Biological Abstracts, Biosis, Life Sciences), CABI (Global Health), ELSEVIER (Scopus, Embase Excerpta Medica), SciELO, LATINDEX, BVS (Biblioteca Virtual en Salud), Google Scholar y Google Books.

Directores Responsables: Basilio A. Kotsias, Damasia Becú Villalobos, Isabel Narvaiz Kantor, Guillermo B. Semeniuk

Secretaría de Redacción: Ethel Di Vita, Instituto de Investigaciones Médicas Alfredo Lanari, Combatientes de Malvinas 3150,
1427 Buenos Aires, Argentina

Tel. 4514-8701/09 Int. 174 y 4523-6619 – Fax: 4523-6619

e-mail: revmedbuenosaires@gmail.com – http://: www.medicinabuenosaires.com

Edición realizada por

ESTUDIO SIGMA S.R.L. – J. E. Uriburu 1252 – 8° F – Buenos Aires – Tel.: 4824-9431 / 4821-2702

e-mail: estsigma@gmail.com – www.estudiosigma.com.ar

Noviembre 2015

**LX REUNIÓN DE LA
SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN CLÍNICA (SAIC)**

**REUNIÓN ANUAL DE LA
SOCIEDAD ARGENTINA DE FISIOLÓGÍA (SAFIS)**

18-21 de noviembre de 2015
Hotel 13 de Julio – Mar del Plata

- 1 Discurso del Presidente de SAIC**
- 5 Discurso del Presidente de SAFIS**
- 12 Conferencias y Simposios**
- 46 Resúmenes de las Comunicaciones**
- 220 Índice de autores**

**LX ANNUAL MEETING
ARGENTINE SOCIETY FOR CLINICAL INVESTIGATION**

**ANNUAL MEETING
ARGENTINE SOCIETY OF PHYSIOLOGY**

November 18-21, 2015
13 de Julio Hotel – Mar del Plata

1	SAIC Presidential Address
5	SAFIS Presidential Address
12	Conferences and Symposia
56	Abstracts
220	Author Index

LA TAPA

Delia Velekson. **Bosque petrificado, 1993**

Óleo sobre tela. 100 × 80 cm. Cortesía de la Comisión Nacional de Energía Atómica, Predio TANDAR, Centro Atómico Constituyentes. Presidente de la Comisión Organizadora de la Exposición Permanente: Dr. A.J.G.Maroto.

Nació en Cdro Rivadavia, reside en Buenos Aires desde 1961. Estudió en la Escuela Nacional de Bellas Artes Manuel Belgrano, profesorado de pintura en la Escuela Nacional de Bellas Artes Prilidiano Pueyrredón. Cursó talleres con los maestros Carlos Torrallardona, Oscar Capristo, Aída Carballo, Beatriz Varela Freire y Mario Arrigutti en escultura. Ha expuesto desde 1975, entre otras, en III Certamen de Artes Plásticas del *Palais de Glace*, Bienal Santa María de los Buenos Aires, Muestra Internacional de Arte Argentino Brasileño, Arte BA'95, y en numerosos centros de Argentina y Uruguay. Además sus obras se han expuesto en la República Checa, en Bélgica, Girona (España), Miami (EE.UU.). Ha sido distinguida por la organización civil Propuesta Mujer en el campo del Arte Plástica, por su gran aporte y difusión de la cultura. Poseen obras suyas colecciones privadas del país y del exterior^{1, 2}.

¹*Comisión Nacional de Energía Atómica. Artistas Plásticos con la CIENCIA, 101 Centro Atómico Constituyentes, Predio TANDAR, Buenos Aires, 1999; p 114.* ²<http://velekson.artelista.com/>

²<http://velekson.artelista.com/>

**LX Reunión de la
Sociedad Argentina de Investigación Clínica (SAIC)**

**Reunión Anual de la
Sociedad Argentina de Fisiología (SAFIS)**

18-21 de noviembre de 2015
Hotel 13 de Julio – Mar del Plata

CONSEJOS DIRECTIVOS

SAIC

Presidente

Juan Carlos Calvo

Vicepresidente

Edith Kordon

Secretaria

Carolina Mondillo

Tesorera

Monica Beatriz Frungieri

Prosecretaria

Alejandra Giselle Erlejman

Vocales

Edgardo O. Alvarez Toro

Maria Cecilia Carreras

Veronica D'Annunzio

Andrea Loaiza Perez

Alejandra Luquita

Roxana Marino

Silvina Meroni

Cecilia Poderoso

Maria Ana Redal

Marta Elena Roque

Fernanda Rubio

Veronica White

Valeria Zago

Revisores de cuentas

Andrea Silvana Randi

Marcelo Gabriel Roma

SAFIS

Presidente

Ernesto Alejandro Aiello

Vicepresidente

Alberto Crottogini

Secretaria

María Celeste Villa-Abrille

Tesorero

Nestor Gustavo Perez

Vocales

Maria Julia Cambiasso

Andrea N. Chisari

Gisela Di Giusto

Irene L. Ennis

Cristian Favre

Veronica Milesi

Gabriel Orce

María Laura Ruiz

Analia Tomat

**LA SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN CLÍNICA
Y
LA SOCIEDAD ARGENTINA DE FISIOLÓGÍA**

AGRADECEN EL APOYO DE

INSTITUCIONES OFICIALES

MINISTERIO DE CIENCIA, TECNOLOGÍA E INNOVACIÓN PRODUCTIVA
CONSEJO NACIONAL DE INVESTIGACIONES CIENTÍFICAS Y TÉCNICAS
AGENCIA NACIONAL DE PROMOCIÓN CIENTÍFICA Y TECNOLÓGICA

OTRAS INSTITUCIONES

FUNDACIÓN CHERNY
FUNDACIÓN COSSIO
FUNDACIÓN GADOR
FUNDACIÓN HONORIO BIGAND
FUNDACIÓN ROBERTO SOTO
SOCIEDAD AMERICANA DE MICROBIOLOGÍA

**LA SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN CLÍNICA
Y
LA SOCIEDAD ARGENTINA DE FISIOLÓGÍA**

AGRADECEN LA COLABORACIÓN DE LAS SIGUIENTES EMPRESAS E INSTITUCIONES

AP BIOTECH
BIO ANALITICA
BIO OPTIC SRL
BIOSIDUS
CATLAB
CIENTIST
DIAGNOS MED
ETC INTERNACIONAL
GADOR
HOTEL 13 DE JULIO INTERSUR
HOTEL 15 DE MAYO
GE
LOBOV
MICROLAT
MIGLIORE LACLAUSTRA
RESEARCH
SARTORIUS
SIGMA
TECNOLAB

ESTIMADOS SOCIOS Y AMIGOS:

Nos complace darles la bienvenida a la Reunión Conjunta 2015 entre la Sociedad Argentina de Investigación Clínica (SAIC) y la Sociedad Argentina de Fisiología (SAFIS), que se llevará a cabo en la ciudad de Mar del Plata, del 18 al 21 de noviembre.

El programa científico del evento incluye Conferencias y Simposios dictados por investigadores nacionales e internacionales de reconocido prestigio, entre los que se incluyen un Simposio Satélite a la Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Andrología (SAA), y un Simposio organizado conjuntamente con la Asociación de Endocrinología Pediátrica Argentina (ADEPA). También hemos incluido un Simposio de Médicos Jóvenes, con la idea de atraer y dar participación a jóvenes médicos que realicen tareas de investigación en paralelo con su práctica asistencial, y un Simposio debate intitolado "Estatuto biológico y social del embrión humano", para lo cual hemos convocado a destacados profesionales en genética, leyes y bioética.

Atendiendo a los pedidos de muchos socios y entendiendo que los congresos representan también un foro en el que los jóvenes estudiantes, becarios y residentes pueden tener sus primeras experiencias de defensa pública de sus investigaciones, hemos retornado a la combinación de presentaciones en forma oral y de posters, evitando superponer actividades paralelas para así favorecer un productivo intercambio entre todos los asistentes.

Es nuestro deseo que la Reunión Conjunta SAIC-SAFIS 2015 constituya un ambiente propicio para la presentación y discusión académica de nuestra actualidad científica. Los invitamos a participar activamente de esta reunión, en la que los paradigmas principales serán la rigurosidad científica, la excelencia y la crítica constructiva.

Saludos cordiales,

Dr. Juan Carlos Calvo
Presidente SAIC

Dr. Ernesto Alejandro Aiello
Presidente SAFIS

Dra. Carolina Mondillo
Secretaria SAIC

Dra. María Celeste Villa-Abrille
Secretaria SAFIS

SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN CLÍNICA

LX REUNIÓN CIENTÍFICA

Discurso del Presidente de la Sociedad

JUAN CARLOS CALVO

Estimados colegas, amigos e invitados:

Es un honor para mí inaugurar esta Sexagésima Reunión Anual de la Sociedad Argentina de Investigación Clínica y hacerlo conjuntamente con la Sociedad Argentina de Fisiología. Mi agradecimiento a su Presidente, el Dr Ernesto Alejandro Aiello.

Creo que no hace falta abundar en detalles de lo que la SAIC significa dentro del concierto de Sociedades Bio-médicas, tanto en su historia, en la personalidad de quienes le dieron origen, como también en el prestigio que tiene como núcleo de tantas y tan buenas investigaciones tanto clínicas como básicas, como lo demuestran las más de 600 comunicaciones que, en conjunto con SAFIS, jerarquizan este encuentro científico.

Es costumbre que el Presidente de SAIC indique, en cierto modo, un tema central para el congreso que le toca y alrededor de ese tópico giren muchas de las Conferencias y Simposios. No fue este mi caso. Desde el comienzo hubo total libertad para sugerir temas para Conferencias, Simposios e invitados. Y resultó muy enriquecedor el escuchar y, en muchos casos aceptar esas propuestas.

Lo único que, de alguna manera, primó en mi deseo de ver reflejada en esta Reunión Anual fue un cierto retorno a la clínica, tal como se venía reclamando a través de los años. Prueba de ello es el Simposio de Médicos Jóvenes, el Simposio Satélite de la Sociedad Argentina de Andrología, el Simposio de la Sociedad de Endocrinología Pediátrica y conferencias tales como las Taquini y Lanari, donde se abordarán temas marcadamente clínicos o básicos, pero con impacto inmediato en la clínica entre tantas otras comunicaciones y posters. También nos arriesgamos a traer a discusión temas tan importantes como lo es el estatuto biológico, legal y ético del embrión humano, debate que debe darse de una vez en nuestro ámbito como también en la sociedad no científica de la que todos formamos parte.

Pero esto no es más que una pequeña muestra de lo que podrán disfrutar durante los días que dure nuestro encuentro científico.

Entonces, dado que traté de no influenciar en la línea conductora del Congreso, voy a aprovechar esta oportunidad en la que me puedo dirigir a ustedes para dar a este discurso mi impronta. El Congreso es de todos ustedes, este discurso es mío. En lo que hace al Congreso, tienen el programa y la revista que son muestra suficiente de lo que se les ofrecerá y no quiero agotar este tiempo deteniéndome en esto.

Por ello, será un discurso de agradecimiento. No puede ser de otra manera.

En primer lugar, por el cargo que ocupó en este momento, mi agradecimiento a quienes me postularon para ocupar la Vicepresidencia durante el período 2014, en especial al Dr Omar Pignataro que, con su proverbial energía recorrió pasillos en tantos otros lugares para conseguir las firmas que apoyaran mi candidatura. Luego, agradecer al Comité de Nominación por llevar a la Asamblea esa postulación. En el mismo orden, mi agradecimiento a esa Asamblea del año 13 (obviamente algunos siglos de desfasaje con la famosa) que votó favorablemente mi participación como Vicepresidente durante la presidencia del Dr Héctor Targovnik, a quien no tengo más que palabras de profundo agradecimiento por la manera en que continuó ayudándome aún cuando ya había terminado su mandato.

Hasta aquí el agradecimiento a quienes hicieron posible que hoy ocupe la Presidencia SAIC 2015.

Ahora el agradecimiento a quienes hicieron posible con su aporte monetario que esta reunión pudiera concretarse: el Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, la Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, el Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva dentro de los entes oficiales y las Fundaciones que desinteresadamente continúan siendo una parte esencial de nuestro Congreso: Cherny, Cossio, Soto, GADOR y las nuevas incorporaciones de la Fundación Honorio Bigand y la Sociedad Americana de Microbiología. Asimismo, vaya mi agradecimiento a todas las empresas que con gran esfuerzo también de su parte, continúan con su permanente apoyo para que la SAIC pueda seguir ofreciendo un ámbito de intercambio de conocimiento y colaboraciones. A Julián y Patricio de G2 porque se han puesto como meta ayudarnos y, qué bien lo hicieron. Y, por supuesto a nuestros socios que con su cuota y participación son una pieza fundamental en este logro.

Pero no puedo dejar pasar otros agradecimientos, tal vez más personales, pero como ya les dije este es mi discurso y lo voy a agotar con muchísimas gracias.

De suyo van las gracias a la familia en la que me crié y la familia que formé porque de ellas recibí, por un lado, la herencia de valores éticos que trato de mantener y transmitir y, además, porque en el transcurso de los años compartidos con mi señora y mi hija no pude menos que seguir admirando esos mismos valores, como también reconociendo que, sin el apoyo continuo, como por qué no también la crítica que construye, no se puede avanzar en la vida. Y esta Reunión Anual llega con un agregado extra al tener a mi propia hija entre los simposistas, hecho que me enorgullece porque reconozco en ella a una excelente profesional médica, además de buenísima hija. Pero ese Simposio de Médicos Jóvenes viene con otros condimentos que esta oportunidad única de presidir la SAIC me entregó: una médica residente de cardiología a quien conocí de chiquita y que sigue los pasos de dos padres que son excelentes profesionales médicos, los Dres Pedro Politi y Dora Isolabella, como también un médico especialista en diagnóstico por imágenes que fue compañero de mi hija en la época de facultad y que terminara como uno de los mejores promedios de su promoción.

Esa familia biológica se extiende en la familia que me rodea en el laboratorio y a quien debo muchísimo por lo que me enseñan cada día, fundamentalmente con el esfuerzo en continuar hacia adelante contra viento y marea, haciendo de cada día una nueva alegría al encontrarlas (sí, son todas mujeres), permitiéndome compartir con ellas no solamente conocimiento sino un remanso de juventud que hace mejor que cualquier cirugía estética para renovar las fuerzas.

Como muchas de ellas fueron mis alumnas, no puedo dejar de agradecer a los miles de alumnos que, a lo largo de mis casi 40 años desde que ingresé a la academia como ayudante de segunda en la querida Facultad de Ciencias Exactas y Naturales de la Universidad de Buenos Aires, más alguna que otra incursión en la Universidad Favaloro como también en CAECE, me han acompañado y acompañan en la enorme y gratificante tarea docente. Vaya a ustedes, los que están hoy aquí conmigo y los que me acompañan desde lejos, mi profundo agradecimiento por ser el motor que me impulsa a seguir adelante.

Así como agradezco a la familia biológica en la que crecí, no puedo menos que agradecer a mis padres científicos que me formaron en la investigación, como también en la docencia. Si bien los jóvenes de hoy en día tienen mucho que agradecer por haber nacido en la época cibernética que hace mucho más sencilla la vida profesional, se han perdido el crecer junto a quienes fueron construyendo los fundamentos de los que hoy pueden disfrutar. Vaya mi agradecimiento a quienes me acompañaron en mis inicios y que, creo no equivocarme al decir que la mayoría es o fue parte de esta familia que es SAIC: el Dr Eduardo Charreau (mi director de Tesis Doctoral, como también uno de los docentes que despertara en mí el deseo de enseñar en Exactas), el Dr Alejandro De Nicola, el Dr Jorge Blaquier, el Dr Enrique Segura, el Dr Ricardo Calandra, el Dr Carlos Libertun, el Dr Enrique del Castillo, el Dr Ernesto Podestá, el Dr Alberto Baldi, por qué no el Dr Virgilio Foglia quien me permitiera ver cómo se hacían las hipofisectomías aunque nunca me animara a realizar alguna, pero sí a hacer resucitación boca a boca a una rata que se pasaba de anestesia (por supuesto con una pipeta de por medio). Memorias todas que conservo muy dentro de mí y que, lamentablemente las generaciones nuevas creo que se las han perdido. No puedo dejar de recordar a un maestro de la vida, el Dr Carlos Lantos que desde al año pasado no nos acompaña más en este mundo, pero cuyo ejemplo de honradez, humildad y universalidad, más allá de lo que significó para la investigación de los corticoides, ha tocado profundamente muchas almas y a quien deseo dedicar esta Reunión Anual.

Finalmente, así como comencé agradeciendo a todos y todo lo relacionado con este Congreso, quiero dejar para lo último lo que considero es el mayor agradecimiento que puedo hacer en esta Sexagésima Reunión: a los dos pilares que me acompañaron en esta gestión. A Carolina Mondillo, Secretaria (porque su cargo así lo indica) y a Mónica Frungieri, Tesorera (porque así lo dice también su cargo), pero que fueron mucho más que esas denominaciones. Fueron el continuo ejemplo de dedicación, perseverancia, honestidad, ética, inteligencia y de las que me siento honrado porque hayan aceptado (y no creo que lo vuelvan a hacer) mi pedido de ayuda para esta ocasión. Sin ellas no tendríamos Congreso. Todo lo bueno que salga de aquí es gracias a ellas, todo lo malo que pueda pasar, es absolutamente responsabilidad mía. Y vaya también mi agradecimiento a Ivana, la proverbial Secretaria de SAIC, que permanece a través de las gestiones y que, en esta ocasión, demostró una faceta escondida y que supimos aprovechar como diseñadora gráfica. A ella, con la mirada crítica de Carolina y Mónica obviamente, le debemos los hermosos logos, carteles, tapa y demás. Y al Consejo Directivo que me acompañó porque hicieron de cada reunión un encuentro amistoso, donde no hubo roces sino un deseo conjunto de compartir un proyecto común. Muchísimas gracias a todos y, en particular a los representantes del interior por haber aceptado participar, aunque no fuese la mejor manera evidentemente y por lo que pido disculpas, en forma remota por videoconferencia. Realmente fue un lujo compartir este año con todos ustedes.

Bienvenidos a esta Sexagésima Reunión Anual de SAIC, en conjunto con SAFIS. Gracias por acompañarnos y ojalá disfruten de todo lo que se les ofrece.

SOCIEDAD ARGENTINA DE FISIOLÓGIA (SAFIS)

Reunión Científica 2015

Discurso del Presidente de la Sociedad

Ernesto Alejandro Aiello

En nombre de la Comisión Directiva de la Sociedad Argentina de Fisiología (SAFIS) les doy la bienvenida a nuestro Congreso Anual, que en esta ocasión se realiza en conjunto con la Sociedad Argentina de Investigación Clínica (SAIC), en el marco de su habitual Congreso Anual. SAFIS y SAIC se encuentran unidas por lazos familiares, ya que entre otros motivos, compartimos gran cantidad de socios. La hermandad entre estas dos Sociedades Científicas quedó nuevamente demostrada durante la organización del presente Congreso, por la inter-participación de sus distintas Comisiones Directivas, por el clima de cordialidad que respiramos y por la excelente disposición de los integrantes de los Comités Organizadores. Por todo esto, brindo un especial agradecimiento al Presidente de SAIC, el Dr. Juan Carlos Calvo.

La Sociedad Argentina de Ciencias Fisiológicas fue fundada el 23 de marzo de 1950 por el Dr. Bernardo Houssay. Desde sus orígenes participó en la organización de numerosas reuniones nacionales e internacionales en distintas ciudades de nuestro país. Fue también motor de la fundación de la Sociedad Latinoamericana de Ciencias Fisiológicas (ALACF). En el año 1993 la Sociedad interrumpió sus actividades. Sin embargo, se reorganiza por iniciativa del Dr. Mario Parisi en el año 2003, como Sociedad Argentina de Fisiología (SAFIS). Desde su reorganización la SAFIS ha crecido en el número de socios (inicialmente 120, actualmente 450) y ha desarrollado diversas actividades, entre ellas la organización de Reuniones Científicas a Nivel Nacional e Internacional. Por ejemplo, entre las últimas, la SAFIS organizó, en el año 2006, el XXII Congreso de la ALACF en nuestro país; participó, en el año 2009, de la organización del XXIII Congreso ALACF en Pucón (Chile) y participó de la organización del 1er Congreso Panamericano de Ciencias Fisiológicas 2014 que tuvo lugar en la ciudad de Foz de Iguazú, Brasil. A nivel nacional la SAFIS ha realizado sucesivos congresos de manera individual o en conjunto con otras destacadas Sociedades del país (SAIC, SAI, SAFE, SAB y SAN).

La SAFIS también promueve la actividad docente en Fisiología. En noviembre 2010, en el marco de su Reunión Anual, la SAFIS organizó el Primer Encuentro Nacional de Docentes de Fisiología, en el que se abordó la problemática común de su enseñanza en las diferentes Universidades del país. El éxito de esta actividad fue tal que planteó la necesidad de incorporar estos eventos, en carácter de bianuales, a los congresos regulares de la Sociedad de tal modo que en el año 2012 tuvo lugar el Segundo Encuentro Nacional de Docentes de Fisiología en Rosario y en el año 2014 se realizó el Tercer Encuentro Nacional de Docentes de Fisiología en Buenos Aires. El año próximo, en octubre de 2016, realizaremos el Cuarto Encuentro Nacional de Docentes de Fisiología en la ciudad de La Plata; desde ya los invito a participar del mismo.

La SAFIS también se enorgullece de difundir la investigación en el área de Fisiología mediante la edición de una revista electrónica, *Physiological Mini-Reviews*, en la cual colaboran prestigiosos investigadores nacionales y extranjeros. En nombre de la Editora de esta revista, la Dra. Alicia Mattiazzi, los invito a enviar artículos para ser considerados para su publicación.

La SAFIS también propone el reconocimiento de la labor Científica de los Jóvenes Investigadores ya que en cada Reunión Anual promueve la postulación de trabajos a optar por dos tipos de premios, evaluados por un jurado de destacados científicos: 1- Premio SAFIS, a la mejor contribución en ciencias fisiológicas (excluyendo el área cardiovascular) y 2- Premio Camilión de Hurtado a la mejor contribución en fisiología cardiovascular. Al respecto de éste último, quiero agradecer de corazón a la familia Hurtado por su constante apoyo a nuestra Sociedad. En el presente Congreso, ambos Premios tendrán el formato de Simposio.

Para esta reunión, además de los Simposios de Jóvenes Investigadores que acabo de mencionar, organizamos tres Conferencias y dos Simposios con distinguidos disertantes del país y del extranjero, los Dres. Richard Vaughan-Jones (University of Oxford, UK), Moisés E. Bauer (Pontifical Catholic University of the Rio Grande do Sul, Porto Alegre, Brazil), William C. Cole (University of Calgary, Canada), Benedito Machado (University of São Paulo, Brazil), Marcelo Perone (IBioBA, CONICET), Rosa Inés Barañao (IBYME, CONICET), César Fraga (UBA, IBIMOL, CONICET), Cristina Arranz (UBA, IQUIMEFA, CONICET) Claudia Pellizas (UNC, CIBICI, CONICET) y Verónica Milesi (UNLP, IIFP, CONICET). Por último, se presentarán 78 trabajos en formato Póster.

Para organizar el Congreso contamos con el apoyo económico del CONICET, de la ANPCyT, y por primera vez de la Comisión de Investigaciones Científicas de la Provincia de Buenos Aires (CIC). Quiero agradecer a los coordinadores de los Simposios y Conferencias, a los Jurados de las Sesiones de Pósters y de los Premios SAFIS y Camilión de Hurtado, a Valeria Casazza, nuestra secretaria permanente, y por supuesto, muy especialmente a los miembros de

la Comisión Directiva, con los cuales seguiremos trabajando un año más en la organización del próximo Congreso Anual en el año 2016. También agradezco el apoyo infinito que constantemente me brinda mi familia.

Me gustaría finalizar destacando la activa participación de los jóvenes en la investigación científica básica y clínica. Considero que la calidad de nuestra ciencia se ubica por encima de las posibilidades económicas, edilicias y de equipamiento de nuestro país. Creo que en parte somos capaces de desafiar estas dificultades gracias al entusiasmo por contestar las preguntas que nos plantea la naturaleza, que constituye el motor que nos mueve, y que queda reflejado año tras año, en el interés que nuestros jóvenes demuestran en este congreso, dónde la mayoría de nosotros hemos dado los primeros pasos de este camino que al mismo tiempo nos desvela y nos enamora.

Les agradezco su atención y espero disfruten del Congreso.

MECANISMOS DEL POSICIONAMIENTO Y MOVILIDAD INTRACELULAR DE LOS LISOSOMAS JING PU, CHRISTINA SCHINDLER, RUI JIA, MICHAL JARNIK, PETER BACKLUND Y JUAN S. BONIFACINO

*Eunice Kennedy Shriver National Institute of Child Health and Human Development (NICHD),
National Institutes of Health (NIH), Bethesda, Maryland, USA*

Desde su descubrimiento por Christian de Duve en 1955, los lisosomas se conocen como las organelas responsables de la degradación intracelular de proteínas, lípidos, hidratos de carbono, ácidos nucleicos y otras sustancias en las vías endocíticas y secretorias. En las últimas dos décadas, sin embargo, se ha encontrado que los lisosomas participan en muchas otras funciones celulares, algunas de ellas no relacionadas al catabolismo celular. En mi presentación, describiré observaciones recientes de mi laboratorio sobre un aspecto emergente de la biología de lisosomas: su posicionamiento y movilidad en el citoplasma. Los lisosomas se mueven en forma bidireccional a lo largo de microtúbulos que se extienden entre el centro y la periferia de la célula. Los movimientos centrífugos y centrípetos son mediados por motores de microtúbulos como las kinesinas y la dineína, respectivamente. Los mecanismos de acoplamiento de los lisosomas a estos motores son poco conocidos. En el curso de nuestras investigaciones sobre el complejo BLOC-1, cuyas mutaciones causan la enfermedad de hipopigmentación y

hemorrágica conocida como Hermansky-Pudlak Syndrome (HPS), obtuvimos resultados inesperados que revelan nuevos aspectos de los mecanismos de posicionamiento y movilidad lisosomal. Análisis de cromatografía de afinidad y espectrometría de masa usando la subunidad BLOS2 del complejo BLOC-1 como presa resultaron en el descubrimiento de un complejo relacionado denominado BORG (BLOC-One-Related Complex). Encontramos que BORG se asocia con la membrana lisosomal, a la cual recluta la GTPasa de bajo peso molecular Arl8. Esto inicia una cadena de interacciones que culminan con el reclutamiento de la kinesina-1, resultando en el desplazamiento de los lisosomas hacia la periferia celular. Estudios adicionales mostraron que el movimiento centrífugo de los lisosomas es importante para la autofagia, el metabolismo de colesterol, la adhesión y migración celular, y el crecimiento tumoral. Estas observaciones revelaron nuevos aspectos de la maquinaria intracelular responsable de la movilidad de los lisosomas, y destacaron la importancia de este proceso en la regulación de varias funciones celulares.

CONFERENCIA

HYPOXIA, HYPERTENSION AND THE SECRETS OF THE NEURAL RESPIRATORY NETWORK (HIPOXIA, HIPERTENSIÓN Y LOS SECRETOS DE LA RED NEURONAL DEL CONTROL RESPIRATORIO)

BENEDITO H. MACHADO

*Department of Physiology, School of Medicine of Ribeirão Preto,
University of São Paulo, 14049-900, Ribeirão Preto, SP, Brazil.*

In addition to the essential role played by the neural mechanisms to provide the diaphragm and chest muscle contraction and relaxation, essential for O₂ and CO₂ pulmonary exchanges, the respiratory neurons located in the ventral medulla are precisely connected to the pre-sympathetic neurons in order to provide fine adjustments in the cardiac and vascular functions, accordingly with the requirements of each phase of the respiratory cycle. Recent experimental evidence point out that hypertensive states may suffer profound influence from

changes in the neural respiratory network activity, which should be considered as a new important player among the several mechanisms underlying the genesis of neurogenic hypertension. Different experimental hypertensive models, dependent on increase in sympathetic outflow, are associated with important changes in the pattern of coupling between respiratory and sympathetic activities. In perspective, we may take in consideration that changes in the respiratory pattern can contribute to an increased sympathetic outflow to the cardiovascular system and

consequently to hypertension. To evaluate this possibility, we are performing electrophysiological recordings of respiratory and pre-sympathetic neurons in the ventral medulla of rats submitted to chronic intermittent hypoxia (CIH) as well in spontaneously hypertensive (SH) rats. Our recent findings are indicating that the major changes are related to the electrophysiological properties of respiratory neurons, which in turn may facilitate an increase

in the frequency discharge of pre-sympathetic neurons. It is important to note that the intrinsic electrophysiological properties of pre-sympathetic neurons in these two experimental models were not affected. We suggest that changes in the respiratory network might be one of the unrevealed secrets of the hypertension in CIH and in SH rats.

Supported by FAPESP and CNPQ.

CONFERENCIA PLENARIA ALFREDO LANARI

PROGESTERONA: UN ESTEROIDE MULTIFACETICO PARA LA NEUROPROTECCION

ALEJANDRO F. DE NICOLA

Laboratorio de Bioquímica Neuroendócrina, IBYME-CONICET y Depto. Bioquímica Humana, Facultad de Medicina, UBA.

En el sistema nervioso, la progesterona y sus metabolitos ejercen varios efectos no relacionadas con la reproducción y la gravidez. Entre los mismos sobresalen los neuroprotectores, anti-inflamatorios y promielinizantes, que se magnifican en el microambiente patológico observado en modelos de neurodegeneración, Alzheimer, Parkinson, neuropatía diabética, dolor neuropático, epilepsia, isquemia cerebral, trauma, retinitis pigmentosa, tóxicos desmielinizantes, neuroinflamación, etc. Tres modelos preclínicos ejemplifican las mencionadas acciones de la progesterona: (a) la injuria de la medula espinal, (b) la degeneración de motoneurona, y (c) un modelo de esclerosis múltiple. La injuria de la medula espinal en ratas produce desmielinización como consecuencia de la apoptosis de oligodendrocitos por medio de factores y enzimas proinflamatorias tales como $TNF\alpha$, $IL1\beta$, $NF\kappa B$, ciclooxigenasa2 (COX2) y óxido nítrico sintetasa (NOS). La administración de progesterona por periodos cortos (3 días) o más prolongados (21 días) antagoniza la transcripción de estos factores promoviendo la síntesis de factores transcripcionales estimulantes de la proliferación y diferenciación de los precursores de oligodendrocitos (Olig2, Nkx2, Mash1, SOX10 y Olig1), resintetizándose las proteínas centrales de la mielina. Al mismo tiempo se previene la cromatólisis neuronal, y se atenúa la astrogliosis y microgliosis promovida por la injuria. Estos cambios por progesterona requieren de su receptor clásico (PR) ya que no se observan en el ratón PRKO (Labombarda y col. *J Steroid Biochem Mol Biol.* 2015). En la neurodegeneración del ratón mutante Wobbler, modelo de la esclerosis lateral amiotrófica (ELA), se observa vacuolización de motoneuronas, astrogliosis, microgliosis, aumentos de los factores proinflamatorios y cambios de la morfología y función mitocondrial probablemente debidos al aumento de la NOS mitocondrial, la menor actividad de las enzimas antioxidantes y la toxicidad del NO que bloquea el complejo I de la cadena respiratoria. Los cambios son

revertidos por tratamiento con progesterona por periodos de 1 a 2 meses, mejorándose la fuerza muscular y disminuyendo la atrofia muscular (Gonzalez Deniselle y col. *J Neurochem.* 2012). Es posible la intervención del PR clásico en estos cambios, ya que el tratamiento de Wobblers con Nestorona, una progestina sintética que actúa como superagonista PR, reduce $TNF\alpha$, $NF\kappa B$ e iNOS, disminuye la astrogliosis y la microgliosis, previniendo la típica vacuolización de motoneurona como signo de la mejora funcional y neuroquímica espinal (Meyer y col., *Neuroscience* 2015). En pacientes con ELA se ha detectado una correlación positiva entre la progesterona circulante y la sobrevida, además de aumentos de las isoformas del PR en la medula espinal, sugiriendo una respuesta reparativa ante la degeneración espinal en el humano con ELA (Gargiulo-Monachelli y col., *Eur J Neurol.* 2014). En la encefalomielitis autoinmune experimental (EAE) murina, modelo de esclerosis múltiple, el pre-tratamiento con progesterona mejora el grado clínico, previene la demielinización aumentando la proliferación de los precursores de oligodendrocitos y las proteínas centrales de la mielina, bloqueando la síntesis de los factores proinflamatorios $TNF\alpha$ y TLR4 producidos por la activación de astrogliosis y microglia. La Nestorona es muy activa en la EAE, ya que mejora la performance de los ratones en el rota-rod y disminuye el grado clínico (Garay y col., *J Neuroimmunol.* 2014). Un hallazgo reciente permitiría descifrar estos resultados y posiblemente los anteriores. Hemos comprobado que la administración de progesterona aumenta la expresión genética de las proteínas neuroesteroídicas de la médula espinal que intervienen en el transporte del colesterol a la mitocondria (STAR, VDAC), en la conversión de colesterol en pregnenolona (P450scc), la 5α -reductasa y la aromataza, sugiriendo que la combinación de las acciones de la progesterona exógena y los neuroesteroides locales (progesterona, tetrahidroderivados y estrógenos) se

potencian contribuyendo a la neuroprotección, remielinización y anti-inflamación (Garay y col., 2015). Como conclusión, hemos puntualizado las funciones de la progesterona en las neuropatologías. ¿En qué contexto podríamos ubicar estas acciones no tradicionales? Durante la gravidez, se produce un desafío inmunológico ya que un concepto semi-alogénico se tolera en vez de ser rechazado. En parte, esto se debe a que la progesterona

placentaria cambia la respuesta proinflamatoria Th1 a una anti-inflamatoria Th2. Sugerimos que los efectos anti-inflamatorios que frenan el desarrollo de neuropatologías, reflejan una propiedad ancestral de un esteroide diseñado primariamente para el mantenimiento de la gestación. (Proyectos subsidiados por PIP CONICET, PICT Foncyt, Ubacyt, Fundación Roemmers, Fundación René Barón, y Population Council, EEUU).

CONFERENCIA

DIAGNOSTIC ADVANCES IN REPRODUCTIVE MEDICINE THROUGH GENOMICS

ALEKSANDAR RAJKOVIC

Department of Obstetrics, Gynecology, and Reproductive Sciences, Department of Pathology, Magee-Womens Research Institute, Department of Human Genetics, University of Pittsburgh, Pittsburgh, PA 15213

Rapid progress in genomic medicine in recent years has made it possible to diagnose subtle genetic abnormalities in a clinical setting on routine basis. This has allowed for detailed genotype-phenotype correlations and the identification of the genetic basis of many congenital anomalies. Pre-conceptional, pre-implantation, prenatal and perinatal medicine have become growing users of genomic medicine. In addition to the availability of chromosomal microarray analysis, exome and whole-genome sequencing on pre- and postnatal samples, cell-free DNA has recently revolutionized the field of prenatal diagnosis. Non-invasive cell-free DNA represents the first application of genomic medicine to clinical practice. The population wide screening of aneuploidies, including

detection of Klinefelter and other sex chromosome aneuploidies will have implications for earlier interventions and observations of such cases in pediatric practice. Although current utility of cell-free DNA lies in diagnosing aneuploidies, the non-invasive cell-free DNA diagnosis of fetal micro-deletions and micro-duplications is becoming a reality. Currently, efforts are under way to isolate circulating cells of fetal/placental origin from the maternal circulation. Reliable and economic isolation of such cells will make it possible to sequence genomes *in utero*. Genomic testing ranging from the pre-implantation thru perinatal period has provoked ethical questions regarding variants of unknown significance and susceptibility to adult disorders.

CONFERENCIA

MYOGENIC CONTROL OF THE DIAMETER OF CEREBRAL

RESISTANCE ARTERIES IN HEALTH AND DISEASE

WILLIAM C. COLE, OLAIA COLINAS, ALEJANDRO MORENO-DOMINGUEZ, HAI-LEI ZHU, KHALED ABDEL-RAHMAN, X. ZOE ZHONG, EMMA WALSH, M. TERESA PEREZ-GARCIA*, AND MICHAEL P. WALSH.

The Smooth Muscle Research Group, Libin Cardiovascular Institute and Hotchkiss Brain Institute, Cumming School of Medicine, University of Calgary, Alberta, Canada, and

**Department of Physiology, Universidad de Valladolid, Valladolid, Spain.*

The myogenic response of small resistance arteries to changes in systemic blood pressure is an essential determinant of peripheral vasculature resistance, blood pressure regulation and regional blood flow control that are essential for a healthy brain and normal cognition. Abnormal myogenic control of cerebral arterial diameter is a hallmark of disease conditions that result in progressive cognitive impairment, including diabetes, Alzhei-

mer's disease, hypertension and stroke. However, the underlying cellular defects responsible to inappropriate myogenic control of cerebral arterial diameter have not been elucidated. This deficit in our knowledge limits the development of novel therapeutic approaches to correct abnormalities in cerebral blood flow regulation. Three cellular mechanisms are postulated to be responsible for myogenic constriction evoked by intravascular pressure

elevation: 1) Ca^{2+} -calmodulin-dependent activation of myosin light chain kinase (MLCK) and phosphorylation of myosin light chain regulatory subunits (LC_{20}) owing to a rise in cytosolic free Ca^{2+} concentration mediated by Ca^{2+} influx through voltage-gated Ca^{2+} channels and Ca^{2+} release from internal stores; 2) Rho-associated kinase (ROK)-mediated phosphorylation of the myosin light chain phosphatase (MLCP) targeting subunit MYPT1 that inhibits MLCP activity and augments LC_{20} phosphorylation; and 3) actin dynamics involving increased polymerization of globular (G)- to filamentous (F)-actin within the cortical cytoskeleton that links the contractile apparatus to the cell membrane. Integrin adhesion signaling is implicated in the mechanotransduction mechanism(s) that detects the rise in intravascular pressure and converts this mechanical stimulus into a biochemical signal that evokes myogenic constriction. The role of integrin adhesions in the myogenic response of rat cerebral arteries has been probed using function-blocking antibodies against alpha-5 or beta-1 integrins, inhibitors of focal adhesion kinase (FAK) and Src family kinase (SFK), and ultra-high-sensitivity western blotting to detect tyrosine phosphorylation of adhesion proteins that participate in integrin-mediated mechanotransduction, as well as, LC_{20} and MYPT1 phos-

phoprotein levels and G-actin content. Pressure-evoked changes in tyrosine phosphoprotein, LC_{20} and MYPT1 phosphoprotein, and G-actin content, as well as myogenic constriction, were suppressed by integrin antibodies, or inhibition of FAK or SFK. Abnormal control of arterial diameter involving a rise in basal myogenic tone and a loss of pressure-dependent regulation of diameter were detected in the Goto-Kakizaki rat model of type 2 diabetes. These alterations in tone development were accompanied by elevated basal levels of ROK-mediated MYPT1 phosphorylation and actin polymerization, and a complete loss of pressure-dependent changes in FAK phosphorylation, LC_{20} and MYPT1 phosphoprotein, and G-actin content. Taken together, these findings support the following conclusions: 1) integrins and associated cellular signaling mechanisms contribute to pressure-dependent regulation of MLCP, crossbridge cycling and actin dynamics that mediate myogenic constriction in cerebral arteries; and 2) abnormal pressure-dependent regulation of integrin adhesion signaling, MYPT1 and LC_{20} phosphorylation and actin dynamics contribute to the defective myogenic constriction and inappropriate control of cerebral arterial diameter in a rat model of type 2 diabetes. (Supported by Canadian Institutes of Health Research)

CONFERENCIA

BASES GENÉTICAS DEL CÁNCER DE MAMA HEREDITARIO Y MARCADORES MOLECULARES EN EL DESARROLLO TUMORAL

PILAR CARVALLO

Facultad de Ciencias Biológicas-Pontificia Universidad Católica de Chile, Santiago Chile.

El cáncer de mama constituye la primera causa de muerte por cáncer en Chile y la segunda en el mundo, por lo cual la investigación en este tema es de alta relevancia. Para el cáncer de mama y/u ovario hereditario, los genes BRCA1 y BRCA2, han sido descritos como los principales genes cuyas mutaciones causan un alto riesgo para esta enfermedad. A partir del mapeo de estos dos genes en familias con alto riesgo de cáncer de mama o de ovario, se establecieron cuatro criterios básicos para la selección de pacientes y sus familias: 1) tres familiares con cáncer de mama a cualquier edad, 2) dos familiares con cáncer de mama, una de ellas con edad de diagnóstico antes de los 43 años, 3) dos familiares con cáncer, una de mama y la otra de ovario, 4) dos familiares con cáncer de mama, siendo uno de ellos un hombre. Utilizando estos criterios, se han realizado diversos estudios poblacionales rastreando mutaciones en los genes BRCA1 y BRCA2 en pacientes con cáncer de mama hereditario. Los resultados obtenidos han arrojado una diversidad importante en el porcentaje de familias que presentan mutaciones en estos genes según la población analizada, los cuáles van entre el 15% y el 60%. Los mayores porcentajes de

familias que presentan mutación se han encontrado en EE. UU. y el Reino Unido, (60%) seguidos de Francia y Canadá (40-50%). En Chile, la frecuencia de mutaciones en BRCA1 y BRCA2 en pacientes con historia familiar es de 18-20%. La frecuencia de mutaciones en estos genes para mujeres con diagnóstico antes de los 40 años o bien con cáncer de mama bilateral, y sin antecedentes familiares es de 10%. No hemos encontrado diferencia en la edad promedio de aparición del cáncer de mama entre mujeres que presentan mutación en BRCA1/2 y las que no lo presentan, así como tampoco en la probabilidad de un cáncer primario en la segunda mama. BRCA1 también está involucrado en la biología del cáncer de mama, ya que en tumores de pacientes que no presentan mutación en la línea germinal, hemos encontrado una ausencia de la proteína BRCA1, por detección inmunohistoquímica. Entre las causas moleculares de ausencia de BRCA1 hemos descrito la metilación del promotor de BRCA1 en un 51% de los tumores de mama. Además, recientemente hemos encontrado que un 12% de los tumores de mama presentan mutación en BRCA1 o BRCA2, llevando a la no expresión o bien a la deslocalización

de BRCA1 en el citoplasma. También hemos descrito el aumento de expresión de dos microRNAs, mir-146a y mir-638, en cáncer de mama, cuyo blanco molecular es BRCA1. En relación a la deslocalización de BRCA1 en el citoplasma hemos estudiado su colocalización con BARD1, una proteína que interactúa con BRCA1 a través de dominios RING, y que es muy relevante para la retención de BRCA1 en el núcleo. Hemos encontrado que BRCA1 y BARD1 se encuentran colocalizando en la mayoría de los tumores de mama, ya sea en núcleo o en citoplasma. Además, un 10% de los tumores no expresa BARD1, sin embargo, en estos tumores BRCA1 se encuentra en el núcleo. En conclusión, la deslocalización de BRCA1 en el citoplasma de tumores de mama, no parece ser dependiente de BARD1, pero si puede ser causada en algunos tumores por mutaciones puntuales.

La pérdida de expresión de BRCA1 puede ser causada por metilación del promotor, por mutaciones puntuales o bien por aumento de expresión de microRNAs cuyo blanco es BRCA1. La relevancia de la ausencia o deslocalización de BRCA1 en tumores de mama se centra en las terapias que hoy se están implementando para pacientes con mutación en BRCA1 o BRCA2 en la línea germinal. Estas pacientes están siendo tratadas con derivados de platinos, por un lado, y en estudios clínicos con inhibidores de PARP1/2. Si el grupo de pacientes a tratar con estas terapias se amplía a aquellas con ausencia o deslocalización de BRCA1, que constituyen cerca del 60% de las pacientes totales con cáncer de mama, entonces serán muchísimas más las pacientes beneficiadas de estas terapias que en algunos casos son muy eficaces.

CONFERENCIA PLENARIA ALBERTO TAQUINI

FISIOPATOGENIA Y TRATAMIENTO DEL ACCIDENTE DE PLACA CAROTÍDEO

JOSÉ MILEI

Prof. Titular Emérito de Medicina Interna. UBA, Director del Instituto de Investigaciones Cardiológicas "Prof. Dr. Alberto C. Taquini". UBA, Investigador Principal Conicet

Entre el 20 al 30% de los accidentes cerebrovasculares isquémicos (ACVI) se deben a enfermedad carotídea. La prevalencia de placas carotídeas aumenta con la edad y otros factores de riesgo como la hipertensión arterial, tabaquismo, diabetes e hipercolesterolemia. La endarterectomía carotídea (EC) ha demostrado reducir la tasa de recurrencia de ACVI en pacientes sintomáticos con obstrucciones > 70%, cuando el equipo quirúrgico mantiene una morbi-mortalidad operatoria menor al 6%. El beneficio de la EC es menos evidente en pacientes sintomáticos con placas ateromatosas del 50 al 70%, y no disminuye el riesgo de nuevas complicaciones en pacientes con ateromatosis <50 %. El progreso de los métodos de diagnóstico por imágenes, incluida la angiografía digital permite caracterizar la morfología de la placa y orientar el tratamiento. Se ha demostrado que la composición de la placa es un factor de riesgo independiente para el ictus isquémico. Debido a esto, se han hecho muchos esfuerzos para correlacionar los síntomas y eventos cerebrales con los estudios histológicos, la ecografía Doppler color y la resonancia magnética (MRI). **Fisiopatogenia.** En un estudio pionero caracterizamos con inmunohistoquímica placas carotídeas complicadas. Se analizaron los componentes celulares de especímenes de EC para valorar su papel en la patogénesis de: 1) ruptura de la placa y 2) la hemorragia intraplaca sin ruptura (HIP). El sitio de la ruptura de la placa se asocia a trombosis local y una extensa infiltración de macrófagos, linfocitos T, escasos linfocitos B, mastocitos, y células musculares lisas. Tanto las placas que muestran estas características y los que

tienen grandes cantidades de lípidos y capas fibrosas delgadas, deben ser considerados como "placas en riesgo". Las hemorragias intraplaca sin ruptura de la placa son causados por la ruptura de los vasos neoformados en el núcleo lipídico, base, y la periferia de las placas. En ambos casos, un aumento en la cantidad de lípidos, del estrés mecánico y una sobreproducción de radicales libres de oxígeno por macrófagos y metaloproteinasas, podría conducir a la ruptura de las capas de cubierta o vasos neoformados del núcleo lipídico y producir una ruptura de placa o una HIP. Analizamos también también la relación entre la anatomía de las placas carotídeas y la presencia de síntomas en 281 endarterectomías carotídeas. El 70% mostró trombo, HIP, o ambos. La trombosis se observó en 1/4 parte e HIP en casi 2/3 de los especímenes, 64% de las placas mostró neovascularización. No fue posible demostrar que las placas complicadas estén asociadas con síntomas y pareciera estas placas pueden ocurrir en cualquier momento. En las placas en riesgo, observamos un aumento en la expresión de c-fos, p53 y PCNA en las células musculares lisas.

Tratamiento médico vs. endarterectomía vs. angioplastia.

En la valoración del riesgo de debe considerar la presencia o no de síntomas, gravedad de la estenosis, la existencia de la ulceración de la placa y su composición. En pacientes sintomáticos el tratamiento debe realizarse por endarterectomía o por medio de la angioplastia ya que presentan mejor evolución con respecto al tratamiento médico. En pacientes de alto

riesgo pueden utilizarse ambas estrategias, pero si el paciente presenta insuficiencia cardíaca, edad > 75 años, deterioro severo de la FSVI, IAM, EPOC o alteraciones relacionadas a la anatomía como inmovilidad del cuello, lesiones inaccesibles como las intracraneales, irradiación o cirugía previa del cuello o traqueotomía, se debería priorizar la angioplastia carotídea sobre la endarterectomía. En cambio, en pacientes con obstrucción severa de la arteria carótida

interna sintomática y con un riesgo periprocedimiento de ACV y muerte menor al 6% podría realizarse angioplastia carotídea (Clase I nivel B). Dado que están en marcha nuevos estudios multicéntricos, se debería revascularizar por el momento a pacientes asintomáticos con obstrucciones > 60%, antes de una cirugía cardiovascular para proteger al cerebro en casos de hipotensión arterial, con oclusiones carotídeas contralaterales o placas ulceradas con alto riesgo de ACV.

CONFERENCIA

MINI RETINAS HUMANAS A PARTIR DE CELULAS IPS: PERSPECTIVAS PARA APLICACIONES CLINICAS MARÍA VALERIA CANTO-SOLER

Retinal Degeneration Research Center. Assistant Professor of Ophthalmology. Wilmer Eye Institute, Johns Hopkins University School of Medicine, Baltimore, Maryland

Las enfermedades degenerativas de la retina ocurren como consecuencia de la pérdida de las células fotorreceptoras llevando gradualmente a la ceguera. Desafortunadamente estas enfermedades aún no tienen cura, y en la mayoría de los casos ni siquiera cuentan con un tratamiento efectivo. Las células madres pluripotentes inducidas (células iPS) presentan un gran potencial tanto para el desarrollo de modelos de estas enfermedades como así también para la identificación de posibles agentes terapéuticos para su tratamiento. Para que esto sea posible, sin embargo, es necesario establecer primero sistemas de cultivo que permitan dirigir la diferenciación de las células iPS de modo que sean capaces de recrear las características celulares y fisiológicas de la retina humana. Consecuentemente, nuestro laboratorio ha

desarrollado una metodología que permite obtener tejido retinal en tres dimensiones (3D) a partir de células iPS humanas. En nuestro sistema las células iPS humanas son capaces de recapitular de manera altamente autónoma los principales estadios del desarrollo de la retina que se observan en el embrión, culminando con la formación de "mini retinas" en 3D. Estas mini retinas contienen todos los tipos celulares retinales organizados en sus respectivas capas. En particular, la capa nuclear externa contiene conos y bastones altamente diferenciados y capaces de responder al estímulo de la luz. En esta charla se presentarán las características más relevantes de nuestro sistema y se discutirán tanto los aspectos limitantes como las oportunidades que este sistema presenta para una variedad de posibles aplicaciones clínicas.

CONFERENCIA PLENARIA SAIC-SAFIS

THE NEUROENDOCRINE CONTROL OF PUBERTY IN HIGHLY EVOLVED PRIMATES. TONY M. PLANT

*Department of Obstetrics, Gynecology and Reproductive Sciences
University of Pittsburgh School of Medicine - Pittsburgh, Pennsylvania, USA.*

Gonadal function in the adult, spermatogenesis in the male and ovarian cyclicity with ovulation in the female, is dependent on the secretion of the pituitary gonadotropins (LH and FSH), which in turn is driven by intermittent release of GnRH from the hypothalamus. The neural mechanism that generates the pulsatile release of GnRH resides within the arcuate nucleus (aka infundibular nucleus) and is known as the hypothalamic GnRH pulse generator. Although the output of the pulse generator is

provided by Kisspeptin, the mechanisms that generate the intermittent release of this neuropeptide are incompletely understood: one hypothesis posits that pulsatility is generated by reciprocal stimulatory (NeurokininB) and inhibitory (Dynorphin) inputs within the KNDy neurons of the arcuate nucleus. Pulsatile GnRH release by the hypothalamus is established during fetal development and in highly evolved primates this mode of GnRH release is robust during infancy. Several months after birth, however, the

GnRH pulse generator is brought into check which leads to a relatively hypogonadotropic state that guarantees the continued quiescence of the pre-pubertal gonads. Puberty in highly evolved primates is therefore viewed as being triggered by a RE-ACTIVATION of pulsatile GnRH release at the termination of the juvenile stage of development. Insight into the neurobiological and genomic

mechanisms that are responsible for the brake on the GnRH pulse generator during juvenile development have recently begun to emerge, and these, together with the physiological control system and genetics that time the application and release of the brake during the infant-juvenile and juvenile-pubertal transitions, respectively, will be discussed in this lecture.

CONFERENCIA

PROTECCIÓN DE DATOS PERSONALES Y SENSIBLES: EL CASO DEL EXOMA Y EL GENOMA ENFOQUE GENÉTICO

ANGELA R. SOLANO

Comité de Ética de SAIC. Genotipificación y Cáncer Hereditario, Departamento de Análisis Clínicos, CEMIC, CABA e Instituto de Investigaciones Biomédicas (INBIOMED), Departamento de Bioquímica Humana, Facultad de Medicina, UBA-CONICET

El avance tecnológico en biología resulta en los últimos años más rápido que la posibilidad de interpretarlo y en particular los estudios genéticos son uno de los mejores ejemplos de la necesidad de incorporar nuevas asignaturas como la bioinformática para una aplicación adecuada de estos avances. Esto es apenas el principio de la cascada de eventos esenciales resultado de la generación de una enorme cantidad de datos (de unos pocos megabytes pasamos a terabytes en muy poco tiempo) y exige gran esfuerzo entre los especialistas para hacer su trabajo en todos los aspectos: diagnóstico, clínico, ético, pronóstico entre los principales. Las nuevas técnicas de secuenciación, englobadas en NGS, permiten secuenciar cantidades prácticamente ilimitadas de genes y pacientes, por ello la secuenciación del genoma y del exoma (zona codificante del genoma) son una realidad de acceso, a ser enmarcadas en un contexto adecuado. La experiencia que tenemos con 1000 secuenciaciones completas de BRCA1/2, cientos de estudios en poliposis colónicas (FAP), síndrome de Lynch y cáncer medular de tiroides (protooncogen RET) entre los principales oncológicos y otros estudios no oncológicos como hemocromatosis, hepatitis, etc nos permiten transmitir la experiencia de 20 años en el análisis genético en el contexto clínico. Un punto muy importante es el consentimiento a ser firmado previo al estudio genético que tenemos en permanente actualización para la comprensión de parte del paciente de la amplitud de la información que se obtendrá. Además, la complejidad del tema se refleja en los congresos de oncología con sesiones de asesoramiento adaptado a la NGS (NGS-counseling). La principal cautela tal vez, es separar perfectamente los estudios de investigación de los análisis clínicos ya que tienen contextos totalmente diferentes y tanto las sociedades europeas como las americanas coinciden en separar investigación de la clínica, aunque no pueden negar que hay una am-

plia gama de grises. Por ejemplo, los análisis clínicos siempre involucran un informe de resultados con todos los hallazgos del estudio realizado, o sea las variantes detectadas en una secuenciación y hasta el día de hoy, con confirmación por la secuenciación con el método de Sanger por algunas razones: seguridad de la mutación detectada, nomenclatura correcta, entre las principales razones para no dejar de validar hasta que los nuevos métodos resuelvan estas cuestiones. Lo expresado es, en cierto modo lo más simple de implementarse, ya que las cuestiones más complejas en una secuenciación de genoma o exoma se refieren tal vez a: control de calidad (mínimas lecturas en cadenas + y -; secuencias control; detección de mutaciones deletéreas “sin trascendencia clínica”, etc); almacenamiento de los datos (en dominio y tiempo); asesoramiento pre y post estudio genético, etc. La inclusión de la experiencia de quienes se han realizado estos estudios genéticos y en quienes se aplicaron medidas en consecuencia con el resultado, es muy importante de tenerlas en cuenta. De hecho, en los congresos de la especialidad (Oncología, Genética humana al menos) se hace enormes esfuerzos de inclusión año tras año. Hay gran consenso en compartir universalmente el conocimiento resultado de los datos genéticos (“data sharing”), en lo que participo activamente como miembro (GA4GH, HVP and ENIGMA). La experiencia de una portadora de mutación en BRCA fue una de las presentaciones en el congreso de la ASHG (American Society of Human Genetics) de octubre de 2015 y por su interés será mencionada. También están en análisis como manejar los las cuestiones éticas y legales (ELSI: ethical and legal social issues). En resumen, la metodología por más compleja que sea, ha pasado en este momento a segundo plano y se concentran los esfuerzos en la interpretación e implementación de procedimientos técnica y éticamente válidos, resultado de los consensos internacionales.

PROTEÍNAS DOCKING/SCAFFOLD EN LA REGULACIÓN DE LA VÍA RAS-RAF-MEK-ERK

JOSÉ MARÍA ROJAS

Unidad de Biología Celular. UFIEC. ISCIII. Madrid. España.

La vía de señalización RAS-RAF-MEK-ERK actúa en todas las células eucariotas modulando, según el contexto celular, procesos de proliferación, diferenciación, senescencia o apoptosis y su desregulación da lugar a distintas patologías, como el cáncer. Entre los mecanismos que rigen el funcionamiento de esta ruta está el debido a la formación de plataformas moleculares, por proteínas de naturaleza docking/scaffold, como es el caso de Sprouty2 (Spry2) y Sur8. Las proteínas Sprouty (Spry) intervienen en el control de la señal inducida por FGFR y EGFR en procesos morfogénicos. Se han identificado en vertebrados cuatro tipos de proteínas Spry, de los cuales hemos investigado fundamentalmente Spry2. En mamíferos, la familia Sprouty inhibe la activación de ERK inducida por ciertos factores de crecimiento (como FGF, VEGF y NGF), probablemente actuando sobre RAF; pero en otros casos (como con EGF) se produce una potenciación de la señal, al secuestrar c-Cbl y aumentar la duración del Receptor activado. La función de Spry2 se controla por fosforilación directa de tirosina y serina/treonina quinasa en residuos específicos implicados en la función y/o estabilidad de esta

proteína. Sur8 es una proteína muy conservada en todos los metazoos, con varios dominios del tipo LRR (Leucin-Rich Repeats), y que une RAS de manera que facilita la interacción RAS-RAF y la estabiliza, formando un complejo ternario con ambas proteínas y siendo imprescindible para la activación de ERK por Receptores Tirocina Quinasa. Una mutación puntual en Sur8 causa una patología semejante al síndrome de Noonan, un tipo de desorden neuro-cardio-facial, por activación constitutiva de ERK. Además, previamente demostramos que la mutación en el dominio efector de las proteínas RAS, que afecta a su interacción con Sur8 (P34G), reduce la actividad transformante de K- y N-RAS pero no de H-RAS. En esta comunicación se presentan los resultados de nuestra más reciente investigación *in vitro* e *in vivo* sobre el mecanismo molecular de acción de las proteínas Spry2 y Sur8, incluyendo el estudio de su relevancia fisiológica mediante el uso de ratones modificados genéticamente, junto con el análisis de su posible papel en cáncer, buscando la posibilidad de su aplicación traslacional como nuevos marcadores y dianas moleculares.

MODULACIÓN DE LA ACTIVIDAD DEL EJE HIPOTÁLAMO-HIPÓFISO-ADRENAL EN CONDICIONES FISIOLÓGICAS Y PATOLÓGICAS

CORA B. CYMERYNG

Laboratorio de Endocrinología Molecular. Centro de Estudios Farmacológicos y Botánicos (CEFYBO-CONICET-UBA)

Frente a la gran cantidad y diversidad de estímulos ambientales que enfrenta un organismo, una respuesta coordinada del eje hipotálamo-hipófiso-adrenal (HHA) es un aspecto esencial para la supervivencia del individuo. En nuestro laboratorio, analizamos los mecanismos que modulan la producción adrenal de glucocorticoides y que permiten evitar respuestas adrenocorticales desproporcionadas o insuficientes, condiciones potencialmente riesgosas para la salud. En el curso de esta charla analizaremos, en primer lugar, la influencia de las actividades de óxido nítrico sintasa (NOS), hemooxigenasa (HO) y ciclooxigenasa (COX) sobre la esteroidogénesis adrenal.

Considerando el rol central de los glucocorticoides como mecanismo de defensa frente a procesos inflamatorios, examinamos los sistemas moduladores de la esteroidogénesis adrenocortical frente a un estímulo inflamatorio experimental altamente validado como el lipopolisacárido de bacteriano (LPS). El tratamiento *in vivo* con LPS induce un aumento en la corticosteronemia y estimula la expresión de las tres isoformas de NOS y de la HO-1 en la corteza adrenal de rata. La actividad de cada uno de estos sistemas modula negativamente la producción de corticosterona y se regulan entre sí de forma recíproca. En trabajos previos demostramos que el óxido nítrico (NO)

inhibe significativamente la esteroidogénesis adrenal e induce la expresión de HO-1. De hecho, la inhibición de la actividad de NOS previene la inducción de HO-1. En células adrenales murinas incubadas en presencia de generadores de NO se observó inducción de la expresión de HO-1 a través de un mecanismo a nivel transcripcional, sin afectar la estabilidad de su ARNm. Este tratamiento también afectó parámetros de estrés oxidativo, disminuyendo los niveles celulares de glutatión reducido y aumentando la generación de especies reactivas del oxígeno y la peroxidación lipídica. Sin embargo, el tratamiento con antioxidantes no previno la inducción de HO-1. En otra serie de experimentos, demostramos la participación del factor de transcripción Nrf2 en la inducción de HO-1 por NO. Un análogo permeable de GMPc participa tanto en la inducción de HO-1 como en la activación de Nrf2. Estos resultados llevaron a la hipótesis de que el GMPc, producto de la activación de la guanilato ciclasa soluble, o algún metabolito, participa en la activación del factor Nrf2 y en la inducción de HO-1 en células adrenocorticales. El tratamiento *in vivo* con LPS en la corteza adrenal aumenta la actividad de la ciclooxigenasa 2 (COX-2). Esta enzima, responsable de catalizar la síntesis de diversas prostaglandinas (como la PGE2) participa en la estimulación de la esteroidogénesis inducida por LPS,

de acuerdo a resultados obtenidos utilizando inhibidores farmacológicos. El NO modula tanto la expresión como la actividad de COX-2 a través de cambios en sus niveles proteicos y modificaciones post-traduccionales (nitrotirosina). Posteriormente demostramos la participación de la vía de p38 /MAPK en la inducción de COX-2 por LPS, en un mecanismo que involucra el estrés oxidativo y la activación de Akt y que converge en la activación del factor de transcripción NFkB. Recientemente comenzamos el estudio de la función del eje HHA en un modelo murino de resistencia a la insulina, inducido por la administración de una dieta rica en sacarosa (DRS). En particular, observamos que el consumo de DRS durante períodos prolongados provoca una disminución en la producción de ACTH y glucocorticoides. El análisis de la función adenohipofisaria en estas condiciones sugiere que una mayor disponibilidad sistémica de ácidos grasos no esterificados tiene como consecuencia una disminución en los niveles de expresión de POMC (DEFINIR) y ACTH que se acompaña de la generación de especies reactivas del oxígeno, de la inducción de estrés de retículo endoplásmico y de autofagia. La demostración de que el ejercicio moderado previene las consecuencias neuroendócrinas de la resistencia a la insulina a nivel del HHA, sugiere un nuevo beneficio para la indicación de esta intervención terapéutica.

CONTROL ESPACIO-TEMPORAL DE LAS MAP QUINASA FOSFATASAS (MKPS) POR MÚLTIPLES MECANISMOS: IMPLICANCIAS EN LA FUNCIÓN CELULAR

CRISTINA PAZ.

Laboratorio de Fosfatasa de Proteínas como Transductores de Señales Extracelulares. Depto. de Bioquímica Humana, Facultad de Medicina, UBA; INBIOMED (UBA-CONICET)

El control de procesos como proliferación, diferenciación y apoptosis involucra la acción coordinada en tiempo y espacio de MAP quinasa (MAPKs) y MAPK fosfatasa (MKPs). Las MKPs conforman una familia de fosfatasa de actividad dual integrada por una docena de miembros, siendo MKP-1, MKP-2 y MKP-3 arquetipos de la familia. MKP-1 es una enzima nuclear que se induce rápidamente por factores de crecimiento, hormonas, citoquinas y diferentes condiciones de estrés. La isoforma nuclear MKP-2 es homóloga a MKP-1 y se induce en general por los mismos estímulos que ésta, aunque con cinética más lenta. Ambas enzimas reconocen como sustratos a los miembros de los tres subgrupos de MAPKs (ERKs, JNKs y proteínas p38). En contraste, MKP-3 es una enzima citoplasmática específica para ERK1/2 que se induce sólo por estímulos proliferativos. Nuestro grupo ha analizado aspectos bioquímicos, regulatorios y funcionales de las MKPs. Los trabajos iniciales se hicieron en sistemas productores de esteroides, como

las células adrenocorticales y de Leydig bajo el estímulo de las hormonas tróficas ACTH y LH respectivamente, conociendo que éstas promueven la activación de MAPKs y que su actividad es necesaria para la estimulación de la esteroidogénesis. Hemos demostrado que ACTH y LH incrementan rápidamente los niveles del ARNm de MKP-1 por un mecanismo transcripcional dependiente de PKA. La expresión bajo un promotor constitutivo de la quimera Flag-MKP-1 muestra que ambas hormonas promueven, además, la fosforilación de MKP-1 dependiente de ERK y su estabilización. Mediante la expresión de formas mutadas de la quimera se demuestra que la estabilización es el efecto neto de la fosforilación en cuatro sitios consenso para ERK1/2. Más aún, la fosforilación juega un papel importante en la localización de la proteína en el núcleo. El bloqueo de la expresión de MKP-1 (*shARN-MKP-1*) reduce la desfosforilación de ERK1/2 observable luego de la estimulación, disminuye la actividad del promotor y los niveles del mensajero del gen que codifica para

StAR –proteína de acción obligatoria en la estimulación de la esteroidogénesis y la producción de esteroides. LH, vía PKA, también aumenta los niveles del ARNm de MKP-2, estabiliza la quimera Flag-MKP-2 y favorece su localización en el núcleo. MKP-2 altera el perfil temporal de P-ERK. Conforme a una cinética de inducción más lenta que MKP-1, MKP-2 completa la desfosforilación iniciada por MKP-1. El bloqueo de la expresión de MKP-2, no altera los niveles de StAR pero reduce la expresión del gen CYP11A1, que codifica para una hidroxilasa de la síntesis de esteroides y de inducción posterior a StAR. Esto sugiere que la regulación de MKPs nucleares de diferente cinética de inducción controla la expresión de repertorios de genes necesarios en etapas temporalmente diferentes de la esteroidogénesis, aguda y crónica. Luego de la inducción de MKP-1 y MKP-2, LH induce MKP-3 a nivel transcripcional y post-traduccional. Recientemente se demostró que, en hepatocitos, MKP-3 interactúa con el factor de transcripción Foxo1 promoviendo su desfosforilación y localización nuclear y la expresión de genes específicos. Foxo1 participa en la expresión del gen que codifica para la proteína p21, reguladora del ciclo celular. En línea con estos conocimientos, nosotros demostramos

que LH aumenta los niveles del ARNm de p21 y que MKP-3 participa en este evento. Secuencialmente se observa, luego de la estimulación, la activación de AKT y la fosforilación de Foxo1 y, a un tiempo compatible con la inducción de MKP-3, la desfosforilación de ese factor. MKP-3 es considerada una proteína antitumoral, aunque el mecanismo de su acción antiproliferativa no se conoce completamente. En células de origen humano MKP-3 genera por *splicing* alternativo una isoforma corta, MKP-3-S, que carece del dominio de interacción con Foxo1. Mientras que en tejido pancreático normal predomina la forma completa (L), en líneas celulares tumorales pancreáticas predomina la forma S, sugiriendo que una alteración en la regulación post-transcripcional de MKP-3 que conduzca a una mayor expresión de MKP-3-S en detrimento de MKP-3-L podría desregular la proliferación celular. Es evidente que la regulación de MKPs en el lugar y tiempo preciso es clave para un funcionamiento celular armónico, evidencia que ha cambiado el concepto respecto al papel de estas enzimas en la biología celular: han pasado de ser consideradas un mero instrumento para el *turn-off* de la señalización a potenciales blancos terapéuticos.

DESARROLLO PRECLÍNICO DE UN PÉPTIDO INHIBIDOR DE CK2 EN CÁNCER

HERNÁN G. FARINA

Profesor Asociado UNQ. Investigador Adjunto CONICET, Universidad Nacional de Quilmes, Departamento de Ciencia y Tecnología. Laboratorio de Oncología Molecular

Desde hace más de diez años, el Laboratorio de Oncología Molecular de la Universidad Nacional de Quilmes trabaja en la evaluación del efecto terapéutico y los mecanismos de acción de inhibidores de la enzima caseína quinasa 2 (CK2). La enzima CK2 es de expresión constitutiva en las células, con más de trescientos sustratos de fosforilación. Si bien la cantidad de sustratos de esta enzima es muy grande, los principales procesos modulados se pueden resumir en replicación y reparación del DNA, remodelación de la cromatina, crecimiento y proliferación (Meggio & Pinna, 2003). Esta enzima se encuentra sobre expresada en varios tipos tumorales, siendo los adenocarcinomas mamarios donde se encuentran los índices más elevados (Ortega et al, 2014). En el año 2004, en colaboración con el equipo del Dr. Silvio Perea del Centro de Ingeniería Genética y Biotecnología de La Habana (Cuba) a partir de un codesarrollo con la empresa Chemo-Romikin (Argentina), se obtuvo el péptido sintético P15-Tat con propiedades inhibitorias de CK2 (designado luego CIGB-300). CIGB-300 consta de una porción cíclica de once aminoácidos y un dominio de penetración celular

derivado de la proteína Tat. Este péptido fue diseñado para unirse a los sustratos de fosforilación de la enzima CK2. La proteína E7 de papilomavirus humano (HPV), susceptible de fosforilación por CK2, se utilizó para su selección. Este fue un concepto novedoso en el diseño de inhibidores de quinasas ya que la mayoría estaban dirigidos a interactuar directamente con la enzima, específicamente con las regiones de unión al ATP o GTP. Debido a su método de obtención y validación, los primeros modelos estudiados para medir la efectividad terapéutica de este inhibidor fueron tumores HPV+, donde se obtuvo una excelente respuesta antitumoral tanto in vitro como in vivo (Perea et al, 2004). Se probaron diferentes vías de administración, principalmente intralesional, intraperitoneal y endovenosa, con un perfil aceptable de biodistribución y efectividad en modelos in vivo de cáncer de cérvix y pulmón en esquemas de administración de cinco días consecutivos (Perera et al, 2008). En el año 2009 reportamos que este inhibidor era internalizado y localizado en el nucléolo, sitio donde inhibía la fosforilación de la proteína B23/nucleofosmina,

desencadenando el desensamblaje nucleolar y la consecuente apoptosis de las células tumorales. El responsable de esta localización sería el dominio de penetración Tat, ya que al utilizar otros péptidos cíclicos con el mismo dominio de penetración, encontramos que el patrón de localización era similar (Perera et al, 2009). En relación al efecto *in vitro*, reportamos que el grado de deposición nucleolar del péptido correlacionaba con la sensibilidad al tratamiento (Perera et al, 2012). Acompañado de este resultado, demostramos que esta sensibilidad podría estar asociada también a los mecanismos de internalización, transporte y degradación. Demostramos que el compuesto CIGB-300 era capaz de internalizarse por vías dependientes e independientes de energía, y que parte de su degradación en lisosomas ocurría diferencialmente en células más y menos sensibles (Benavent Acero et al, 2014). Estudiando el efecto antiangiogénico de la inhibición de CK2, demostramos mediante análisis por microarreglos, que las principales rutas de señalización que se alteraban en células de endotelio normal tratadas con el péptido CIGB-300 eran las que dependían de VEGF y Notch. Sobre modelos de angiogénesis *in vitro* e *in vivo* este inhibidor de CK2 demostró tener un gran efecto antiangiogénico (Farina et al, 2011). Este año publicamos que la inhibición de la fosforilación de B23 en células tumorales modula genes relacionados a la síntesis proteica, al metabolismo energético y a la biogénesis ribosomal (Perera et al, 2015). La colección de resultados *in vitro* e *in vivo* permitieron el avance del CIGB-300 hacia la etapa clínica. En un ensayo piloto de Fase I, el péptido mostró un perfil adecuado de tolerancia y seguridad luego de su administración en lesiones de cuello uterino e indicios de efectividad (Solares et al, 2009). En la actualidad se ha avanzado a Fase II y se está explorando la vía de administración endovenosa y otras indicaciones clínicas incluyendo cáncer pulmonar. El conjunto de resultados de este trabajo propone a la quinasa CK2 como un blanco atractivo en cáncer y demuestra su relevancia en la progresión tumoral a través de los efectos de este compuesto peptídico.

- Benavent Acero FR, Perera Negrin Y, Alonso DF, Perea SE, Gomez DE, Farina HG. Mechanisms of Cellular Uptake, Intracellular Transportation, and Degradation of CIGB-300, a Tat-Conjugated Peptide, in Tumor Cell Lines. *Mol Pharm*. 2014 Jun 2;11(6):1798-807. doi: 10.1021/mp4006062. Epub 2014 Apr 28.

- Hernán G. Farina, Fernando Benavent Acero, Yasser Perera, Arielis Rodríguez, Silvio E. Perea, Boris Acevedo Castro, Roberto Gomez, Daniel F. Alonso and Daniel E. Gomez. CIGB-300, a proapoptotic peptide, inhibits angiogenesis *in vitro* and *in vivo*. *Exp Cell Res*. 2011 Jul 15;317(12):1677-88. doi: 10.1016/j.yexcr.2011.04.011. Epub 2011 May 1.
- Meggio F, Pinna LA. One-thousand-and-one substrates of protein kinase CK2?. *FASEB J*. 2003 Mar;17(3):349-68. Review.
- Ortega CE, Seidner Y, Dominguez I. Mining CK2 in cancer. *PLoS One*. 2014 Dec 26;9(12):e115609. doi: 10.1371/journal.pone.0115609. eCollection 2014.
- Perea SE, Reyes O, Puchades Y, Mendoza O, Vispo NS, Torrens I, Santos A, Silva R, Acevedo B, López E, Falcón V, Alonso DF. Antitumor effect of a novel proapoptotic peptide that impairs the phosphorylation by the protein kinase 2 (casein kinase 2). *Cancer Res*. 2004 Oct 1;64(19):7127-9.
- Perera Y, Costales HC, Diaz Y, Reyes O, Farina HG, Mendez L, Gómez RE, Acevedo BE, Gomez DE, Alonso DF, Perea SE. Sensitivity of tumor cells towards CIGB-300 anticancer peptide relies on its nucleolar localization. *J Pept Sci*. 2012 Apr;18(4):215-23. doi: 10.1002/psc.1432. Epub 2012 Mar 8.
- Perera Y, Farina HG, Hernández I, Mendoza O, Serrano JM, Reyes O, Gómez DE, Gómez RE, Acevedo BE, Alonso DF, Perea SE. Systemic administration of a peptide that impairs the protein kinase (CK2) phosphorylation reduces solid tumor growth in mice. *Int J Cancer*. 2008 Jan 1;122(1):57-62.
- Perera Y1, Pedrosa S, Borrás-Hidalgo O, Vázquez DM, Miranda J, Villareal A, Falcón V, Cruz LD, Farinas HG, Perea SE. Pharmacologic inhibition of the CK2-mediated phosphorylation of B23/NPM in cancer cells selectively modulates genes related to protein synthesis, energetic metabolism, and ribosomal biogenesis. *Mol Cell Biochem*. 2015 Jun;404(1-2):103-12. doi: 10.1007/s11010-015-2370-x. Epub 2015 Mar 25.
- Solares AM, Santana A, Baladrón I, Valenzuela C, González CA, Díaz A, Castillo D, Ramos T, Gómez R, Alonso DF, Herrera L, Sigman H, Perea SE, Acevedo BE, López-Saura P. Safety and preliminary efficacy data of a novel casein kinase 2 (CK2) peptide inhibitor administered intralesionally at four dose levels in patients with cervical malignancies. *BMC Cancer*. 2009 May 13;9:146. doi: 10.1186/1471-2407-9-146.
- Yasser Perera, Hernán G. Farina, Jeovanis Gil, Arielis Rodríguez, Fernando Benavent, Lila Castellanos, Roberto E. Gómez, Boris E. Acevedo, Daniel F. Alonso, and Silvio E. Perea. Anticancer peptide CIGB-300 binds to nucleophosmin/B23, impairs its CK2-mediated phosphorylation, and leads to apoptosis through its nucleolar disassembly activity. *Mol Cancer Ther*. 2009 May;8(5):1189-96. doi: 10.1158/1535-7163.MCT-08-1056. Epub 2009 May 5.

SIMPOSIO SAIC II: MÉDICOS JÓVENES ACERCAN LA CLÍNICA A LA SAIC

ACUAPORINAS Y EDEMA MIOCÁRDICO POSTERIOR AL USO DE BOMBA DE CIRCULACIÓN EXTRACORPÓREA EN EL REEMPLAZO DE VÁLVULA AÓRTICA

POLITI MT, FULLANA JM, BORTMAN G, PIAZZA A, CAPURRO C

Médica Residente de Cardiología, Sanatorio de la Trinidad Mitre. Instituto de Fisiología y Biofísica Bernardo Houssay (IFIBIO). Laboratorio de Biomembranas

La bomba de circulación extracorpórea (BCE) es una estrategia imprescindible para realizar cirugías de reemplazo valvular cardíaco. Sin embargo, una de sus consecuencias desfavorables, la formación de edema miocárdico post-bomba, se ha relacionado con disfunción miocárdica y peor evolución clínica. Si bien existen modelos fisiopatológicos en animales en los que las acuaporinas (AQPs) tendrían un rol en la formación del edema de miocardio post-bomba, no hay datos sobre su participación en el edema de miocardio posterior al uso de BCE en cirugías de reemplazo valvular aórtico en humanos. Este estudio consiste en la toma de muestras

transmurales por punción biopsia de tejido miocárdico con hipertrofia secundaria a estenosis aórtica severa antes y después del uso de BCE durante las cirugías de reemplazo valvular aórtico. Su desenlace primario es el cambio en la expresión y función de AQP1 y AQP4 en miocardiocitos aislados antes y después de la BCE. El estudio explora los mecanismos por los que las AQPs participarían en edema de miocardio y en la regulación del volumen celular de miocardiocitos. A su vez, analizara los datos clínicos e imagenológicos de los pacientes y su relación con la expresión de AQPs y el desarrollo de edema miocárdico.

¿MEJORA LA CIRUGÍA DEL ESTRABISMO LA ACTIVIDAD BINOCULAR CORTICAL? - ESTUDIO CON FMRI

MARTÍN CARNEVALE

Médico Especialista en diagnóstico por imágenes. TCba Fellowship Neuroimágenes. FLENI

Introducción: La ambliopía se define como el poseer menor agudeza visual como consecuencia de la interrupción del desarrollo de la vía óptica durante el periodo de plasticidad sensorial. Algunos pacientes estrábicos con ambliopía se sienten más cómodos usando su ojo fijador que ambos. Ha sido propuesto que, mediante la utilización de Resonancia Magnética Funcional (fMRI), el patrón de activación cortical ante estímulos visuales binoculares y monoculares en pacientes estrábicos es diferente al de personas con correcta alineación de la mirada. Aquellos pacientes con algún grado de ambliopía poseen mayor activación cortical tras estímulos monoculares al ojo sano que luego de efectuar estímulos a visión binocular. Utilizamos fMRI tanto en visión binocular como con visión monocular de cada lado con el objetivo de evaluar el grado de activación cortical en pacientes con ambliopía de origen estrábica. Posteriormente repetimos las mediciones luego de la cirugía correctiva de estrabismo con el fin de estudiar las consecuencias de la misma sobre el cerebro. *Materiales y métodos:* Se estudiaron de 11 pacientes estrábicos (6 hombres y 5 mujeres- edad promedio 41 años) pasibles de corrección quirúrgica y se realizó el estudio del cortex visual antes y después de la terapéutica efectuada. Para ello se efectuó una reso-

nancia magnética encefálica a fin de descartar posibles causas estructurales de estrabismo y excluir patología neurológica preexistente. Posteriormente se realizó fMRI mediante estímulos visuales (una serie de barras en movimiento) repitiéndolo con visión binocular y monocular para cada ojo. Se sumaron las áreas de activación estadísticamente significativa (resultado en mm²) en la totalidad de la corteza bioccipital comparándose los valores obtenidos para cada estímulo entre sí, y observando modificaciones de la activación cortical binocular antes y después de la cirugía de alineación ocular. *Resultados:* En 8 de 11 pacientes (72% de los casos) se observó mejoría en la sumatoria de activación cortical occipital ante estímulo binocular. En dos de los pacientes restantes se obtuvo mejoría en las activaciones monoculares (ambas) aunque descenso de la sumatoria ante estímulo binocular. El último de los pacientes del grupo presentó disminución de activación cortical ante todos los estímulos, en este caso con una mejoría postquirúrgica clínica modesta. Al analizar el comportamiento cerebral ante estímulos monoculares se observa una caída de la activación tanto para OD como para OI en 5 de los 8 (62,5%) pacientes que presentaban mejoría binocular postquirúrgica. De los 3 pacientes restantes uno de ellos mostró mejoría ante

estímulos al OI solamente mientras que los otros dos mejoraron ante ambos estímulos monoculares. *Conclusiones:* El objetivo del presente proyecto fue estudiar las modificaciones corticales que suceden al restablecimiento de la esteropsis. Si bien uno de los principales motivos de la cirugía de estrabismo es de índole estético, luego de ella muchos pacientes refieren una “mejor” visión binocular. Esta mejoría es plenamente de carácter subjetivo. Nosotros intentamos demostrar el aumento de activación cortical en visión binocular tras restablecer la correcta alineación ocular. En más del 70% de los pacientes la sumatoria de activación cortical occipital aumentó. Más aún, en el 62% de ellos se produjo un descenso de la activación monocular de ambos ojos, un hallazgo que los acerca al patrón de activación cortical de las personas no estrábicas. El hallazgo hablaría a favor de una mejoría no solo estética sino de la activación cortical, que sería el sustrato para la sensación subjetiva de mejor percep-

ción. La cirugía correctiva de estrabismo en pacientes adultos obtiene buenos estéticos y logra restablecer la esteropsis. Aumenta la sensación subjetiva de percepción según es referido por los pacientes. Estos cambios se ven apoyados por el hecho de lograr un aumento de activación cortical cerebral en corteza visual visto mediante fMRI. Accesorariamente se observa una disminución de la activación cortical monocular en ambos ojos luego de la correcta alineación ocular acercando al patrón de activación observado en sujetos no estrábicos. Como principal limitación del trabajo se destaca el pequeño tamaño de la muestra y la heterogeneidad de las causas responsables del estrabismo en los distintos pacientes, lo cual no permitió un análisis estadístico cuantitativo exhaustivo. Sin embargo, los hallazgos resultan prometedores para “poner en evidencia” y objetivar un fenómeno subjetivo referido por muchos de los pacientes sometidos a la intervención quirúrgica.

DEL SECUENCIADOR... AL QUIRÓFANO

MARÍA FLORENCIA CALVO

Médica especialista en Mastología. Médica especialista en Ginecología y Obstetricia. Hospital Italiano de Buenos Aires

A lo largo de las últimas décadas, el desarrollo de la bioingeniería y la biología molecular han permitido el avance de la medicina y la terapéutica clínica hasta fronteras que alguna vez fueron inimaginables. Hoy se genera diariamente un volumen de conocimiento científico que incluso aún no podemos procesar, interpretar ni comprender en su totalidad. Frecuentemente, tampoco conocemos el **impacto** y el **alcance** que los hallazgos y progresos logrados en el laboratorio pueden tener sobre las decisiones clínicas, la toma de conductas médicas y la calidad de vida de nuestros pacientes. Por ejemplo, es sabido que algunos cánceres son de carácter prácticamente hereditario, y estos son los que conforman los famosos **síndromes de cáncer de origen genético**. En este caso, un paciente hereda una o varias mutaciones genéticas, generalmente correspondientes a la línea germinal. Esto hace que los pacientes portadores necesiten adquirir una única mutación *de novo* para poder permitir la expresión del fenotipo. En este caso, el desarrollo de un cáncer (¡o varios!). Conocer los cánceres hereditarios y poder identificar los pacientes o las familias en riesgo nos permite varias opciones de manejo interesantes que iremos explorando. En algunos casos esto significa poder implementar estrategias de detección y prevención únicas para estas familias y en otros casos puede implicar la realización de cirugías profilácticas para intentar evitar el desarrollo de la enfermedad. En alguna oportunidad permite la selección de pacientes que se podrían beneficiar con

drogas que disminuyan la incidencia de la enfermedad en cuestión. Lo que resulta sorprendente quizás, es que algo tan pequeño como un cambio de un único aminoácido pueda conducir, por ejemplo, a que un médico y un paciente juntos, tomen la decisión de remover un órgano entero, que hasta el momento, aparentaba estar sano. Tomemos como ejemplo al **Síndrome de Cáncer de Mama y Ovario Hereditario**. Este síndrome de herencia autosómica dominante, está asociado a la mutación de los bien conocidos genes BRCA1 y BRCA2 los que, en los últimos años, han recibido una prensa inesperada. Por un lado, entendemos que este conocimiento público aumentó drásticamente la difusión y la concientización global de las mujeres acerca del cáncer de mama, su prevención y diagnóstico precoz. Pero por otro, muchas mujeres hoy viven con miedo, pensando que quizás ellas también puedan tener una mutación y no saberlo. Sin embargo, sabemos que sólo un 5-10% de los cánceres de mama diagnosticados podría estar asociado a la mutación de alguno de estos genes. Pero en el mundo, hoy son cada vez más las mujeres que les piden a sus médicos “que les saquen las mamas”, aunque la inmensa mayoría no obtendrá ningún beneficio real de la cirugía y se expondrá a las complicaciones tanto físicas como emocionales vinculadas al procedimiento. Lo problemático y preocupante, además, es que son cada vez más los cirujanos que acceden a realizar estas cirugías y los oncólogos que las sugieren, aún en pacientes en quienes

no se cumplen los criterios necesarios para realizarlas. Entonces, ¿Quiénes se benefician verdaderamente con estas prácticas? Hoy sabemos que el diagnóstico de las alteraciones genéticas en una población vulnerable, nos permite en una enorme proporción de casos, adelantarnos al diagnóstico de la enfermedad, disminuyendo la incidencia del cáncer e idealmente mejorando la supervivencia en las pacientes portadoras. Es por esto que la consejería genética y el asesoramiento juegan un rol cada vez más significativo en el cuidado de los pacientes y las familias con cáncer. ¿Pero cuáles son las limitaciones de este conocimiento? ¿Cómo sabemos en quiénes buscar las mutaciones y en quiénes no? ¿Qué pasa si una historia

familiar es altamente sugerente de un síndrome de cáncer hereditario, pero no podemos identificar la mutación implicada? ¿Estamos adecuadamente formados para transmitir esta información a los pacientes? ¿Qué pasa con las generaciones que siguen? ¿Sabemos acompañar a las pacientes para que estén en condiciones de utilizar esta información para tomar decisiones terapéuticas? ¿Las pacientes **QUIEREN** tener este conocimiento? ¿Estamos **"enfermando"** gente **"sana"**? Para intentar responder algunos de estos interrogantes (¡y plantearnos varios otros!), los invito a que recorramos juntos el camino intrincado pero intrigante desde el secuenciador... hasta el quirófano.

SISTEMA DE LOS FACTORES DE CRECIMIENTO EN PEDIATRÍA: LO BUENO, LO MALO, LO FEO

FLORENCIA CLÉMENT

Becaria Investigación, "Instituto Nacional del Cáncer", Ministerio de Salud de la Nación. Laboratorio: Factores de Crecimiento y Biología Tumoral. "Centro de Investigaciones Endocrinológicas Infantiles Dr. César Bergadá" (CEDIE) - CONICET - FEI - División de Endocrinología, Hospital de Niños Dr. Ricardo Gutiérrez - Buenos Aires.

Un niño es, por definición, un ser humano en crecimiento. El principal responsable humoral de este sorprendente proceso fisiológico es el eje somatotrópico, actuando a través de su principal efector, el factor de crecimiento similar a la insulina tipo 1 (IGF-1). Los factores de crecimiento similares a la insulina (IGFs) son, como muchos factores de crecimiento conocidos en biología, capaces de sacar a las células de su estado de quiescencia para ingresar al ciclo celular, estimular su división y protegerlas de la apoptosis, lo que conduce finalmente al crecimiento de los diferentes tejidos; pero a diferencia del resto, los IGFs son los únicos factores de crecimiento que mantienen concentraciones plasmáticas significativas desde la embriogénesis hasta la senectud. Tanto el exceso como la disminución de sus concentraciones plasmáticas en situaciones anormales, se asocian a diferentes trastornos del crecimiento. Sin embargo, en la práctica clínica de la endocrinología pediátrica, existe otra preocupación en relación a este sistema. Ha sido demostrado que los IGFs juegan un rol crucial en el desarrollo y la evolución de los tejidos tumorales, lo cual plantea el interrogante sobre la posible relación entre concentraciones plasmáticas elevadas de este factor mitogénico y antiapoptótico al que en algunos casos están expuestos crónicamente los pacientes tratados con hormona de crecimiento, y la aparición o recaída de patologías malignas. Por otro lado, existe una creciente necesidad de nuevos marcadores pronósticos tumorales específicos en la práctica de la Oncología Infantil, para clasificar mejor el riesgo de los pacientes e individuali-

zar sus tratamientos, ya que en las últimas décadas se han logrado aumentar significativamente las tasas de supervivencia de los niños con cáncer, pero a expensas de importantes secuelas secundarias al tratamiento. Siendo los tumores del Sistema Nervioso Central (SNC) la patología maligna sólida más frecuente en la niñez y una de las causas más frecuentes de insuficiencia hipofisaria secundaria a radioterapia que requiere tratamiento con hormona de crecimiento en este grupo etario, decidimos estudiar la expresión de los diferentes componentes del sistema de los IGFs en los mismos, en un intento de dar respuesta a las necesidades planteadas. Estamos llevando a cabo un estudio prospectivo de los tumores de SNC intervenidos quirúrgicamente en nuestro hospital con la hipótesis de que los niveles de expresión de los distintos componentes del sistema de los IGFs (específicamente IGF-1, IGF-2, el receptor de tipo 1 - IGF-1R- y el receptor de Insulina de tipo A, IR-A) están asociados al grado de malignidad de los tumores al diagnóstico, un factor pronóstico ya establecido. Comenzamos analizando los gliomas, el subgrupo más numeroso de tumores del SNC en niños, y encontramos que: -El IGF-1R determinado por inmunohistoquímica en 37 casos, fue positivo en 25/30 (83.3%) tumores de bajo grado y en 7/7 (100%) gliomas de alto grado. - La localización intracelular nuclear de este receptor, determinada por el mismo método y confirmada por fraccionamiento celular y Western blot, fue mayor en los tumores de alto grado, con respecto a los de bajo grado (22/25 vs 5/7, $p < 0.05$). - La expresión de IGF-1, determinada por PCR en tiempo real, fue mayor

en gliomas de alto grado, mientras la expresión de IGF-2 por el mismo método, fue mayor en los de bajo grado ($p < 0.05$, Mann Whitney Test). Por su parte, los niveles de expresión de IR no mostraron diferencias entre ambos grupos, con predominio del subtipo A (IR-A). Nuestros resultados podrían indicar que, si bien la expresión de IGF-1R y el IR no muestra diferencias en los gliomas clasificados por grado tumoral, la díada IGF-2/IR podría tener un rol más importante en la biología de los tumores de bajo grado mientras la localización intranuclear del

IGF-1R y la mayor expresión de IGF-1 estarían asociadas a los gliomas de alto grado, sugiriendo que un circuito IGF1/IGF-1R intratumoral podría estar involucrado en el comportamiento biológico de este tipo particular de tumores pediátricos. El seguimiento a largo plazo de los pacientes incluidos en el estudio nos permitirá confirmar la utilidad pronóstica de estos marcadores histológicos, mientras la evolución de los que requieran tratamiento con GH quizá nos aporte algún nuevo conocimiento sobre la influencia del mismo en la recaída tumoral.

HERRAMIENTAS DE UN ESTUDIO DE VALIDACIÓN DIAGNÓSTICA PARA REDUCIR LA INCERTIDUMBRE EN PUBERTAD PRECOZ CENTRAL.

ANALÍA FREIRE

*Médica Pediatra especialista en Endocrinología Infantil. Centro de Investigaciones Endocrinológicas
Dr César Bergadá (CEDIE)*

El diagnóstico de Pubertad Precoz Central (PPC) en estadios tempranos requiere confirmación con prueba de estímulo gonadotrófico, ya que las características clínicas son indistinguibles de la Telarca Precoz (TP). Este último es un cuadro benigno y no progresivo en su evolución, pero la PPC es una entidad que debe tratarse a tiempo para evitar el deterioro de la talla final y los disturbios psicosociales que sufren las niñas. Definir la necesidad de tratamiento es muy importante dado que el mismo es de alto costo, intramuscular y por un período prolongado. Para el test de estímulo clásico se utiliza GnRH natural ("gold standard"), el cual durante un tiempo se había discontinuado en el mercado nacional. Objetivo: Evaluar la eficiencia diagnóstica del Test Acetato de Triptorelina (index test) comparándola con el test GnRH (test de referencia) en niñas con sospecha de PPC. Diseño: Estudio de validación diagnóstica, prospectivo, comparativo. Se incluyeron pacientes con desarrollo sexual precoz entre 5 y 8.3 años, en las cuales se realizaron las dos pruebas A y B. A. Test de Acetato de Triptorelina: 1) LH, FSH, Estradiol basales 2) Aplicación subcutánea de Acetato de Triptorelina 0.1 mg/m² y 3) LH, FSH y estradiol 3 y 24 horas después de la aplicación. B. Test GnRH: 1) LH, FSH, Estradiol basales. 2) Administración GnRH natural 100 ug/m² endovenoso .3) LH, FSH 30' y 60' post aplicación. Esta prueba fue el test de referencia para determinar los casos (verdaderos positivos) y los controles (verdaderos negativos). Las determinaciones de gonadotropinas fueron realizadas por dos ensayos ultrasensibles: inmunofluorescente (IFMA) y electroquimioluminiscente (ECLIA) y el estradiol por ECLIA. El análisis estadístico incluyó curvas ROC para definir los puntos de corte más adecuados, según sensibilidad, especificidad y valores predictivos positivos y negativos de las medidas

de resultado primarias (LH-3 hs y Estradiol-24 hs). Este estudio evaluó la eficiencia diagnóstica del análogo de GnRH, Acetato de Triptorelina acuoso y subcutáneo, para ser empleado como test diagnóstico ante la sospecha de Pubertad Precoz Central (PPC), comparándolo con el GnRH clásico como test de referencia. El test de GnRH clásico, si bien es el "gold standard", es un compuesto que no se encuentra comercialmente disponible en todo el mundo. El diagnóstico de PPC o de Telarca precoz (TP) se determinó de acuerdo a la respuesta del GnRH clásico y las características clínicas de las pacientes durante el seguimiento. Las 46 pacientes fueron clasificadas por el test de referencia y las características clínicas durante el seguimiento a largo plazo, como 33 PPC y 13 TP. AL momento de la realización de los test, las características clínicas de las niñas fueron similares en los dos grupos, lo cual confirma la necesidad de contar con una prueba diagnóstica confiable que permita descartar o confirmar la activación del eje hipotálamo-hipofiso-gonadal. Las variables predictivas primarias que presentaron mayor eficiencia diagnóstica en el Test de Triptorelina fueron la determinación de LH a las 3 hs (LH-3h) y la determinación de Estradiol a las 24 hs de la aplicación (E2-24 h). Empleando curvas ROC se obtuvo que la LH-3 hs $> \text{ó} = 7 \text{ UI/L}$ por IFMA o LH-3 h $> \text{ó} = 8$ por ECLIA confirmó el diagnóstico de CPP con una especificidad del 100% (95% CI: 0.75-1.00) y una sensibilidad del 76% (95% CI: 0.58-0.89). Considerando ambas respuestas: LH-3h ó E2 24-h (con un cutoff de 295 pmol/L equivalente a 80 pg/mL) manteniendo la misma especificidad del 100% la sensibilidad se elevó a 94% (CI 95%: 0.8-0.99) y la eficiencia diagnóstica alcanzó el 96%. Conclusiones: EL test de Triptorelina presenta una elevada certeza para el diagnóstico diferencial entre pubertad precoz

central y telarca precoz, constituyendo una alternativa válida al test de GnRH cuando este no está disponible. Además, el test de Triptorelina permite la evaluación integral del eje pituitario-ovárico. La validación del test diagnóstico propuesto permite su implementación

en la práctica clínica permitiendo a niñas con PPC acceder a un diagnóstico y tratamiento oportuno, el cual que permite mejorar el pronóstico de talla final y evitar la afectación psicosocial de una maduración física inapropiada.

SIMPOSIO SAIC III: ESTATUTO BIOLÓGICO Y SOCIAL DEL EMBRIÓN HUMANO

EL DESARROLLO DE EMBRIONES *IN VITRO* EN LOS TRATAMIENTOS DE REPRODUCCIÓN ASISTIDA: ASPECTO ÉTICO BIOMÉDICO

ROBERTO COCO

Fecunditas Medicina Reproductiva, robertococo@fecunditas.com.ar

Con el nacimiento de Louise Brown en el año 1978, la primera bebé de probeta, dio comienzo a la tecnología reproductiva de alta complejidad. La fecundación y el desarrollo de los ovocitos fecundados hasta el estadio de blastocisto es una realidad desde entonces, y cada día va en aumento su uso. Al inicio hubo indicaciones médicas muy precisas, pero rápidamente se extendió a otras indicaciones no médicas, al punto que hoy es una alternativa eficaz para lograr el embarazo. Los avances logrados en la tecnología reproductiva, dio lugar a la ilusión de que **todo es posible...** y es así que situaciones impensadas a lo largo de la historia de la humanidad hoy son contemplados por la tecnología reproductiva: mujeres u hombres solos, parejas de homosexuales, pacientes sin gametas, mujeres sin útero, varones sin deferentes, personas trans, parejas que acceden a PGD por diferentes motivos: riesgo genético, tipificado HLA, Isoinmunización RHD, predisposición a cánceres, la erradicación de enfermedades mitocondriales y más recientemente la posibilidad de editar genes como reemplazo de los defectuosos y la creación de gametas artificiales. En estos 37 años de existencia de la tecnología reproductiva humana, han nacido más de 6 millones de niños por FIV en el mundo entero, se logró el Nobel de Medicina 2010, posibilitó nuevas configuraciones familiares y desterró certezas

consideradas eternas como **“madre hay una sola y es la que pare”**. Para muchos la fecundación in vitro FIV fue considerada como un procedimiento artificial, aunque la esencia de la misma es propiciar la fecundación al colocar juntas ambas gametas. Cuando uno de los miembros de la pareja no produce gametas una alternativa es la donación de las mismas. Pero en realidad esta alternativa representa un fracaso en el tratamiento, ya que la pareja viene en busca de su hijo genético. En un futuro cercano, al igual que está ocurriendo en animales, tendrá lugar la reproducción artificial con la posibilidad de crear gametas a partir de células madre gonadales, inducidas a partir de células somáticas o a partir de clonación, que permitirá restaurar la reproducción natural, además de posibilitar que la pareja independiente de su género tenga cada miembro a su hijo genético. Esto último adquiere relevancia sobre todo en los países que cuentan con el matrimonio igualitario. De esta manera una pareja homosexual podrá re direccionar la gametogénesis y así obtener la gameta necesaria para lograr la fecundación con material genético de cada integrante de la pareja. **Como los avances de la ciencia no se pueden detener**, tendríamos que empezar a admitir que los avances logrados tienen sentido en la medida que no dañen física ni emocionalmente a las personas que requieran de las innovaciones logradas.

EL ESTATUTO DEL EMBRIÓN Y EL CONCEPTO DE PERSONA EN EL DERECHO: IMPLICANCIAS ÉTICAS Y LEGALES

CARLOS BURGER

A

abogado. Secretario del Comité de Ética Central, Ministerio de Salud de la Provincia de Buenos Aires. Miembro del Comité de Ética y Protocolos de Investigación, Hospital Italiano de Buenos Aires. Miembro del Comité de Ética en Investigación, HIGA Ramón Carrillo. Coordinador de la Oficina de Derechos Humanos, HIGA Eva Perón

EL INICIO DE LA VIDA. PERSPECTIVAS ÉTICAS Y EPISTEMOLÓGICAS CONTEMPORÁNEAS

SUSANA LA ROCCA

Profesora de Filosofía. Especialista en Bioética. Mg en Epistemología UNMdP. Directora del grupo de investigación: Ética, lenguaje y epistemología. Facultad de Psicología, UNMdP. Miembro del Comité de Bioética del Hospital Privado de Comunidad Mar del Plata

La reflexión acerca del respeto que debiera o debe otorgarse al inicio de la vida humana sigue siendo un tema perentorio para la sociedad actual, en tanto nos enfrentamos día a día a progresos biotecnológicos que posibilitan llevar a cabo precoces intervenciones terapéuticas y diagnósticos sobre células, embriones o fetos. La cuestión del comienzo de la vida humana se plantea desde diversas posiciones que pueden calificarse como: garantistas, no garantistas y precautorias y están sustentadas desde diferentes perspectivas epistemológicas no siempre evidentes. La denominada falacia naturalista de Davis Hume en *El Tratado de la Naturaleza Humana* (...) sostiene que es imposible derivar juicios normativos a partir de juicios descriptivos, o lo que es lo mismo, concluir una serie de deberes a partir de unos juicios de existencia. Esta importantísima posición epistemológica tiene incontables consecuencias en el orden epistémico y ético. En este trabajo nos interesan dos: los procedimientos formales de algunas éticas ante la imposibilidad de fundar la universalidad material del bien y la actitud de algunas posiciones filosóficas denominada *abstención justificada*. (Habermas, 2002). En consonancia con estos presupuestos, la ética dialógica o discursiva (Apel, Habermas) ubica el procedimiento de toma de decisiones éticas en el plano de la discusión comunicativa. Nada se dice sobre cuestiones que podrían trascender la comunicación y que de alguna manera la impedirían puesto que afectados por las decisiones de otros no pueden intervenir para opinar respecto a las consecuencias de las mismas. Cuando se manipula el inicio de la vida, los que nacen o no de una determinada manera no elegida por ellos y si por otros, no pueden argumentar ni a favor ni en contra de quienes suponen que los representan. A pesar de esta circunstancia de **ser**, no se sigue de ella que del procedimiento que propone la ética del discurso resulte un deber ser universal. La ética del discurso acepta en este punto la falacia naturalista de Hume. Sin embargo, Habermas en su libro *El futuro de la naturaleza humana ¿Hacia una eugenesia liberal?* (2002), se pregunta si la manipulación de la composición del genoma humano y la expectativa de dominar los procesos evolutivos y reproductivos, que tienden a resquebrajar la frontera entre lo subjetivo y lo objetivo, entre lo natural y lo hecho en

regiones que hasta el momento escapaban a nuestra disposición de intervenir podrían requerir al pensamiento filosófico a revisar la “abstención fundamentada”, tan propiciada por el pensamiento liberal postmoderno. Esta pregunta que supone un quiebre en la posición formalista y procedimental de Habermas da paso al denominado giro viviente de la ética que implica intervenir a favor de la vida porque sin ella no hay ética. Situarse en este contexto teórico, puede habilitarnos a desarrollar un análisis más concreto de los procesos de manipulación biogenética teniendo en cuenta el deber ético de lograr respetar la vida. Enrique Dussel, desde la filosofía de la liberación, afirma que una ética de los valores, no puede justificarse si a la vez no da cuenta del sujeto en quien se encarnan los valores que tienen como fin la reproducción de la vida. Si el valor justicia es importante, no lo es porque sea un valor en sí, sino porque los actos que dan a cada uno lo que le es debido, permiten la reproducción de la vida, y esto es central por ejemplo en la vida política. (Dussel, 2000, 176). Hans Jonas también se posiciona antes las prácticas de intervención biogenética y sostiene el riesgo de manipulaciones erróneas, el primer mandato moral es la actitud de cautela y el pensamiento hipotético que examine el uso eventual o posible de esas capacidades y sus consecuencias (Jonas, 1997, 109). Una ciencia permeada por valores de respeto hacia las autobiografías de los sin voz se obliga a tener actitudes de extrema cautela que se plasman en el principio de precaución aplicado en este caso a las intervenciones genéticas sobre el embrión humano “*tenemos que volver a temer y a temblar e, incluso sin Dios, a respetar lo sagrado. Hay tareas suficientes a este lado del límite que esto establece. El estado del hombre clama constantemente por su mejora. Intentemos ayudar. Intentemos prevenir, aliviar y curar. Pero no intentemos ser creadores en la raíz de nuestra existencia, en la sede primigenia de su secreto*” (Jonas, 1997, 143). Estamos en condiciones, como asegura Dussel, de evitar de cometer la falacia naturalista si reconocemos que ciencia y ética pueden cumplir una tarea diferenciable pero articulada y los principios éticos del deber ser son justificables desde enunciados descriptivos, de hechos de la vida humana.

¿QUÉ ES EL EMBRIÓN? UN DEBATE SIN FIN: PINCELADAS ANTROPOLÓGICAS

MARÍA MARTA MAINETTI

Licenciada en Antropología (UNLP). Especialista en Bioética (UNMdP). Mg en Bioética (ULLIA). Miembro del Programa Temático de Bioética de la UNMdP. Codirectora del Grupo de Investigación: Ética, lenguaje y epistemología, Facultad de Psicología, UNMdP. Miembro del Comité de Bioética del Hospital Privado de Comunidad Mar del Plata.

Todas las sociedades humanas atribuyeron significados y elaboraron creencias en torno a la vida todavía no nacida. Es la ciencia, sin embargo, la que devela el "misterio" y en base a ella, la filosofía y la teología establecen teorías. ¿Cuándo comienza la existencia de una vida humana? ¿Cuándo esa vida puede considerarse persona? Son cuestiones que diferentes pensadores a lo largo de la historia han respondido de diversas maneras de acuerdo a los conocimientos científicos y a las teorías filosóficas del momento. En la actualidad, los avances en la biología molecular y de las modernas tecnologías reproductivas, generan nuevas posibilidades de intervención que requieren la profundización y actualización de dichas cuestiones. Pero el debate pareciera no tener fin. Definir el estatuto del embrión es fundamental para evaluar éticamente cada una de las acciones que lo comprometen, como por ejemplo las técnicas de fecundación in vitro. Sin embargo, se trata de una problemática compleja, que incluye la ponderación de argumentos biológicos, antropológicos y filosóficos. Desde el punto de vista biológico, uno de los problemas que se relaciona con la generación de los seres vivos en general y con la del ser humano en particular, es que las propiedades a partir de las cuales se afirma la existencia de un ser vivo individual, van surgiendo sucesivamente en el curso de su desarrollo y de un modo progresivo. Es decir, tanto la vida, como la muerte se encuentran al término de un proceso, pero ellas mismas no pueden identificarse pura y simplemente con el proceso que a ellas conduce. Es decir, no hay dificultades para reconocer la existencia de un sujeto determinado cuando sus potencialidades están completamente desplegadas, el problema está, justamente en definir cuántas son las propiedades que lo definen como tal. Desde el punto de vista filosófico, se trata de definir si el embrión posee las características que constituyen a la persona como tal y si es por lo tanto portador de dignidad intrínseca como todo ser humano y merecedor de derechos.

Se visualizan así, dos cuestiones diferentes pero relacionadas entre sí:

- El comienzo de la vida humana como realidad biológica

- Desde qué momento del desarrollo biológico, se es persona

La cuestión del comienzo de la vida humana se plantea en el campo científico poniendo en discusión el momento exacto de la hominización del embrión. Existen diversas posturas que condicionan, justifican o aprueban las diferentes técnicas que actualmente se utilizan para eliminar, manipular y seleccionar embriones, sin considerarlos vidas humanas. Los avances en el conocimiento científico fueron demostrando que la vida humana es parte de un proceso continuo e ininterrumpido. Se fueron generando así variados argumentos para determinar un inicio, de acuerdo a diversas características consideradas necesarias para asegurar la existencia de un individuo: la anidación en el útero y la pérdida de la totipotencia (la capacidad de dividirse en dos) son los argumentos más aceptados. De todos modos, demostrar que el embrión es un individuo, no basta para establecer que es una persona. Hay quienes consideran que es un individuo, pero que no es persona porque no posee razón, ya que en las primeras etapas todavía no se ha formado el sistema nervioso (estructura biológica fundamental para el desarrollo de esta capacidad humana) o se ha formado en parte; por lo tanto todavía no sería un ser racional, es decir, persona; el carácter personal lo adquiriría en algún momento del desarrollo, sobre el cual no hay coincidencia en diferentes autores. De acuerdo a estas posturas, aparecen términos como el de preembrión, término puramente arbitrario, que pretende minimizar los primeros días del embrión, como si estos no constituyeran ya un embrión verdadero. En realidad, una vez producida la fecundación, no existe de ahí en más ningún cambio sustancial. Es evidente que este tema es de gran actualidad para el juicio ético que debe formularse con respecto al aborto y a los avances científico-técnicos que permiten la manipulación, experimentación y descarte de embriones. De todos modos, en una sociedad plural en lo religioso, cultural y ético, es indispensable un diálogo abierto que permita contemplar los valores mínimos necesarios para una convivencia pacífica y de respeto por toda vida humana.

SIMPOSIO SAIC IV AVANCES EN INVESTIGACIÓN PEDIÁTRICA**DESDE EL LABORATORIO DE INVESTIGACIÓN AL PACIENTE CON RETINOBLASTOMA Y NUEVAMENTE AL LABORATORIO. ESTUDIOS DE INVESTIGACIÓN TRASLACIONAL EN ONCOLOGÍA PEDIÁTRICA****PAULA SCHAIQUEVICH***Investigadora CONICET. Unidd de Farmacocinética Clínica. Hospital de Pediatría "Prof Dr Juan P. Garrahan"*

El retinoblastoma es el tumor primario ocular más frecuente de la edad pediátrica, representando el 11% del total de los casos de cáncer infantil durante el primer año de vida. Su incidencia es de alrededor de 3,5 a 5 casos por millón de niños menores de 15 años de edad en países desarrollados y en Argentina. La enfermedad se puede presentar en un ojo (unilateral) o en ambos (bilateral). Si bien la tasa de curación en nuestro país es superior al 90%, esto implica en numerosos casos la enucleación del ojo afectado y en el caso de la enfermedad bilateral, la consecuente ceguera del niño. Por ello, es de importancia esencial el desarrollo y uso de terapias conservadoras en aquellos casos que es posible aplicarlas. El tratamiento conservador del retinoblastoma incluyó durante décadas el uso de quimioterapia sistémica combinada a pesar de los eventos adversos incluso graves o fatales. Es especialmente importante destacar en la decisión de tratamiento, el balance entre el tratamiento conservador del globo ocular y la vida del paciente. Por ello, nuestro grupo de investigación traslacional, es un grupo de trabajo multidisciplinario abocado al desarrollo de vías de administración local novedosas con el objetivo de aumentar la concentración de drogas en el tumor (mayor eficacia clínica) respecto de la cantidad que alcanza en circulación sistémica. El desarrollo de nuevas vías de administración, nuevas combinaciones de fármacos y de esquemas de

administración, requiere del estudio en modelos preclínicos previo a su traslación a la terapéutica del paciente. En la presentación oral se expondrán los distintos estudios preclínicos (en animales de laboratorio y cultivos celulares) realizados en el laboratorio, los resultados de los estudios de farmacología ocular en pacientes del Hospital JP Garrahan y la relación entre ambos tipos de estudios y su traslación con retroalimentación hacia la investigación para responder nuevos desafíos. Asimismo, se abordará el estudio de vías de administración poco convencionales para el tratamiento del retinoblastoma diseminado en el nervio óptico. Esto resulta de gran relevancia en países en desarrollo dado que es se presentan pacientes con retinoblastoma diseminado a diferencia de la prácticamente nula prevalencia en países desarrollados, y los pacientes con la enfermedad avanzada raramente se curan. Discutiremos los estudios de farmacología ocular que realizamos para abordar la problemática del tratamiento del retinoblastoma diseminado, desde el conocimiento de la etiología de la enfermedad al desarrollo de nuevas vías de administración de quimioterapia. Finalmente, se discutirá el desarrollo de nuevas líneas de investigación utilizando cultivos celulares comerciales y de células procedentes de pacientes con retinoblastoma y los estudios de sensibilidad farmacológica en curso con potencial aplicación al tratamiento del tumor ocular.

CREACION DEL INSTITUTO DE INVESTIGACION DEL HOSPITAL GARRAHAN**GUILLERMO L CHANTADA***Coordinador Instituto de Investigación, Hospital de Pediatría SAMIC Prof Dr Juan P Garrahan
Investigador Principal en Salud, CONICET gchantada@garrahan.gov.ar*

A partir de la decisión del Consejo de Administración del Hospital de crear un Instituto de Investigación en 2014, se podrán alinear los desarrollos de investigación existentes en el hospital con un plan estratégico institucional que incluya una profesionalización de varios recursos indispensables para una investigación traslacional de calidad hoy disponibles en el Hospital,

pero en forma no sistematizada. Estos incluyen un biobanco dedicado, modernización del bioterio, el desarrollo un área de ensayos clínicos bajo estándares de buenas prácticas, la captura y procesamiento de datos. El instituto proyecta incorporar áreas de genómica, terapia celular y estudio de enfermedades poco frecuentes.

- Actividades y metodología:

Las tareas a desarrollar por el Instituto de Investigación incluyen:

1) Creación de una carrera de investigadores en la nómina de personal del Hospital Garrahan. Esta estructura incluye investigadores dependientes del Instituto, del CONICET o de otras pertenencias institucionales afines. Se contempla que los investigadores en sus grados superiores deban tener una dedicación completa a la investigación, coordinando la actividad de otros investigadores a tiempo parcial. Esta acción, junto con la consecución de un espacio físico dedicado, permitirá crear un ambiente académico de discusión de problemas bajo la óptica de la investigación, que atraiga becarios doctorandos, pasantes y residentes a la investigación traslacional en Pediatría. Se creará un sistema de becas doctorales para médicos especialistas en coordinación con el plan de residencias post-básicas.

2) Creación de un consejo asesor que colabore en la evaluación de los investigadores, sus proyectos y sus resultados.

3) Creación de una estructura orgánica institucional que ponga bajo el marco de la matriz institucional áreas hoy consideradas indispensables para la investigación que en el momento actual encuentran menor desarrollo o dispersas entre distintos departamentos del Hospital.

4) Vinculación: El Instituto será un nexo que facilite la interacción con instituciones locales e internacionales de investigación y haga todos los esfuerzos necesarios para atraer a nuevos investigadores y al personal que desarrolla sus tareas en el Hospital a actividades de investigación. Se ha lanzado un programa de subsidios orientados cofinanciados con la Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica (PICTO-Garrahan). Se desea que exista un estrecho vínculo con la comunidad mediante acciones en conjunto con ONGs.

5) Construcción de un edificio propio para el funcionamiento futuro del Instituto donde puedan desarrollar sus actividades los grupos actuales y se pueda recibir nuevos grupos en siguientes etapas de desarrollo. En este edificio propio, se propone asignar espacios dedicados a áreas que permitan la vinculación de los niños internados en el Hospital a la investigación, a través del juego, que los familiarice con las investigaciones que en muchas ocasiones son las que hacen posible su curación. El nuevo edificio, se vinculará físicamente con el edificio central del Hospital en sus áreas de internación, vinculándolo al área de ensayos clínicos y farmacológicos que permita al personal médico y de enfermería integrarse a la investigación en forma natural.

Ordenamiento en 3 áreas iniciales de desarrollo estratégico, orientadas a las necesidades asistenciales del Hospital.

- Investigaciones que permitan conocer los mecanismos de distintas enfermedades, tanto las prevalentes, donde se desee conocer aspectos específicos de nuestra población, como las enfermedades oncológicas, inmunológicas, endocrinológicas y las poco frecuentes en general. Esta área incluye los estudios epidemiológicos con su correlato molecular que permita establecer parámetros locales de interés en la salud pública.

- Investigaciones dedicadas a la identificación, desarrollo y evaluación de nuevos tratamientos médicos o quirúrgicos que permitan acercar a la población pediátrica nuevos desarrollos terapéuticos, preferentemente aquellos desarrollados en el país en especial para las enfermedades poco frecuentes.

- Investigaciones dedicadas al desarrollo o evaluación de aplicaciones físicas o informáticas o instrumentos que permitan la rehabilitación de pacientes pediátricos con dolencias crónicas permitiendo el monitoreo de ciertas funciones, acciones de fármacos o bien instrumentos que ayuden a la rehabilitación de pacientes.

DESARROLLO DE MEDICAMENTOS PARA ENFERMEDADES PEDIÁTRICAS DESATENDIDAS

FACUNDO GARCIA BOURNISSEN

*Investigador Adjunto, CONICET Hospital de Niños "Ricardo Gutierrez"
Gallo 1330, (1425) Buenos Aires, Argentina*

La Organización Mundial de la Salud (OMS) reconoce 17 enfermedades como ignoradas o "desatendidas" (*neglected diseases*, en inglés). Estas enfermedades afectan a más de 1.000 millones de personas en el mundo (es decir, a 1 de cada 7 personas vivas) y causan enormes pérdidas económicas para los países afectados. A pesar de que la lista de enfermedades ignoradas de la OMS es extensa e incluye muchas enfermedades con un

impacto importante en la salud de las personas que las padecen (por ej. Dengue, Enfermedad de Chagas, Lepra, Leishmaniasis, entre otras), este listado solo representa una fracción de las enfermedades y problemas de salud que afectan a las poblaciones más empobrecidas y marginalizadas del planeta. Estos problemas, definidos globalmente como "condiciones ignoradas" (*neglected conditions*) abarcan no solo las enfermedades definidas

por la OMS como ignoradas sino también problemas de salud reproductiva, enfermedades de transmisión sexual, déficits de micronutrientes, y problemas toxicológicos comunes (por ej., exposición al plomo y otros tóxicos). Estos problemas de salud tienen en común haber sido persistentemente ignorados por los sectores públicos y privados debido a la escasa disponibilidad de incentivos para investigación y desarrollo de nuevos tratamientos (por ej., nuevas drogas o vacunas), y la falta de fondos suficientes para la implementación de estrategias de control ya existentes. Lamentablemente, la población pediátrica no solo se encuentra entre las principales víctimas de las enfermedades ignoradas, sino que también ha sido dejada de lado del proceso de desarrollo de nuevas terapias, lo que tiene como consecuencia la ausencia de medicamentos seguros y efectivos y de formulaciones adecuadas para los niños con estas enfermedades. Estos déficits comúnmente fuerzan a la comunidad médica a administrar a estos niños con enfermedades ignoradas tratamientos diseñados y casi exclusivamente estudiados en adultos, para los que no existe generalmente evidencia pediátrica que permita ajustar dosis y predecir eventos adversos específicos de esta población, produciendo como consecuencia un riesgo elevado de toxicidad (por sobredosis) y falla terapéutica (por utilización de dosis menores a las requeridas por los niños). Las dificultades (percibidas, pero no siempre reales) asociadas a la investigación clínica farmacológica en pediatría son múltiples (por ej., bajo reclutamiento de pacientes, complejidades éticas, difícil evaluación clínica de eventos adversos, y falta de información suficiente sobre diferencias farmacocinéticas y farmacodinámicas en la edad pediátrica), y suelen ser citadas como excusa para la escasez de estudios clínicos y, por lo tanto, de información fehaciente sobre la farmacología clínica de muchos medicamentos

en pediatría. Esta excusa deja entrever la falta de compromiso de las empresas farmacológicas y de muchas agencias de financiamiento para la investigación con la población pediátrica, más que una verdadera dificultad en la realización de los estudios clínicos. Esta falta de compromiso parece estar en retroceso en los últimos años, a juzgar por el creciente interés en la realización de estudios pediátricos de Agencias No Gubernamentales (por ej., Drugs for Neglected Diseases initiative, Thrasher Research Fund, Gates Foundation, y otras) y algunas empresas farmacéuticas, así como el requerimiento de estudios pediátricos para nuevos medicamentos por parte de Agencias Regulatorias. Sin embargo, este creciente interés en la investigación en farmacología clínica pediátrica no ha llegado aún de manera significativa a las enfermedades ignoradas, salvo por algunas pocas excepciones. Incluso si la voluntad de mejorar la situación de la población pediátrica con enfermedades ignoradas parece ser amplia, pocos estudios pediátricos se han llevado adelante en este campo, y los fondos disponibles para este tipo de estudios no alcanzan ni a una pequeña fracción de los fondos invertidos en el desarrollo de otros medicamentos para condiciones menores como la toxina botulínica para la terapia cosmética o el desarrollo de antidepresivos con características similares a los ya existentes en el mercado. A pesar de que los estudios para las enfermedades ignoradas en pediatría no son fáciles de llevar adelante, y de la falta de apoyo financiero para desarrollarlos, existen algunos ejemplos (por ej. la Enfermedad de Chagas, Leishmaniasis) en que la situación parece estar cambiando rápidamente. Es importante recordar que los niños tienen derechos, incluyendo el derecho a acceder a medicamentos seguros y efectivos, y que los estudios de farmacología clínica en pediatría son indispensables para arribar a este objetivo.

CORTISOL Y ALDOSTERONA, UN DELICADO EQUILIBRIO ENTRE IMPRESCINDIBLE Y EXCESIVO: HIPERPLASIA SUPRARRENAL CONGÉNITA

GABRIELA PAULA FINKIELSTAIN

Médica Especialista en Endocrinología Pediátrica. Hospital de Niños Ricardo Gutiérrez. Investigadora Adjunta CONICET

La Hiperplasia Suprarrenal Congénita (HSC) consiste en un grupo de enfermedades autosómicas recesivas en las cuales existe un defecto en una de las enzimas involucradas en la biosíntesis de cortisol. La deficiencia de 21-hidroxilasa, causada por mutaciones en el gen CYP21A2, es la responsable del 95% de todos los casos de HSC y se caracteriza por la deficiencia de glucocorticoides, con o sin deficiencia de mineralocorticoides y exceso de andrógenos. La disminución o ausencia de actividad de la 21-hidroxilasa afecta la conversión de

17-hidroxiprogesterona (17OHP) a 11-desoxicortisol y de progesterona a 11-desoxicorticosterona (DOCA) con la consiguiente insuficiente síntesis de cortisol y aldosterona respectivamente. Las presentaciones clínicas incluyen una forma clásica, que su vez se subdivide en las formas virilizante simple (HSC-VS) y perdedora de sal (HSC-PS), y una forma no clásica. La HSC-PS se presenta con signos de virilización intraútero en fetos femeninos y deficiencia de aldosterona en ambos sexos que lleva cuadro agudo de pérdida salina que puede

poner en riesgo la vida. El tratamiento de los pacientes con deficiencia clásica de 21-hidroxilasa consiste en la administración de glucocorticoides y, en pacientes con HSC-PS, en la administración adicional del mineralocorticoide 9a fluorhidrocortisona y suplementos de cloruro de sodio (NaCl) hasta los 9-12 meses de vida. Este tratamiento previene las crisis adrenales y contribuye a suprimir la sobreproducción de andrógenos por las glándulas suprarrenales, permitiendo un crecimiento y desarrollo normal de los pacientes con HSC. Si bien el mismo ha mejorado sustancialmente a lo largo del tiempo, a menudo son necesarias dosis ligeramente elevadas de glucocorticoides para suprimir el exceso de andrógenos. En el período neonatal, y en los primeros meses de vida extrauterina, existe en humanos, una baja expresión del receptor para mineralocorticoides a nivel renal, lo cual genera una menor capacidad de regular la homeostasis del sodio y agua, remediando una resistencia parcial a la aldosterona. Por lo tanto, los lactantes con HSC son más susceptibles a desarrollar crisis adrenales y requieren proporcionalmente mayores dosis de mineralocorticoides comparados con pacientes mayores de un año de vida. Desde el punto de vista clínico, el tratamiento mineralocorticoideo previene la pérdida salina, disminuyendo el riesgo de vida de los pacientes; sin embargo, en vista de que estos individuos reciben una dosis fija en forma crónica, estarían potencialmente expuestos a una incapacidad fisiológica de excretar una sobrecarga salina en tiempo y forma adecuada. Adicionalmente, dada la dificultad de hallar parámetros bioquímicos adecuados de monitoreo del tratamiento mineralocorticoideo, resulta difícil individualizar las dosis de 9a fludrocortisona óptima para tratar las formas perdedoras de sal. Consecuentemente los

adolescentes y adultos jóvenes con HSC podrían estar expuestos a dosis ligeramente excesivas a lo largo de la vida, con potencial riesgo cardiovascular e hipertensión en la adultez temprana, remediando la morbilidad asociada a un hipermineralocorticismismo endógeno. Adicionalmente, los potenciales efectos a largo plazo del tratamiento crónico con glucocorticoides y mineralocorticoides se verían agravados por un aumento en la prevalencia de otros factores de riesgo cardiovascular reportados en algunos estudios realizados en pacientes con HSC como obesidad, insulinoresistencia e hipertensión arterial. Sin embargo, los resultados de estas investigaciones en adolescentes y adultos jóvenes con HSC son controvertidos, por lo tanto, hemos llevado a cabo un estudio prospectivo en el cual evaluamos la prevalencia de hipertensión arterial, de factores de riesgo cardiovascular incluyendo obesidad, insulinoresistencia y marcadores pro-inflamatorios en pacientes con HSC-PS por deficiencia de 21-hidroxilasa. Adicionalmente, hemos evaluado el comportamiento renal frente a una sobrecarga oral de sodio en esta población de pacientes. Los resultados de nuestra investigación muestran que, los adolescentes y adultos jóvenes con HSC-PS presentan incremento en el índice de masa corporal, niveles de insulina basal y HOMA-IR lo cual coincide con datos hallados en la literatura. No muestran signos evidentes de hipertensión ni de enfermedad cardiovascular incipiente, no obstante, un alto porcentaje de pacientes mostró alteraciones en el ritmo circadiano de presión arterial y una actividad de renina plasmática persistentemente elevada a lo largo del estudio. Estos hallazgos podrían sugerir un riesgo adicional para el desarrollo de enfermedad cardiovascular y morbilidad en la edad adulta.

SIMPOSIO SAFIS I: INMUNIDAD Y SISTEMA ENDÓCRINO: NUEVOS CONCEPTOS DE UNA RELACIÓN TURBULENDA

INMUNO-MODULACIÓN DE LA DIABETES TIPO 1

MARCELO PERONE

*Instituto de Investigación en Biomedicina de Buenos Aires (IBioBA), CONICET.
Partner Institute of the Max Planck Society, Buenos Aires, Argentina*

La diabetes mellitus tipo 1 (T1DM) es una enfermedad progresiva mediada por el sistema inmune en el que este destruye selectivamente las células β de los islotes de Langerhans en el páncreas. Los linfocitos T y diversos mediadores inflamatorios incluyendo citoquinas pro-inflamatorias, especies reactivas de oxígeno y proteasas, se cree, son los efectores principales de la destrucción de la masa celular β . Consecuentemente, en pacientes con diagnóstico de T1DM existe hiperglucemia e insuficientes

niveles de insulina para mantener la demanda metabólica. El escenario en el cual la rama adaptativa del sistema inmune participa de la destrucción de las células β es complejo. La producción intra-islote de citoquinas pro-inflamatorias tales como $\text{INF-}\gamma$, $\text{IL-1}\beta$ y $\text{TNF-}\alpha$ por parte de los linfocitos T CD4^+ y CD8^+ activados es una característica del proceso inflamatorio (insulinitis). Este incremento de las citoquinas pro-inflamatorias en el microambiente de los islotes dispara la apoptosis de las células β como así

también, la expresión *in situ* de quemoquinas las cuales promueven la infiltración del islote por parte de células inmunes de la rama adaptativa, que también contribuyen y potencian su deterioro. Las terapias de administración de insulina actuales no son completamente satisfactorias para restaurar el control glucémico estricto, la principal causa de complicaciones en los pacientes diabéticos. El reemplazo de la masa celular β dañada o la inducción *in vivo* de células secretoras de insulina derivadas de progenitores en conjunto con una adecuada modulación del sistema inmune descontrolado y del proceso inflamatorio, constituiría una posible cura para la T1DM. Sin embargo, los actuales inmunosupresores y anti-inflamatorios existentes pueden causar inmunosupresión generalizada y efectos secundarios perjudiciales incluyendo infecciones, malignidades, anemia, reacciones en el sitio de inyección, etc. Por lo tanto, son necesarias estrategias terapéuticas dirigidas hacia nuevos mecanismos intracelulares y/o el empleo de moduladores más eficientes de la inflamación para controlar el proceso autoinmune. La T1DM se diagnostica usualmente por sus síntomas clínicos o durante

estadios subclínicos tardíos, desafortunadamente tiempo después de la aparición de linfocitos T auto-reactivos. Por lo tanto, es necesario descubrir biomarcadores que ayuden a pronosticar con certeza la aparición de la enfermedad en individuos genéticamente predispuestos que inevitablemente progresarán hacia la T1DM. Este tipo de herramienta podría permitir implementar terapias antígeno-específicas en combinación con agentes inmunosupresores a dosis no tóxicas. Por otra parte, también se necesita del desarrollo de un mayor conocimiento de los mecanismos que conducen a la generación *in vitro* o *in vivo* de células β . Una vez que se consigan estos objetivos, se necesitará del control de los linfocitos T auto-reactivos para la prevención o para la potencial recurrencia de la respuesta anti- β . En este sentido, resultados recientes provenientes de ensayos clínicos que incluyen la infusión de células madre, células dendríticas o linfocitos Treg manipulados *ex vivo* o no, podrían ser aprovechados en combinación con pequeñas moléculas inhibidoras que ya han demostrado tener éxito en ensayos pre-clínicos.

INMUNO-MODULACIÓN DE LA ENDOMETRIOSIS

ROSA INÉS BARAÑO

Instituto de Biología y Medicina Experimental- FIBYME- CONICET

La endometriosis se define como la presencia de tejido endometrial fuera de la cavidad uterina. Es una enfermedad ginecológica benigna, inflamatoria y estrógeno dependiente. Sus principales síntomas son el dolor pélvico agudo, previo o durante la menstruación y/o dolor crónico, y la infertilidad. Es una enfermedad que afecta alrededor del 10-15% de las mujeres en edad reproductiva y entre un 50-80% de estas pacientes son infértiles¹. Hasta el momento, la teoría más aceptada para explicar su etiología es la propuesta por Sampson que sugiere el paso de fluido menstrual retrógrado a través de las trompas de Falopio y su posterior implantación en la cavidad peritoneal, adjudicándole un origen eutópico a las lesiones endometriósicas. No obstante, la menstruación retrógrada es frecuente en la mayoría de las mujeres en edad reproductiva, por lo que se piensa que existen otros factores que hacen posible la adherencia y desarrollo de estos implantes sólo en un porcentaje restringido de mujeres que evidencian clínicamente esta patología². Un mecanismo posible es que el tejido endometrial de las mujeres que desarrollan endometriosis posea características diferentes al tejido de las mujeres normales. Basándose en esta hipótesis, distintos autores han demostrado que

el endometrio de estas pacientes presenta una capacidad de proliferación y sobrevida incrementadas, lo que favorecería su persistencia y crecimiento en sitios ectópicos³. Sin embargo, hasta el momento existen interrogantes sin responder acerca de esta enigmática enfermedad: ¿Por qué el tejido endometrial ectópico no es eliminado de la cavidad peritoneal por el sistema inmunológico? ¿Qué alteraciones del sistema inmunológico presentan las pacientes con endometriosis? El principal objetivo de este trabajo fue investigar cuáles son las alteraciones del sistema inmunológico presentes en las pacientes con endometriosis que impiden que el tejido endometrial ectópico sea eliminado. En las pacientes con endometriosis existen evidentes alteraciones inmunológicas que podrían ser causa o consecuencia de la presencia de tejido endometrial ectópico y del incremento de los niveles de estrógenos en la cavidad peritoneal⁴. Las Células dendríticas (CD) y la presentación antigénica a cargo de éstas células se hallan disminuidas⁵⁻⁸. La población de macrófagos peritoneales está aumentada con respecto a las mujeres normales al mismo tiempo que existe un incremento en la producción de IL-1, VEGF, PGE₂ y liberación de especies reactivas de oxígeno

(ROS) lo cual favorece la proliferación y angiogénesis de los implantes endometriósicos y el establecimiento de una inflamación crónica⁹⁻¹². Estas células también tienen disminuida su capacidad de presentar antígenos a los LT. Además, los propios macrófagos poseen aromatasas P450 por lo cual podrían tener una producción autócrina de estrógenos¹³⁻¹⁴. Asimismo, tanto los estrógenos como otros factores solubles tales como PP14, HLA-Gs y citocinas de tipo Th2 inducirían una marcada disminución en la actividad de células NK y LT citotóxicos¹⁵⁻¹⁶. El incremento de LTreg junto con la expresión Galectina-1 y HLA de tipo I no clásicos por parte del tejido endometrial ectópico son otros factores inhibitorios de la citotoxicidad¹⁷. Si bien se trata de una enfermedad inflamatoria, en el líquido peritoneal de las pacientes con endometriosis predominan las citocinas de tipo Th2 que favorecen la tolerancia inmunológica hacia los implantes¹⁸. Finalmente, existiría un aumento de la población de LB1 que sería responsable del aumento de anticuerpos de tipo IgM observado en muchas pacientes con endometriosis¹⁹.

Referencias

1. Nnoaham KE, et al. *Fertil. Steril.* 2011; 96: 366-373.
2. Vinatier D, et al. *Eur. J. Obstet. Gynecol. Reprod. Biol.* 2001; 96: 21-34.
3. Bilotas M, et al. *J. Reprod. Immunol.* 2010; 84: 193-198.
4. Tariverdian N, et al. *J. Reprod. Immunol.* 2009; 80: 80-90.
5. Schulke L, et al. *Hum.Reprod.* 2009; 24: 1695-1703.
6. Pencovich N, et al. *Reprod. Biomed. Online.* 2014; 28: 515-521.
7. Stanic AK, et al. *Reprod.Sci.* 4-3-2014;
8. Raïter-Tenenbaum A, et al. *Arch.Gynecol.Obstet.* 1998; 261: 147-157.
9. Lee KS, et al. *Int. Immunopharmacol.* 2005; 5: 1699-1712.
10. Barañao RI, et al. *Steroids.* 1991; 56: 481-485.
11. Barañao RI, et al. *Am. J. Reprod. Immunol.* 1992; 27: 82-86.
12. Simpson ER. *J. Steroid Biochem. Mol. Biol.* 2003; 86: 225-230.
13. Montagna P, et al. *Fertil.Steril.* 2-6-2008; 90: 156-164.
14. Sikora J, et al. *Curr. Med. Chem.* 2011; 18: 200-208.
15. Osuga Y, et al. *Am. J. Reprod. Immunol.* 2011; 65: 1-10.
16. Barañao R.I. *ENDOMETRIOSIS. Fundamentos Etiopatogénicos, Diagnóstico y Tratamiento.* 2006; 185-210. Bs As. Editorial Corpus.
17. Podgaec S, et al. *Hum.Reprod.* 2007; 22: 1373-1379.
18. Inés Barañao R. *Ginecol. Obstet Mex.* 2014 82(11):755-63.

RESPUESTA ANTI-TUMORAL DE CÉLULAS DENDRÍTICAS ACTIVADAS POR HORMONAS TIROIDEAS

CLAUDIA PELLIZAS

Centro de Investigaciones en Bioquímica Clínica e Inmunología (CIBICI-CONICET). Dpto Bioquímica Clínica, Facultad de Ciencias Químicas, Universidad Nacional de Córdoba, Córdoba, Argentina

La acción de las hormonas tiroideas (HTs) es controlada por numerosas condiciones, inherentes tanto al funcionamiento tiroideo como a los diferentes tipos celulares blanco de su acción y a factores externos, tales como otros agentes hormonales, y mediadores del sistema inmune y nervioso. Es, además, un proceso que involucra diversos eventos incluyendo la interacción con receptores específicos localizados tanto a nivel nuclear (acciones genómicas) como en membrana plasmática, citoplasma y otras organelas (acciones no-genómicas) (Mullur y col., 2014). Por otra parte, las células dendríticas (DCs) son las principales células presentadoras de antígenos (Ag), capaces de reconocer, procesar y presentar Ag a los linfocitos T (LT) "naïve" para la inducción de respuestas adaptativas específicas. En este contexto, los LT CD8⁺ proliferan y montan respuestas citotóxicas. (Satpathy y col, 2012). En este sentido, la inmunoterapia antitumoral a base de DCs se basa en la utilización de las propias DCs del paciente, que son expuestas a los Ag del tumor *ex vivo* y luego reinyectadas para desarrollar respuestas específicas antitumorales (Kirkwoody col., 2012). Sin

embargo, el éxito de terapéutico es aún limitado ya que las DCs activadas tienen vida media corta en nódulos linfáticos y las DCs muertas inducen tolerancia. Por lo tanto, el mejoramiento de esta inmunoterapia es actualmente un desafío (Paluckay col., 2012). Nuestro grupo viene estudiando el impacto de la HT activa: triiodotironina (T3) en el proceso de inicio de la respuesta inmune y el desarrollo de la inmunidad adaptativa. En este sentido, demostramos la presencia de receptores de HTs (TRs) en DCs, principalmente la isoforma β_1 , con preferente localización a nivel citoplasmático. También reportamos el rol esencial de T3 en el control de la maduración y función de DCs, induciendo un perfil Th1 (Mascanfroni y col., 2008). Por estudios *in vitro*, demostramos que estos efectos de T3 a nivel de DCs fueron mediados por TR β_1 a través de un proceso Akt y NF κ B dependientes (Mascanfroni y col., 2010) y contrarrestados por glucocorticoides (Montesinos y col, 2012). Por su parte, y utilizando modelos animales murinos: WT y con TR β mutado ("TRbPV", no une T3; Wong y col., 1997), demostramos *in vivo* la relevancia de la señalización mediada por T3-TR β_1 WT (y no por

TR β PV), capaz de dotar a las DCs con la habilidad de estimular respuestas T-citotóxicas Ag-específicas. La unión de T3 a TR β , incrementó la viabilidad de las DCs y su migración a nódulos linfáticos. Además, T3 estimuló la habilidad de las DCs de realizar la “presentación cruzada de Ag”, evento crucial para el desarrollo de una inmunoterapia protectora antitumoral (Joffre y col., 2012) y estimular respuestas citotóxicas. Más aún, en un modelo tumoral de melanoma (B16-OVA), una estrategia de vacunación antitumoral basada en DCs pre-estimuladas con T3 en presencia del Ag tumoral OVA, inhibió el número de animales que desarrollaron el tumor. En los ratones afectados, disminuyó el crecimiento tumoral y prolongó la supervivencia. Estos efectos fueron mediados, al menos en parte, por células T CD8⁺, productoras de IFN- γ (Alamino y col., 2015). Los resultados obtenidos hasta el presente, además de acrecentar el conocimiento del efecto de las HTs a nivel del sistema inmune, destacan el efecto adyuvante de la señalización mediada por T3-TR β 1 en protocolos de vacunación en base a DC, con profundas implicancias en inmunoterapia para el cáncer.

Referencias

- Muller y col. Thyroid hormone regulation of metabolism. *Physiol Rev* 2014; 94: 355-82.
- Wong y col. Transgenic mice bearing a human mutant thyroid hormone beta 1 receptor manifest thyroid function anomalies, weight reduction, and hyperactivity. *Mol Med* 1997; 3: 303-14.
- Satpathy y col. Re(De)fining the dendritic cell lineage. *Nat Immunol* 2012; 13: 1145-54.
- Joffre y col. Cross-presentation by dendritic cells. *Nat Rev Immunol* 2012; 12: 557-69.
- Kirkwood y col. Immunotherapy of cancer in 2012. *CA Cancer J Clin* 2012; 62: 309-35.
- Mascanfroni y col. Control of dendritic cell maturation and function by triiodothyronine. *FASEB J* 2008; 22:1032-42.
- Mascanfroni y col. Nuclear factor (NF)-kappaB-dependent thyroid hormone receptor beta1 expression controls dendritic cell function via Akt signaling. *J Biol Chem* 2010; 285: 9569-82.
- Montesinos y col. Dexamethasone counteracts the immunostimulatory effects of triiodothyronine (T3) on dendritic cells. *Steroids* 2012; 77: 67-76.
- Alamino y col. Antitumor responses stimulated by dendritic cells are improved by triiodothyronine binding to the thyroid hormone receptor beta. *Cancer Res*, 2015; 75: 1265-74.

NEUROENDOCRINE AND IMMUNE RESPONSES TO ACUTE PSYCHOSOCIAL STRESS

MOISÉS E. BAUER

Laboratory of Immunosenescence. Institute of Biomedical Research, Pontifical Catholic University of the Rio Grande do Sul (PUCRS), Porto Alegre, Brazil

Psychological stress has been associated with activation of the hypothalamic-pituitary-adrenal axis (HPA) and altered immune responses. While acute experimental stress is known to activate peripheral lymphoid cells and increase the inflammatory tone, the chronic stress is more clearly associated with immunosuppression. Indeed, the immune activation is part of stress response, and psychosocial stress has been implicated in the pathogenesis of psychiatric disorders. Higher immune responses have been associated with lower cortisol responses to acute psychosocial stress in healthy subjects. However, stress reactivity is largely unknown in mood disorders, like bipolar disorder (BD), and failure to mount adequate neuroendocrine responses following stress could be associated with detrimental overshooting immune responses. Indeed, a growing body of evidence suggests an immunological imbalance in BD, associated with a pro-inflammatory profile. Laboratory stress studies provide a unique opportunity to address the underlying mechanisms involved in stress reactivity. The Trier Social Stress Test (TSST), a validated laboratory psychosocial stress task,

is commonly used to analyze biological changes due to controlled stress exposure. We have recently investigated the neuroendocrine and immune responses to acute psychosocial stress challenge in BD. It was hypothesized that blunted neuroendocrine responses to stress could be associated with immune activation in BD. Thirteen euthymic female subjects with type 1 BD and 15 healthy controls underwent the Trier Social Stress Test protocol (TSST). Blood samples were collected before and after TSST. Lymphocytes were isolated and stimulated in vitro to assess lymphocyte activation profile, lymphocyte sensitivity to dexamethasone (a synthetic glucocorticoid), mitogen-activated protein kinase (MAPK) and nuclear factor kappa B (NF- κ B) signaling by flow cytometry. Heart rate and salivary cortisol levels were monitored across the task. BD participants exhibited blunted stress responses as shown by reduced heart rate and salivary cortisol levels in comparison to healthy controls. BD was also associated with reduction in the percentage of regulatory T cells, but with expansion of activated T cells. When compared to controls, patients showed increased lymphocyte MAPK

p-ERK and p-NF-kB signaling after the stress challenge, but exhibited a relative lymphocyte resistance to dexamethasone. In conclusion, stress-related neuroendocrine responses are blunted, associated with increased immune

activation and lower sensitivity to glucocorticoids in BD. An inability in reducing NF-kB and MAPK signaling following TSST could be underlying the immune imbalance observed in BD.

SIMPOSIO SAIC V: ONCOLOGÍA

NUEVOS DETERMINANTES DE LA PROGRESIÓN TUMORAL

ELISA BAL DE KIER JOFFÉ

Área Investigación. Instituto de Oncología Ángel H. Roffo

La metástasis representa la mayor amenaza de progresión del cáncer y es la causa principal de muerte de los pacientes oncológicos. La metástasis involucra una compleja e ineficiente cascada de eventos que se inicia en el tumor primario y culmina en la colonización de órganos distantes. Inicialmente las células tumorales de estirpe epitelial sufren un proceso de transición epitelio-mesenquimática, que les confiere mayor motilidad y capacidad de invadir las matrices extracelulares, mediada por un aumento de las enzimas proteolíticas. Ya en el estroma, ahora constituido en el microambiente tumoral, se establecen interacciones específicas con los diferentes componentes celulares y extracelulares del mismo, de las que dependerá el ulterior destino de la célula maligna. Una vez en la circulación sanguínea la célula tumoral circulante (CTC) deberá sobrevivir a la anoikis y escapar del ataque del sistema inmune. Superadas estas amenazas las CTCs se extravasan hacia el parénquima de diferentes órganos donde, dependiendo de nuevas interacciones, se producirá la colonización. Allí la célula tumoral diseminada puede permanecer quiescente (tumor dormancy), o puede formar micrometástasis que eventualmente crecerán para dar lugar a macrometástasis. Estudios recientes sugieren que las metástasis se originan a partir de células "stem" (troncales) tumorales, una pequeña población tumoral capaz de autorenovación. Este concepto permitiría explicar parcialmente la ineficiencia del proceso metastásico y la adquisición de resistencia a drogas. Otro concepto importante es que el curso de la cascada metastásica variará según el perfil genético del tumor de origen, identificándose "firmas genéticas" (genetic signatures) que correlacionan con diseminación metastásica y mal pronóstico. Los estudios clínicos indican que la distribución de las metástasis está relacionada con el sitio de origen y tipo de tumor primario. Si bien la distribución de las metástasis puede explicarse parcialmente por el patrón circulatorio, las evidencias apoyan la existencia de interacciones moleculares específicas

que favorecen la retención y proliferación de las células tumorales en determinados órganos. Un mecanismo muy novedoso propone que el tumor primario puede modificar el microambiente del órgano blanco antes de la llegada de la célula metastásica, demostrándose la formación de "nichos pre-metastásicos" que se comportarán como un sitio de anclaje para el futuro crecimiento metastásico. Se ha propuesto que los tumores primarios liberan factores que actúan sobre los fibroblastos residentes e inducen la producción y depósito de fibronectina en sitios específicos del órgano blanco, nichos que son rápidamente colonizados por células progenitoras hematopoyéticas (CPH) provenientes de la médula ósea. Las CPH alojadas en los nichos pre-metastásicos son capaces de secretar proteasas, factores de crecimiento y quimioattractantes, modificando la matriz extracelular y creando un gradiente capaz de convocar finalmente a las células tumorales, que proliferarán en el "nicho metastásico". Recientemente se ha descrito una nueva modalidad de comunicación intercelular en el microambiente tumoral. Además de los factores solubles, tanto las células tumorales como las normales liberan al medio microvesículas que pueden establecer contactos ligando-receptor con las células circundantes. Entre las microvesículas se destacan los exosomas, entidades biológicamente activas capaces de inducir señalización y de transmitir material genético horizontalmente por contener ARNm y microARNs funcionales. Hay fuertes evidencias que indican que los exosomas juegan un papel muy importante, tanto en el tumor primario como en los nichos pre-metastásicos y metastásicos, promoviendo angiogénesis, reclutando diferentes poblaciones o induciendo inmunosupresión, constituyéndose en un posible nuevo blanco terapéutico. Con relación a los microARN, son pequeñas moléculas de ARN no codificante que controlan la expresión génica en forma específica actuando sobre los ARNm. Los microARNs se encuentran frecuentemente desregulados en diferentes tumores, promoviendo fenotipos altamente

proliferativos e invasivos. También se ha demostrado que su desregulación tiene implicancias en diagnóstico, pronóstico y tratamiento del cáncer. Asimismo, el hecho de encontrarse en los exosomas confiere a los microARN la propiedad de controlar la progresión y la metástasis, e inclusive síntomas paraneoplásicos como la caquexia, a través de la modula-

ción del microambiente tumoral. En la última década, se han hecho muchos progresos para definir los factores de la célula tumoral y del huésped que determinan el comportamiento de la célula metastásica. Resulta crítico poder alcanzar el desarrollo de enfoques novedosos que permitan mejorar la supervivencia del paciente oncológico.

RECEPTORES β_2 -ADRENÉRGICOS Y SU SEÑALIZACIÓN EN MORFOGÉNESIS MAMARIA Y PROGRESIÓN TUMORAL

ARIANA BRUZZONE

Instituto de Investigaciones Bioquímicas de Bahía Blanca

El estrés es un proceso fisiológico que responde a nuestra necesidad de adaptarnos a un entorno en constante cambio. Se genera por la descarga inmediata y automática de catecolaminas por parte del Sistema Nervioso Simpático (SNS) y por la médula suprarrenal. Si bien cierto nivel de estrés es necesario y adaptativo, se espera que sea de corta duración. Cuando éste se prolonga o intensifica en el tiempo el cuerpo permanece en un estado de sobrecarga, con consecuencias deletéreas para la salud, incluyendo problemas cardíacos, supresión del sistema inmune y cáncer. Los receptores β -adrenérgicos (β -AR), blancos de las catecolaminas endógenas, fueron asociados originalmente con funciones cardiovasculares. Sin embargo, durante los últimos años, estos receptores ganaron protagonismo en el contexto del cáncer. El sistema β -adrenérgico ha sido asociado con casi todos los hitos (*hallmarks*) del cáncer. Entre las mujeres, el cáncer de mama es el más frecuente y la primera causa de muerte por cáncer en el mundo. En la Argentina, cada año, mueren por esta enfermedad aproximadamente 5.400 mujeres. Los β -AR, principalmente del subtipo β_2 , fueron descritos en la glándula mamaria de diferentes especies, en líneas celulares tumorales y no tumorales de mama humana y en muestras tumorales de mama. Sin embargo, los datos que relacionan los β -AR y el cáncer de mama son aún controversiales. En los últimos años, numerosos autores han sugerido el uso de β -bloqueantes como opciones terapéuticas para el cáncer de mama. Sin embargo, análisis epidemiológicos han demostrado que los resultados son inconsistentes, sumando confusión en cuanto al potencial uso de los mismos en pacientes. La expresión del β_2 -AR se encuentra implicada en el fenotipo de células mamarias humanas. Tanto en células tumorales como no tumorales de mama humana, la expresión del β_2 -AR y su activación vía la producción de cAMP se encuentran asociados a un fe-

notipo más benigno. La estimulación de estos receptores disminuye la proliferación celular. En células no tumorales MCF-10A, esto ocurre por un mecanismo dependiente de β_2 -ARs ubicados fuera de microdominios ricos en colesterol o "balsas" (*rafts*) de la membrana plasmática, activando la vía AMPc/PKA e inhibiendo la fosforilación de Erk1/2. Por otro lado, la estimulación de los β_2 -ARs ubicados en "*rafts*" ricos en colesterol, induce la adhesión celular específica a la fibronectina, vía AMPc/EPAC. La activación β -adrenérgica también activa la vía de Akt/Rac-cofilina. Ambas vías se encuentran asociadas a una reorganización del citoesqueleto de actina. La activación de estos receptores causa, además, una disminución de la migración de células tumorales y no tumorales, así como también la diferenciación de células creciendo en cultivo tridimensional. Las células bajo el estímulo β -adrenérgico desarrollan un lumen, como así también las células no tumorales, siendo capaces de desarrollar ductos y estructuras que se asemejan a los lóbulos mamaros. En modelos *in vivo*, la estimulación β -adrenérgica con isoproterenol disminuye el crecimiento de tumores mamaros murinos, induciendo la diferenciación de los mismos. En la glándula mamaria normal de ratón, el isoproterenol (Iso) induce la ramificación (*branching*) de los ductos mamaros, aumentando significativamente la cantidad de los mismos. Basándonos en diferentes criterios, observamos que la ramificación que resulta de esta estimulación produce ductos normales, que no interfieren en la funcionalidad de las glándulas. El efecto del Iso sobre la ramificación de los ductos mamaros depende de la presencia del receptor de estradiol, pero no del receptor de progesterona. En conjunto, todos estos datos demuestran que existe una relación evidente entre los receptores β -adrenérgicos y el desarrollo normal y tumoral de la mama. Mediante el estudio detallado de cada componente de la respuesta al estrés, y dejando de

lado las tendencias, comprenderemos la complejidad del estrés en la biología del cáncer. Debido a que el diagnóstico y el tratamiento del cáncer es una importante causa de estrés para los pacientes, cada evidencia que subyace al

mecanismo de acción de las hormonas/neurotransmisores tanto en células tumorales como no tumorales contribuirá a un entendimiento más profundo de la progresión tumoral y a un mejor tratamiento de las pacientes.

PARTICIPACIÓN DE LA VÍA PI3K/AKT/MTOR EN LA PROGRESIÓN Y REGRESIÓN DE CARCINOMAS MAMARIOS

VIRGINIA NOVARO

Laboratorio de Proteína Quinasas y Cáncer. Instituto de Biología y Medicina Experimental (IBYME-CONICET)

La activación de la vía PI3K/Akt/mTOR en el cáncer de mama se asocia con la resistencia terapéutica. Sin embargo, aún no hay consenso sobre cuáles son los indicadores de activación de la vía que tengan un valor pronóstico de la evolución de la enfermedad. Tampoco se sabe cómo se modifica la activación de la vía luego de las terapias sistémicas convencionales. El objetivo de nuestro laboratorio es estudiar el rol de mediadores de la vía PI3K/Akt/mTOR en la evolución del cáncer de mama. Utilizando diversos modelos preclínicos y un abordaje experimental, nos avocamos a dos eventos cruciales de la carcinogénesis mamaria. Por un lado, demostramos la participación de la vía de PI3K/Akt/mTOR en la progresión a una variante tumoral que crece independiente de la estimulación hormonal, es decir en la transformación a variantes tumorales hormono-independientes y resistentes. Por otro lado, determinamos que en cierto tipo de tumores mamarios la inhibición de la vía PI3K/Akt/mTOR con agentes específicos puede contribuir, combinándose con la terapia endócrina, en inducir la regresión tumoral o incluso puede reemplazar a la terapia endócrina cuando la misma deja de ser efectiva. Recientemente, evaluamos el estado de activación de la vía PI3K/Akt/mTOR en muestras de pacientes con cáncer de mama de tipo luminal A (receptores hormonales positivo, HER2 negativo) que es el tipo más frecuente. En un estudio piloto evaluamos por inmunohistoquímica la expresión diferencial de las isoformas Akt1 y Akt2 y el nivel de actividad de la proteína ribosomal S6, downstream la vía PI3K/Akt/mTOR, en biopsias en parafina de pacientes con cáncer de mama en distintos estadios de la enfermedad. Actualmente estamos extendiendo este análisis a un número mayor de pacientes de distintos centros oncológicos del país, incluyendo pacientes que han recibido terapia convencional con agentes endocrinos o quimioterápicos. Con este

abordaje, intentamos correlacionar diferentes marcadores moleculares de activación de la vía PI3K/Akt/mTOR tanto en el epitelio como en el estroma tumoral, con la evolución clínica de las pacientes. Los resultados obtenidos nos sugieren que mientras la activación de la vía PI3K/Akt/mTOR, determinada a través de los niveles de activación de Akt1 y S6, en el epitelio tumoral participa en el crecimiento tumoral, su activación en el estroma tumoral participa en la regresión tumoral post tratamiento endócrino. Este último fenómeno se produce porque luego de la terapia la activación de S6 en el estroma favorece la reacción estromal mediante la angiogénesis y el infiltrado de células inmunes e inflamatorias. Es decir, encontramos que los niveles de Akt1 y S6 estromal correlacionan con el grado de respuesta tumoral al agente endócrino. Por otro lado, la activación de Akt2 en el epitelio está asociada con un fenotipo más agresivo, que involucra la regulación de proteínas que participan en el remodelado tisular, la migración y la invasión celular, ej. B1-integrina, E-caderina, Vimentina, Metaloproteasas y FAK. La relevancia de estos resultados es que, dependiendo qué vías downstream se activen, y en qué compartimiento tumoral, el rol de PI3K/Akt/mTOR en la evolución de la enfermedad varía. Además, en base a estudios preclínicos experimentales, especulamos que en los casos donde la activación de la vía participe del proceso de regresión tumoral y en la reacción estromal luego de la terapia, la incorporación de agentes inhibitorios de la misma podría interferir con la respuesta terapéutica. Entonces, en base a estos resultados concluimos que el nivel y la localización de Akt y S6 tumoral permitirían hacer un pronóstico de la evolución de la enfermedad y predecir en la práctica clínica qué pacientes se podrían beneficiar con la incorporación de inhibidores selectivos de la vía.

QUIMIOTERAPIA METRONÓMICA Y REPOSICIONAMIENTO DE DROGAS. NUEVOS PARADIGMAS TERAPÉUTICOS EN ONCOLOGÍA

GRACIELA SCHAROVSKY

Jefa de la Sección de Oncología Experimental. Instituto de Genética Experimental. Facultad de Ciencias Médicas, UNR

El cáncer es la segunda causa principal de muerte en Argentina. De acuerdo a las estimaciones realizadas por la IARC (*International Association of Cancer Registries*), Argentina se encuentra dentro del rango de países con una incidencia de cáncer media-alta (más de 100.000 nuevos casos por año). El tratamiento del cáncer se basa en estrategias de control local como cirugía y radioterapia, y estrategias de control sistémico como quimioterapia, hormonoterapia y terapias biológicas. La quimioterapia, para el tratamiento de varios tipos de cáncer avanzados o metastásicos, fue introducida hace más de medio siglo. Las drogas convencionales se han diseñado para ser utilizadas en dosis cercanas a la dosis máxima tolerada por el organismo, siendo administradas a intervalos definidos de tiempo, determinados principalmente por el período necesario para que el paciente se recupere de los efectos tóxicos derivados de la terapia. Así, el tratamiento de esta enfermedad expone al paciente a numerosos efectos adversos vinculados principalmente con la toxicidad asociada a las altas dosis, afectando dramáticamente su calidad de vida. Este conjunto de efectos adversos de la quimioterapia, que en ocasiones requiere incluso la re-internación del paciente, junto con el alto costo de las drogas regularmente utilizadas, eleva los gastos públicos en salud asociados con la terapia. Las terapias convencionales para el tratamiento del cáncer parecen haber llegado a una meseta de eficacia terapéutica. Los períodos de descanso, que se deben implementar para permitir que el paciente se recupere de los efectos colaterales de la medicación, propician el crecimiento de variantes celulares tumorales más agresivas y resistentes a dicho tratamiento. Todo ello está acompañado por la persistencia de la toxicidad, de moderada a severa, provocada por el tratamiento que implica una baja calidad de vida para el paciente. A partir del año 2000 se comenzó a abordar el tratamiento quimioterapéutico con un nuevo enfoque que se opone al paradigma terapéutico del momento. El nuevo paradigma propone que en la quimioterapia del cáncer “menos, es más, cuando se administra crónicamente”. Es decir que dosis mucho menores a la dosis máxima tolerada de diferentes agentes quimioterapéuticos, suministrados crónicamente, a intervalos regulares, y sin períodos prolongados de descanso, pueden ser eficaces y presentar

una toxicidad mínima. A esta modalidad terapéutica se la conoce como quimioterapia metronómica (QTM). Su mecanismo de acción sería, principalmente, anti-angiogénico y modulador de la respuesta inmune. Los resultados obtenidos a nivel experimental, sumados a la incipiente experiencia a nivel clínico, sugieren que la QTM tendrá un lugar importante en el tratamiento futuro de los pacientes con distintos tipos de cáncer. El desarrollo de nuevos fármacos oncológicos es uno de los grandes desafíos de la medicina moderna. Desafortunadamente, los más de 40 medicamentos antitumorales nuevos y aprobados en la última década, conocidos como “terapias blanco o terapias biológicas”, poseen un alto precio que las hace inaccesibles para la inmensa mayoría de la población mundial. Sin embargo, una interesante alternativa a la búsqueda de nuevos fármacos es la utilización de drogas que han sido desarrolladas para otras indicaciones pero que, posteriormente, han mostrado potencial antitumoral. Esta estrategia, tradicionalmente no utilizada por la industria farmacéutica internacional, conocida como “cambio de indicación” o “reposicionamiento terapéutico”, consiste en estudiar medicamentos existentes en el mercado e indicados para enfermedades distintas al cáncer con potencial efecto antitumoral. Una ventaja esencial que plantea la utilización de estas nuevas/viejas drogas o drogas en “reposicionamiento”, radica en su conocimiento farmacológico-toxicológico previo y a que ya están aprobadas por la FDA. Es decir que una vez descubierto el efecto potencial contra el cáncer, se pueden iniciar los ensayos clínicos en pacientes, acortándose el tiempo y el costo final al público. En el Instituto de Genética Experimental de la Facultad de Ciencias Médicas de la UNR venimos trabajando, desde el año 2001, en quimioterapia metronómica y reposicionamiento de drogas en diversos modelos tumorales experimentales, con especial énfasis en el cáncer de mama. Estudiamos los efectos antitumorales y antimetastásicos de diversas combinaciones de drogas y esquemas de administración y los mecanismos responsables de los mismos. Los resultados preclínicos obtenidos, posibilitaron su traslación a la clínica en un Protocolo Clínico de Fase II para cáncer de mama avanzado. En la disertación, presentaré los principales resultados obtenidos en el campo experimental y en el clínico.

SIMPOSIO SAIC VI SIMPOSIO SATÉLITE A LA REUNIÓN DE LA SOCIEDAD ARGENTINA DE ANDROLOGÍA. COMPROMISO DEL ENDOTELIO EN LA PATOLOGÍA ANDROLÓGICA

ENDOTELIO, INFLAMACIÓN Y DISFUNCIÓN ENDOTELIAL

MIRTA SCHATTNER

*Laboratorio de Trombosis Experimental.
Instituto de Medicina Experimental (IMEX)-CONICET-ANM*

El endotelio es la monocapa de células endoteliales (CEs) que recubren el lumen de los vasos sanguíneos en todos los sistemas de órganos. Estas células funcionan como una barrera biocompatible protectora entre todos los tejidos y la sangre circulante. Las CEs facilitan el paso bidireccional de sustancias nutrientes y moléculas activas desde la sangre a los tejidos, pero también juegan un papel importante en el control del paso de las propias células sanguíneas. Las CEs están especialmente diseñadas y espacialmente ubicadas para detectar cambios en las fuerzas hemodinámicas y las señales transmitidas por la sangre y regulan la liberación de una serie de factores parácrinos y autócrinos en respuesta a estas señales, para favorecer el mantenimiento de la homeostasis vascular. Por lo tanto, la función normal de la CE es fundamental para todos los aspectos de la homeostasis vascular, es decir, el control del desarrollo de los vasos sanguíneos, del crecimiento y la diferenciación, del tráfico de leucocitos, del tono vascular, de la barrera vascular, la función plaquetaria, la coagulación y la fibrinólisis. Dependiendo de la ubicación, el endotelio muestra una significativa heterogeneidad morfológica y funcional a través de la expresión diferencial de factores pro y anticoagulantes, la presencia y frecuencia de contactos intercelulares, contractilidad variable, forma y volumen de la célula. En conjunto, estas propiedades son cruciales para el ajuste de la función endotelial y posterior mantenimiento de la homeostasis adecuada en respuesta a cambios locales del microambiente. Las CEs juegan un papel crítico en la regulación coordinada del flujo sanguíneo, gracias a la capacidad de las CEs para crear una superficie antitrombótica activa que soporta la fluidez de la sangre y la transferencia de células sanguíneas y biomoléculas. Sin embargo, en ciertas regiones vasculares que pueden ocurrir en sitios inflamados o en sitios con alta fuerza de cizalla, las CEs pierden sus propiedades antitrombóticas y cambian su fenotipo quiescente normal, hacia un estado protrombótico, proadhesivo y proinflamatorio. La resistencia vascular dentro de los órganos y tejidos está gobernada principalmente por las arteriolas pequeñas (de 40-150 micras). En condiciones de reposo, el tono basal de estos vasos está determinado por un delicado equilibrio entre vasodilatadores (óxido nítrico (ON), pros-

taciclina y factor hiperpolarizante derivado del endotelio) y vasoconstrictores (angiotensina). El ON es una de las moléculas sintetizadas por el endotelio que regula un mayor número de procesos homeostáticos locales. El ON se podría clasificar como una molécula ateroprotectora de origen endotelial: vasodilatador, antiagregante plaquetario, inhibidor de la proliferación de la célula muscular lisa, antioxidante, inhibidor de la expresión de moléculas de adhesión celular y de la adhesión de leucocitos. Por lo tanto, a través de la alteración de la producción de ON endotelial se perturba profundamente la homeostasis vascular y se potencia el desarrollo de lesiones ateroscleróticas. La disminución de la dilatación dependiente de ON es la manifestación más temprana de la "disfunción endotelial" proceso que se caracteriza por un aumento de la permeabilidad vascular, adhesión leucocitaria, proliferación de las CEs y trombosis. La disminución de la producción de ON puede ser el resultado de: a) una reducción de la actividad de la enzima que regula la producción de ON endotelial (eNOS) b) un aumento de la fracción de eNOS unida a caveolina 1; c) un incremento en la degradación de ON y d) un aumento de la inhibición competitiva de la formación de ON por un inhibidor endógeno, la dimetilarginina asimétrica. La inactividad, la diabetes, la hipertensión, la dislipidemia, la aterosclerosis, el tabaquismo, el cáncer y la obesidad se asocian con desequilibrio en el estrés oxidativo lo que lleva a la disfunción endotelial. Actualmente, la administración clínica de fármacos convencionales para el tratamiento de la disfunción endotelial incluye estatinas, inhibidores de la enzima convertidora de la angiotensina, bloqueadores de los receptores de angiotensina, antagonistas beta-adrenérgicos o antigluceámicos orales. Asimismo, un buen número de estudios diferentes apoyan el uso de suplementos dietéticos, compuestos, sustancias o ingredientes alimentarios relacionados con la función endotelial de origen natural incluyendo polifenoles, ácido fólico, N1-metilnicotinamida, agentes antioxidantes, ácidos grasos omega-3 poliinsaturados. El conocimiento de cómo la señalización endotelial cambia con la enfermedad es crítica para proporcionar información sobre las primeras etapas de desarrollo de la inflamación y la aterosclerosis vascular o patologías vasculares relacionadas.

LA DISFUNCIÓN ERÉCTIL COMO PREDICTOR DE ENFERMEDAD CARDIOVASCULAR

PABLO R. COSTANZO

Médico endocrinólogo, andrólogo. Servicio de Endocrinología, Metabolismo y Medicina Nuclear, Hospital Italiano de Buenos Aires.

La disfunción eréctil (DE) afecta a un porcentaje importante de la población masculina, con una prevalencia estimada del 35% en hombres entre 40 y 70 años. La DE suele estar relacionada con enfermedades endócrino-metabólicas de las cuales la Diabetes Mellitus tipo 2 (DM2) es la que se asocia con mayor frecuencia (> 50%). Los mecanismos fisiopatológicos involucrados serían la neuropatía y la microangiopatía resultantes de un mal control metabólico. Sin embargo, es frecuente observar DE en pacientes diabéticos con buen control glucémico. Estas observaciones unidas al hecho que la DE aparece asociada a otros componentes del síndrome metabólico tales como hipertensión arterial, obesidad abdominal, dislipidemias, orienta a considerar la hipótesis que la DE podría instalarse tempranamente en pacientes con factores de riesgo cardiovascular y previamente al diagnóstico de DM2 y síndrome metabólico. La erección es un fenómeno neuro-mio-vascular, donde el óxido nítrico liberado por las células endoteliales juega un rol determinante, permitiendo la relajación del músculo liso con la consecuente repleción sanguínea de los cuerpos cavernosos. Los mismos mecanismos fisiopatológicos (obesidad abdominal e insulinoresistencia) que determinan la aparición de enfermedades metabólicas y cardiovasculares están involucrados en la patogénesis de la DE. La disfunción endotelial generada por la producción de citoquinas del tejido adiposo, la resistencia a la insulina y el descenso de testosterona determina una reducción en la producción y disponibilidad de óxido nítrico con la consiguiente aparición de DE. El pequeño diámetro (1-2 mm) y el relativamente alto contenido de células endoteliales y musculares lisas por unidad de volumen de tejido comparado con otros órganos, determina que las arterias cavernosas sean más susceptibles al daño y las primeras en afectarse. Varios autores han investigado el rol de la detección de la DE como predictor de un evento cardiovascular futuro (infarto agudo de miocardio o accidente cerebrovascular). En un estudio de seguimiento de 7 años a 4247 varones mayores de 60 años sin enfermedad cardiovascular ni DE al inicio, se encontró que aquellos que presentaron DE tuvieron el doble de riesgo de padecer un evento cardio-

vascular. En otro estudio similar de seguimiento a 4 años de 2306 pacientes se observó que los que sufrieron DE tuvieron 1.6 más riesgo de enfermedad cardiovascular y la disfunción eréctil fue un predictor de riesgo independiente para nuevos eventos cardiovasculares. En el 70% de los pacientes con DE y enfermedad cardiovascular, los síntomas de disfunción eréctil preceden a los de la enfermedad coronaria. El tiempo medio entre el inicio de la DE y los síntomas de enfermedad cardiovascular es de 3.5 años. El descubrimiento de los inhibidores de la fosfodiesterasa 5 y su aparición en el mercado en 1998 (sildenafil) y 2003 (vardenafil y tadalafilo) fueron un avance de gran importancia en el tratamiento de los pacientes con DE, dado que la gran mayoría responde a este tratamiento. Sin embargo, en la consulta de un paciente con DE no solo debe brindarse una solución terapéutica, sino que además se debe investigar la presencia de marcadores de riesgo metabólicos y cardiovasculares. La identificación de los mismos permitiría una intervención terapéutica temprana con el objetivo de prevenir la progresión a DM2 y enfermedad cardiovascular. Por este motivo en el abordaje del paciente con disfunción eréctil se debe contemplar la detección temprana del problema, la evaluación de factores de riesgo metabólico y cardiovascular, un enfoque multidisciplinario, proponer cambios en el estilo de vida, el tratamiento de las comorbilidades y el tratamiento de la disfunción eréctil.

Referencias

- Erectile dysfunction, obesity, insulin resistance, and their relationship with testosterone levels in eugonadal patients in an andrology clinic setting. Knoblovits P, Costanzo PR, Rey Valzacchi GJ, Gueglio G, Layus AO, Kozak AE, Balzaretto MI, Litwak LE. *J Androl* 2010, 31(3):263-70.
- Erectile dysfunction and subsequent cardiovascular disease. Thompson IM, Tangen CM, Goodman PJ, Probstfield JL, Moinpour CM, Coltman CA. *JAMA* 2005, 294(23):2996-3002.
- Erectile dysfunction predicts coronary heart disease in type 2 diabetes. Ma RC, So WY, Yang X, Yu LW, Kong AP, Ko GT, Chow CC, Cockram CS, Chan JC, Tong PC. *J Am Coll Cardiol* 2008, 51(21):2045-50.

HIPOGONADISMO Y ENDOTELIO

JUAN M. GAMEZ

Servicio de Endocrinología del Hospital Durand

Los niveles de testosterona disminuyen con la edad, y en más de un 20% de adultos mayores de 60 años dichos niveles están por debajo del rango de referencia para varones jóvenes. Múltiples estudios han demostrado una relación inversa entre los niveles de testosterona y la enfermedad cardiovascular (ECV), en forma independiente de otros factores de riesgo cardiovascular (FRC). Los mecanismos que explican esta asociación son complejos y en parte desconocidos. Los niveles de testosterona correlacionan en forma inversa con varios marcadores de aterosclerosis, como el espesor intima-media carotídeo y los depósitos de calcio en la aorta abdominal. La rigidez arterial, medida como la velocidad de la onda de pulso, es un predictor de eventos cardiovasculares. Dicha velocidad es significativamente mayor en hombres hipogonádicos (ajustada por edad y presión arterial). Existe evidencia acerca de la conexión entre disfunción endotelial y la deficiencia androgénica. En un trabajo que evaluó 187 varones japoneses, la dilatación mediada por flujo (FMD) de la arteria braquial, un marcador confiable de función endotelial, correlacionó en forma positiva con los niveles de testosterona, en forma independiente de otros FRC. Los efectos vasodilatadores y anti-anginosos de la administración de testosterona son conocidos desde 1940, cuando Lesser y col demostraron que la administración de testosterona aliviaba los síntomas y las anomalías electrocardiográficas en pacientes con angina. Estudios subsecuentes han mostrado que la administración a corto plazo de testosterona en varones con enfermedad coronaria provoca vasodilatación y resistencia a la isquemia. La infusión de testosterona directamente en las arterias coronarias indujo vasodilatación, y su empleo por vía endovenosa redujo la respuesta isquémica inducida por ejercicio en pacientes con angina estable. Con respecto a la rigidez arterial, varios reportes muestran que la misma mejora con la administración de testosterona. El reemplazo con testosterona en pacientes hipogonádicos resulta en una disminución aguda (48 horas) y crónica (3 meses) de la velocidad de la onda de pulso. A su vez, tanto la administración aguda de testosterona intravenosa, como la administración oral por 8 semanas mostraron una mejoría en la FMD. En coincidencia con estos datos, hemos observado resultados similares en hombres jóvenes hipogonádicos quienes recibieron

reemplazo androgénico por más de 6 meses, evaluando parámetros de estrés oxidativo y FMD. La terapia con testosterona además suprime la producción de citoquinas proinflamatorias por los monocitos circulantes. Un estudio randomizado, controlado y doble ciego que incluyó 184 varones hipogonádicos con síndrome metabólico mostró que el uso de undecanoato de testosterona intramuscular disminuyó los niveles plasmáticos de interleuquina 1B, factor de necrosis tumoral alfa (TNF-alfa) y proteína C reactiva. Por lo tanto, la administración de testosterona en los hombres hipogonádicos, tendría un efecto vascular favorable, incluyendo vasodilatación dependiente o independiente del endotelio, reducción de la rigidez arterial y de los marcadores de inflamación sistémica. Por el contrario, los efectos del reemplazo con andrógenos sobre la progresión de las lesiones ateroscleróticas y sobre el riesgo cardiovascular son aún desconocidos. Los efectos de la testosterona sobre la pared vascular implican acciones que involucran al receptor de andrógenos (AR), el cual está presente tanto en células endoteliales como en células musculares lisas de la pared vascular (VSMC), así como también acciones independientes del AR. Los efectos sobre las células endoteliales involucran la síntesis y liberación de óxido nítrico (NO), el cual regula el tono vascular y los procesos aterogénicos. Dicho efecto sería mediado por el AR, a través del cual se induce a la óxido nítrico sintasa endotelial. Sin embargo, los efectos vasodilatadores rápidos que produce la testosterona son independientes del endotelio, y dependen de la acción sobre las VSMC. En particular, la respuesta vasodilatadora a concentraciones farmacológicas de testosterona es independiente de AR, e involucraría canales iónicos (potasio y calcio dependiente de voltaje). A modo de conclusión, mantener los niveles de testosterona dentro del rango normal juega un rol importante en la salud cardiovascular, y el reemplazo con testosterona mejora varios de los parámetros relacionados con el desarrollo de aterosclerosis y enfermedad coronaria. Sin embargo, los resultados de algunos trabajos son contradictorios. Es necesario la realización de estudios prospectivos, controlados y randomizados sobre los efectos de la terapia androgénica en hombres hipogonádicos con el fin de esclarecer el rol de la testosterona en la supervivencia de los pacientes con ECV.

EFFECTO DEL TRATAMIENTO DE LA DISFUNCIÓN ERÉCTIL CON IFDE5 SOBRE EL ENDOTELIO

GASTÓN REY VALZACCHI

Servicio de Urología, Hospital Italiano de Buenos Aires. Procreate, Red de Medicina Reproductiva

La erección es un mecanismo neuro-mio-vascular que depende de una integridad nerviosa, un sistema vascular funcional y un tejido cavernoso sano. El mediador químico fundamental de este mecanismo es el óxido nítrico (ON), el cual proviene de dos fuentes principales, las fibras nerviosas no adrenérgicas no colinérgicas, denominado ON neuronal (ONn) y del endotelio que tapiza los espacios lacunares de los cuerpos cavernosos, denominado ON endotelial (ONe). El ON se produce a partir de la L-arginina por acción de la ON sintetasa. El ON actúa sobre el músculo liso de las trabéculas de los cuerpos cavernosos produciendo un aumento del GMPc que produce la relajación del músculo y la consecuente entrada de sangre a los espacios lacunares produciéndose la erección. El endotelio tiene bajo condiciones fisiológicas acción antiinflamatoria favoreciendo un buen funcionamiento vascular. La disfunción eréctil está dada principalmente por alteraciones vasculares, ya sea estructurales que disminuyen el flujo sanguíneo o funcionales por alterar la relajación del músculo liso mediado por el ONe. Esta última situación se denomina disfunción endotelial y son varias los factores que se asocian con ella (envejecimiento, cigarrillo, hipertensión, diabetes, etc), caracterizándose por una menor síntesis de ONe y por un estado proinflamatorio. Los inhibidores de la Fosfodiesterasa tipo 5 (IFD5) son la principal herramienta terapéutica de la disfunción eréctil. Existen distintos productos aprobados para su uso (sildenafil, tadalafil, vardenafil, avanafil). Los mismos actúan

inhibiendo a esa enzima que es la encargada de metabolizar el GMPc. Si bien esta es una acción sobre el músculo liso cavernoso, últimamente se han descrito acciones sobre la función endotelial. Existe evidencia actual que los IFD5 tienen un efecto benéfico sobre la activación inflamatoria y un mejoramiento de los marcadores de disfunción endotelial (VCAM, ICAM, ET-1, PCR). Como ejemplo de disfunción endotelial y disfunción eréctil nosotros estudiamos el modelo de la insulina resistencia (IR), que produce disfunción endotelial ocasionada por una disminución de la actividad de la óxido nítrico sintetasa endotelial (ONSe) con disminución de la síntesis de ON y con acción proinflamatoria vía MAP quinasa. Con esta idea tomamos hombres con DE e IR pobres respondedores al sildenafil (que requiere buenos niveles de ONe para su acción), interpretando que la IR podía ser la causa de la disfunción endotelial y de la DE y los tratamos con metformina para evaluar el cambio en la respuesta al sildenafil. Los pacientes que ingresaron en la rama de tratamiento con metformina, mejoraron significativamente la respuesta al sildenafil, disminuyendo el índice de IR (HOMA). En el grupo que utilizó placebo no mostraron mejoría ni en la IR ni en la erección. Si bien es necesario completar con otros estudios experimentales, la mayor prevalencia de IR en pacientes con DE, su correlación con el grado de DE y la mejoría en la respuesta al sildenafil al mejorar la IR, nos permite inferir que la IR es un mecanismo probable de DE al producir un daño endotelial.

SIMPOSIO SAFIS II: REGULACIÓN DE LA FUNCIÓN VASCULAR EN LA SALUD Y EN LA ENFERMEDAD

CHOCOLATE Y ÓXIDO NÍTRICO. ALIADOS EN LA PROTECCIÓN VASCULAR

CESAR G. FRAGA

*Fisicoquímica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires (UBA) - Instituto de Bioquímica y Medicina Molecular (IBIMOL), UBA-CONICET. Argentina.
cfraga@ffyb.uba.ar*

Los flavonoides dietarios son materia de investigaciones ya que podrían ser responsables de los efectos beneficiosos sobre la salud humana del consumo de frutas y verduras. Dentro de estas investigaciones, el cacao, y su producto el chocolate, fueron estudiados extensivamente. El racional detrás de estas investigaciones es el alto contenido de un tipo de flavonoides, los flavanoles incluyendo la (-)-epicatequina (EC) en el cacao. Observaciones poblacionales y estudios preclínicos muestran que el consumo

de cacao o chocolate podría ser causa de disminución en la presión arterial especialmente en individuos hipertensos. Dentro de este marco, nuestro grupo trabaja en la identificación de mecanismos moleculares que expliquen los efectos fisiológicos asociados a la ingesta de flavonoides en general y de EC en particular. Nuestros estudios se centraron en la acción antihipertensiva del flavonoide EC y los mecanismos de acción involucrados. Se desarrollaron estudios de los efectos de la EC administrada

en la dieta en tres modelos experimentales de alta presión arterial (PA) en ratas. Se observó que la EC produjo: i) una disminución en la PA de ratas espontáneamente hipertensas asociada a incrementos en la reactividad vascular mediada por NO en las arterias femorales aisladas; ii) una disminución en la PA de ratas hipertensas por la administración durante 4 días de L-NAME (inhibidor de NO sintasa) en el agua de bebida. Se demostró que la disminución de la PA requería la presencia de EC en plasma y estaba asociada a disminución de los indicadores de estrés oxidativo. iii) una disminución en la PA de ratas hipertensas por la administración durante 8 semanas de fructosa en el agua de bebida asociada a la normalización de la biodisponibilidad de NO. Esta normalización fue consecuencia de regulación de la producción de NO (actividad de NO sintasa, expresión y modificaciones postraduccionales de la NO sintasa endotelial) y de su degradación por reacción con anión superóxido (producción de anión superóxido y expresión de subunidades de NADPH-oxidasa). Una interpretación integradora de estos estudios indica que la EC favorecería el retorno a una biodisponibilidad de NO necesaria para mantener la PA debajo de los valores de hipertensión. En resumen, los mecanismos moleculares que explicarían la acción de la EC incluyen: i) acción antioxidante indirecta resultante de una disminución en

la concentración de anión superóxido, vía regulación de la enzima NADPH-oxidasa, una molécula que reacciona con NO limitando su biodisponibilidad; ii) regulación de isoformas de la enzima NOS disminuyendo la producción de NO; y iii) regulación de la fosforilación y defosforilación de moléculas señaladoras que se asocia con el metabolismo del NO. En conclusión, el chocolate podría aumentar la biodisponibilidad de NO cuando esta está comprometida y llega a causar hipertensión. El ejemplo del chocolate y la salud vascular es indicativo de un camino racional que basado en datos poblacionales y preclínicos encuentra explicaciones a nivel de mecanismos moleculares factibles de ocurrir in vivo. Estas acciones sobre la salud del chocolate y el cacao se explicarían por la acción de una molécula, la EC, que se encuentra presente en muchas otras plantas que constituyen parte de la alimentación humana. Estos estudios proveen una herramienta para favorecer el diseño de dietas ricas en EC, ya sea seleccionando productos con alto contenido natural de EC o con alimentos enriquecidos en EC. Estas dietas tendrían impacto en muchas condiciones patológicas que se desarrollan silenciosamente y afectan cantidades crecientes de la población humana, p.ej. la hipertensión. Subsidiado por PICT 2012-0765, CONICET PIP 20110100612 y UBACYT 20020120100177.

ROL DE LAS SUBUNIDADES REGULATORIAS DEL CANAL DE POTASIO DEPENDIENTE DE CALCIO (BK) EN LA FISIOPATOLOGÍA VASCULAR

VERÓNICA MILESI

IIFP – CONICET-UNLP

El canal de K^+ activado por voltaje y calcio (BK) se expresa en la mayoría de los tejidos y uno de sus roles funcionales más relevantes es generar hiperpolarización celular ante el aumento de la concentración de calcio intracelular y la despolarización. Se han descrito alteraciones en la expresión y función de este canal asociadas a la fisiopatología de la hipertensión arterial, asma, diabetes, epilepsia y disfunción eréctil. La subunidad α , que forma el poro del canal, puede asociarse a subunidades accesorias β , (β_1 , β_2 , β_3 o β_4), cuya expresión depende del tipo celular. Estas subunidades modifican la sensibilidad al calcio, la cinética de activación y la respuesta a sustancias endógenas y exógenas. En los vasos sanguíneos, la regulación mediada por β_1 , constituye un importante campo de estudio ya que se expresa mayoritariamente en el músculo liso (ML) y modula la contractilidad. Se ha observado que ratones knock-out para β_1 son hipertensos y que, en modelos murinos de diabetes, su expresión se encuentra disminuida en el ML arterial. En este trabajo,

estudiamos la expresión y función de α y β_1 en células de ML de arterias umbilicales humanas (AU) de neonatos provenientes de madres diabéticas gestacionales (D) comparadas con AU controles con el objetivo de analizar si la presencia de un entorno patológico durante la formación de estos vasos sanguíneos, modifica la expresión y/o función de BK. Durante la gestación en el grupo D se evaluó por ecografía Doppler la función de la AU y luego del parto, se realizaron pruebas de reactividad vascular in-vitro. Se estudiaron también, las corrientes mediadas por BK, y el nivel de expresión de ARNm de α y β_1 mediante qRT-PCR. Se observó en D una disminución significativa de β_1 y de la corriente mediada por BK. El Doppler fue normal, y en el tejido intacto in vitro se observó, solo en el grupo D, la presencia de oscilaciones contráctiles luego de aplicar un estímulo despolarizante con alto K^+ ($p < 0.05$ test de chi cuadrado). Los resultados sugieren una alteración en la expresión de β_1 que podría estar involucrada en el cambio de la respuesta contráctil in vitro de las AU del grupo D.

ACTIN CYTOSKELETAL DYNAMICS: A NOVEL MECHANISM CONTRIBUTING TO NITRIC OXIDE-EVOKED CEREBRAL VASODILATION

WILLIAM C. COLE, X. ZOE ZHONG, HAI-LEI ZHU, EMMA WALSH AND MICHAEL P. WALSH

The Smooth Muscle Research Group, Libin Cardiovascular Institute and Hotchkiss Brain Institute, Cumming School of Medicine, University of Calgary, Calgary, AB, Canada, T2N 4N1.

The actin cytoskeleton is a key structural and functional element of vascular smooth muscle cells (VSMCs), like other eukaryotic cells. Accumulating evidence suggests that actin cytoskeleton of differentiated, contractile VSMCs is actively remodelled during contraction and relaxation; i.e. it is a dynamic structure. Light fluorescence microscopy and biochemical analysis indicates that contraction evoked by agonist or mechanical stimulation is accompanied by, and dependent on, F-actin polymerization from a pool of free G-actin monomers that constitute approximately 20-30% of total actin content. Conversely, relaxation is accompanied by depolymerization and an increase in G-actin content. The mechanisms responsible for actin dynamics in VSMCs are yet to be elucidated; roles for Rho-associated kinase, protein kinases C, A and G, as well as integrin adhesion proteins such as vinculin, paxillin, vasodilator-stimulated phosphoprotein (VASP), cofilin, heat shock proteins, p130CAS, N-WASP and Arp2/3 are indicated. For example, we

found that nitric oxide (NO)-evoked vasodilation of pressurized rat cerebral resistance arteries (RCAs) was accompanied by an increase in G-actin content due, in part, to a guanylyl cyclase/cGMP/PKG-mediated, inhibitory phosphorylation of VASP-S157/S239 that blocks its ability to stimulate actin polymerization. No changes in myosin regulatory light chain (MLC20) or myosin phosphatase targeting subunit 1 (MYPT1) phosphoprotein content were detected. These findings suggest that NO-evoked relaxation of RCAs was not due to an inhibition of crossbridge cycling; rather, it results from NO-evoked actin dynamics and a net depolymerization of F- to G-actin within the cortical actin cytoskeleton that disrupts the transmission of force from the contractile apparatus to the cell membrane and extracellular matrix. Actin cytoskeletal reorganization is a fundamental, regulated process that contributes to vascular smooth muscle contraction and relaxation. (Supported by Canadian Institutes of Health Research)

ENFERMEDAD VASCULAR: ¿SE PROGRAMA DURANTE LA VIDA FETAL?

CRISTINA ARRANZ

Cátedra de Fisiología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA. IQUIMEFA- CONICET

En los últimos años, numerosos estudios epidemiológicos y experimentales sugieren que **las enfermedades cardiovasculares pueden ser programadas en el útero**. El insuficiente aporte de nutrientes durante la vida intrauterina, que limitan el crecimiento fetal, podrían inducir adaptaciones que alteran permanentemente diferentes sistemas del organismo y que a largo plazo predisponen al desarrollo de enfermedades endócrinas, metabólicas, cardiovasculares y renales en la vida adulta. Los modelos de programación fetal indican que los machos son más sensibles a las injurias nutricionales durante el desarrollo que las hembras. La testosterona y los estrógenos podrían ser posibles mediadores de estas diferencias de sexo (Arranz CT, 2012). Los estudios realizados hasta el momento estiman que el 20,5% de la población mundial presenta una inadecuada ingesta de zinc (Wuehler SE, 2005). Los grupos de la población más afectados son **los niños y las mujeres durante el embarazo y la lactancia**. En nuestro país, la encuesta de nutrición y salud realizadas por la Dirección Nacional de Salud Materno Infantil

del Ministerio de salud de la Nación (ENNyS 2004-2005) revela que el 52% de las mujeres embarazadas y el 15.8% de niños entre 6 meses y 5 años presentan una ingesta inadecuada de zinc (Durán P, 2011; Ministerio de Salud, 2010). Nuestro grupo de investigación ha demostrado que la deficiencia moderada de zinc intrauterina y durante el crecimiento postnatal es un modelo de programación fetal de enfermedades cardiovasculares y renales en el adulto. Las **ratas macho** sometidas a la deficiencia moderada de zinc durante el crecimiento prenatal y postnatal presentan **bajos pesos al nacer, elevada presión arterial (PA) e inadecuada función renal y cardiovascular en la adultez**. Estas alteraciones están asociadas con la disminución del número de nefronas, fibrosis, proteinuria, aumento del estrés oxidativo y apoptosis renal. Estos animales presentan también menor fracción de eyección y acortamiento cardíaco, lo cual sugiere una menor contractilidad cardíaca que podría no ser adecuada para compensar los mayores valores de PA. Por otra parte, las hembras adultas expuestas a

esta restricción de zinc no muestran alteraciones de la PA, los cambios morfológicos cardiacos son más leves que en los machos y no generan alteraciones de la función ventricular (Tomat AL, 2008, 2010, 2013). Hay evidencias en diferentes modelos de programación fetal que el bajo peso al nacer está asociado a la **disfunción vascular**. En nuestro modelo de deficiencia moderada de zinc durante la vida fetal, la lactancia y el crecimiento postdestete observamos que las crías machos presentan un remodelado de las arterias coronarias y renales que podría relacionarse con el incremento de la PA. Por otra parte, las ratas machos presentan arterias aorta de menor área transversal que conservan la relación media-luz y que presentan signos de fibrosis en la capa media. Esto podría relacionarse con una eventual disminución de la distensibilidad vascular. Sin embargo, esta injuria nutricional disminuye la respuesta contráctil y relajante de este vaso sanguíneo a diversos agentes vasoactivos en ambos sexos. La disminución en la relajación endotelio dependiente de la aorta frente a la acetilcolina podría relacionarse con la menor producción o biodisponibilidad de óxido nítrico (NO). Los resultados obtenidos con un

dador exógeno de NO, como el nitroprusiato de sodio, demuestran que la capacidad de respuesta del músculo liso al NO se encuentra conservada en todos los grupos. Por lo tanto, estos animales presentarían principalmente una disfunción a nivel endotelial. Por otra parte, la menor respuesta contráctil frente a agentes vasoconstrictores, como la fenilefrina y la angiotensina II, sugiere que esta deficiencia induciría alteraciones en los receptores y/o mecanismos de transducción de estos agentes. La menor respuesta relajante y contráctil de este vaso de conductancia afectaría su capacidad para responder adecuadamente ante cambios en el flujo sanguíneo y las fuerzas de rozamiento. Las alteraciones en el tejido vascular son más evidentes en aquellos animales expuestos durante toda su vida a la deficiencia de zinc. Sin embargo, la restricción de este micronutriente durante la vida fetal y la lactancia deja una impronta que no puede corregirse completamente con el adecuado aporte de zinc luego del destete. La deficiencia de zinc durante diferentes etapas de la vida genera alteraciones morfológicas y funcionales en los vasos sanguíneos que contribuirían a la programación de la enfermedad cardiovascular en la adultez.

SIMPOSIO SAIC: INVESTIGADORES JÓVENES FUNDACIÓN HONORIO BIGAND

LA ACTIVACION DUAL DE RECEPTORES TIPO TOLL REDUCE LA EFICACIA TERAPÉUTICA DE VACUNAS ANTITUMORALES DE CELULAS DENDRÍTICAS EN MODELOS MURINOS DE CÁNCER DE MAMA METASTÁTICO

MARIANELA CANDOLFI

Instituto de Investigaciones Biomédicas (INBIOMED-CONICET-UBA), Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires

El desarrollo de estrategias de inmunoterapia antitumoral ha crecido exponencialmente en los últimos años. Las vacunas antitumorales han sido ampliamente utilizadas para inducir inmunidad contra distintos tipos de tumores. Si bien las vacunas inducen inmunidad antitumoral, frecuentemente estas respuestas no son suficientes para obtener beneficios terapéuticos significativos. Uno de los desafíos que persisten es la elección de coadyuvantes adecuados. Los oligodeoxinucleótidos CpG, agonistas de los receptores tipo toll (TLR) 9 son potentes activadores de las células dendríticas (CDs) y han sido frecuentemente utilizados en la preparación de vacunas antitumorales. Los agonistas de TLR7/8 también son agentes que pueden utilizarse como adyuvantes de estas vacunas. El Resiquimod o R848 está siendo evaluado en pacientes con linfoma y melanoma, exhibiendo un perfil toxicológico aceptable. El objetivo de este trabajo fue evaluar si la adición de R848 mejora la eficacia antitumoral de vacunas de CDs estimuladas

con CpG₁₈₂₆ en modelos murinos de cáncer de mama. Las preparaciones de CDs fueron obtenidas de precursores de médula ósea de ratones BALB/c cultivados con GM-CSF+IL-4. Las CDs activadas con CpG o CpG+R848 estimularon la proliferación de esplenocitos alogeneicos *in vitro*. Para evaluar *in vivo* la eficacia de las vacunas los ratones recibieron dos inyecciones de vacunas de CDs antes de la inoculación de tumores LM3. Las preparaciones de CDs fueron cargadas con lisados tumorales y estimuladas con CpG, R848 o la combinación de ambos. Mientras que el tratamiento con R848-CDs no tuvo efecto antitumoral, el 50% de los ratones tratados con CpG-CDs tuvieron sobrevida a largo plazo. Sin embargo, cuando utilizamos CpG+R848-CDs este efecto antitumoral se redujo substancialmente con 25% de ratones libres de tumor. Para evaluar memoria inmunológica inyectamos un segundo tumor LM3 a los ratones sobrevivientes. El tumor no creció en ninguno de los ratones sobrevivientes del grupo CpG-DCs, pero todos los ratones sobrevivien-

tes del grupo CpG+R848-CDs sucumbieron al segundo tumor. Además, observamos que sólo el tratamiento con CpG-DCs inhibió el desarrollo de metástasis pulmonares, mientras que R848-CDs o CpG+R848-CDs no mostraron diferencias respecto del control. El tratamiento con CpG-DCs también tuvo un efecto antitumoral en ratones inyectados con tumores 4T1, que no se observó en animales tratados con R-848-CDs o CpG+R-848-CDs. Dado que *in vitro* observamos que la adición simultánea de R848 inhibió la expresión de marcadores de maduración inducida por CpG, evaluamos qué mecanismos podían estar involucrados en este efecto. El óxido nítrico (NO) parece un mediador importante en la activación de las CD, aunque han sido reportados tanto efectos proinflamatorios como tolerogénicos. Para evaluar si el NO estaba involucrado en los efectos observados utilizamos un inhibidor de las NO sintasas (NOS), L-NAME y evaluamos indicadores de maduración (producción de IL-12, IL-10 y MLR). El bloqueo de NOS aumentó la maduración de las CD inducida por CpG, pero no revirtió la falla en la maduración observada en presencia de CpG+R848. Luego estudiamos el papel de la enzima indolamina

2,3-dioxigenasa (IDO), una enzima que cataboliza triptófano, puede ser inducida en CD por activación de TLR y cuya función ha sido involucrada en tolerancia inmunológica. Observamos que un inhibidor de IDO, 1-metil-D-triptofano (1-D-MT) incrementó la maduración de las CD inducida por CpG, pero no revirtió la inhibición observada en presencia de CpG+R848. Dado que TLR9 y TLR7/8 llevan a la activación de la vía de NF- κ B, una desregulación en esta vía podía estar involucrada en los efectos observados. Observamos un aumento en el contenido de fosfo-p65 en las CD incubadas con CpG, efecto que fue revertido por la presencia concomitante de R848. Estos resultados sugieren que la activación deficiente de NF- κ B estaría involucrada en el efecto inhibitorio de R848 sobre la maduración de CD inducida por CpG. En conclusión, nuestros resultados indican que la activación simultánea de TLR7/8 inhibe la inducción de NF- κ B generada por la activación de TLR9, reduciendo la maduración de las CD y la eficacia antitumoral de las vacunas. Nuestros resultados sugieren que NOS e IDO son blancos terapéuticos potenciales para mejorar la maduración de CD activadas con CpG.

EFFECTO NO GENÓMICO DEL ÁCIDO RETINOICO EN LA MIGRACIÓN DE CÉLULAS DE CÁNCER DE MAMA HUMANO

MARINA INÉS FLAMINI

*Instituto de Medicina y Biología Experimental de Cuyo, CCT-CONICET-Mendoza - Argentina.
E-mail: mflamini@mendoza-conicet.gob.ar*

El cáncer de mama es la neoplasia maligna más frecuente en mujeres siendo las metástasis la causa del 98% de las muertes. Por ello los intentos para identificar las bases moleculares implicadas en la metástasis son fundamentales para el desarrollo de nuevas terapias moleculares. En ensayos previos realizados por nuestro grupo observamos que el ácido retinoico (AR), principal ligando de los receptores de ácido retinoico (RAR), participa en el proceso metastásico inhibiendo la migración vía RAR β , remodelando el citoesqueleto de actina y regulando la expresión de proteínas importantes para la migración como moesin y c-Src/FAK, en diferentes células tumorales mamarias. Nuestra hipótesis es que el AR tiene, además de los efectos genómicos que ya demostramos, efectos no genómicos a tiempos cortos relacionados con la motilidad y morfología en células de cáncer de mama. Se utilizó la línea celular de cáncer de mama T-47D para realizar transfecciones, ensayos de adhesión, inmunoblottings e inmunofluorescencia. La administración de AR 10^{-6} M a tiempos cortos (10-20 min) produce la activación de las proteínas asociadas con la migración moesin-FAK-Paxillin. Los agonistas selectivos para RAR α y RAR β (BMS753 y BMS453,

respectivamente), inducen la fosforilación de moesin-FAK-Paxillin comparable con la activación ejercida por el AR, no siendo así con el agonista del RAR γ ; sugiriendo la participación de RAR α y RAR β en esta vía. Para continuar con la caracterización de la cascada tratamos las células con diferentes inhibidores específicos que regulan los mecanismos de motilidad celular. Observamos que el inhibidor de Src (PP2), el inhibidor de PI3K (WM) y el inhibidor específico de FAK (FAKi) impiden que el AR active dichas proteínas por lo que sugerimos que el AR recluta la vía Src-PI3K. Además, el tratamiento con AR 10^{-6} M por 20 minutos disminuye significativamente la adhesión celular ($p < 0.05$); pero cuando se tratan las células con AR 10^{-6} M más el inhibidor de FAK, el AR no logra inhibir la adhesión de manera significativa sugiriendo la participación de FAK en la adhesión inhibida por AR. También evaluamos que receptor estaría involucrado en la inhibición de la adhesión. Los agonistas selectivos de RAR α y RAR β pero no RAR γ redujeron significativamente la adhesión celular a niveles comparables a la inhibición ejercida por AR, lo que indica que RAR α y RAR β están implicados en la inhibición de la adhesión celular. Luego nos propusimos investigar los cambios en la organización

del citoesqueleto de actina y la redistribución de las proteínas implicadas en la migración luego del tratamiento con AR. Mediante inmunofluorescencia observamos la distribución celular de pFAK. En las células control pFAK muestra una distribución difusa en todo el citoplasma. En general, cuando FAK es fosforilada/activada, se concentra en la membrana plasmática en los complejos de adhesión focal (FA), donde co-localiza con la actina y con las demás proteínas implicadas en los complejos de adhesión como p-Paxilina. Sorprendentemente, luego del tratamiento con AR, pFAK cambia su organización espacial hacia el núcleo. En esta localización es difícil para pFAK formar FA o estructuras de membrana especializadas para la migración. Finalmente, en un intento por entender la funcionalidad de FAK en el núcleo realizamos inmunofluorescencias con FAK y HSP27 (una chaperona que transloca al núcleo bajo situaciones de estrés) y realizamos un tratamiento tiempo dependencia con AR. En células controles y en células tratadas 1 hora con AR

la localización FAK y HSP27 es homogénea en todo el citoplasma; luego, durante 3-6 horas de tratamiento con AR se visualiza una translocación de FAK y HSP27 hacia el núcleo lo que sugiere la existencia de estrés celular. La administración de AR por periodos breves participaría en la adhesión de células de cáncer de mama modulando la activación y relocalización de proteínas implicadas en la migración celular, mediante la inhibición de la formación de complejos de adhesión. En presencia de AR el RAR α y RAR β reclutan a c-Src/PI3K que conduce a la activación de moesin/FAK/Paxilina. Una vez fosforilado FAK, transloca al núcleo produciendo el desprendimiento de la célula y promoviendo la supervivencia celular. Nuestros resultados proporcionan una nueva vía de señal donde el AR influencia la adhesión y posterior migración de células tumorales mamarias que en el futuro puede ser útil para desarrollar nuevos fármacos contra la metástasis en cáncer de mama e idear nuevos esquemas terapéuticos que incluyan retinoides.

UN INHIBIDOR DEL COMPLEJO GAMA-SECRETASA IMPIDE LA TRANSICIÓN EPITELIO-MESENQUIMAL INDUCIDA POR TGF β -1 EN LÍNEAS CELULARES TUMORALES OVÁRICAS HUMANAS

GRISELDA IRUSTA

*Laboratorio de Fisiología y Biología Tumoral del Ovario.
Instituto de Biología y Medicina Experimental-CONICET.*

A pesar de la investigación que se ha llevado adelante estas últimas tres décadas, el cáncer de ovario epitelial (EOC) es una de las enfermedades ginecológicas que presenta mayor mortalidad y es la enfermedad ginecológica más difícil de diagnosticar, detectar y tratar. El carcinoma epitelial de ovario es una de las neoplasias ginecológicas malignas más comunes y la quinta causa más frecuente de muerte en mujeres. Además, las células tumorales poseen gran capacidad de diseminarse a la cavidad peritoneal generando ascitis. Esta alta capacidad metastásica es una de las principales causas de los fracasos de los tratamientos. Nosotros estudiamos la relación entre la acción de la enzima gama-secretasa, activador del sistema de transducción de señales Notch, y el proceso de transición epitelio-mesenquimal (TEM). Este proceso es el único mediante el cual las células epiteliales sufren cambios morfológicos característicos de una transición de fenotipo epitelial a fibroblástico, llevando a un aumento en la movilidad e invasión de las células. Entre los principales factores inductores de la TEM, se encuentra el TGF β -1. Este factor se localiza tanto en células tumorales ováricas como en células estromales, y raramente se encuentra en el epitelio de ovario normal. Además, se encuentra asociado a una mayor diseminación peritoneal del tumor en los pacientes y en consecuencia, a un mal pronóstico. El sistema Notch

determina la proliferación, diferenciación y apoptosis de varios tipos celulares en mamíferos. Puntualmente, en cáncer de ovario se ha observado una mayor expresión de algunos de los miembros de este sistema comparado a epitelio de ovario normal. Sin embargo, al momento no se ha estudiado el rol de Notch en la TEM inducida por TGF β -1 en células tumorales ováricas. El objetivo de este proyecto fue estudiar la acción del camino de señalización Notch durante la transición epitelio-mesenquimal (TEM) inducida por TGF β -1 en dos líneas celulares de cáncer de ovario epitelial. Para cumplir con nuestro objetivo, se estudiaron características asociadas a la TEM en células SKOV3 e IGROV1 a las cuales se les indujo la TEM mediante la incubación con el Factor Transformante Beta 1 (TGF β -1). Las células SKOV3 mostraron un marcado cambio morfológico y un arreglo del citoesqueleto característico de esta transición. En presencia del inhibidor del sistema Notch, DAPT, no se observaron diferencias en comparación a las células incubadas en ausencia de estímulos. Sin embargo, la co-incubación con DAPT y TGF β -1 previno el cambio morfológico y de disposición del citoesqueleto inducido por este último y característico de la TEM. A nivel bioquímico, se estudiaron los niveles de E-caderina y N-caderina en ambas líneas celulares. Durante el proceso de TEM, se ha descrito el "switch" de caderinas, que implica la pérdida de E-caderina seguido

de un aumento de N-caderina. En el presente trabajo se ha observado que TGF β -1 disminuyó la expresión de E-caderina y aumentó la expresión de N-caderina en ambas líneas celulares estudiadas. DAPT no produjo cambios en la expresión respecto de la condición control, pero la co-incubación con TGF β -1 impidió el "switch" característico del EMT. Otro parámetro analizado en células SKOV3 fue la localización subcelular de la fosfo- β -catenina en Ser⁶⁷⁵. Cuando las células se incubaron en presencia de TGF β -1 se observó localización citoplasmática y disminución de localización en membrana denotando una activa translocación de la fosfo- β -catenina al núcleo. En las células tratadas con DAPT, la localización fue similar a la observada en células control, y nuevamente la co-incubación con TGF- β impidió la translocación al

núcleo observada en presencia de TGF β -1. Se analizó la expresión de factores de transcripción asociados al proceso de TEM y conocidos reguladores de la expresión de este proceso. Se observó que TGF β -1 estimuló la expresión de Snail y Slug y nuevamente DAPT impidió este aumento. A nivel funcional, analizamos la capacidad migratoria de las células y observamos que TGF β -1 estimuló la migración respecto de las células en condiciones control, mientras que DAPT bloqueó el aumento de migración inducido por TGF β -1. Por lo tanto, postulamos al uso de inhibidores del complejo gama-secretasa, responsable de la activación del sistema Notch, como una potencial estrategia terapéutica a estudiar en mayor profundidad para impedir la diseminación tumoral del cáncer de ovario.

CÉLULAS MADRE PLACENTARIAS: CARACTERIZACIÓN, DIFERENCIACIÓN HEPÁTICA Y EVALUACIÓN EXPERIMENTAL DE SU UTILIDAD CLÍNICA

JULIETA MAYMÓ

IQUIBICEN-CONICET-Depto. de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires, Buenos Aires, Argentina

La placenta reviste un gran interés como fuente de células para la medicina regenerativa, dada la plasticidad fenotípica de muchos de los tipos celulares aislados de este tejido. Más aún, al estar involucrada en el mantenimiento de la tolerancia fetal, contiene células con características inmunomoduladoras. Los tejidos placentarios son fáciles de obtener, sin necesidad de procedimientos invasivos, proliferan rápidamente, se obtienen en gran masa y su uso no genera debates éticos. Publicaciones recientes indican que existen varios tipos de potenciales células madre derivadas de placenta humana, entre ellas, las células epiteliales del amnios (hAEC). Las hAECs expresan marcadores de células madre y poseen la capacidad de diferenciarse a los tres tipos de capas germinales. No expresan telomerasa y no son tumorigénicas. Estas propiedades vuelven al amnios una fuente útil y no controversial de células para el trasplante y la medicina regenerativa. Los objetivos particulares de nuestro trabajo son:

1. Caracterización de células epiteliales de membrana amniótica humana.
2. Estudio de los mecanismos celulares involucrados en la diferenciación de las hAECs a células hepáticas, respecto a la proliferación celular y apoptosis. Estudio de los caminos de transducción de señales activados.
3. Como aplicación clínica, el objetivo se centra en desarrollar, a partir de un modelo murino, una estrategia alternativa al trasplante de hígado en pacientes con patología hepática crónica que lo requiera.

Las enfermedades hepáticas afectan a millones de personas en todo el mundo. Actualmente, la única terapia

efectiva para los estadios finales de enfermedades hepáticas, es el trasplante completo del órgano; procedimiento que implica altos costos, alta mortalidad y se encuentra extremadamente limitado por la escasez de donantes. La diferenciación de células madre a hepatocitos permitirá el estudio racional de mecanismos moleculares implicados en el desarrollo hepático y proveerá de una fuente renovable de hepatocitos exógenos para analizar la toxicidad de drogas y, principalmente, para las terapias celulares. Varios estudios apoyan la hipótesis de que el epitelio amniótico contiene células con características de células madre que podrían ser útiles para la regeneración de tejidos dañados. En el presente trabajo, hemos logrado el eficiente aislamiento y caracterización de las hAECs. Determinamos, por qRT-PCR, que estas células expresan niveles significativos de los marcadores de pluripotencia Sox-2, Oct-4 y Nanog, y que su expresión disminuye a medida que transcurren los días en cultivo. Determinamos también por microscopía de fluorescencia, que las hAECs expresan el marcador de células embrionarias SSEA-4. Estudiamos la expresión de Sox-2, Oct-4 y Nanog y de los marcadores hepáticos α -fetoproteína, α 1AT, CYP7A1 y albúmina, durante 30 días de diferenciación hepática, inducida con factores específicos (EGF 10 ng/ml + Dexametasona 0,1 μ M) o con medio condicionado (MC) de células HepG2. Observamos, por microscopía, el cambio en la morfología de las hAECs. Los marcadores de pluripotencia disminuyeron significativamente durante el proceso de diferenciación, mientras que los marcadores hepáticos incrementaron su expresión, medida por qRT-PCR. Por Western blot, determinamos la expresión

de albúmina y del citocromo hepático CYP3A4, en las células en diferenciación. Al mismo tiempo, observamos un cambio en la morfología de las hAECs tratadas con factores específicos, adquiriendo características similares a las de hepatocitos en cultivo. Hemos comenzado a analizar también los procesos de proliferación y apoptosis durante la diferenciación hepática temprana y tardía de las hAECs. Determinamos por Western blot, un incremento -cuando se trató con MC- y una disminución -cuando se trató con EGF- en la fragmentación de caspasa-3, luego de 72 h de tratamiento. Observamos, a través de la incorporación de ³H-timidina, que el EGF indujo la proliferación de las hAECs, mientras que el MC la disminuyó. El mismo resultado obtuvimos cuando ensayamos la viabilidad de las hAECs en diferenciación, mediante el ensayo de MTT. El tratamiento con factores

produjo un aumento significativo en la viabilidad de las hAECs, mientras que el MC la disminuyó. Las hAECs control se mantuvieron viables y proliferando durante todo el proceso de diferenciación ensayado. Mediante qRT-PCR, observamos un aumento en la expresión de los genes de p53 y p21 y una disminución en la expresión de ciclina D1, cuando se trató con MC; el efecto opuesto se observó tratando con factores específicos. Elucidando los mecanismos moleculares y celulares mediante los cuales las hAECs alcanzan la diferenciación hepática, contribuiremos a mejorar y lograr mayor eficiencia de este proceso. Nuestros estudios sugieren que las hAECs son capaces de diferenciar exitosamente a hepatocitos, lo que representa un avance fundamental para su futura aplicación en las enfermedades hepáticas y la medicina regenerativa.

LAS HISTONAS EJERCEN UN EFECTO CITOTÓXICO Y ANTIANGIOGÉNICO SOBRE PROGENITORES ENDOTELIALES Y CÉLULAS ENDOTELIALES MADURAS

SOLEDAD NEGROTTO

Laboratorio de Trombosis Experimental, Instituto de Medicina Experimental (IMEX), Academia Nacional de Medicina-CONICET, Buenos Aires, Argentina

Las histonas humanas responsables de la organización del ADN son cinco: H1, H2A, H2B, H3 y H4. Las histonas extracelulares provienen de células muertas o de trampas extracelulares de neutrófilos (NETs). Durante la isquemia y la reparación de heridas, además de la franca muerte celular, se ha reportado un aumento de NETs e histonas, aunque su rol en el daño y la evolución de la regeneración tisular aún no ha sido esclarecido. Tanto las células endoteliales (CE) maduras como los progenitores endoteliales son fundamentales en la regeneración tisular a través de la formación de nuevos vasos sanguíneos (angiogénesis y vasculogénesis). Existen numerosas evidencias sobre las propiedades citotóxicas de las histonas extracelulares sobre el endotelio maduro, aunque los mecanismos involucrados no se conocen, así como tampoco su acción sobre los progenitores endoteliales. Nuestro objetivo fue estudiar el efecto de las histonas sobre los progenitores endoteliales de crecimiento tardío (CFCE), profundizar los mecanismos de citotoxicidad en CE maduras de macro (HUVEC) y microvasculatura (HMEC1) y analizar si las histonas afectan la actividad angiogénica de estas células. Los CFCE fueron obtenidos a partir de células CD34+ de sangre umbilical de donadores voluntarios sanos cultivadas en medio de crecimiento endotelial EGM2 durante 14-18 días. La expansión de los tres tipos celulares fue realizada en EGM2. Las CE fueron estimuladas con cada una de las histonas recombinantes humanas (P<0.05, ANOVA, n=5-8). El análisis de morfología nuclear por microscopia

de fluorescencia mostró que las histonas inducen tanto la necrosis como la apoptosis de las CFCE de manera concentración dependiente. Mientras H1 y H2A tuvieron un efecto leve, H2B, H3 y H4 fueron más nocivas. Resultados similares fueron observados en CE maduras, sin embargo el efecto citotóxico fue dramáticamente menor en células epiteliales y fibroblastos. Cuando analizamos la activación de caspasa-3 por citometría de flujo, observamos que la misma se encontraba activada solo en un pequeño porcentaje de células (12-15%), el cual correlacionó con el porcentaje de apoptosis inducido por la misma concentración de cada histona (4 µM). Sorpresivamente, mientras que la apoptosis fue completamente bloqueada por inhibidor de caspasas Z-VAD-FMK (98-100% de inhibición), la necrosis fue también en parte suprimida por este compuesto (65-75% de inhibición). Resultados similares fueron obtenidos con el inhibidor de caspasa-1 Y-VAD-FMK, sugiriendo que las histonas inducen piroptosis, una muerte programada dependiente de caspasa-1 que comparte características de morfología nuclear con la necrosis. Con el objetivo de elucidar si las histonas, además de sus propiedades citotóxicas, eran capaces de regular la actividad angiogénica de las CE, las mismas fueron estimuladas con una concentración no citotóxica de histonas (1 µM). Cuando estudiamos la proliferación midiendo la expresión del antígeno Ki67 por citometría de flujo observamos que H2B, H3 y H4 inducen un arresto del ciclo celular (17±3, 21±4, 22±3% en G0 vs 7±2% en controles), mientras que con H1 y H2A no

observamos modificaciones. Además, las cinco histonas inhibieron la migración de las CFCE inducida por EGM2 y SDF-1 (58 ± 6 y $74\pm 3\%$ de inhibición), determinada por ensayos de reparación de heridas in vitro y cámaras de Boyden. La formación de túbulos sobre matrigel también fue reducida por H2B, H3 y H4 1 (60 ± 7 , 77 ± 5 y $72\pm 7\%$ de inhibición) mediante la activación de la MAPKp38, ya que su inhibidor SB203580 abolió este efecto en un 75-90%. Por otro lado, dos tipos de heparina, no fraccionada y de bajo peso molecular, y anticuerpos bloqueantes de TLR2 y TLR4 inhibieron completamente los efectos tóxicos y

antiangiogénicos de las histonas sobre las CFCE. Más aún, las histonas derivadas de NETs ejercieron efectos similares a las recombinantes. En conclusión, nuestros resultados muestran que las histonas inducen apoptosis y piroptosis de los CFCE y reducen su actividad angiogénica con una potencia similar a la observada en CE maduras de micro y macrovasculatura. Los efectos de las histonas fueron completamente inhibidos por la heparina y por anticuerpos bloqueantes de TLR2 y TLR4, señalando el uso de estos compuestos como una posible estrategia terapéutica para mejorar la regeneración tisular.

RESÚMENES DE LAS COMUNICACIONES

PREMIO SAFIS

(255) BENZNIDAZOL (BZL) INDUCE LA EXPRESIÓN HEPÁTICA DE NRF2, AUMENTA LA CAPACIDAD ANTIOXIDANTE Y MODULA LA EXPRESIÓN DE TLR-4 EN UN MODELO MURINO DE SEPSIS POLIMICROBIANA

Flavia Lambertucci¹; Omar Motino²; Silvina Villar³; Juan P Rigalli¹; Paloma Martin-Sanz²; Cristina E Carnovale¹; Daniel E Frances¹; María T Ronco¹

IFISE¹ Instituto de Investigaciones Biomédicas "Alnerto Sols", Madrid España² Instituto de Inmunología Clínica y Experimental de Rosario (IDICER)³

Los mecanismos moleculares de la progresión de la sepsis se asocian a un desbalance entre la producción de especies reactivas del oxígeno (ROS) y su neutralización por las enzimas antioxidantes. Estudios previos del grupo demostraron que la droga antiparasitaria BZL tiene efectos inmunomoduladores evidenciados por su capacidad de aumentar la sobrevivencia de ratones C57BL/6 sometidos a un modelo de sepsis polimicrobiana de ligadura y punción cecal (CLP). El objetivo del presente trabajo es analizar en el hígado de ratones sometidos a CLP, el efecto del BZL sobre el estado redox hepático y su asociación con el receptor de inmunidad innata TLR4 y el factor Nrf2. Se utilizaron ratones C57BL/6 de 8-10 semanas que fueron separados en 4 grupos (n=6): Sham; Sham+BZL; CLP; CLP+BZL. El BZL se administró por sonda naso gástrica, 25 mg/kg pc, 2 horas antes de la cirugía y cada 12 hs post-CLP. Los animales Sham y CLP recibieron el vehículo del BZL. Los animales fueron sacrificados a las 24 hs post-cirugía. En los ratones sometidos a CLP, BZL disminuye la expresión en membrana plasmática del receptor TLR-4 (Western blot, Sham: 100±6,0; Sh+BZL: 96,0±12,4; CLP: 133,9±9,9*, CLP+BZL:52,4±1,9#) (*p<0,05 vs Sham; #p<0,05 vs CLP). Los animales CLP tratados con BZL mostraron una disminución significativa en los niveles de ROS evaluados por TBARS (-52,1%), y por la actividad (-40%) y expresión (-65,6%) de la enzima NADPH oxidasa con un aumento significativo en la capacidad antioxidante hepática total (actividad y expresión de SOD1, SOD2 y catalasa). Además, BZL aumentó significativamente en animales sometidos a CLP, la expresión del mRNA hepático del factor Nrf2 (+58,8%) y de la proteína en la fracción nuclear (+95,4%). Nuestros resultados demuestran que, en un modelo murino de sepsis, BZL induce la activación hepática de Nrf2 con el concomitante aumento de las enzimas antioxidantes que bloquean la producción de ROS y la respuesta inflamatoria por disminución de la expresión de TLR4.

(623) CÁNCER HEPÁTICO, CARBOXILESTERASAS Y ACEITE DE PESCADO: UNA AMISTAD POCO FIABLE

Ariel D Quiroga^{1,2}; María Paula Ceballos¹; Juan Pablo Parody¹; Florencia Lorenzetti¹; María De Lujan Alvarez^{1,2}; María Cristina Carrillo^{1,2}

Instituto de Fisiología Experimental¹ Área Morfología. FCByF. UNR²

La incidencia del carcinoma hepatocelular (HCC) está creciendo drásticamente en el mundo occidental debido al incremento de afecciones hepáticas de base tales como el hígado graso no alcohólico. Aquí, estudiamos el metabolismo lipídico y el rol de la enzima Ces3/TGH en un modelo de desarrollo temprano de cáncer hepático en ratas. Los animales IP son más delgados (-24%) que los animales C e hipertriglicéridémicos (40%). La expresión

proteica y génica de Ces3/TGH en los animales IP se vio significativamente disminuida respecto de los animales C. También presentaron aumento de la secreción de VLDL y de la secreción de apoB100. Además, los animales IP presentaron aumento de la expresión hepática de genes lipogénicos. También mostraron mayor expresión de ARNm de enzimas de oxidación/transporte de AG y de secreción de lipoproteínas. Los hepatocitos de ratas IP presentan actividad acetiltransferasa incrementada y de novo lipogénesis normal. La administración de aceite de pescado (AP) en la dieta mejora el estado metabólico general en ratas IP. La expresión hepática de Ces3/TGH en los animales IP fue similar a la de animales C. Además, el suplemento previno la pérdida de peso en ratas IP en comparación con las ratas C. El suplemento también mejoró las concentraciones plasmáticas y hepáticas de TG, PL y FC en ratas IP. Las secreciones apoB100 y VLDL se normalizaron en ratas IP con consumo de AP. El AP indujo una fuerte oxidación hepática de AG. Finalmente, el tratamiento con AP redujo ~50% el número total de focos de hepatocitos alterados (FHA) respecto del grupo IP y redujo el tamaño de los mismos (28% en las ratas tratadas con AP respecto de IP). El metabolismo lipídico se altera significativamente en las primeras etapas del desarrollo del cáncer hepático, debido posiblemente a alteraciones de carboxilesterasas.

(7) NIVELES ELEVADOS DE T4 PROVOCAN MODIFICACIONES NEURO-GLIO-VASCULARES DURANTE LA REGENERACION RETINIANA DE ZEBRAFISH (DANIO RERIO) ADULTO.

Claudio A Bejarano; María P Faillace
IFIBIO HOUSSAY

Las hormonas tiroideas actúan a través de receptores específicos (TRs). El VEGF y sus receptores (VEGFRs) cumplen un rol fundamental en la formación y mantenimiento de los vasos. Desequilibrios en estas vías participan en diversas patologías neurodegenerativas. El zebrafish (ZF) es un modelo experimental establecido ya que regenera varios órganos y tejidos, incluyendo la retina. Se investigó el efecto de la exposición prolongada a niveles elevados de T4 sobre la diferenciación neuro-glio-vascular en el proceso de regeneración retiniana. Se examinó el efecto de T4 sobre la expresión de los TRs y VEGFRs en retinas de ZF con o sin lesión. Se lesionaron las retinas de ZF con una inyección intravítrea única de Ouabaína (O) o el grupo control con salina (S). Los ZF se trataron con T4 (300 µg/L, T) o con vehículo (0.1 M NaOH, V) hasta 25 días post lesión (25 dpi). Se conformaron los siguientes grupos: SV, ST, OV, OT. Se procedió a la eutanasia a los 25 dpi. Se detectaron poblaciones neuronales y vasos sobre cortes de retina por inmunofluorescencia. Se determinó la expresión de ARNms de PKC, GFAP y los TRs y VEGFRs por RT-PCR estándar y cuantitativa. A los 25 dpi, se observó una disminución significativa de células amácrinas, en ST y OT con respecto a los grupos no tratados con T4. En particular en OT: se observó una disminución significativa en el número de células Bipolares (CBs). Se evidenciaron además cambios morfológicos en las CBs y en las capas sinápticas. Se observó en la glia de Müller, un incremento de la inmunoreactividad de GFAP. Se determinaron variaciones significativas en los niveles de ARNm de GFAP, PKC, TRs y VEGFRs. Se describió un incremento de la vascularización en los grupos tratados con T4. En estos grupos se evidenciaron cambios en el ancho de las capas nucleares. Finalmente, proponemos que los niveles elevados de T4 modi-

fican los procesos de diferenciación neuro-glio-vascular durante la regeneración y el crecimiento retinianos.

(488) EVENTOS NEUROADAPTATIVOS EN LA PROGENIE ADULTA INDUCIDOS POR LA ESTIMULACIÓN CRÓNICA PERINATAL DEL SISTEMA RENINA-ANGIOTENSINA (RAS)

Ana Fabiola Macchione; Laura Vivas Inst. Ferreyra
INIMEC - CONICET- UNC

Evidencias de nuestro y otros laboratorios muestran que los mecanismos y circuitos implicados en el balance hidrosalino son vulnerables a los efectos de la programación perinatal dada por alteraciones del ambiente intrauterino y/o postnatal. En el presente trabajo se investigaron los efectos programadores de la estimulación crónica del RAS dada por la ligadura parcial de la aorta abdominal (PAL) sobre el patrón de ingesta de agua y sodio y la actividad neuronal (inmunomarcación de Fos, Fos-ir), observados en la etapa adulta frente a una depleción aguda de sodio (Furosemida; 40mg/kg sc) y dieta baja en sodio [F/DBS]. Se estudiaron además los patrones de ingesta materno y los niveles en plasma de electrolitos y actividad de renina (PRA) al destete en madres y crías. Los grupos de manipulación perinatal (MP) fueron: i) PAL/solución hipertónica de sodio/agua [MP-PAL]; ii) solución hipertónica de sodio/ [MP-Na] y iii) solo agua [MP-Agua]. La MP comenzó una semana antes del inicio de la gestación y duró hasta el mes de vida de la progenie. Las madres MP-PAL mostraron un aumento en los niveles de PRA y en la ingesta de agua y fluidos totales y una caída en la osmolaridad. De manera contrapuesta, las crías MP-PAL mostraron un aumento en la natrema y osmolaridad. En la progenie adulta MP-PAL sujeta a F/DBS se observó una disminución en la ingesta de agua y sodio en acompañado de un aumento en el número de células Fos-ir en el núcleo dorsal del rafe. Este núcleo forma parte de un circuito que inhibe tónicamente la ingesta de fluidos; por lo tanto es posible suponer que la ingesta disminuida de fluidos en animales MP-PAL pueda deberse a una desensibilización de este núcleo, impidiendo el gatillado normal de la respuesta ingestiva inducida por F/DBS. Estos datos evidencian eventos neuroadaptativos fruto de procesos de programación perinatal a largo plazo que afectan la recepción de señales y la actividad de los circuitos cerebrales implicados en la homeostasis hidrosalina.

(221) LA MELATONINA (M) PREVIENE LOS DAÑOS EN EL CEREBRO FETAL Y LAS SECUELAS EN EL ADULTO EN UN MODELO MURINO DE PARTO PREMATURO (PP) INDUCIDO POR LIPOPOLISACÁRIDO (LPS)

Ana Paula Domínguez Rubio; María Victoria Bariani; Julieta Aisemberg; Julieta Blanco; Ruth Estela Rosenstein; María Aurelia Zorrilla Zubilete; Ana María Franchi
CEFYO

El PP es la principal causa de morbi-mortalidad perinatal y no existe una terapéutica eficaz para su prevención. Hemos desarrollado un modelo donde la administración de LPS en el día 15 de gestación provoca 100% de PP y la M lo previene en el 50% de los casos. El objetivo fue analizar si la M puede prevenir el daño en el cerebro fetal inducido por LPS y estudiar si las crías provenientes de hembras donde la M previno el PP presentan secuelas en su desarrollo. Los cerebros fetales (día 15 de gestación) provenientes de hembras control (C), tratadas con M o con M+LPS presentan una estructura conservada de la sustancia gris y blanca, como así también de las estructuras meníngeas. En cambio, el tratamiento con LPS produce infiltración linfocitaria que dificulta la visualización de las sustancias gris y blanca. Asimismo el LPS incrementó la expresión de los RNAm de IL1- β , óxido nítrico sintasa inducible y neuronal (RT-PCR), y el tratamiento con M lo revirtió ($p < 0.05$). Los inhibidores de las histonas deacetilasas (HDAC) previenen procesos inflamatorios, por ello se ensayaron dos inhibidores de HDAC (resveratrol y tricostatina A) y ambos previnieron el PP y las consecuencias en las crías, sugiriendo que modificaciones epigenéticas están involucradas en estos fenómenos. Las crías provenientes de

hembras tratadas con M+LPS no difirieron de las de las C en cuanto a la separación del pabellón auricular, la erupción de los dientes y la apertura ocular. Tanto la actividad exploratoria, los niveles de comportamiento asociados a la ansiedad y memoria de habituación (test de campo abierto), los niveles de comportamiento asociados a la ansiedad (test de laberinto en cruz elevado) y la memoria asociativa (test de evitación inhibitoria) no difirieron entre las crías provenientes de hembras tratadas con M+LPS con respecto a las C. Estos resultados sugieren que la M podría contribuir a un nuevo abordaje terapéutico para la prevención de las secuelas de los nacidos prematuramente.

PREMIO LEÓN CHERNY EN MESA INTERDISCIPLINARIA

(549) ESFINGOLÍPIDOS Y LÁSER DE BAJA INTENSIDAD: ¿POSIBLES ESTRATEGIAS PARA RESTAURAR LA FERTILIDAD EN LA FALLA OVÁRICA PREMATURA INDUCIDA POR QUIMIOTERAPIA?

Natalia M Pascuali¹; Leopoldina Scotti¹; Javier Higuera¹; Ignacio De Zuñiga²; Mariana Di Pietro¹; Marta Tesone¹³; Griselda Irueta¹; Dalhia Abramovich¹; Fernanda Parborell¹ *IBYME¹ PREGNA Medicina Reproductiva, Buenos Aires, Argentina.*² *Depto. de Química Biológica, Facultad de Cs. Exactas y Naturales, UBA, Argentina.*³

La falla ovárica prematura (POF) se caracteriza por la desaparición de los folículos ováricos en mujeres jóvenes y una de sus causas puede ser la quimioterapia. Los tratamientos para POF no son totalmente efectivos y consisten de terapias hormonales. En este trabajo se proponen 2 estrategias para proteger al ovario y restaurar la fertilidad en pacientes con cáncer bajo quimioterapia: 1) Administración local de la ceramida-1 fosfato (C1P) y 2) Aplicación local del láser de baja intensidad (LBI). Los objetivos fueron: a) evaluar el efecto *in vivo* del LBI en ovarios de ratona adulta sobre la dinámica folicular, b) evaluar el efecto *in vitro* del LBI sobre un cultivo de célula de granulosa de rata sobre proliferación y expresión de VEGF, c) evaluar el efecto *in vivo* del C1P o LBI en el modelo de POF en ratón inducido por quimioterapia sobre la foliculogénesis, la expresión de hormona Anti-Mülleriana (AMH) y la angiogénesis ovárica. Para el objetivo a), se utilizaron ratonas de 8 semanas (F1 de BalbC x C57/BL6) y se aplicó el LBI (4 y 8 Joules). Para el objetivo b), se realizó un cultivo de células de granulosa (CG) de rata (Sprague-Dawley; 21-23 días) y se aplicó LBI (1-10 J). Para el objetivo c), se desarrolló el modelo POF inducido con ciclofosfamida (CTX) en ratonas F1 y se inyectó C1P (5ul/ovario; 0,5-0,6 mM) o se aplicó el LBI (8 J/ovario). En ratonas adultas, el LBI (4 y 8 J) aumentó la reserva ovárica comparada al control. El LBI (8 J) indujo proliferación y expresión de VEGF en CG. El LBI (8 J) y el C1P (0,5-0,6 mM) aumentaron el% de F. primordiales, primarios y preantrales, y disminuyeron el% de F. atresicos en el modelo POF comparado al grupo POF sin tratar. Ambos tratamientos aumentaron la expresión de AMH. El C1P incrementó la angiogénesis ovárica en el grupo POF comparado al grupo POF sin tratar. En conclusión, tanto el LBI como el C1P mejoran la dinámica folicular en los primeros estadios y, por ende, preservan la reserva ovárica en la POF inducida con CTX.

(285) LA MUCINA 4, INDUCIDA POR TNF α , MEDIA LA RESISTENCIA AL TRASTUZUMAB Y ESTÁ ASOCIADA A MAL PRONÓSTICO EN CÁNCER DE MAMA HER2 POSITIVO

María Florencia Mercogliano¹; Mara De Martino¹; Leandro Venturutti¹; Martín Alfredo Rivas²; Gloria Inurrigarro³; Cecilia Jazmín Proietti¹; Isabel Frahm³; Daniel Allemand⁴; Ernesto Gil Deza⁵; Sandra Ares⁵; Gercovich Felipe Gustavo⁵; Patricia Virginia Elizalde¹; Roxana Schillaci¹ *IBYME¹ Cornell Medical College² Servicio de Patología, Sanatorio Mater De³ Hospital Juan A. Fernández⁴ Instituto Oncológico Henry Moore⁵*

El HER2 es un receptor tirosina quinasa que se encuentra sobreexpresado/amplificado en el ~20% de los cánceres de mama

(CM) invasores. Estos se denominan CM HER2 positivos (HER2+) y están asociados con mal pronóstico. Estos pacientes reciben trastuzumab (T), un anticuerpo monoclonal anti-HER2, pero sólo el 40-60% de ellos responden, por fenómenos de resistencia de novo o adquirida. Previamente demostramos que la estimulación de células de CM HER2+ con el factor de necrosis tumoral alfa (TNF) induce resistencia *in vitro* a los efectos antiproliferativos del trastuzumab. En este trabajo demostramos que la sobreexpresión de TNF en líneas celulares sensibles al T produce resistencia a dicho anticuerpo *in vivo* e *in vitro*. Probamos en dos modelos de resistencia *de novo* al T, que la administración simultánea de T con etanercept (E, anticuerpo bloqueante de TNF) sensibiliza los tumores a la terapia, causando la inhibición de su crecimiento. Comprobamos que el TNF, a través del factor de transcripción NF- κ B, aumenta la expresión de la glicoproteína mucina 4 (MUC), enmascarando el epítopo reconocido por T en el HER2. Exploramos la utilización de TNF y MUC como biomarcadores de respuesta a T en 75 pacientes con CM HER2+, cuyos tumores fueron obtenidos previo al tratamiento en adyuvancia con T. Evaluamos por inmunohistoquímica (IHQ) la expresión de MUC y TNF, resultando positiva en 88% y 57% de los CM, respectivamente. Encontramos una correlación positiva entre la expresión de MUC y TNF ($p=0,025$), y entre la expresión de MUC y una menor supervivencia libre de enfermedad ($p=0,020$). Asimismo, comprobamos que MUC es un marcador independiente de recaída ($p=0,009$). Estos resultados sugieren que la determinación de MUC en pacientes con CM HER2+ puede utilizarse como marcador de respuesta a T. Más aun, proponemos que los pacientes con CM MUC positivos podrían beneficiarse del tratamiento combinado de T con un bloqueante del TNF, como el E, para prevenir o revertir la resistencia a T.

(431) EL FENÓMENO DE RESISTENCIA CONCOMITANTE EN EL CÁNCER DE PRÓSTATA HUMANO: UN POSIBLE FRENO PARA LA METASTASIS

Geraldine Güeron¹; Nicolas Anselmino¹; Paula Chiarella²; Alejandra Paez³; Emiliano Ortiz¹; Vernica Manzano³; Federico Schuster¹; Jimena Giudice⁴; Daiana Leonardi¹; Felipe Jaworsky¹; Javier Cotignola¹; Roberto Meiss⁴; Norma Daccorso³; Raul Ruggiero²; Elba Vazquez¹
 DPTO. QUÍMICA BIOLÓGICA, FCEYN, UBA- IQUIBICEN, CONICET¹ Laboratorio Oncología Experimental, IMEX-CO-NICET² Departamento de Química Orgánica, FCEN-UBA CIHIDECAR-CONICET-UBA³ Baylor College of Medicine, Houston, Tx, USA⁴

El cáncer de próstata (PCa) es la segunda causa de muerte por cáncer en los hombres occidentales. La ablación de andrógenos es la terapia más efectiva, pero en algunos casos la enfermedad se convierte en resistente a la castración. La resistencia concomitante antitumoral (RC) es el fenómeno según el cual un individuo portador de un tumor inhibe o retarda el crecimiento de un implante tumoral secundario. En este trabajo demostramos por primera vez que el fenómeno de RC se da en modelos experimentales de tumores sólidos humanos. Ratones atímicos fueron inoculados s.c. en el flanco derecho con células PC3 (1×10^6 , implante primario). Luego de 14 días los animales recibieron una segunda inoculación en el flanco izquierdo (1×10^6 , implante secundario). Los controles solo recibieron el implante secundario. El crecimiento del implante secundario se redujo significativamente (92%; $P<0,05$) en animales que también portaban el implante primario. Más aún, detectamos la presencia de *m*-tyr (un isómero no-natural de la tirosina) en los sueros de los ratones portadores de tumor. El fenómeno de RC fue revertido en presencia de L- fenilalanina (Phe), precursor de la tirosina. *In vitro* *m*-tyr disminuyó la viabilidad celular e indujo arresto del ciclo celular, efectos revertidos en presencia de Phe. Además, *m*-tyr inhibió las metástasis experimentales de pulmón provocadas por inoculación de células PC3 en ratones atímicos ($P < 0,05$). Este efecto inhibitorio se confirmó en otros dos modelos murinos de metástasis espontáneas de carcinomas mamarios. En resumen, por primera vez demostramos que RC se dispara en modelos experimentales de tumores sólidos humanos, que este fenómeno

es mediado *m*-tyr. Dilucidamos parte del mecanismo molecular por el cual la *m*-tyr ejerce su rol anti-tumoral. Por último demostramos el fuerte rol supresor de *m*-tyr en las metástasis experimentales. Estos resultados pueden ofrecer una alternativa terapéutica promisoriosa en el manejo de los cánceres metastásicos.

(556) LA VÍA DE PI3K/AKT, A TRÁVÉS DE LA ACTIVACIÓN DE LAS ISOFORMAS AKT1 O AKT2, REGULA DIFERENCIALMENTE LA PROLIFERACIÓN Y LA MIGRACIÓN CELULAR EN CÁNCER DE MAMA

Marina Riggio¹; María Cecilia Perrone¹; María Laura Polo¹; María May¹; Ana Sahores¹; María Jimena Rodríguez¹; Diego Lucas Kaen²; Claudia Lanari¹; Virginia Novaro¹ | *BYME*¹ *CORP*²

PI3K/Akt es la vía más comúnmente mutada en tumores sólidos; alrededor del 70% de los tumores de mama presentan alguna mutación en esta vía y su activación se asocia con resistencia a terapias. Existen tres isoformas para Akt: Akt1, Akt2 y Akt3, con discrepancias sobre sus funciones específicas. Previamente demostramos que Akt1 induce el crecimiento hormono-independiente de tumores mamarios, por activación de la proteína ribosomal S6, y fosforilación de receptores hormonales en ausencia de ligando. El objetivo de este trabajo fue estudiar el rol diferencial de Akt1 y Akt2 en la progresión tumoral en dos líneas humanas de cáncer de mama, IBH-6 y T47D, y en muestras de pacientes. En las líneas celulares sobreexpresamos o inhibimos específicamente cada isoforma y analizamos el fenotipo tumoral obtenido. El silenciamiento de Akt1 disminuyó la proliferación e incrementó la migración e invasión celular *in vitro* a través del eje b1-integrina/FAK/MMP9. El silenciamiento de Akt2 disminuyó la motilidad celular regulando proteínas del citoesqueleto como Vimentina y F-actina. Coincidentemente, en xenotransplantes el silenciamiento de Akt1 produjo una disminución del crecimiento tumoral, pero los tumores resultaron altamente infiltrantes. La sobreexpresión de Akt2 también indujo tumores con características infiltrantes pero sin modificar el crecimiento tumoral. El grado de invasión de los tumores con distintos niveles de Akt1 y Akt2 se asoció con la expresión de E-cadherina y Vimentina, marcadores de progresión tumoral. En biopsias de tumores de mama con distinto subtipo histológico encontramos una asociación entre la expresión de Akt2, el grado de invasión tumoral y la pérdida de E-cadherina. Estos resultados demuestran que tanto la expresión de Akt2 como la inhibición de Akt1 juegan un rol relevante en la adquisición del fenotipo invasivo. El estudio de cada isoforma y de sus proteínas *target* sería fundamental en el diseño de terapias dirigidas a cada tipo y estadio tumoral.

(641) GALECTINA-8 ES EXPRESADA DESDE ESTADIOS NEOPLÁSICOS CONTROLANDO LA PROGRESIÓN METASTÁSICA DEL CÁNCER DE PRÓSTATA

Lucas Daniel Gentilini¹; Ignacio González Pérez¹; Felipe Martin Jaworski¹; Laura Giribaldi¹; Mónica Lidia Kotler²; Anne Chauchereau³; Diego Jose Laderach¹; Daniel Compagno¹
 Lab. de Glico-oncología Molecular y Funcional - IQUIBICEN-Depto. de Química Biológica- FCEyN - UBA¹ Lab. de Apoptosis en el Sistema Nervioso y Nano-oncología - IQUIBICEN - Depto. de QB- FCEyN - UBA² Institut Gustave Roussy-INSERM U981, Villejuif, France³

El cáncer de próstata (CaP) es un problema importante de salud a nivel mundial por ser el segundo tipo de cáncer en hombres (IARC, WHO). Entre un 15 y 20% de los pacientes evolucionan hacia fases avanzadas metastásicas para las que no hay tratamientos eficaces, por lo que se requieren métodos alternativos de prevención de la metástasis. Galectina-8 (Gal-8) solo se expresa en estadios neoplásicos prostáticos. El objetivo de este trabajo es investigar el rol de Gal-8 en el desarrollo del CaP. Para ello silenciamos Gal-8 en la línea de CaP humana IGR-CaP1 mediante shARN específico (líneas IGR-CaP1 shGal-8 e IGR-CaP1 shCtrl, secuencia control) y generamos un modelo experimental preclínico de CaP para estudiar la patología hasta etapas tardías de metástasis a ganglios linfoides (GL). Por primera vez, demos-

tramos que Gal-8 es responsable de la evolución metastásica del CaP, ya que al silenciar su expresión se inhibió completamente el desarrollo de metástasis a GL, que fue del 100% con las células shCtrl. Al analizar aspectos celulares asociados a la metástasis, no encontramos diferencias en la proliferación, clonogenicidad o en la interacción con células endoteliales al silenciar Gal-8, pero si disminuyó la capacidad migratoria ($p < 0,005$), que se correspondió con un menor número de filopodios por células ($p < 0,005$). La agregación homotípica celular también disminuyó al silenciar Gal-8 ($p < 0,01$). Al estudiar la resistencia a la anoikis como la proporción de células en subG1/G0, encontramos el 35,5% de células shGal-8 en dicha etapa, mientras que en las células control fue del 4,1 y 3,5% (*wild type* y shCtrl, respectivamente), que se corroboró en un aumento de caspasa-3 activa y PARP clivado ($p < 0,05$). Como E-caderina interviene en la agregación homotípica, medimos su expresión y hayamos una disminución de 10 veces al silenciar Gal-8. En conclusión, estos resultados proponen a Gal-8 como potencial blanco terapéutico para tratamientos contra la metástasis del CaP.

(40) LA PROTEÍNA CTBP1 Y EL SÍNDROME METABÓLICO SON REGULADORES CLAVE DE LA CARCINOGENÉISIS Y EL DESARROLLO TUMORAL MAMARIO

Paola De Luca¹; Nicols Dalton¹; Georgina Scalise¹; Cristian Moiola²; Juliana Porretti¹; Cintia Massillo¹; Florencia Zalazar¹; Carolina Flumian²; Laura Todaro²; Elba Susana Vazquez³; Roberto Meiss⁴; Adriana De Siervi¹
Laboratorio de Oncología Molecular y Nuevos Blancos Terapéuticos - IBYME - CONICET¹ Instituto de Oncología Angel H. Roffo - UBA² Laboratorio de Inflamación y Cáncer - Dpto de Química Biológica - FCEN- UBA - IQUIBICEN - CONICET³ Academia Nacional de Medicina⁴ IBYME - CONICET⁵

El síndrome metabólico (SM) aumenta la incidencia y agresividad del cáncer de mama. C-terminal binding protein 1 (CtBP1) es un correpresor de genes supresores tumorales que se activa por NADH/NAD⁺. En este trabajo nuestro objetivo fue estudiar el efecto de la hiperactivación de CtBP1 por la administración de una dieta con alta energía sobre la carcinogénesis maMaría y el desarrollo tumoral en un modelo murino. Para ello, desarrollamos un modelo de SM en ratones hembras *nu/nu*, por alimentación crónica con dieta control (5% grasa) o dieta grasa (37% grasa). Encontramos que la dieta grasa indujo en los animales alteraciones consistentes con la aparición de un SM. Utilizando este modelo demostramos que el SM aumentó el desarrollo postnatal de la glándula maMaría observándose un ligero aumento en la expresión de CtBP1 en los conductos mamarios, sugiriendo que CtBP1 podría ser el nexo molecular entre el SM y la carcinogénesis maMaría. Asimismo, el SM modula la capacidad de autorrenovación celular ya que indujo la expansión de la población de células progenitoras en células tumorales maMarías LM38-LP. CtBP1 aumentó la proliferación de células tumorales maMarías MDA-MB-231 inhibiendo el arresto del ciclo celular. Más aún, CtBP1 aumentó el crecimiento tumoral de xenotransplantes derivados de MDA-MB-231 en ratones con SM regulando genes involucrados en proliferación, autorrenovación, transición epitelio-mesenquimal y el desarrollo mamario. Finalmente, utilizando microarreglos de expresión de miRNAs, identificamos 42 miRNAs involucrados en procesos metabólicos, de proliferación y comunicación celular regulados por CtBP1 en tumores desarrollados en animales con SM. Nuestros resultados identifican por primera vez a CtBP1 como un gen que conecta el SM con la carcinogénesis y el desarrollo tumoral mamario. Estos hallazgos proveerán nuevas herramientas para el diagnóstico, seguimiento y desarrollo de nuevas terapias para esta enfermedad.

(153) EFECTOS DEL IMPLANTE DE CÉLULAS MESENQUIMALES ALOGÉNICAS MODIFICADAS PARA SOBREENPRESAR HIF1- α NO DEGRADABLE SOBRE EL TAMAÑO DE INFARTO Y LA FUNCIÓN VENTRICULAR EN UN MODELO OVINO DE INFARTO AGUDO DE MIOCARDIO

Anna Pavlovna Hnatiuk; Fernanda Daniela Olea; Paola Locatelli; Andrea De Lorenzi; Carlos Sebastián Giménez; Rubén Laguens; Alberto Crottogini

Universidad Favaloro

Introducción: Las células mesenquimales de médula ósea (CMMO) tienen efecto cardioprotector en el infarto agudo de miocardio (IAM) por acción parácrina de factores angiogénicos que secretan. Por otro lado, la subunidad α (degradable en normoxia) del factor inducible por hipoxia 1 (HIF1) es indispensable para la actividad de este factor de transcripción de genes de reparación tisular y anti-isquémicos. Hipotetizamos que la inyección intramiocárdica de CMMO que sobreexpresen HIF1- α mutado (resistente a normoxia) disminuiría el tamaño de infarto (TI) y mejoraría la función ventricular (FV) más que las CMMO sin transfectar. Métodos y resultados: Ovejas con ligadura coronaria recibieron en el peri-IAM CMMO transfectadas con minicirculo codificante para HIF1- α mutado (CMMO-HIF, n=6), CMMO (n=6), o PBS (Placebo, n=6). A 60 días (d) post-IAM, el TI (resonancia magnética cardíaca, RMC) se redujo $44 \pm 12\%$ en CMMO ($p < 0,001$) y $72 \pm 3\%$ en CMMO-HIF ($p < 0,001$) con respecto al tamaño inicial ($X \pm DS$, ANOVA-Bonferroni) pero no en Placebo. La fracción de eyección% aumentó de $27,2 \pm 6,5$ post-IAM a $53,4 \pm 5$ a 60 d en CMMO-HIF y de $27,2$ a $36,6$ en CMMO ($p < 0,01$ vs. CMMO-HIF), pero no cambió en Placebo. En ovejas adicionales a 7 y 60 d post-implante se halló (RT-qPCR) sobreexpresión de HIF1- α y de genes "río abajo" de HIF (EPO, angiopoietina 1, VEGF y óxido nítrico sintasa inducible). La densidad arteriolar y capilar (inmunohistoquímica, IHQ) fueron mayores en CMMO-HIF ($p < 0,01$ vs. CMMO y placebo), así como el número de miocardiocitos en ciclo celular (IHQ anti-Ki67). Marcando las células con óxido de hierro super-paramagnético se constató (mediante detección de zonas hipointensas en la RMC) mayor retención miocárdica de las CMMO-HIF que de las CMMO a los 60 d post-implante ($p < 0,001$). Conclusión: Las CMMO que sobreexpresan HIF1- α no degradable reducen el TI y mejoran la FV, debido a angiogénesis y cardiomiogénesis inducidas por sobreexpresión de factores cardioprotectores trascriptos por HIF1.

PREMIO PATRICIO COSSIO A INVESTIGACIÓN CLÍNICA

(184) ESTEROIDES NEUROACTIVOS: SU RELACIÓN CON LA CLÍNICA NEUROLÓGICA Y EL ESTADO COGNITIVO EN PACIENTES ADULTOS CON ACCIDENTE CEREBROVASCULAR ISQUÉMICO AGUDO

Sebastián Marcelo Casas¹; Marcelo Mattiazzi¹; Gisella Gargiulo-Monachelli²; Mara Claudia Gonzalez Deniselle²; Alejandro Federico De Nicola²
Hospital Militar Central Cirujano Mayor Dr. Cosme Argerich¹ Instituto Biología y Medicina Experimental (IBYME) - CONICET²

Introducción y Objetivos: El accidente cerebrovascular isquémico (ACVi) es la primera causa de invalidez permanente y no existe un tratamiento médico efectivo que revierta esta alteración. Los esteroides neuroactivos son moléculas derivadas del colesterol que modulan la funcionalidad del sistema nervioso. El objetivo fue estudiar si el ACVi agudo afecta las concentraciones séricas del Estradiol (E2), Testosterona (T), Androstenediol Glucuronido 3-alfa(AG), Progesterona (P4) y Cortisol (C) y su relación con la clínica neurológica y el estado cognitivo en pacientes adultos. Material y Método: Diseñamos dos grupos experimentales con 30 pacientes cada uno de ellos (15 hombres y 15 mujeres): (1) grupo control y (2) grupo ACVi agudo. El dosaje de E2 y P4 se realizó por ECLIA y la determinación de T, AG y C por MEIA. La cuantificación del déficit neurológico fue por la escala del NIHSS y el estado cognitivo fue evaluado por 2 pruebas psicométricas breves. Este protocolo fue aprobado por el Comité Institucional de Revisión de Ensayos Clínicos. Resultados: El déficit neurológico fue mayor en las mujeres respecto a los hombres ($p < 0,05$). El estado cognitivo de las mujeres luego del ACVi fue menor respecto al grupo control ($p < 0,001$). El ACVi indujo un aumento significativo en las concentraciones de E2 en mujeres y hombres

respecto al grupo control mujeres ($p < 0.01$ y $p < 0.001$). Además el ACVi produjo un incremento significativo en las concentraciones de C en ambos sexos respecto al grupo control (mujeres y hombres) ($p < 0.001$ y $p < 0.05$). No se observaron cambios en T, AG ni en P4. Conclusion: Los niveles de esteroides neuroactivos están sujetos a cambios dinámicos producidos por variadas condiciones fisiológicas y patológicas. El organismo responde ante el daño isquémico cerebral con cambios de la esteroidogénesis evidenciados por una mayor concentración plasmática de los esteroides E2 y C los cuales podrían neuromodular el área de lesión y penumbra neuroglial.

(238) TEJIDO ADIPOSO EPICÁRDICO Y SU ROL EN LA PATOGENÉISIS DE LA ENFERMEDAD CORONARIA

Veronica Miksztoicz¹²; Morales Celina³; Barchuk Magali¹; Lopez Graciela¹; Gelpi Ricardo²³; Schreier Laura¹; Rubio Miguel⁴; Berg Gabriela¹²

Laboratorio de Lípidos y Aterosclerosis, Departamento de Bioquímica Clínica, Facultad de Farmacia y Bioquímica – INFIBIOC, Universidad de Buenos Aires¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)² Instituto de Fisiopatología Cardiovascular y Departamento de Patología, Facultad de Medicina, UBA³ División de Cirugía Cardíaca del Hospital de Clínicas José de San Martín, UBA⁴

La expansión del tejido adiposo epicárdico (TAE), tejido adiposo visceral ubicado sobre el miocardio y alrededor de las arterias coronarias, se propone como nuevo factor de riesgo independiente de enfermedad coronaria (EC). Estudios sugieren que las metaloproteasas (MMPs) contribuirían al remodelamiento del TA mediante la degradación de la matriz extracelular o la activación de factores de crecimiento involucrados en el proceso de angiogénesis. Objetivos: evaluar el comportamiento de MMP-2 y -9 y marcadores de angiogénesis en TAE de pacientes con EC. Sujetos y métodos: se obtuvo TAE y TA subcutáneo (TAS) de pacientes con EC (n=30) sometidos a cirugía de revascularización y pacientes derivados a cirugía cardiovascular no coronaria (No EC, n=18), en el momento de la cirugía. Se evaluó localización y actividad de MMP-2 y -9, niveles del factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF), densidad vascular (DV) y presencia de células inflamatorias. Resultados: MMP-2 y -9 se localizaron en el estroma conectivo perivascular y en la membrana basal de los adipocitos. La actividad de ambas gelatinasas se encontró aumentada en TAE de EC, respecto a No EC (MMP-2: 1.60 ± 0.52 vs 1.31 ± 0.26 UR, $p = 0.041$; MMP-9: 1.46 ± 0.48 vs 1.18 ± 0.22 UR, $p = 0.027$). En EC, TAE presentó mayor actividad de MMP-2 (1.60 ± 0.52 vs 1.23 ± 0.36 UR, $p = 0.005$) y -9 (1.46 ± 0.48 vs 1.17 ± 0.24 UR, $p = 0.048$) que TAS. La actividad de MMP-2 se asoció con los niveles de VEGF ($r = 0.649$, $p = 0.016$). La DV fue significativamente mayor en TAE de EC respecto a No EC ($p = 0.015$); en EC, TAE presentó mayor DV que TAS ($p = 0.014$). MMP-2 y -9 se asociaron con la DV en TAE ($r = 0.694$, $p = 0.006$ y $r = 0.634$, $p = 0.02$ respectivamente). En TAE de EC se observó mayor infiltrado de linfocitos T y macrófagos que en TAS. Conclusión: en pacientes con EC, el aumento en la actividad de MMP-2 y -9 en el TAE, acompañado de un ambiente pro-inflamatorio, favorecería la expansión del tejido aumentando el riesgo cardiovascular.

(369) LAS ISOFORMAS DEL RECEPTOR DE PROGESTERONA COMO MARCADOR PRONÓSTICO DEL RIESGO DE RECURRENCIA EN CÁNCER DE MAMA

María May¹; Martin Abba²; Paola Rojas¹; Gonzalo Sequeira¹; Andrés Elia¹; Michelle Alvarez¹; Alfredo Molinolo³; Stephen Hewitt⁴; Charles Perou⁵; Paula Martinez⁶; Pedro Gonzalez⁶; Hugo Gass⁶; Claudia Lanari¹
IBYME¹ UNL, La Plata² UCSD, la Jolla, California³ NIH, Bethesda⁴ UNC, Chappel Hill⁵ Hospital María V. de Martinez, Gral. Pacheco⁶

El receptor de progesterona (RP) se utiliza como marcador de la funcionalidad del receptor de estrógenos. Existen dos isoformas del RP; RPA (94kDa) carece de los primeros 164 aminoácidos

del extremo N- terminal de RPB (115kDa). Hemos demostrado que la proporción de isoformas de RP determina la respuesta a antiprogéstagenos en cáncer de mama, sólo en aquellos tumores con mayor expresión de RPA que RPB (tumores RPA+). El objetivo del estudio fue estudiar en ambos tipos de tumores la expresión génica diferencial y los parámetros clínico patológicos. Se identificaron 140 genes que surgen de la comparación de 14 carcinomas mamaros de histología ductal analizados por RNA-Seq con el algoritmo EBseq ($FC > \pm 2$; $FDR < 0.05$); 55 genes fueron regulados positivamente en los tumores RPA (+), y 85 en los RPB (+). Tres de ellos fueron seleccionados en función de su significancia estadística y biológica para su posterior validación. Se analizaron los datos utilizando el PAM50 para predecir el riesgo de recurrencia, y la mayoría de los genes relacionados a proliferación se encontraron aumentados en las muestras RPB+, siendo estas mismas pacientes categorizadas como de alto riesgo. De los 103 pacientes RP+ estudiados hasta el momento se observó una asociación de parámetros clínicos de significancia pronóstica como edad al diagnóstico, tamaño tumoral y % de recurrencia a los pacientes RPB+. Todo indicaría que las RPB+ conllevan un peor pronóstico a pesar de que aún las diferencias halladas no son significativas. Asimismo se observaron más casos con expresión de HER-2 en los RPB+ que en los RPA+ ($p = 0.06$). Adicionalmente, hallamos una correlación negativa entre el valor de Ki-67 y la proporción de RPA/RPB ($p < 0.0029$) apoyando los datos anteriores y sugiriendo que los tumores RPB+ son más proliferativos. En conjunto estos resultados proponen que la evaluación de isoformas de RP no sólo sería necesaria para predecir la sensibilidad al tratamiento con antiprogéstagenos sino que además tendrían un valor pronóstico.

(86) PREDICCIÓN DE LA DOSIS DE ACENOCUMAROL A TRAVÉS DE UN MODELO DE REGRESIÓN LINEAL MÚLTIPLE

Carolina Vazquez¹; María Orlova¹; Paula Scibona¹; Jorge A. Arbelbide²; Mariana R. Ambrosio³; Victoria Otero²; Leandro Kovalevski⁴; Ventura A. Simonovich¹; Waldo H. Belloso¹
Farmacología Clínica. Hospital Italiano de Buenos Aires¹ Hematología Clínica. Hospital Italiano de Buenos Aires² ICBME. Hospital Italiano de Buenos Aires³ Escuela de Estadística, Fcecon, UNE⁴

Introducción: los anticoagulantes orales (ACO) requieren control estricto de la dosis a través de la Razón Internacional Normalizada (RIN). Hay evidencia para el uso de análisis farmacogenético (FG) en la adecuación de la dosis inicial de warfarina pero no así de acenocumarol. Objetivo: Evaluar el impacto de parámetros FG en la dosis estable de acenocumarol y desarrollar un modelo de predicción de dosis. Métodos: Estudio de corte transversal. Se incluyeron pacientes (ptes) con dosis estable de acenocumarol ($>= 3$ RIN en rango). Se realizó genotipificación para CYP2C9 (1/1 normal, 1/2 y 1/3 intermedia, 2/3 y 2/2 y 3/3 baja expresión) y VKORC-1 (haplotipo A > susceptibilidad a ACO, haplotipo No A normal) por técnicas de PCR/RFLP. Las variables candidatas se incluyeron en modelo de regresión lineal múltiple. Resultados: 81 ptes incluidos; edad: 71,67 ($\pm 11,69$), hombres: 42 (51,1%), peso: 78,37 ($\pm 16,23$), amiodarona: 14 (17,3%). La dosis media general de acenocumarol fue 12,13 ($\pm 7,02$), y según VKORC-1 para haplotipo no A: 13,16 mg/sem (IC 95%: 11,49 - 14,82), haplotipo A: 6,76 mg/sem (IC 95%: 4,92 - 8,6), ($p < 0,01$). Según CYP2C9, la dosis media para el grupo de genotipos 1/1, 1/2, 1/3 fue 12,31 mg/sem (IC 95%: 10,73 - 13,89); y de 8,12 mg/sem (IC95%: 5,6 - 10,64) para los genotipos 2/3, 2/2, 3/3 ($p: 0,035$). En el subgrupo de ptes con amiodarona, la mediana de dosis de acenocumarol en mg/sem fue de 4,75 (IQ:0,5) para haplotipo A y de 12,5 (IQ:8,5) para haplotipo no A del VKORC-1 ($p: 0,04$). En el modelo de regresión lineal múltiple fueron incluidos el haplotipo de VKORC-1 ($p < 0,01$) y la edad ($p < 0,01$). Conclusiones: Existe una fuerte asociación entre el haplotipo de VKORC-1 y la edad en la dosis media de acenocumarol. Se requieren más ptes para valorar el rol de otras variables candidatas como la amiodarona y el CYP2C9.

(96) LA EXPRESIÓN DEL GEN DMD SE ENCUENTRA ALTERADA EN TUMORES DE TEJIDOS NO MIOGÉNICOS

Javier Cotignola¹; Leonela N Luce²; Mercedes Abbate¹; Florencia Giliberto²
 IQUIBICEN, CONICET / Dpto. Química biológica, FCEN, UBA¹ INIGEM, CONICET / Cátedra de genética y biología molecular, FFYB, UBA²

Las mutaciones en el gen DMD se asocian con el desarrollo de Distrofinopatías (Distrofia muscular de Duchenne/Becker y Cardiomiopatía dilatada ligada al cromosoma X), una de las enfermedades genéticas más frecuentes. Este gen tiene 2.4 Mb y codifica, al menos, 15 isoformas tejido específicas de la proteína Distrofina. Sin embargo, hasta ahora, la función de la Distrofina de músculo esquelético es la que mejor se ha logrado caracterizar. Recientemente, se ha reportado que el gen DMD se asocia también con el desarrollo, progresión y malignización de tumores miogénicos, asignándole una función de supresor tumoral. Por ello, el objetivo del presente estudio fue analizar la expresión del gen DMD en distintos tipos de tumores no miogénicos. Utilizamos resultados de microarrays de expresión publicados en la base de datos pública GEO (Gene Expression Omnibus) del NCBI. Se analizaron los perfiles de expresión diferencial del gen DMD en distintos tipos tumorales no miogénicos (melanoma, carcinoma próstático, carcinoma pulmonar, cáncer de mama, carcinoma pancreático, cáncer de colon, tumores cerebrales, leucemias y carcinoma renal) comparando con sus contrapartes normales. Se encontró significativamente disminuida la expresión de DMD en 16/28 (57%) de las comparaciones realizadas (Fold-Change (FC) \leq 0.70; rango del p-valor = 0.035-1.09x10⁻²⁰). Interesantemente, se halló significativamente incrementada la expresión en leucemias y en carcinoma renal. Además, el análisis de muestras pareadas (muestra normal y tumoral procedente del mismo paciente) mostró disminución de la expresión en la mayoría de los tumores comparada a la contraparte normal. Estos resultados apoyan el rol de la Distrofina como supresor tumoral en la mayoría de los tumores no miogénicos. Esta nueva función liga al gen DMD con una de las enfermedades más frecuentes como el cáncer. El estudio de la expresión de DMD podría utilizarse como biomarcador pronóstico de los tumores.

PREMIO FUNDACIÓN GADOR EN NEUROCIENCIAS

(508) ELUCIDACIÓN DEL MECANISMO MOLECULAR POR EL CUAL EL TRATAMIENTO CON GALECTINA-1 PRODUCE REGENERACIÓN NEURONAL EN LESIONES DE MÉDULA ESPINAL

Hector Ramiro Quinta¹; Carlos Wilson³; Ada Blidner²; Christian Gonzales-Billault³; Laura Andrea Pasquini¹; Gabriel Adrian Rabinovich²; Juana María Pasquini¹
 IQUIFIB¹ IBYME² universidad de Chile³

Al producirse una lesión de médula espinal un sinnúmero de proteínas inhibitoras de la regeneración axonal invaden el sitio de lesión. La Semaforina3A (Sema3A) es la primera en alcanzarlo, siendo además la de mayor potencial inhibitorio. La unión de Sema3A al complejo-receptor Neuropilina-1/PlexinA4 (NRP-1/PlexinA4) presente en las neuronas lesionadas, gatilla una señalización intracelular que evita que se produzca la regeneración axonal y la recuperación locomotora. Por lo tanto, el desafío es encontrar una terapia que bloquee eficientemente dicho mecanismo. Hemos demostrado que la aplicación de la proteína Galectina-1 (Gal-1) en el sitio de lesión de ratones totalmente paráliticos produce regeneración axonal y una consecuente recuperación locomotora. Sin embargo, se desconoce el mecanismo molecular por el cual Gal-1 promueve dicho efecto, el cual es necesario conocer con el objeto de su utilización como posible tratamiento en la clínica médica. Por lo tanto en este trabajo demostramos que la inhibición de la regeneración axonal se debe a un incremento intra-neuronal de peróxido de hidrogeno gatillado por Sema3A, el cual oxida a la actina filamentososa presente en los axones, transformándola en monómero, y haciendo colapsar el cono de crecimiento axonal. Solo el tratamiento con Gal-1 en conformación dimérica y con sus sitios de reconocimiento a carbohidratos intactos, logró disminuir

los niveles de peróxido de hidrogeno producidos previamente, reactivando el citoesqueleto de actina y evitando de esa manera el colapso axonal. Todo el proceso ocurre en forma secuencial, ya que primero la Galectina-1 adicionada es captada por los receptores NRP-1/PlexinA4 (presente en la superficie de las neuronas lesionadas) a través de una interacción N-glicano compleja, luego la Galectina-1 se internaliza junto con la PlexinA4, desplazándose retrógradamente a lo largo del axón a medida que el nivel de peróxido de hidrogeno va disminuyendo y la actina se re-polimeriza en el cono de crecimiento axonal. En resumen, este mecanismo explicaría la significativa regeneración del tracto cortico espinal (principal tracto motor) y finalmente la recuperación locomotora.

(548) LA EXPOSICIÓN A AMBIENTE ENRIQUECIDO COMO ESTRATEGIA NEUROPROTECTORA FRENTE A LA AXONOPATÍA DISTAL TEMPRANA DE LA VÍA VISUAL EN LA DIABETES EXPERIMENTAL

Damian Dorfman; Marcos L. Aranda; María F. Gonzalez Fleitas; Hernan H. Dieguez; María I. Keller Sarmiento; Monica S. Chianelli; Pablo H. Sande; Ruth E. Rosenstein
 Laboratorio de Neuroquímica Retiniana y Oftalmología Experimental, Facultad de Medicina, UBA, CEFYBO/CONICET

La retinopatía diabética (RD) es una de las principales causas de ceguera. Alteraciones en la porción distal del nervio óptico (NO) podrían constituir el primer cambio estructural en el sistema visual inducido por diabetes. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto neuroprotector de la exposición a ambiente enriquecido (AE) sobre el NO frente al daño temprano inducido por diabetes experimental. Ratas *Wistar* macho adultas recibieron una única inyección de estreptozotocina (60 mg/kg) o vehículo. Los animales control o diabéticos (una vez confirmada la hiperglucemia) se albergaron en ambiente estándar (AS) o AE durante 6 semanas. El AE consistió en jaulas grandes conteniendo 6 animales/jaula, ruedas y diferentes objetos que se reponían 1 vez/día y se sustituyeron completamente 1 vez/semana. El AS consistió en jaulas estándar de laboratorio que albergaron 2 animales/jaula. Se evaluó el transporte anterógrado hacia el colículo superior (inyección intravítrea de toxina colérica, CTB) y las alteraciones morfológicas en la región proximal y distal del NO. En animales diabéticos albergados en AS, se observó un déficit marcado en la comunicación retino-colicular, un aumento en la reactividad macro y microglial, una disminución significativa en el número de axones (p<0.01), alteraciones en la estructura axonal (evaluada por inmunorreactividad para la cadena pesada fosforilada del neurofilamento), alteraciones en la compactación de la mielina (evaluada por microscopía electrónica) y una disminución en la inmunorreactividad para el factor de crecimiento derivado del cerebro (BDNF) exclusivamente en la porción distal del NO. La exposición a AE, que no indujo cambios en animales no diabéticos, previno significativamente (p<0.01) todas estas alteraciones. Estos resultados sugieren que la exposición a AE podría ser una estrategia eficaz y no invasiva para prevenir las alteraciones axo-gliales en la porción distal del NO inducidas por diabetes.

(603) LA EXPOSICIÓN TEMPRANA A UNA DIETA ALTA EN GRASAS PROMUEVE ALTERACIONES EN EL ESTADO COGNITIVO Y EMOCIONAL DE RATONES C57BL/6 EN UN CONTEXTO DE NEUROINFLAMACIÓN HIPOCAMPAL Y NEUROGÉNESIS IMPEDIDA

Angeles Vinuesa^{1,2}; Carlos Javier Pomilio^{1,2}; Laura Garay¹; Martín Menafrá³; Fernando Brites³; María Marta Bonaventura¹; Victoria Lux¹; Juan Beauquis^{1,2}; Flavia Eugenia Saravia^{1,2}
 IBYME¹ FAC.DE Cs.Exactas² Fac. de Farmacia y Bioquímica³

La obesidad, DT2 y síndrome metabólico están entre los principales factores de riesgo de enfermedades neurodegenerativas como Alzheimer's (AD). La resistencia a insulina, inflamación y disfunción cognitiva son comunes tanto en patologías neurode-

generativas como metabólicas. Este trabajo propone estudiar el efecto de la exposición juvenil a una dieta alta en grasas (HFD) en el sistema nervioso central de ratones C57BL/6. La exposición a la dieta HFD produjo dislipidemia, resistencia a insulina e inflamación periférica además de alteraciones en la conducta y parámetros centrales. Los ratones HFD mostraron deterioro cognitivo: deficiencia en la construcción de un nido, impedimento de la memoria espacial a corto y mediano plazo en la prueba de reconocimiento de localización novedosa de un objeto y laberinto en Y respectivamente. Con respecto a la conducta emocional, el desempeño en el laberinto elevado en cruz mostró un fenotipo ansioso en los HFD, y el test de suspensión de cola un comportamiento símil depresivo. Esto correlaciona con la hiperactividad de la amígdala encontrada (más núcleos c-Fos+). Se encontraron alteraciones en la neurogénesis en hipocampo de ratones HFD: proliferación de células Ki67+ disminuida un 29% y 25% menos de neuronas inmaduras (DCX+) en el hipocampo dorsal. Resultados preliminares muestran una menor señalización de insulina en el hipocampo HFD -pAkt disminuido sugiriendo resistencia a insulina central. En términos de inflamación hipocampal se encontró una mayor densidad de microglia Iba1+ y mayor tamaño de soma de las mismas. En conclusión, nuestros datos indican que la exposición a la dieta HFD en el período juvenil promueve alteraciones metabólicas asociadas con deterioro cognitivo, conducta ansiosa y asociada a depresión, así como neuroinflamación, disminución de la neurogénesis y resistencia a insulina en hipocampo, alteraciones también presentes en AD, motivando a profundizar en la interrelación entre ambas patologías.

PREMIO CAMILIÓN DE HURTADO

(348) LA INHIBICIÓN DE CAMKII PREVIENE LA DISFUNCIÓN CONTRÁCTIL ASOCIADA CON SEPSIS

Marisa Sepúlveda; Gonano Luis; Viotti Manuel; Vila Petroff Martn

Centro de Investigaciones Cardiovasculares Dr. Horacio E. Cingolani, Facultad de Cs. Médicas, UNLP, CCT Conicet La Plata

En sepsis, el síndrome de respuesta inflamatoria sistémica a la infección severa, existe una reconocida asociación entre disfunción cardíaca y mortalidad. Sin embargo, los mecanismos que subyacen a la disfunción contráctil asociada con sepsis no han sido completamente dilucidados. En el presente estudio examinamos los mecanismos subcelulares involucrados en la disfunción contráctil asociada con sepsis. Usando un modelo experimental de sepsis se denominada CASP (peritonitis provocada por colocación de una cánula en el colon ascendente) y sus controles Sham, observamos que cardiomiocitos CASP tiene significativamente disminuido el acortamiento celular, el transitorio de Ca^{2+} y el contenido de Ca^{2+} del retículo sarcoplasmático (RS) con respecto a cardiomiocitos Sham. Por otra parte, los corazones CASP tienen aumentada la activación de proteína quinasa II dependiente de calcio y calmodulina (CaMKII) inducida por oxidación (CASP $0,92 \pm 0,1$ UA, Sham $0,56 \pm 0,05$ UA). La inhibición farmacológica de CaMKII con $2,5 \mu M$ de KN93 previno la disminución de la contractilidad y del transitorio de calcio observada en cardiomiocitos CASP. Resultados similares se obtuvieron en ratones transgénicos que expresan un péptido inhibidor de CaMKII (AC3-I). La disfunción contráctil asociada con sepsis también se previno en ratones mutantes que tiene el sitio de fosforilación del RyR2 específico de CaMKII mutado a alanina y por lo tanto no fosforilable. Los resultados indican que la oxidación y consecuente activación de CaMKII tiene un rol causal en la disfunción contráctil asociada con sepsis. La activación de esta quinasa, a través de la fosforilación del RyR, llevaría a una pérdida de Ca^{2+} del RS con la consecuente disminución del transitorio de calcio y de la contractilidad.

(594) SILENCIAMIENTO GÉNICO DEL RECEPTOR DEL FACTOR DE CRECIMIENTO EPIDÉRMICO (EGFR). EVIDENCIA DE INHIBICIÓN FUNCIONAL EN MIOCARDIO

María Soledad Brea; Romina Gisela Díaz; Patricio Eduardo Morgan

Centro de Investigaciones Cardiovasculares

La activación del EGFR miocárdico por estiramiento sería clave para el desarrollo de hipertrofia cardíaca (HC). Con la idea de crear una herramienta específica para inhibir al EGFR que sirviera para evaluar su posible rol en la HC desarrollamos un lentivirus de 3^a generación portador de un RNA de interferencia contra el EGFR (siRNA-EGFR). Para producir el virus se transfectaron células HEK293T con los vectores empaquetadores y el vector de transferencia con el siRNA-EGFR o la secuencia Scramble (siRNA-SCR). Se recolectó el medio de cultivo por 72 hs, se ultracentrifugó y se estimó en 1×10^8 TU/ml el título de virus (portador de gen para proteína fluorescente roja) a partir de transducción de células HEK con diluciones seriadas y posterior conteo de células fluorescentes. Luego se co-transfectaron células HEK293T con el plásmido que codifica para el EGFR-GFP y con el que expresa el siRNA-SCR o el siRNA-EGFR. A igual cantidad de células rojas (con vector) las placas con SCR tuvieron más células verdes (expresan EGFR-GFP) que aquellas con siRNA-EGFR, donde el silenciamiento del receptor disminuyó la expresión de GFP. Seguidamente inyectamos en miocardio de ratas Wistar siRNA-EGFR (n=5) o siRNA-SCR (n=4). Un mes después comprobamos en homogenatos de ventrículo izquierdo (por WB) una reducción significativa del EGFR en animales con siRNA-EGFR (48 ± 15 vs. $100 \pm 6\%$, $P < 0.05$). Con la idea de probar su efectividad como inhibidor funcional del EGFR y dado que este es parte de la ruta que genera la segunda fase de fuerza (SFR) post-estiramiento miocárdico, quisimos probar si el siRNA-EGFR era capaz de inhibir la SFR en músculos papilares aislados. La SFR fue cancelada en músculos con siRNA-EGFR [en% de la fase rápida inicial: 102 ± 1 vs. 131 ± 2 (siRNA-SCR), $P < 0.05$]. Los resultados muestran que una reducción a la mitad de la expresión de EGFR alcanza para cancelar su función sugiriendo que es una herramienta efectiva para evaluar el rol del EGFR en el desarrollo de HC.

(605) EFECTO DEL AUMENTO DEL SECUESTRO DE CA EN LAS ARRITMIAS PRODUCIDAS POR PÉRDIDA DE CA DEL RETÍCULO SARCOPLASMÁTICO CARDÍACO (RS), ESTUDIADO A TRAVÉS DE UN MODELO MATEMÁTICO DE MIOCITO HUMANO

Juan Ignacio Felice¹; Carlos Valverde¹; Alicia Mattiazzi¹; Elena Lascano²; Jorge Negroni²

Centro de Investigaciones Cardiovasculares, UNLP - CCT La Plata CONICET¹ Universidad Favaloro, Buenos Aires²

Miocitos de ratones con una mutación del canal de Ca del RS (RyR2) que mimetiza constitutivamente la fosforilación del mismo, facilitando la pérdida de Ca en diástole (ratones S2814D) presentan un aumento en las ondas arritmogénicas de Ca (Caw) y la propensión a arritmias disparadas por Ca, frente a un estrés. La ablación de PLN (proteína inhibitoria de la bomba de Ca del RS cardíaco), aumenta el secuestro de Ca por el mismo y rescata de las Caw y arritmias típicas de los ratones S2814D. Con la finalidad de estudiar si el aumento de la pérdida y el secuestro de Ca por el RS son siempre perjudiciales y protectores, respectivamente, respecto a la producción de arritmias, se utilizó un modelo de miocito humano (Lascano y col., 2013), que simuló diferentes pérdidas y aumentos del secuestro de Ca y la combinación de ambos. El modelo, fue modificado por el agregado de dos diadas que permiten simular la propagación intracelular de Ca y la producción de Caw. En condiciones basales, las simulaciones mimetizaron la dinámica de Ca intracelular observada experimentalmente en miocitos con igual alteración. Frente a una situación de estrés (alto Ca), la simulación de las condiciones de un miocito S2814D, produjo arritmias que desaparecieron cuando se agregó a la simulación el aumento del secuestro de Ca típico del miocito PLNKO (miocito SDKO). Aumentos graduales de la pérdida y del secuestro de Ca por el RS, permitieron definir una zona caliente, de alta arritmogenicidad por encima y por debajo de la cual desaparecen las arritmias. Estos resultados indican que las arritmias disparadas por Ca dependen de un estrecho balance entre la pérdida y el secuestro de Ca y que tanto el aumento del secuestro de Ca por encima de un cierto nivel respecto al basal

como su disminución, pueden suprimir las arritmias por aumento de la pérdida diastólica de Ca.

(579) EFECTO PARADÓJICO DEL AUMENTO DEL SECUESTRO DE CA POR EL RETÍCULO SARCOPLASMÁTICO CARDÍACO (RS): ELEVA LA PÉRDIDA DIASTÓLICA DE CA POR FOSFORILACIÓN DEL CANAL DE CA DEL RS PERO DISMINUYE LAS ONDAS DE CA ARRITMOGÉNICAS Y LAS ARRITMIAS VENTRICULARES

Carlos Valverde¹; Gabriela Mazzocchi¹; Leandro Somme-se¹; Juan Felice¹; Mariano Di Carlo³; Diego Fainstein³; Solange Bibe²; Pedro Gonzalez²; Elena Lascano¹; Jorge Negroni¹; Julieta Palomeque¹; Alicia Mattiazzi¹

Centro de Investigaciones Cardiovasculares, UNLP/CT La Plata-CONICET¹ Fundación Favaloro² Cátedra de Patología, Fac. Ciencias Médicas, UNLP³

El aumento de la pérdida diastólica de Ca (*leak*) por el receptor de rianodina (RyR2) del RS, ocurre por mayor carga de Ca del RS o disminución del umbral al que ocurre el *leak*, dado principalmente por las características del RyR2. Si el *leak* de Ca es alto, se propaga como ondas de Ca (CaW) a través de la célula y al intercambiarse por Na vía el intercambiador Na-Ca, despolariza la membrana, produciendo postdespolarizaciones tardías y eventualmente arritmias. Este fenómeno ocurre en ratones con mutación del RyR2 que mimetiza su fosforilación por la quinasa Ca/calmodulina II, (ratones S2814D) y es el mecanismo principal de las arritmias disparadas por Ca en la insuficiencia cardíaca. Si bien el rol del aumento del *leak* en la generación de CaW es conocido, el papel del aumento del secuestro de Ca por el RS no es claro. Objetivo: Dilucidar si el aumento del secuestro de Ca disminuye o exagera las CaW de los SD2814D. Se generaron ratones doble mutantes (SDKO) resultantes de la cruce de S2814D con PLNKO, una cepa con mayor secuestro de Ca por ablación de fosfolamban, proteína inhibitoria de la bomba de Ca del RS. Los miocitos de S2814D sometidos a estrés (Ca elevado), presentaron un aumento significativo del *leak* de Ca y CaW respecto al WT. El aumento del secuestro de Ca incrementó el *leak* de 0,63±0,14 (S2814D) a 3,78±0,38 unidades de fluorescencia/100µm/seg (SDKO) P<0,05. Paradójicamente este aumento se asoció a una disminución de la frecuencia de CaW y un aumento significativo de eventos no propagados o miniwaves respecto a S2814D (relación miniwaves/CaW: 0,4±0,1, S2814D vs. 4,7±1,2, SDKO). Tanto *in vivo* como en el corazón intacto los SDKO no presentaron las arritmias típicas de los S2814D. Conclusión: El aumento del secuestro de Ca a pesar de acentuar el *leak* de Ca, protege de las arritmias disparadas por Ca por abortar las CaW, convirtiéndolas en eventos no propagados.

ONCOLOGÍA 1

01 (57) MARCADORES DE LA TRANSICIÓN EPITELIO MESENQUIMAL Y DE METÁSTASIS EN CÁNCER DE PRÓSTATA. ESTUDIOS EN LÍNEAS CELULARES Y EN MODELOS IN VIVO

María Victoria Mencucci; Marina Rosso; María José Bes-so; María Florencia Abascal; Adriana De Siervi; Cristian Moiola; Mónica H. Vazquez-Levin
IBYME

El Cáncer de Próstata (CaP) es el 2do cáncer de mayor incidencia en hombres, presentando alta mortalidad por la ocurrencia de metástasis. La Transición Epitelio Mesenquimal (TEM), caracterizada por la pérdida de expresión de Cadherina Epitelial (CadE), se asocia a la progresión tumoral y a la metástasis. En un estudio previo del laboratorio evaluamos la expresión de marcadores de TEM en 4 líneas de CaP y reportamos, por 1ra vez, la expresión de Dishaderina (Dys), un marcador de metástasis en otros tumores, en la línea celular de alto potencial metastásico PC3. Objetivo: Caracterizar la expresión de marcadores de TEM y de Dys en CaP y su asociación con la metástasis. Metodología: 1) Evaluación de la expresión de marcadores de TEM y de Dys

en: a) seis líneas celulares de CaP humano de distinto potencial metastásico (nulo/bajo: LNCaP/C4-2/22Rv1; mediano/alto: PC3/DU-145/C4-2B), b) tumores generados por inyección subcutánea de células PC3 en ratones "nude", c) set de datos (GEO) de tumores de bajo y alto potencial metastásico generados con células PC3 luego de pasajes sucesivos *in vivo* por implantación ortotópica. 2) Evaluación de la expresión de marcadores de TEM y de las características funcionales de células PC3 tratadas con un siRNA de Dys (PC3-siRNA Dys). Resultados: Los estudios revelaron A) Expresión diferencial de Dys y de marcadores de TEM en las líneas celulares, asociados a su capacidad metastásica, con menores niveles de CadE y mayores niveles de Dys, ZEB1, SLUG, Vimentina y CadN en las líneas de alto potencial metastásico respecto de las de bajo potencial. B) Patrones de expresión de marcadores de TEM y Dys, en ambos modelos *in vivo*, similares a los observados *in vitro*. C) Reversión en los niveles de expresión de marcadores de TEM y mayor adhesión en las células PC3-siRNA Dys. Conclusión: En los modelos experimentales estudiados, el potencial metastásico del CaP se asoció a la TEM y a la expresión aumentada de Dys.

02 (71) EFECTO DE LAS HORMONAS TIROIDEAS EN LA EXPRESIÓN Y ACTIVACIÓN DE ENZIMAS CYP3A EN CÉLULAS TUMORALES

María Del Rosario Aschero¹; María Florencia Cayrol¹; Helena Sterle¹; Eduardo Valli¹; Alejandra Paulazo¹; Alicia Klecha²; María Laura Barreiro-Arcos¹; Graciela Cremaschi²; María Celeste Diaz Flaque¹
BIOMED¹ Facultad de Farmacia y BioQuímica UBA²

Las enzimas de la familia CYP450 metabolizan tanto compuestos exógenos como endógenos. Particularmente en humanos, la subfamilia CYP3A, está involucrada en el metabolismo de medicamentos utilizados en quimioterapia. Aunque su expresión y actividad metabólica es mayoritariamente hepática, se ha visto también expresión en otros tejidos y en tumores. Trabajos previos de nuestro laboratorio, demostraron las hormonas tiroideas (HT) a concentraciones fisiológicas, inducen la expresión de CYP3A4 en la línea celular de linfoma T (LT) humano Jurkat, a través de mecanismos no genómicos activados por un receptor de membrana (mTR), la integrina $\alpha V\beta 3$. En este trabajo evaluamos la capacidad de las HT de inducir la expresión y activación metabólica de la enzima CYP3A4 en las líneas de LT humano Jurkat, CUTL-1, HUT-78 y en la línea de cáncer de mama humano MDA-MB-231. El tratamiento de las líneas celulares con HTs a distintos tiempos regula la expresión de ARNm de los distintos miembros de la familia CYP3A (n=3, p<0,05) a través de mecanismos genómicos y no genómicos. Mediante ensayos *in vitro*, evaluamos la activación metabólica de CYP3A4 inducido por HT y vimos que éstas aumentan el metabolismo a los mismos niveles que el conocido inductor dexametasona (n=3, p<0,05). Por otro lado, vimos que el factor de transcripción NF κ B es activado por HT a través del receptor de membrana $\alpha V\beta 3$ y tiene como producto final el aumento de los niveles de CYP3A4. Estos resultados indican que las HTs modulan la expresión y activación de enzimas CYP450 a través de la activación de factores de transcripción en células tumorales. El conocimiento de los factores que regulan la expresión y actividad de las enzimas CYP450, así como los eventos moleculares participantes, contribuirán al mejoramiento de los modelos para la predicción de las respuestas a las terapias.

03 (76) LA ACTIVACIÓN CONSTITUTIVA DE FGFR-2 ESTIMULA EL CRECIMIENTO TUMORAL EN CÁNCER DE MAMA A TRAVÉS DEL ER α

Sebastian Giulianelli^{1,2}; Cecilia Pérez Piñero²; Tomas Guillardoy²; María Gorostiaga²; Claudia Lanari²
CENPAT - CONICET¹ IBYME - CONICET²

La activación ligando-independiente de receptores para estrógenos (ER α) y progesterona (PR) en cáncer de mama representa un mecanismo de resistencia a las terapias convencionales que buscan bloquear principalmente la acción del ER α . Demostramos que el factor de crecimiento fibroblástico 2 (FGF2), a través de su receptor (FGFR-2), induce proliferación celular y crecimiento

tumoral en modelos humanos y murinos de la enfermedad, involucrando la activación del PR y del ER α . Mientras que la mutación C278F, que induce dimerización y activación constitutiva del FGFR-2 (FGFR-2CA), tiene un rol protumorigénico involucrando al PR. El objetivo del trabajo fue describir dicha mutación en términos de proliferación celular y crecimiento tumoral en un modelo experimental de cáncer de mama estrógeno dependiente. Generamos la línea celular MCF-7 con sobreexpresión estable de FGFR-2CA (R2CA) junto con su respectivo control con el vector vacío (pcDNA3). Demostramos que las células R2CA presentan un aumento significativo en la activación de Erk1/2 ($p < 0.05$) y ER α ($p < 0.01$), junto con un incremento en la expresión de PR y pS2 ($p < 0.05$), en comparación a la línea pcDNA3 en condiciones basales. Además, las células R2CA tuvieron una mayor tasa de proliferación en las mismas condiciones mencionadas que las células control ($p < 0.001$), y dicha estimulación fue bloqueada con el inhibidor de FGFRs, el BGJ398 como así también con el antiestrógeno ICI182780 ($p < 0.001$). Finalmente, las células R2CA fueron capaces de crecer en ratones NSG en ausencia de estrógenos (E2). Paralelamente generamos xenotransplantes con ambas líneas en presencia de E2 (pellet 5mg), observando un crecimiento tumoral significativamente mayor ($p < 0.05$) en las células R2CA respecto a la línea control. Los resultados presentados indican que la mutación C278F en el FGFR-2 sería capaz de alterar la señalización no sólo por PR sino también por ER α , mediando proliferación celular y crecimiento tumoral en cáncer de mama.

04 (208) LA HISTAMINA REDUCE SELECTIVAMENTE LA HEPATO Y CARDIOTOXICIDAD INDUCIDA POR EL QUIMIOTERÁPICO DOXORRUBICINA MEJORANDO SU EFICACIA ANTITUMORAL

Diego Martinel Lamas¹²; Melisa Nicoud¹; Juan Carlos Perazzo³; Helena Sterle¹; Graciela Cremaschi¹²; Elena Rivera²; Vanina Medina¹²

Instituto de Investigaciones Biomédicas (BIOMED), Facultad de Ciencias Médicas, Pontificia Universidad Católica Argentina (UCA), y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET), Buenos Aires¹ Laboratorio de Radioisótopos, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires² Fisiopatología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA³

Reportamos que la histamina (HA) ejerce un efecto selectivo frente a los efectos deletéreos de la radiación, protegiendo los tejidos normales y aumentando la radiosensibilidad de las células de cáncer mamario humano MDA-MB-231 y MCF-7 tanto in vivo como in vitro. También observamos un efecto citoprotector frente a los efectos de la doxorubicina (DOX) en ratas. El objetivo del trabajo fue profundizar en el efecto citoprotector selectivo de la HA sobre la cardio y la hepatotoxicidad de la DOX. Para ello se estudiaron tres modelos de roedores. Ratas Sprague Dawley, ratones nude xenotransplantados con la línea MDA-MB-231 y ratones Balb/c knockout para los RH4 (RH4^{-/-}) en relación a sus correspondientes tipos salvajes. Los animales se separaron en 4 grupos: control (vehículo), histamina (1 o 5 mg/kg, s.c. diariamente), DOX (2 mg/kg, ip, 3 veces por semana) y tratamiento combinado, por 2 semanas. La DOX produjo severos daños histológicos en corazón (necrosis, miocitolisis y hemorragia focales) e hígado (desorganización sinusoidal, disminución de células de Kupffer, áreas de necrosis focal, aumento de apoptosis); aumentó el daño al ADN (8-OHdG), la peroxidación lipídica y redujo el peso de los órganos. El tratamiento combinado con HA redujo las alteraciones histológicas, inhibió la apoptosis, el daño oxidativo a membranas [TBARS (nmol/mg de corazón): 22.9 \pm 1.2 vs. 32.7 \pm 1.9 en ratas DOX, $P < 0.05$; 85.7 \pm 18.5 vs. 363.8 \pm 52.4 en ratones DOX, $P < 0.01$] y al ADN, preservando el peso de los órganos y aumentando los niveles de tioles tanto en ratas como ratones. Además, la HA preservó la actividad antitumoral de DOX, produciendo un efecto sinérgico antiproliferativo en células MDA-MB-231, modulando el daño oxidativo, el ciclo celular y la apoptosis. El efecto selectivo se verificó en el modelo in vivo donde la HA potenció la reducción del tamaño tumoral y protegió hígado y corazón. Podemos concluir que la

HA podría ser un potencial citoprotector frente a los efectos adversos de la DOX. Agradecimientos: Instituto Nacional del Cáncer, CONICET, UBA

05 (242) GALECTINA-1 MODULA LA MIGRACIÓN Y ADHESIÓN AL ENDOTELIO TUMORAL HEPÁTICO Y PROTEGE A LOS HEPATOCITOS TUMORALES DE LA INHIBICIÓN DEL CRECIMIENTO INDUCIDO POR TGF- β 1

Malena Manzi¹; María Lorena Bacigalupo¹; Pablo Carabias¹; María Teresa Elola¹; Carlota Wolfenstein¹; Gabriel Adrian Rabinovich²; María Victoria Espelt¹; María Fernanda Troncoso¹
IQUIFIB-UBA-CONICET¹ IBYME-CONICET²

La sobreexpresión de Galectina-1 (Gal1), una proteína que une β -galactósidos, en ciertos tumores y en células endoteliales asociadas al tumor, se relaciona con la agresividad y diseminación tumoral, y la angiogénesis. Previamente demostramos que Gal1 modula la proliferación de células de carcinoma hepatocelular (CHC) humanas, HepG2, y de células endoteliales hepáticas SK-HEP-1. Nuestro objetivo fue estudiar la participación de Gal1 en el microambiente tumoral hepático. La expresión de Gal1 en células SK-HEP-1 aumentó en ausencia de suero (155 \pm 15%) y en presencia de medios condicionados (MCs) obtenidos de monocapas de hepatocitos tumorales HuH-7 (secretan altos niveles de Gal1) (147 \pm 18%). Gal1 recombinante al igual que los MCs de células HepG2Gal1 (sobreexpresan Gal1) promovieron la migración de células SK-HEP-1 (161 \pm 2%; 178 \pm 8%, 9h). El factor de crecimiento transformante β 1 (TGF β 1) aumenta en el CHC. En células HepG2 y HuH7, TGF β 1 (5ng/ml, 48h) aumentó la expresión de Gal1 (230 \pm 21%, 180 \pm 14%) y su secreción a los MCs (141 \pm 4%, 262 \pm 39%). Mediante microscopía de fluorescencia, se observó que la sobreexpresión de Gal1 y la preincubación con TGF β 1 aumentaron la adhesión de células HepG2 a monocapas de células SK-HEP-1 (146 \pm 5%; 118 \pm 4%, 15min). TGF β 1 induce apoptosis en ciertas líneas celulares de CHC, sin embargo, las células HepG2 son resistentes. La incubación con TGF β 1 por 48h no afectó la viabilidad de células HepG2 (94 \pm 4%), pero sí la redujo en células HepG2-Gal1siRNA con expresión de Gal1 disminuida (70 \pm 8%). Aunque luego de 5 días de tratamiento, las células HepG2 mostraron una reducción de la viabilidad (83 \pm 3%), las células HepG2Gal1 se mantuvieron resistentes a la muerte (101 \pm 3%). El aumento de Gal1 en el microambiente del CHC, en parte inducido por TGF β 1, controla la migración de las células endoteliales hepáticas, y favorece la adhesión de los hepatocitos tumorales al endotelio. Gal1 y TGF β 1 actuarían en conjunto favoreciendo la progresión del CHC.

342 (292) REPOSICIONAMIENTO DE DROGAS PARA EL TRATAMIENTO DEL CÁNCER: TERAPIA METRONÓMICA CON METFORMINA Y PROPRANOLOL

Nahuel Cesatti Laluece¹⁴; María J Rico¹²⁴; M Virginia Baglioni¹; Viviana R Rozados¹; O. Graciela Scharovsky¹³; Mauricio Menacho-Márquez¹²

Instituto De Genética Experimental, Fac. Ciencias Médicas, UNR¹ CONICET² CIUNR³ Contribuyeron Igualmente⁴

La importancia clínica de la patología oncológica demanda la búsqueda de nuevas estrategias terapéuticas que se adapten mejor a tratamientos crónicos. El objetivo de este trabajo fue estudiar el efecto de Metformina (M) y Propranolol (P) administradas en esquema metronómico en forma individual o combinada en un modelo de adenocarcinoma murino triple negativo. Se estudiaron los efectos individuales y combinados de las drogas en células 4T1 a través de ensayos estándares de viabilidad, clonogenicidad, migración, invasión y apoptosis. Se observó disminución del crecimiento en un modo dosis dependiente (M: $P < 0,05$; P: $P < 0,01$ para todas las dosis evaluadas); disminución en la capacidad clonogénica (M+P: $P < 0,001$); aumento en la apoptosis ($P < 0,05$ para M y P; $P < 0,001$ para M+P) y disminución de la capacidad migratoria (M+P: $P < 0,001$) e invasiva (M+P: $P < 0,01$). Del mismo modo, la combinación M+P mostró un efecto inhibitorio sinérgico sobre el crecimiento celular ($P < 0,001$). Para los estudios in vivo se desafiaron ratones BALB/c por inyección s.c. de células 4T1 (104

cél/100µL). Los animales se distribuyeron en 4 grupos (n=6/grupo) recibiendo los siguientes tratamientos en el agua de bebida: 1) Control, sin tratamiento; 2) M (2 g/l); 3) P (25 mg/l); 4) tratados como 2+3. Los animales se pesaron y los tumores se midieron con calibre dos veces por semana. Se encontró que el tratamiento combinado produjo una disminución del volumen tumoral ($P < 0,05$ a partir del día 14) y un aumento de la supervivencia ($P < 0,05$). El tratamiento combinado presentó un fuerte efecto antitumoral tanto in vitro como in vivo. La información obtenida a partir de los experimentos contribuye valiosamente a considerar en un futuro cercano nuevas indicaciones terapéuticas de ambas drogas, así como a profundizar la investigación de esquemas de administración metronómica, como recurso de un nuevo paradigma terapéutico: un tratamiento crónico, para una patología crónica.

06 (582) EL TRATAMIENTO CON 4-METILUMBELIFERONA (4MU) MODULA EL MICROAMBIENTE TUMORAL Y AUMENTA LA EFECTIVIDAD ANTITUMORAL DE LA INMUNOTERAPIA COMBINADA EN CÁNCER DE COLON

Mariana Malvicini¹; Valentina Ghiaccio²; Esteban Fiore¹; Flavia Piccioni¹; Miguel Rizzo¹; Laura Alaniz¹; Mariana Garcia¹; Juan Bayo¹; Pablo Matar³; Guillermo Mazzolini¹
Universidad Austral¹ Università Degli Studi Di Cagliari, Cerdeña, Italia² Instituto De Genética Experimental, Facultad De Ciencias Médicas, Universidad Nacional De Rosario³

El uso de una dosis baja de ciclofosfamida (Cy) y la terapia génica con IL-12 (AdLL-12) produce una respuesta inmunitaria antitumoral sinérgica en ratones con cáncer de colon. 4-metilumbeliferona (4Mu) es un inhibidor de la síntesis de ácido hialurónico (AH), que se encuentra en elevadas concentraciones en los diversos tumores, inclusive el cáncer de colon. Evaluamos el efecto de la modulación del microambiente tumoral mediante la administración de 4Mu sobre la eficacia terapéutica de la combinación Cy+AdLL-12. Previamente hemos demostrado que la combinación de 4Mu+Cy+AdLL-12 es capaz de eliminar más del 70% de los tumores en los animales inoculados con células CT26, reduciendo los niveles de AH y modulando los niveles de ciertas moléculas asociadas al proceso de angiogénesis. Con el objetivo de profundizar en los mecanismos subyacentes al potente efecto terapéutico de esta combinación se inocularon ratones Balb/c con células CT26 (5 x10⁵, s.c, día 0); cuando los tumores alcanzaron un volumen de 85mm³ (día 7) se distribuyeron en grupos que recibieron solución salina ó 4Mu (200mg/kg/día, vía oral, durante 21 días). Se evaluó evolución del tamaño tumoral, se determinó la presión intratumoral, y se tomaron muestras para su análisis. Resultados: En los animales tratados con 4Mu observamos una disminución significativa de la presión intratumoral ($p < 0,001$) así como también un aumento significativo de la perfusión del tejido tumoral ($p < 0,001$). Los animales tratados con 4Mu mostraron un incremento en la expresión génica tras la administración intratumoral de un vector adenoviral ($p < 0,05$). Además, el tratamiento con 4Mu permitió una mayor llegada de linfocitos antitumorales administrados por vía sistémica al entorno tumoral y, por ende, un mayor efecto terapéutico ($p < 0,05$). Conclusiones: nuestros resultados sugieren que el tratamiento con 4Mu y los efectos que genera en el microambiente tumoral, tales como menor presión intratumoral y mayor perfusión, potencia el efecto terapéutico de la inmunoterapia basada en Cy+AdLL-12.

07 (656) EL AGONISTA BETA-2 ADRENÉRGICO SALBUTAMOL INHIBE LA CAPACIDAD METASTÁSICA DE CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS HUMANAS.

Ezequiel Mariano Rivero¹; Lucía Gargiulo¹; Ariana Bruzzone²; Cecilia Perez Piñero¹; Isabel Luthy¹
IBYME¹ INIBIBB²

Adrenalina y noradrenalina son liberadas durante el estrés y los receptores adrenérgicos (RA) median su respuesta. Hemos asociado la estimulación de receptores B2-adrenérgicos (B2-RA) a una inhibición de la proliferación de células de cáncer de mama humanas y del crecimiento tumoral. Demostramos previamente que salbutamol (salb), un agonista B2, inhibe la actividad de metaloproteasa de la matriz 9 en células de cáncer de mama

MDA-MB-231. Se desconocen sus efectos en las etapas subsiguientes de la cascada metastásica. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de salg (agonista B2-RA) sobre invasión y metástasis en líneas tumorales maMarias humanas. Se utilizaron insertos cubiertos con matrigel para evaluar la invasión celular in vitro. Para realizar el ensayo de metástasis experimentales in vivo se inyectaron 500000 células MDA-MB-231 por vía intravenosa a ratones NSG hembras. Los animales se trataron diariamente con la droga o vehículo. Las metástasis se cuantificaron macroscópicamente y en cortes histológicos. La invasión de células MDA-MB-231 disminuyó significativamente ante al tratamiento con salg 1µM (39.9 +/- 7.0% del control, $p < 0,01$) siendo este efecto revertido por el antagonista B2 propanolol ($p < 0,01$). In vivo, sólo se encontraron metástasis pulmonares. Al cuantificar macroscópicamente los nódulos metastásicos en la superficie del órgano se observó una disminución significativa en los animales tratados con salg respecto al vehículo (86.9 +/- 8.2 vs 146.5 +/- 16.2, $p < 0,01$) no observándose diferencias significativas en el tamaño de las mismas. En cortes histológicos las metástasis se encontraron disminuidas en el grupo tratado (181.3 +/- 10.9 vs 263.9 +/- 11.8, $p < 0,001$). En conjunto con los resultados previamente presentados, estos datos evidencian la importancia del B2-RA en la progresión del cáncer de mama. Destacan también los posibles usos terapéuticos para el salbutamol ya que inhibe tanto el crecimiento tumoral como las metástasis.

08 (35) EL COMPLEJO Gβγ PARTICIPA EN LA SEÑALIZACIÓN DE CRH EN CÉLULAS NEURONALES HIPOCAMPALES

Paula Ayelén Dos Santos Claro¹²; Carolina Inda¹²; Sergio Senin¹; Susana Silberstein¹²
Instituto De Investigación En Biomedicina De Buenos Aires-CONICET-MPSP¹ Departamento Fisiología, Biología Molecular Y Celular, Fac. De Cs.Exactas Y Naturales, UBA²

CRH ejerce un rol central en la respuesta neuroendócrina y comportamental al estrés, dirigiendo la activación del eje hipotálamo-hipófisis-adrenal y actuando como neuromodulador en el sistema nervioso central. Su disregulación se relaciona con desórdenes como ansiedad/depresión y enfermedad de Cushing. Nuestro objetivo es definir las vías de señalización de CRH por el receptor CRHR1 y los componentes involucrados, con potencial relevancia terapéutica en desórdenes ligados a estrés. CRHR1 es un GPCR cuya señalización involucra las vías del AMPc, las MAPKs y el calcio. La proteína G heterotrimérica acoplada a GPCRs está formada por las subunidades α , β y γ . Nos propusimos determinar si el complejo Gβγ está involucrado en la señalización de CRHR1 mediada por CRH. Utilizamos como modelo la línea celular neuronal hipocampal HT22, que expresa establemente el CRHR1 (HT22-CRHR1). Empleando un scavenger de Gβγ (sobreexpresión de la subunidad G α de transducina) y un inhibidor farmacológico (galeína) analizamos la participación del complejo en las vías de señalización. Mediante sensores de FRET observamos que el bloqueo genético y farmacológico de Gβγ disminuyó significativamente la respuesta global de AMPc mediada por CRH ($p < 0,05$ respecto del control). El análisis por WB de las formas fosforiladas mostró que la activación de CREB, efector clásico de la vía de AMPc, y la de ERK1/2 se encontraron disminuidas en células en las que se bloqueó el complejo. Por RT-PCR exploramos la expresión de las adenilil ciclasas en células HT22-CRHR1. Detectamos tanto formas estimulables como inhibibles por Gβγ, lo que sugiere que la respuesta de AMPc proviene de un balance entre la contribución relativa de cada una de estas enzimas. Estos resultados indican que el complejo Gβγ participa en la señalización de CRH a través de CRHR1 en el contexto neuronal hipocampal y contribuyen a definir los mecanismos implicados a nivel central. Apoyado por ANPCyT, CONICET, UBA y FOCEM (COF 03/11).

09 (66) ROL DEL ANIÓN CLORURO COMO SEGUNDO MENSAJERO EN LA MODULACIÓN DE LA EXPRESIÓN DE GENES ESPECÍFICOS

Angel Gabriel Valdivieso; Maringeles Clauzure; María Macarena Massip Copiz; Carla Estefana Cancio; Consuelo Mori; Asensio Cristian; Tomas Antonio Santa Coloma *Biomed; Pont. Univ. Cat. Arg. "Sta. María De Los Bs. As."*

La Fibrosis Quística (FQ) es causada por mutaciones en el gen CFTR que codifica un canal de transporte de iones cloruro (Cl⁻) activado por AMPc. Numerosos genes-CFTR dependientes han sido identificados, aunque se desconoce el mecanismo de regulación involucrado. Debido a que el CFTR es un canal de Cl⁻, la alteración de su actividad conduciría a cambios en la concentración intracelular de Cl⁻ ([Cl⁻]_i). Nuestra hipótesis es que la [Cl⁻]_i podría formar parte del mecanismo de señalización en la modulación de genes específicos. Mediante la técnica de "Differential display" se analizó el perfil de expresión en células IB3-1, línea celular de FQ, incubadas con una curva de concentración de Cl⁻ en presencia de dos ionóforos (tributyltin y nigericina), lo que permite equilibrar rápidamente la [Cl⁻]_i con la concentración de Cl⁻ extracelular, independientemente de la función del CFTR y de otros canales de Cl⁻. Mediante esta estrategia, observamos varios genes expresados diferencialmente. Dos de estos genes expresados diferencialmente por la [Cl⁻]_i fueron aislados, clonados y secuenciados. La modulación de la expresión de estos genes por el anión Cl⁻ fue validada por RT-PCR cuantitativa en tiempo real. El primero de estos genes fue identificado como el gen RPS27 que codifica la proteína ribosomal S27. El mismo mostró una regulación negativa por el aumento de la [Cl⁻]_i salvo a concentraciones no fisiológicas, por encima de 100 mM, para las cuales mostró una modulación positiva (respuesta bifásica para la [Cl⁻]_i). El segundo gen identificado, modulado positivamente por el aumento de la [Cl⁻]_i, correspondió al gen GLRX5, que codifica la proteína glutarredoxina-5, de localización mitocondrial. Estos resultados sugieren que el anión Cl⁻ actuaría como segundo mensajero, modulando la expresión de genes específicos en respuesta a cambios en la [Cl⁻]_i. Agradecimientos: CONICET, PIP2012-2014-0685 y PICT2012-1278 de la ANPCYT.

- 10 (399) LA EXPRESIÓN DE FILAMINA-A MODULA EN FORMA NEGATIVA LA ACTIVACIÓN DE NF-κB POR S1P EN MELANOMA MEDIANTE LA INHIBICIÓN DE AKT**
Ludmila E. Campos¹; Melina G Castro¹; Yamila I Rodríguez¹; Pablo Lopez Bergami³; Mercedes Borge⁴; Sergio E Alvarez² *IMIBIO-SI¹ Universidad Nacional De San Luis² Instituto De Medicina Y Biología Experimental³ Instituto De Medicina Experimental (IMEX) - CONICET⁴*

Filamina A (FlnA) es una proteína del citoesqueleto que se une a muchas proteínas involucradas en señalización. Si bien FlnA ha sido clásicamente asociada con migración celular, recientes estudios indican que su expresión se correlaciona en forma negativa con la capacidad invasiva de células tumorales. Previamente, demostramos que esfingosina-1-fosfato (S1P) extracelular induce la activación del factor de transcripción NF-κB sólo en células de melanoma que no expresan FlnA. Tanto S1P, un mediador lipídico que puede actuar como segundo mensajero intracelular o en forma paracrina/autocrina a través de la unión a receptores acoplados a proteína G, denominados S1P1-5, como NF-κB se relacionan a procesos de inflamación crónica y progresión tumoral. En esta oportunidad, mostramos que la expresión de FlnA inhibe la activación de NF-κB por S1P extracelular en varias líneas celulares tumorales humanas de melanoma y de neuroblastoma, sugiriendo que es un mecanismo regulador normal. Además, a través del uso de SEW2871, agonista específico del receptor S1P1, corroboramos la participación del mismo en esta vía. Llamativamente, en células que expresan FlnA, la estimulación con S1P induce una disminución en pAkt, lo cual nos sugiere que elevados niveles de pAkt son necesarios para activar NF-κB. Para corroborar la hipótesis, células de melanoma que expresan FlnA fueron transfectadas establemente con Akt-myr para mantener una actividad basal alta de pAkt. Interesantemente, en estas células S1P estimula NF-κB pese a la expresión de FlnA. A nivel funcional, resultados preliminares sugieren que S1P mantiene el crecimiento en ausencia de suero solo en células de melanoma que no expresan FlnA. En conclusión, nuestros resultados

demuestran que la expresión de FlnA regula en forma negativa la activación de NF-κB por S1P a través de la inhibición de Akt. Asimismo, la deficiencia de FlnA, al menos en ciertas condiciones, favorecería la progresión tumoral.

- 012 (442) 17-β-ESTRADIOL PROMUEVE LA ADHESIÓN Y MIGRACIÓN CELULAR VIA FAK/PAXILLIN/CDC42/N-WASP/ARP2/3 COMPLEX EN CÉLULAS DE CÁNCER DE MAMA**
Ivonne D. Uzair; Jorge E. Shortrede; Flavia J. Neira; Marina I. Flamini; Angel M. Sanchez *IMBECU*

La migración de las células cancerígenas es crucial para el desarrollo de una metástasis, principal causa de muerte en mujeres que padecen cáncer de mama. Para ello, el citoesqueleto de actina juega un rol fundamental. El mismo está regulado por proteínas que, en respuesta a ciertos estímulos, ponen en marcha la maquinaria que permite a las células migrar e invadir tejidos circundantes. Los moduladores Paxilina y N-WASP, en estímulos extracelulares hacia la reorganización actínica. N-WASP actúa como una proteína andamio y responde a señales de pequeñas GTPasas (Cdc42) provocando la activación del complejo Arp2/3, responsable de la ramificación y nucleación actínica. Nuestro trabajo propone al 17-β-estradiol (E2) como un importante regulador en diversas vías de señalización promoviendo la adhesión, migración e invasión de células de cáncer de mama. Nuestros resultados han demostrado que E2 induce la fosforilación/activación/translocación de Paxilina hacia los sitios donde se ensamblan los complejos de adhesión focal. Este proceso fue mediado a través del receptor de estrógeno α (ERα)-proteína Gαi1/Gβ, hacia el complejo c-Src/FAK/Paxilina. Una vez que Paxilina es activada, recluta a Cdc42 y provoca la fosforilación de N-WASP, resultando en la translocación del complejo Arp2/3. Además, observamos como el reclutamiento de FAK/Paxilina/N-WASP fue necesario para los procesos de adhesión, migración e invasión celular inducidos por E2. Por otro lado, investigamos como el Raloxifeno (modulador selectivo del receptor de estrógeno), en presencia de E2, fue capaz de disminuir los niveles de fosforilación/activación de FAK, Paxilina y N-WASP, reduciendo significativamente los procesos de adhesión/migración celular. Nuestros estudios sugieren a Paxilina como un importante modulador sobre la motilidad celular en las células MCF-7, promoviendo el estudio para el desarrollo de posibles nuevos blancos, sobre proteínas quinasas, para intervenciones terapéuticas en dicha patología.

- 013 (469) REGULACIÓN DE AR Y GR POR PROTEÍNAS CON DOMINIO TPR**
Gisela I Mazaira^{1,2}; Fernando Federicci²; Mario D Galigiana^{2,3} *IQUIBICEN¹ Dto. Química Biológica - Fac. De Ciencias Exactas Y Naturales - Univ. De Buenos Aires² IBYME³*

Las proteínas con dominio TPR (tetratricopeptide repeat) mejor caracterizadas son las que forman complejos con receptores de esteroides vía la chaperona Hsp90, afectando su plegamiento y ensamblado. Las inmunofilinas FKBP51 y FKBP52 son proteínas TPR que regulan antagonicamente la actividad transcripcional y localización subcelular de GR y MR. Nuestro objetivo fue estudiar el efecto de otras proteínas TPR como PP5, SGT1α y 14-3-3σ sobre GR y AR. Demostramos que PP5 favorece la retención nuclear de GR, 14-3-3σ retrasa la importación y acelera la exportación, mientras que SGT1α no afecta su distribución subcelular, aunque inhibe la actividad transcripcional de ambos receptores. En tal sentido, PP5 y 14-3-3σ muestran una respuesta bifásica, es decir, un aumento leve de la expresión estimula la transcripción, pero se inhibe con niveles más altos. Ninguna de las proteínas ensayadas afectó la importación de AR, pero sí su actividad transcripcional. PP5 estimula la actividad de AR, mientras que 14-3-3σ y SGT1α la inhiben. Nuestros resultados sugieren que el balance de expresión de estas proteínas podría afectar el balance de actividad entre AR y GR, lo que podría influir en el desarrollo y progresión de patologías tales el cáncer prostático. Dado que al presente no existen drogas específicas para cada proteína TPR, realizamos un abordaje farmacológico usando

como blanco a Hsp90 con la que forman una unidad estructural y funcional. Ensayamos derivados del 2,4-dihidroxibenzaldehído, del 5-cloro-2,4-dihidroxibenzaldehído, o del resorcinol diseñados por modelado computacional como potenciales inhibidores de la actividad ATPasa de Hsp90, la que es clásicamente considerada clave para la función biológica de la chaperona. Los compuestos decrecieron la viabilidad celular. No obstante, ni la importación ni la actividad de los receptores se vieron afectadas independientemente del efecto sobre la actividad ATPasa de Hsp90.

014 (526) RAC3: UN INHIBIDOR CLAVE DE LA SENESCENCIA Y EL ENVEJECIMIENTO

Pablo Nicolas Fernandez Larrosa¹; Marina Ruz Grecco¹; Diego Mengual Gómez²; Cecilia V Alvarado¹; Laura C. Panelo¹; María Fernanda Rubio¹; Daniel F Alonso²; Daniel E. Gómez²; Mnica A. Costas¹
IDIM-CONICET¹ Laboratorio De Oncología Molecular, Universidad Nacional De Quilmes²

RAC3 es un coactivador nuclear sobreexpresado en tumores, y con funciones oncogénicas tanto en núcleo como citoplasma, como la inhibición de la apoptosis y la autofagia. Además, su expresión es necesaria para mantener la capacidad pluripotente y de auto-renovación de stem cells embrionarias. En este trabajo se investigó el rol de RAC3 en la senescencia y el envejecimiento. La sobreexpresión de RAC3 en la línea celular no tumoral HEK293(RAC3) inhibió la senescencia prematura con respecto a las wt, inducida por tratamiento con 150µM de H₂O₂ o 50nM de Rapamicina (RP), evaluada a los 6 días post tratamiento por presencia de núcleos grandes (tinción con Hoescht: Wt, 60% con H₂O₂ y 50% con RP; RAC3, 20% con H₂O₂ y 15% con RP; p<0,01) o por actividad de βgal ácida (Wt: 60% con H₂O₂ y 65% con RP; RAC3: 25% con H₂O₂ y 35% con RP; p<0,01) y confirmación de arresto por análisis de ciclo celular. El mecanismo involucra no solo una inhibición de autofagia (45% en las wt con H₂O₂ o RP & 10% en las RAC3), sino también un aumento en las wt (versus las RAC3) de los niveles y localización nuclear de p53 y p21, FOXOs y SIRT1. Además, la depleción de RAC3 en la línea tumoral Hela (con altos niveles de RAC3) indujo senescencia replicativa, asociada con una disminución de la actividad de la telomerasa. Finalmente, se analizó los niveles de senescencia (por núcleos grandes y βgal ácida), la expresión de RAC3 y p21 (por WB y RT-PCR) en hígados de ratas wistar jóvenes versus viejas; observándose que la proporción de células senescentes estaba elevada en las ratas viejas, al igual que los niveles de p21 (mientras que los niveles de RAC3 estaban disminuidos), con respecto a las jóvenes. Nuestros resultados permiten concluir que RAC3, además de inhibir la apoptosis y la autofagia, es un inhibidor de la senescencia, el cual está regulado negativamente durante el envejecimiento, lo que podría jugar un rol clave en el desarrollo tumoral, eliminando la expansión clonal de células con DNA dañado y potencialmente tumorales.

REPRODUCCIÓN 1

015 (80) PARTICIPACIÓN DEL SITIO DE UNIÓN PARA EL FACTOR SF1 EN LA REGIÓN PROXIMAL DEL PROMOTOR DE LA HORMONA ANTI-MÜLLERIANA (AMH) Y DEL RECEPTOR DE ANDRÓGENOS (AR) EN LA REPRESIÓN TRANSCRIPCIONAL DE LA AMH EN UNA LÍNEA DE CÉLULAS DE SERTOLI DE RATÓN

Nadia Y. Edelsztejn¹; Clara Valeri¹; Helena F. Schteingart¹; Rodolfo A. Rey^{1,2}
CEDIE, CONICET-FEI-División de Endocrinología, Hospital de Niños Ricardo Gutiérrez, Buenos Aires.¹ Dpto. Biología Celular, Histología, Embriología y Genética, Facultad de Medicina, UBA.²

La expresión de la AMH en la célula de Sertoli es inhibida por los andrógenos por un mecanismo desconocido. Evaluamos si existe una acción directa de los andrógenos sobre el promotor de la AMH con ensayos de luciferasa en la línea SMAT1 (Sertoli de

ratón prepuberal), transfectada con el AR y variantes del promotor de la AMH. Los resultados se expresan como% (media±EE); la actividad basal se consideró 100%; se analizó mediante prueba de t de muestra única contra el valor teórico de 100%. Hubo una disminución de la actividad del promotor [-1a-3068] luego de incubación con DHT (10-7M) por 5 min (64,0±6,0%; P=0,002) o 24 hs (44,5±2,9%; P<0,0001). La inhibición se revirtió al coincubar con el antiandrógeno Casodex® (10-5M) durante 5 min (117,8±12,6%; P=0,29) o 24 hs (131,9±20,2%; P=0,21), lo que sugiere que el efecto es vía AR. La incubación con DHT disminuyó la actividad del promotor proximal [-1a-423] (53,4±8,2%; P=0,01), indicando que esa región participa en la inhibición mediada por andrógenos. Dicha región carece de elementos de respuesta a andrógenos inhibitorios conocidos, por lo que evaluamos si la acción del AR se debe a una interacción con factores trans-activadores del promotor de la AMH transfectando el promotor [-1a-3068] con los sitios de unión para GATA4, AP1 y SF1 salvajes o mutados. La inhibición observada en respuesta a la DHT se conservó en presencia de las mutaciones de los sitios GATA4 (73,8±7,0%; P=0,03) y AP1 (72,9±4,1%; P=0,003), pero no al estar mutado el sitio SF1 (102,2±11,1; P=0,85), indicando que la ausencia de dicha secuencia es suficiente para anular el efecto inhibitorio de los andrógenos. Concluimos que la DHT es capaz de inhibir la actividad del promotor de AMH por acción directa sobre la célula de Sertoli; dicha acción involucra al AR y al sitio de unión para SF1 presente en el promotor proximal. El efecto podría deberse a una acción directa del AR sobre el promotor o al desencadenamiento de "vías rápidas" de señalización alternativas.

016 (84) FUNCIÓN DEL SISTEMA WNT/BETA-CATENINA EN LA REGULACIÓN DEL DESARROLLO FOLICULAR Y LUTEINIZACIÓN

Paula Accialini¹; Griselda Irusta¹; Diana Bas¹; Fernanda Parborell¹; Dalhia Abramovich¹; Marta Tesone^{1,2}
IBYME¹ Fac. de Cs.Exactas y Naturales, Univ. de Buenos Aires²

Wnt/beta-catenina es una vía de señalización muy conservada que regula la homeostasis celular. El objetivo de este estudio fue determinar el rol que cumple esta vía sobre la funcionalidad del ovario. Ratas prepúberes estimuladas con eCG fueron inyectadas en la bursa de ambos ovarios con un inhibidor de la vía de Wnt (XAV939, 5µg/ovario) o con el vehículo de la droga (DMSO, grupo control). Luego de la cirugía los animales fueron inyectados con hCG. Luego de 48 horas, los ovarios fueron removidos y muestras de sangre fueron recolectadas para medición de progesterona (P) sérica. Un ovario fue fijado para técnicas histológicas y el otro fue utilizado para aislar Cuerpos Luteos (CL) para extracción de proteínas. La inhibición de Wnt produjo una tendencia hacia un menor porcentaje de CL y generó un aumento significativo de quistes. Se observó una disminución significativa de la P sérica y el contenido luteal de StAR en el grupo inyectado con XAV939. No se observaron diferencias en el contenido de P450scc y 3 beta-HSD. La inhibición de Wnt produjo un aumento significativo en la relación de proteínas proapoptóticas/antiapoptóticas y una disminución significativa de la proliferación de las células luteales. La fosforilación de ERK también disminuyó significativamente luego del tratamiento. La inmunohistoquímica contra Caspasa 3 clivada reveló una mayor inmunomarcación en los ovarios tratados con XAV939. Estudios de marcadores angiogénicos mostraron una disminución significativa de Lectina BS-1 (marcador de células endoteliales) y una tendencia hacia un menor contenido luteal de VEGF-A en el grupo tratado con el inhibidor. En conclusión, a nivel ovárico la inhibición de Wnt produjo una tendencia hacia un menor porcentaje de CL acompañado de un aumento en el porcentaje de quistes. Además, Wnt/beta-catenina actúa como una vía de supervivencia en el CL y estaría involucrada en la regulación de la angiogénesis luteal. Financiamiento: CONICET (PIP N° 380) y Fundación Barón

017 (136) SÍNDROME DE HIPERESTIMULACIÓN OVÁRICA (OHSS): ROL DEL FACTOR DE CRECIMIENTO DERIVADO DE PLAQUETAS TIPO B (PDGF-B) Y SU POTENCIAL USO COMO ESTRATEGIA TERAPÉUTICA

Natalia M Pascuali¹; Leopoldina Scotti¹; Mariana Di Pietro¹; Pomilio C²; Saravia F¹²; Denise Mesquiatti¹; Marta Tesone¹²; Dalhia Abramovich¹; Griselda Iruستا¹; Fernanda Parborelli¹ IBYME¹
 Depto. de Química Biológica, Facultad de Cs. Exactas y Naturales, UBA.²

El OHSS es una complicación del crecimiento folicular causada por la inducción de la ovulación en tratamientos de fertilización asistida (prevalencia: 5-10%). Se caracteriza por un aumento en folículos maduros y quistes y en la producción de factores vasoactivos, que inducen mayor permeabilidad vascular (ascitis). Previamente, observamos que VEGF y ANGPT1 aumentan en fluidos foliculares de pacientes con OHSS, mientras que PDGF-B y -D disminuyen. Además, observamos en el modelo de OHSS en rata que PDGF-B reduce los quistes luteales y restituye a niveles normales la expresión de claudina-5, proteína clave en permeabilidad vascular. El objetivo fue estudiar el efecto de PDGF-B en el modelo de OHSS sobre la estabilidad y permeabilidad vascular y la esteroidogénesis. Ratas prepúberes se inyectaron con eCG (50 IU) durante 4 días consecutivos y 24 h después con hCG (25 IU) (grupo OHSS). Al grupo OHSS+PDGF-B se le inyectó PDGF-B recombinante (0,5 ug/ovario) intrabursal. El grupo control recibió eCG (25 UI) en el día 3 y hCG (10 UI) en el día 5. Luego de 48 h, los animales fueron sacrificados y se extrajeron los ovarios. Los niveles de P4 (RIA) aumentaron en el grupo OHSS ($p < 0,001$), mientras que PDGF-B los revirtió a valores controles. La expresión de 3β -HSD aumentó en el grupo OHSS respecto del control ($p < 0,05$), pero PDGF-B lo redujo a niveles similares al control. Por IHQ para α -actina (marcador de células periendotheliales), se vio que PDGF-B aumentó el área periendothelial en CL y quistes, otorgando mayor estabilidad vascular. Por microscopía confocal, se analizó el extravasado de fluoresceína de sodio como parámetro de permeabilidad vascular. El grupo OHSS+PDGF-B mostró áreas de extravasado menos extensas en comparación con OHSS en CL y estroma, similares al control. En conclusión, PDGF-B sería crucial en la regulación de la esteroidogénesis e integridad vascular ovárica en OHSS, por lo que constituiría una buena estrategia terapéutica para disminuir la severidad del síndrome.

018 (218) COMPUESTOS ACTIVOS PROVENIENTES DEL ROMERO Y DE LA MEDICINA HERBAL CHINA EVALUADOS COMO NUEVAS TERAPIAS NATURALES PARA EL TRATAMIENTO DE LA ENDOMETRIOSIS

Luciana Ferella¹; Juan Ignacio Baston¹; Mariela Bilotas¹; José Javier Singla²; Alejandro Gonzalez³; Carla Olivares¹; Gabriela Meresman¹ Ibyme¹
 Htal. de Clínicas "José de San Martín"² Htal. Naval de Buenos Aires Dr Pedro Mallo³

La endometriosis (EDT) es una enfermedad ginecológica caracterizada por el crecimiento de tejido endometrial fuera de la cavidad uterina. Afecta alrededor del 10% de la población femenina, siendo los principales síntomas infertilidad y dolor. Debido a la cuestionada eficiencia y a la alta tasa de recidivas observada luego de los tratamientos habituales, se están investigando alternativas terapéuticas que puedan administrarse por plazos prolongados sin comprometer el bienestar de la paciente. El objetivo de nuestro trabajo es evaluar in vitro e in vivo el efecto del flavonóide wogonina (WG) aislado de la raíz de *Scutellaria baicalensis*, componente principal de la medicina herbal china, y de dos compuestos activos del extracto de romero (*Rosmarinus officinalis*): ácido carnósico (AC) y ácido rosmarínico (AR). Hemos observado que WG 40, 80 y 160 μ M, AC 10, 12.5 y 25 μ g/ml y AR 25, 50 y 100 μ g/ml inhibieron significativamente la proliferación de la línea celular estromal endometrial humana (T-HESC) ($p < 0.05$ versus basal). Este mismo efecto se observó en cultivos primarios de células endometriales estromales provenientes de pacientes controles y pacientes con EDT ($p < 0.05$ versus basal). Por otra parte, la administración de WG (20mg/kg/día), AC (20mg/kg/día) y AR (3mg/kg/día) a ratones a los cuales se les indujo EDT quirúrgicamente resultó ser efectiva a la hora de disminuir el volumen de las lesiones desarrolladas ($p < 0.05$ vs control). Sin embargo el

número de lesiones no se vio reducido después de los tratamientos. Revalidando los resultados obtenidos in vitro, se observó una significativa disminución de la proliferación celular y un claro incremento del porcentaje de células apoptóticas en cortes histológicos de lesiones desarrolladas en animales tratados. A partir de estos resultados y conociendo que los compuestos naturales evaluados no provocan efectos secundarios indeseados, sugerimos considerar estas alternativas como terapéuticas promisorias para la EDT.

019 (434) UN AUMENTO TRANSITORIO DEL CALCIO INTRACELULAR INDUCIDO POR LA PROGESTERONA PROMUEVE LA EXOCITOSIS ACROSOMAL EN ESPERMATOZOIDES DE RATÓN

Ana Romarowski¹; Claudia Sánchez-Cárdenas²; Héctor Ramírez-Gómez²; Lis Del C. Puga Molina¹; Claudia L. Treviño²; Arturo Hernández-Cruz²; Alberto I. Darszon²; Mariano G. Buffone¹
 Ibyme¹ Instituto de Biotecnología, Universidad Nacional Autónoma de México (UNAM), Cuernavaca, México.² Instituto de Fisiología Celular, Universidad Nacional Autónoma de México (UNAM), México DF.³

Durante la capacitación los espermatozoides (EZs) adquieren la potencialidad de realizar reacción acrosomal (RA), un paso esencial en la fertilización. Se creía que este evento se producía tras la interacción del EZ con la zona pelúcida. Sin embargo, recientemente se demostró que los EZs de ratón realizan exocitosis antes de la interacción con la zona. La progesterona (Prog), producida por las células del cúmulus y de la granulosa, ha surgido entonces como un posible inductor fisiológico de la RA. Un aumento del Ca^{2+} intracelular ($[Ca^{2+}]_i$) es necesario para que ocurra la RA y, dado que la Prog lo promueve, se estudió la correlación espacio-temporal entre los cambios del $[Ca^{2+}]_i$ y la RA en EZs de ratón en respuesta a este inductor. Se encontró que la Prog estimula un aumento del $[Ca^{2+}]_i$ en un porcentaje significativo de EZs ($p < 0,05$) en 5 patrones diferentes: aumento gradual, oscilatorio, transitorio tardío, transitorio inmediato y sostenido. Los dos últimos fueron los más frecuentes (31 y 30%, respectivamente). Se observó que el aumento del $[Ca^{2+}]_i$ promovido por la Prog se inicia en diferentes regiones del EZ (flagelo o cabeza) y, mediante un análisis cinético local, se vio que la dirección de propagación más frecuente es la anterógrada. Se validó el uso de la sonda FM4-64 como un indicador de la RA en EZs de ratón detectando simultáneamente su fluorescencia y la pérdida de EGFP en EZs transgénicos EGFP-ACR. Por primera vez, se logró visualizar simultáneamente el aumento del $[Ca^{2+}]_i$ y la exocitosis en respuesta a la Prog en EZs de ratón. El patrón de aumento del $[Ca^{2+}]_i$ asociado con la RA fue un transitorio inmediato que se propaga en dirección retrógrada. En conclusión, aunque la Prog produce diferentes respuestas de Ca^{2+} en los EZs de ratón, nuestras mediciones simultáneas permitieron conocer el patrón de Ca^{2+} específico que determina el inicio de la RA.

020 (563) EXPRESIÓN DE LA ENZIMA 11BETA HIDROXILASA (CYP11B1) EN EL OVARIO BOVINO. IMPLICANCIAS DE LA SÍNTESIS LOCAL DE CORTISOL

Ayelen Noelia Amweg; Fernanda M. Rodríguez; Belkis E. Marelli; Florencia Rey; Natalia R. Salvetti; Hugo H. Ortega
 Laboratorio De Biología Celular Y Molecular Aplicada ICIVET Litoral UNL-CONICET

En respuesta al estrés, la adrenocorticotropina (ACTH) actúa sobre la glándula adrenal estimulando la síntesis y secreción de glucocorticoides (GCs), hormonas esteroides que actúan sobre el metabolismo intermedio, la respuesta inmunitaria e inflamatoria y la reproducción. Basados en evidencias de nuestro grupo, el objetivo del presente trabajo fue evaluar la expresión y actividad de la enzima 11-beta hiroxilasa (CYP11B1) en el ovario bovino. Se realizó la evaluación de la expresión génica de CYP11B1 por PCR en Tiempo Real en células de granulosa y teca de folículos terciarios pequeños, medianos y grandes de animales en proestro. Además, se generó un anticuerpo policlonal purificado por cromatografía de afinidad, específico para la enzima CYP11B1, y se utilizó

en western blot para confirmar la expresión proteica en muestras de pared folicular y de glándula adrenal. Además, se realizó un ensayo in vitro mediante cultivo de pared de folículos terciarios grandes, estimulados con ACTH en presencia de Metirapone, un inhibidor de la síntesis de GCs, para determinar la funcionalidad de CYP11B1. Se detectó la expresión génica de CYP11B1 en ambos tipos de células en los folículos analizados. Por western blot se obtuvo una banda a 48KDa, correspondiente a la enzima CYP11B1, confirmando la traducción del ARNm detectado por PCR. Por otro lado, se obtuvo una concentración aumentada de 17-hidroxiprogesterona y disminuida de cortisol en el medio de cultivo de las muestras estimuladas con Metirapone, indicando que la actividad de CYP11B1 estaría inhibida por el mismo. Estos resultados demuestran la presencia de la enzima CYP11B1 en el ovario bovino, confirmando que podría existir un mecanismo de acción directa del estrés a través de la síntesis local de GCs. Estas hormonas, a través de sus efectos antiinflamatorios, podrían estar implicadas en mecanismos reguladores relacionados con la ovulación, la esteroidogénesis ovárica y la función luteal.

- 021 (616) PARTICIPACIÓN DEL SISTEMA ENDO-CANNABINOIDE EN LA REGRESIÓN INTRAGESTACIONAL DEL CUERPO LÚTEO DURANTE LA REABSORCIÓN EMBRIONARIA INDUCIDA POR LIPOPOLISACÁRIDO**
Julietta Aylén Schander; Julieta Blanco; Cora Cymeryng; Mara Victoria Bariani; Julieta Aisemberg; Ana Paula Dominguez Rubio; Manuel Luis Wolfson; Ana Mara Franchi CEFYBO

Entre las numerosas vías de señalización implicadas en la interfaz materno-fetal se encuentra el sistema endocannabinoide (SEC), que ha sido implicado en la fisiopatología de la preñez. En nuestro laboratorio desarrollamos un modelo murino de reabsorción embrionaria (RE) donde la administración de lipopolisacárido (LPS) produce un 100% de RE. Asociado a este proceso se observa niveles de progesterona (P) sérica disminuidos, aumento del óxido nítrico y las prostaglandinas uterinas y de los niveles plasmáticos de anandamida, el EC más abundante en el sistema reproductivo. El objetivo del presente trabajo es estudiar si el SEC participa de la RE inducida por LPS. Para ello se suministró LPS (0,5 µg/g de peso) a ratones wild type (WT) y knockout para el receptor de cannabinoides de tipo 1 (KO). Esta dosis produce mayores porcentajes de RE en los animales WT (69,4±22,0%) que en los KO (3,4±1,4%) y una mayor disminución en la P circulante en animales WT (61%) que en los KO (42%). En roedores, el cuerpo lúteo (CL) es el encargado de mantener los niveles de P durante toda la preñez y su función se regula principalmente por la prolactina (PRL) y la prostaglandina F2 α (PGF2 α) uterina. Por ello cuantificamos los niveles de prostaglandina F2α uterinas, y la expresión del mensajero y la proteína COX-2, principal enzima encargada de su síntesis. Todos los parámetros se vieron aumentados en animales WT tratados con LPS pero no en los KO (p<0,05). Por otro lado la expresión del mensajero del receptor de PRL disminuyó por el tratamiento con LPS en animales WT y no en los KO (p<0,05). Asimismo se observó mayor cantidad de CL en regresión, 48h post tratamiento con LPS, en animales WT que en los KO. Estos resultados evidencian que el SEC está involucrado en procesos asociados al mantenimiento de la preñez y que su desregulación inducida por LPS está influenciada por alteraciones en el sistema endócrino.

NEUROCIENCIAS 1

- 022 (15) HMGB-1 Y LOS RECEPTORES TOLL-LIKE (TLR2 Y TLR4) PARTICIPAN EN LA SOBREVIDA NEURONAL A TRAVÉS DE FACTORES SOLUBLES ASTROGLIALES**
Gerardo Ariel Rosciszewski; Jeronimo Lukin; Vanesa Cadena; Veronica Murta; Alberto Javier Ramos
 IBCN

Luego de un daño isquémico cerebral, la difusión de mediadores tipo DAMP (Damage Associated Molecular Pattern) como

HMGB-1 produce la activación de la inmunidad innata, que está mediada por astrocitos, microglía y células infiltrantes de la periferia (BIC). Esta interacción determina la gliosis reactiva, que puede ser benéfica para la sobrevida neuronal o generar un entorno proinflamatorio neurodegenerativo. Para estudiar la participación de HMGB-1 y sus receptores TLR2 y TLR4 en la gliosis reactiva y sus efectos en la sobrevida neuronal, utilizamos animales sometidos a isquemia focal por devascularización cortical y cultivos primarios astrogliales, microgliales o neuronales. La isquemia cerebral in vivo o la exposición a privación de oxígeno y glucosa in vitro indujeron la expresión de TLR2 y TLR4. El tratamiento de los cultivos con diferentes dosis de HMGB-1 (50-500 ng/ml) mostró la activación de NF-KB y la gliosis reactiva, aunque la expresión de genes por RT-PCR evidenció un perfil antiinflamatorio glial. Los medios condicionados por astrocitos expuestos a HMGB-1 fueron capaces de convertir a la microglia al fenotipo M2 (antiinflamatorio), de acuerdo al perfil de expresión de iNOS, TGFbeta, TREM-2, IL1B, IL6, y facilitar la sobrevida de neuronas corticales analizada por MTT, un efecto parcialmente atenuado por el uso del inhibidor específico de TLR2 y TLR4 (VGX-1027). En concordancia con estos resultados, la exposición a los medios condicionados por astrocitos tratados con HMGB-1 indujo un incremento en la sinaptogénesis analizada a través de la abundancia de puntos sinápticos por neurona. Nuestros resultados indican que la exposición a HMGB-1 induce gliosis reactiva en un perfil que facilita la sobrevida neuronal y convierte a la microglia hacia el fenotipo antiinflamatorio M2, demostrando que el contexto celular y la secreción de mediadores solubles es clave para determinar los efectos pro-sobrevida o detrimentales de la gliosis reactiva. Subsidios: PICT 2012-1424, UBACYT

- 023 (227) DIFERENCIACIÓN DE CÉLULAS MADRE NEURONALES INDUCIDA POR LÍPIDOS**
Aneley N. Montaner; Javier Girardini; Claudia Banchio
 IBR

Las células madre neuronales (NSCs) tienen el potencial de generar todos los tipos celulares presentes en el Sistema Nervioso Central. En el organismo adulto existen NSCs que se activan para regenerar el tejido nervioso ante un daño traumático o patológico, sin embargo, esta capacidad es parcial ya que el tejido no logra repararse completamente. Resulta por ello importante identificar moléculas capaces de potenciar el proceso de diferenciación de NSCs. Como objetivo proponemos analizar el rol de lípidos, particularmente Fosfatidilcolina (PC) y Fosfatidiletanolamina (PE) como moléculas de señalización capaces de regular la diferenciación de NSCs. Como modelo de estudio utilizamos NSCs aisladas de la corteza de cerebros de embriones de ratón de 13 días de gestación y propagadas en cultivos de neuroesferas. Para el análisis de diferenciación, las células fueron tratadas con PC (50µM) y PE (50µM), e incubadas durante 3 días. La identidad celular se analizó por técnicas de inmunofluorescencia utilizando marcadores específicos de neuronas (β-III tubulina), astrocitos (GFAP), oligodendrocitos (Olig2) y progenitores (Nestina). El análisis cuantitativo demostró que el agregado de PC provoca un aumento significativo en el número de células que expresan β-III tubulina mientras que PE induce un aumento en células GFAP positivas (T de Student, p<0.05). Utilizando la técnica de microscopía de lapso de tiempo, pudimos determinar que el número de células en activa división (proliferación de progenitores), el modo de división celular (mediante la construcción de árboles filogenéticos) y la supervivencia no se modifica al agregar PC o PE respecto a la condición control. Estos resultados sugieren que cada fosfolípido ejerce un efecto inductor de la diferenciación de NSC hacia un determinado linaje el cual es independiente de la proliferación celular y de la supervivencia.

- 024 (288) CAMBIOS DE LA NEUROESTEROIDOGÉNESIS EN LA ENCEFALITIS AUTOINMUNE EXPERIMENTAL. EFECTO DEL TRATAMIENTO CON PROGESTERONA (PROG)**
Laura Inés Garay^{1,2}; Paula González Giqueaux¹; M Claudia González Deniselle^{1,2}; A.F De Nicola^{1,2}
 IBYME-CONICET¹ Fac Medicina-UBA²

La encefalitis autoinmune experimental (EAE) es el modelo más aceptado de Esclerosis Múltiple (EM). Diversas evidencias sugieren un rol de las hormonas esteroides en la incidencia, progresión y severidad de la EM. Previamente describimos efectos beneficiosos de la PROG en la EAE. El objetivo de este trabajo fue estudiar la expresión del ARNm de proteínas y enzimas esteroideogénicas involucradas en la síntesis de PROG y estrógenos en la médula espinal de animales EAE así como el efecto del tratamiento con PROG en la expresión de las mismas. Se analizaron por qPCR los ARNm para: la proteína reguladora de la esteroideogénesis aguda (StAR), la proteína translocadora TSPO, y el canal de aniones dependiente de voltaje (VDAC) en ratones EAE y controles. Además, se estudió la expresión genética de las enzimas 3β -hidroxiesteroide deshidrogenasa (3β HSD), 5α -reductasa (5α R) y aromataza (ARO). Los EAE mostraron una significativa disminución de las proteínas StAR, VDAC, 5α R y ARO mientras que aumentó la expresión de TSPO, sin cambios en la 3β HSD. El tratamiento con PROG (pellet s.c 100mg) fue capaz de revertir estas alteraciones. Así, se observó un aumento significativo del ARNm para StAR (veces de aumento: CTRL:1.01 \pm 0.061, EAE: 0.60 \pm 0.09, EAE+PROG: 0.95 \pm 0.07; p=0.01) y VDAC (CTRL:1.05 \pm 0.28, EAE: 0.22 \pm 0.02, EAE+PROG: 0.91 \pm 0.14; p=0.03), mientras que TSPO disminuyó (CTRL:1.00 \pm 0.05, EAE: 5.88 \pm 1.18, EAE+PROG: 3.14 \pm 0.86; p=0.06). En agregado, PROG incrementó la expresión de 5α R (CTRL:1.00 \pm 0.04, EAE: 0.39 \pm 0.05, EAE+PROG: 1.02 \pm 0.096; p<0.0001) mientras que no modificó la 3β HSD. Conclusión: los ratones EAE presentaron deficiencias en la expresión de enzimas neuroesteroideogénicas, en coincidencia con una mayor severidad de síntomas clínicos, mientras que el tratamiento con PROG normalizó significativamente estas alteraciones. Estas acciones junto a su efecto neuroprotector y antiinflamatorio, posicionan a este esteroide como una alternativa terapéutica en la EM.

025 (293) LA NESTORONA, UN AGONISTA DEL RECEPTOR DE PROGESTERONA, PREVIENE LA INFLAMACIÓN Y NEURODEGENERACION EN UN MODELO ANIMAL DE LA ESCLEROSIS LATERAL AMIOTROFICA

María Meyer¹; María Claudia Gonzalez Deniselle¹²; Laura Garay¹²; Regine Sitruk-Ware³; Rachida Guennoun⁴; Michael Schumacher⁴; Alejandro Federico De Nicola¹²
 IBYME¹ Facultad de Medicina, UBA² The Population Council and Rockefeller University, New York³ Inserm and Université Paris-Sud, France⁴

El ratón Wobbler (Wr) presenta degeneración de motoneuronas espinales, astrogliosis y microgliosis. Para prevenir estas anomalías, empleamos Nestorona, un superagonista del receptor de progesterona empleado en contracepción pero que también posee propiedades neuroprotectoras en modelos de isquemia cerebral y desmielinización. Wr genotipificados de 5 meses de edad (wr/wr) recibieron s.c 200 mg/día/ratón de Nestorona en aceite de ricino por 10 días o vehículo solamente. Ratones controles (Ctl) NFR/NFR recibieron solo vehículo. Los Wr sin tratamiento (Tto) presentaron anomalías de la médula espinal, tales como motoneuronas vacuoladas, disminución de la inmunoreactividad para la colina-acetiltransferasa, disminución de la glutamina sintetasa, aumento de la proteína ácida fibrilar de la glía (astrocitos GFAP+) y alteraciones en los estadios clínicos de la enfermedad (manos atrofiadas y dedos en flexión). El tratamiento con Nestorona en Wr retrasó la progresión de estas alteraciones. Además, los Wr no tratados expresaron microgliosis Iba1+ (p<0.001 vs Ctl), altos niveles del ARNm para CD11b, marcador de microglía, (p<0.05 vs Ctl) y aumento del ARNm de los marcadores proinflamatorios TNFa (p<0.001 vs Ctl) e iNOS (p<0.01 vs Ctl). Estos parámetros se normalizaron en los Wr+Nestorona (Iba1+; p<0.001 vs. Wr sin Tto; CD11b; p<0.01; TNFa; p<0.01; iNOS; p<0.01). El ARNm para NFkB aumentó en la médula espinal de los Wr sin Tto (p<0.05 vs Ctl) y disminuyó con Nestorona (p<0.05 vs Wr sin Tto). La expresión del ARNm para su inhibidor Ikb α aumentó en los Wr Nestorona vs. Ctl y Wr sin Tto (p<0.05 vs Ctl; p<0.05 vs. Wr sin Tto). Conclusiones: (a) la neuroinflamación jugaría un papel importante en la neurodegeneración; (b) la Nestorona antagoniza los mediadores proinflamatorios y previene el desarrollo de microgliosis y astrogliosis frenando la neuropatología de la médula espinal del Wr.

026 (385) EFECTO DEL HIPERTIROIDISMO SOBRE LA EXPRESIÓN HIPOTALÁMICA DE LOS MIEMBROS DE LA CASCADEA DE SEÑALIZACIÓN DE PRL EN RATAS LACTANDO

Gisela E. Pennacchio¹; Marta Soaje¹³; Graciela A. Jahn¹; Susana R. Valdez¹²
 IMBECU¹ Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, UNCuyo² Facultad de Ciencias Médicas, UNCuyo³

El hipertiroidismo (HiperT) produce bloqueo parcial de la eyección láctea en ratas lactando, que podrían resultar del desbalance en la actividad dopaminérgica hipotalámica. La dopamina es el principal regulador tónico-inhibitorio de la secreción de PRL y la tirosina hidroxilasa (TH) limita su biosíntesis. La expresión de TH es estimulada por PRL, por un mecanismo de retrocontrol corto que regula su propia secreción. Estudiaremos los efectos del HiperT sobre la expresión de los principales miembros de la cascada de señalización de PRL en hipotálamo medio basal (HMB) en ratas en lactancia establecida. Se usaron ratas Wistar controles (Co) e HiperT en el día 12 de lactancia (L12) sacrificadas a las 16 hs. El HiperT se indujo por inyección de T4 0.25 mg/kg/día s.c. hasta el día 18 de gestación y luego de T4 0,1 mg/kg/día s.c. Ratas Co e HiperT se separaron de sus crías durante 8h (S) y otros grupos fueron separadas por 8 h y luego se repusieron las crías durante 30 minutos (succión aguda: Scs). Se diseccionó el HMB y por Western blot se determinó la expresión de TH fosforilada (p-TH), Stat5b y CIS respecto a tubulina. La leche obtenida se determinó por la diferencia de peso de la camada antes y luego de la succión. La ganancia de peso en las Co fue 7,35 \pm 1,35 g por camada de 8 crías luego de la succión mientras que en las HiperT fue 1,58 \pm 0,48 g (p< 0.001). La expresión del activador Stat5b aumentó solo en las HiperT Scs (p<0.01 vs HiperT S). Para CIS, una proteína inhibidora de la vía, se observó aumento solo en las Co Scs (p<0.05 vs Co S). La pTH aumentó su expresión proteica en las Co Scs (p<0.001 vs Co S) y menos en las HiperT (p<0.05 vs HiperT S). En conclusión, en ratas HiperT, en respuesta al estímulo de la succión y/o niveles elevados de PRL se induce la expresión del activador Stat5b y no induce la del modulador negativo CIS, sugiriendo una reactividad elevada de la vía de PRL en las neuronas hipotalámicas dopaminérgicas, lo que comprometería la lactancia.

027 (630) LA CONDUCTA SOCIAL Y EL BALANCE NCAM/PSA-NCAM COMO BLANCOS DE ACCIÓN DE LA FLUOXETINA

Martín Gabriel Codagnone¹²; Nonthué Alejandra Uccelli¹; María Fernanda Podestá¹²; Marianela Evelyn Traetta¹²; Analía Reines¹²
 IBCN¹ Cátedra de Farmacología, Fac. de Farmacia y BioQuímica-Univ. de Buenos Aires²

Los trastornos del espectro autista (TEA) son desordenes del neurodesarrollo caracterizados por alteraciones en la comunicación verbal y no verbal, un déficit en la interacción social y la presencia de conductas repetitivas y estereotipadas. De etiología desconocida, los TEA se presentan como un complejo entramado de factores genéticos y ambientales que modifican la funcionalidad sináptica. La ausencia de tratamiento específico reclama la identificación de nuevos blancos moleculares. En este contexto, la molécula de adhesión celular neuronal (NCAM) emerge como un candidato potencial. En el modelo de TEA por administración de ácido valproico (VPA) durante la gestación, describimos un aumento de NCAM y un descenso de su forma polisialilada (PSA-NCAM) en áreas relevantes para la patología como la corteza prefrontal medial (mPFC) y el hipocampo. Por su potencial para inducir remodelado sináptico, en el presente trabajo estudiamos el balance NCAN/PSA-NCAM y las conductas nucleares de los TEA como blancos de acción de la fluoxetina (F). Los animales que recibieron VPA o solución fisiológica (C) durante la gestación se trataron con 10 mg/kg (sc) de fluoxetina (C-F, VPA-F) o solución salina (CS, VPA-S) entre los días postnatales 16-30. En los animales VPA, la F corrigió las conductas repetitivas-estereotipadas,

previno el déficit exploratorio, normalizó la exploración social y ejerció beneficios parciales sobre la conducta social de juego. Mientras que en la mPFC la F corrigió el desbalance NCAM/PSA-NCAM sin alterar los niveles anormalmente aumentados del marcador sináptico sinaptofisina (SIN), en el hipocampo no modificó dicho balance aunque incrementó dramáticamente los niveles de SIN. Los resultados indican beneficios de la F sobre las conductas nucleares de los TEA y señalan al balance NCAM/PSA-NCAM y al remodelado sináptico como blanco de acción del fármaco en la mPFC y el hipocampo, respectivamente.

MEDICINA REGENERATIVA Y TERAPIA CELULAR

028 (9) REPROGRAMACIÓN CELULAR MEDIADA POR IPSC O POR INTERMEDIARIOS NO PLURIPOTENTES PARA LA GENERACIÓN DE CARDIOMICITOS

Micaela Lopez Leon¹; Marianne Lehmann¹; Santiago Hase²; Regina Coeli Dos Santos Goldenberg³; Vctor Romanowski²; Rodolfo G. Goya¹
INIBIOLP, Facultad de Medicina, UNLP¹ IBBM, UNLP² UFRJ, Rio de Janeiro³

La obtención de células madre pluripotentes inducidas (iPSC) constituye un logro de enorme potencial clínico ya que las iPSC pueden diferenciarse a estirpes celulares de interés clínico. En tal sentido la generación de cardiomiocitos (CM) a partir de iPSC derivadas del propio paciente resulta de gran interés para el tratamiento del infarto de miocardio. En el presente estudio establecimos un protocolo de diferenciación de iPSC a CM. Inicialmente se generaron iPSC humanas a partir de cultivos de eritroblastos de sangre periférica que fueron transducidos con cuatro vectores derivados del Sendai virus, cada uno portando uno de los genes de pluripotencia *sox2*, *c-myc*, *klf4* y *oct4* (genes de Yamanaka). Quince días después de la transducción se observaron colonias de iPSC que se aislaron, expandieron y caracterizaron por citometría de flujo para analizar la presencia de marcadores de superficie celular y factores de transcripción propios de iPSC, y por RT-PCR, para identificar la expresión endógena y exógena de genes específicos de iPSC. Una vez establecidas las líneas de iPSC, se buscó poner a punto un protocolo para diferenciarlas a CM. Se emplearon diferentes combinaciones de factores de diferenciación en los medios de inducción a mesodermo temprano y a progenitores cardíacos, encontrándose que la combinación óptima es la de Activina A/BMP4 (día 1); XAV (día 4). Este protocolo de diferenciación se utilizará como base para establecer una estrategia de reprogramación directa a CM mediada por los cuatro genes de pluripotencia arriba mencionados, que se basa en la construcción y utilización de un plásmido regulable que expresa los 4 genes de Yamanaka y el gen de la GFP. Dicho plásmido permite la generación de fibroblastos epigenéticamente inestables (EI) que pueden diferenciarse a CM. Se describirá nuestro avance en este proyecto. La reprogramación mediada por intermediarios EI es un método prometedor por su relativa sencillez y costo moderado.

029 (185) ACTIVACIÓN DEL GEN ENDÓGENO DE INSULINA HUMANA (INS) MEDIANTE EL USO DEL SISTEMA CRISPR-ON

Carla A Giménez¹; Marcelo Ielpi¹; Adrian Mutto²; Luis Grosembacher³; Pablo Argibay¹; Federico Pereyra Bonnet¹
ICBME, Instituto Universitario del Hospital Italiano¹ Laboratorio de Biotecnología Aplicada a la Reproducción Animal, IIBINTECH, UNSAM-CONICET² Servicio de Endocrinología y Medicina Nuclear del Hospital Italiano de Buenos Aires³

El sistema CRISPR-on es un nuevo y poderoso sistema de activación transcripcional dirigido y puntual. El sistema consiste en una nucleasa inactivada (dCas9) fusionada a dominios de activación (VP160) y ARN guías (gARNs), que co-expresados en un vector forman un complejo que reconoce una secuencia blanco y activa un gen específico. Nuestro objetivo fue activar la expresión del gen endógeno de INS humana mediante el uso del sistema CRISPR-on. Para ello se diseñaron y clonaron en

el vector guía (Addgene #47108) 4 gARNs que hibridan con el promotor proximal de INS. Los gARNs fueron co-transfectados con el vector activador (Addgene#48226) en células HEK293T. Mediante RT-PCR y RT-qPCR demostramos que nuestro sistema CRISPR-on activó el gen INS y que el uso en conjunto de los 4 gARNs tuvo un efecto sinérgico comparado con el uso de gARNs individuales ($P < 0.05$). Asimismo, en un ensayo de dinámica de expresión se observó que el efecto activador se mantiene durante 30d. Mediante PCR-bisulfito seguida de secuenciación, observamos que el promotor de INS se mantuvo hipermetilado inclusive luego de su activación. Sin embargo, mediante el análisis de ChIP observamos un incremento en los niveles de H3K9ac, una marca epigenética relacionada con la activación. Finalmente, debido a su potencial uso terapéutico, demostramos que el sistema CRISPR-on, también activó la expresión del gen de INS en dos líneas in vitro de fibroblastos de pacientes con diabetes tipo 1. En conclusión, nuestros resultados demuestran que CRISPR-on puede utilizarse para activar el gen de INS humana y que la utilización de varios gARNs aumenta su eficiencia. Asimismo, nuestros resultados sugieren que CRISPR-on actúa en forma independiente del estado de metilación del promotor y modifica la acetilación en Histonas. El sistema CRISPR-on es una novedosa herramienta para el análisis de las funciones génicas, las técnicas de reprogramación celular y en última instancia para futuros ensayos de Terapia Epigenética.

030 (262) DETERMINACIÓN DEL MIRNOMA INVO-LUCRADO EN LA DIFERENCIACIÓN A MESODERMO Y A CARDIOMICITOS A PARTIR DE CÉLULAS MADRE PLURIPOTENTES HUMANAS

Ximena Garate¹; Leonardo Romorini¹; Gabriel Neiman¹; Natalia Lucia Santin¹; Fernanda Mesquita¹²; Carlos Luzani¹; Gustavo Sevlever¹; Santiago Miriuka¹

Fundación para la Lucha contra las enfermedades Neurológicas de la Infancia¹ Instituto de Biofísica Carlos Chagas Filho, Universidade Federal do Rio de Janeiro – RJ – Brazil²

Las células madre pluripotentes tienen la capacidad de diferenciarse a casi todos los tejidos adultos (ecto, meso y endodermo). En los últimos años se ha comenzado a estudiar el rol que cumplen los microARNs como reguladores clave de la expresión génica en diversos procesos biológicos, como por ejemplo durante la diferenciación celular. En el presente trabajo nos proponemos identificar qué microARNs (nuevos y conocidos) participan en la diferenciación a mesodermo y hacia el linaje cardíaco a partir de células madre pluripotentes (CMP) humanas. Mediante la secuenciación masiva de los pequeños ARNs (RNAseq) y qPCR estudiamos el perfil de expresión de los microARNs en las siguientes poblaciones: células indiferenciadas, progenitores de mesodermo temprano y en cardiomiocitos inmaduros. A partir del análisis bioinformático identificamos 3 grupos de microARNs que se expresan diferencialmente en cada una de las poblaciones. Entre ellos, encontramos un gran cluster de microARNs localizados en el cromosoma 19, llamado C19MC. Realizamos un análisis bioinformático de este cluster y encontramos genes targets que regulan el ciclo celular y la transición epitelio mesenquimal, entre otras funciones relevantes en las CMP. Una gran parte de los microARNs que pertenecen a dicho cluster poseen un alto nivel de expresión en las células indiferenciadas, y luego caen en la población del progenitor de mesodermo temprano y se mantienen bajos en los cardiomiocitos. Encontramos además que, microARNs de la familia miR-371 ubicados en cercanías de este cluster comparten varios genes target y se regulan de manera similar. En conclusión, describimos en este trabajo la expresión de los microARNs que regulan la diferenciación mesodérmica y cardíaca, particularmente los contenidos en el C19MC.

031 (295) FRACCIÓN ESTROMAL VASCULAR DE TEJIDO ADIPOSO Y PLASMA RICO EN PLAQUETAS EN MEDICINA REGENERATIVA: EFECTO SOBRE LA CICATRIZACIÓN DE LESIONES CUTÁNEAS

Santa María, Victoria; Vidal, Luciano; Di Ciano, Luis Alberto; Gonzales Mansilla, Noelia Luz; Paz, Leonardo Agustín;

De Vito, Eduardo Luis; Goette, Nora Paula; Azurmendi, Pablo Javier
IDIM

La inadecuada cicatrización de heridas puede comprometer el estado clínico del individuo. Las células de la fracción estromal vascular (FEV) de tejido adiposo poseen capacidad proliferativa y de diferenciación multilineal, mientras que el plasma rico en plaquetas (PRP) promueve la proliferación celular, la angiogénesis y el depósito de colágeno. El efecto de FEV y/o PRP sobre la cicatrización de heridas cutáneas es aún materia de debate. Para evaluar la utilización de FEV, PRP y su asociación en la reparación de heridas cutáneas se utilizaron 15 ratas Wistar macho adultas con 2 heridas de 1cm² en el dorso. Una herida se trató con FEV, con PRP o con FEV+PRP (según grupo) y la contralateral con sol. Ringer lactato. El FEV se extrajo de grasa inguinal autóloga por digestión con colagenasa I y el PRP por centrifugación controlada de sangre con citrato obtenida de la arteria facial. Se midió el tiempo de cerrado de la herida y se analizaron sus características histológicas a los 15 y 30 días posteriores al cierre completo. FEV mostró efectividad sobre la cicatrización, acelerando el cierre completo respecto de la herida control (13.6±1.0 vs 15.6±0.7 días, p<0.05) y se observó una tendencia en FEV+PRP (13.5±1.0 vs 15.5±1.9). Se demostró la capacidad pluripotencial y proliferativa de las células del FEV por obtención de células fibroblastoideas en cultivo, capaces de diferenciar a tejido adiposo y cartílago (coloraciones de Oil Red y Alcian Blue). El tratamiento con FEV mejoró la recomposición de la histoarquitectura respecto del PRP: mayor densidad vascular a los 15 días y menor a los 30 (p=0.036 y p=0.009); más pliegues (p=0,02) y dermis más gruesa a los 30 días (p=0,03). En este modelo, el FEV disminuyó el tiempo de cicatrización y mejoró la calidad de la cicatriz, mientras que el uso de PRP - solo ó asociado a FEV - no mostró efecto beneficioso. El tratamiento con FEV podría mejorar el proceso de cicatrización de heridas.

032 (465) CARACTERIZACIÓN DE EXOSOMAS AISLADOS DE CÉLULAS MADRE PLURIPOTENTES Y CÉLULAS MADRE MESENQUIMALES DERIVADAS DE PLURIPOTENTES
Carlos Luzzani¹; Lucia Moro¹; Ximena Garate¹; Gabriel Neiman¹; Leonardo Romorini¹; Marcela Garcia²; Ana Lia Errecalde²; Gustavo Sevelever¹; Santiago Miriuka¹
LIAN - CONICET, FLEN¹ Cátedra de Citología, Histología y Embriología "A", Depto de Cs. Morfológicas, F. Cs. Médicas, UNLP²

Los exosomas son vesículas de entre 100-150 nm secretadas por diversos tipos celulares que constituyen una forma de comunicación entre las células. El objetivo de este trabajo fue caracterizar los exosomas de Células Madre Pluripotentes (CMP) y Células Madre Mesenquimales derivadas de CMP (CMM-DP), no descriptos hasta el momento. Encontramos que tanto las CMP como las CMM-DP expresan marcadores exosomales en su membrana (CD9 y CD81) en niveles similares a las CMM de cordón umbilical (CMM-CU). No obstante, los exosomas de CMP presentan menos CD9 y CD81 que los de CMM-CU. Por otra parte, analizamos el perfil de integrinas de los exosomas de CMP y CMM-DP ya que los exosomas de CMM-CU suelen presentar estas proteínas en su membrana. Se determinó que en ambos casos el perfil de integrinas de los exosomas difiere del de las células que les dieron origen. Mediante qPCR se encontró también que los exosomas de CMP son ricos en mRNA de OCT4 y NANOG, y en micro RNAs característicos de células pluripotentes (miR205 y la familia del miR302), comparados con los de CMM. Además, analizamos los niveles de mRNA de otros genes como TGF- β , IL-6, PD-1 y PDL-1, moléculas relacionadas con la capacidad inmunomoduladora de CMM-CU y CMM-DP; y los niveles de miR145, característicos de diferenciación celular. Por último, estudiamos la cinética de entrada de los exosomas de CMP-CU marcándolos con un colorante fluorescente y comprobamos, por qPCR, que los mismos son capaces de introducir mRNA de OCT4 y NANOG en fibroblastos. En conclusión, los exosomas de CMP difieren de los de CMM-DP y de los de CMM-CU en sus marcadores de membrana, incluyendo

los marcadores típicos, CD9 y CD81. Además contienen mRNA de OCT4, NANOG y TGF- β en concentraciones similares a las encontradas en el citoplasma de CMP. Finalmente, los exosomas de CMP son capaces de introducir mRNA endógenos en células diferenciadas, sugiriendo que estas vesículas son importantes moduladores parácrinos de la respuesta celular.

033 (479) LA EXPRESIÓN DE SOD2 ES REGULADA POR OCT4 Y NANOG, FACTORES DE TRANSCRIPCIÓN ESENCIALES EN CÉLULAS MADRE PLURIPOTENTES
Claudia M Solari¹; María Victoria Petrone¹; Camila Vazquez Echegaray¹; Soledad Cosentino¹; Ariel Waisman¹; Marcos Francia¹; Emily Villodre²; Guido Lenz²; Santiago Miriuka²; Lino Barañao¹; Alejandra Guberman¹
IQUIBICEN, CONICET-UBA; Dpto. Química BIOLÓGICA, FCEN, UBA¹ Lab. de Sinalização Celular - Dpto. de Biofísica Universidade Federal do Rio Grande do Sul² LIAN, FLEN³

Los factores de transcripción (FT) Oct4, Sox2 y Nanog son esenciales en el mantenimiento de las propiedades funcionales de las células madre pluripotentes (CMP), autorrenovación y pluripotencia. Las células madre embrionarias (CME) y las pluripotentes inducidas (CMPI) poseen un complejo sistema de defensa frente al estrés oxidativo, que entre otras funciones, asegura la estabilidad genómica, que es crítica para su rol en el desarrollo. Bajo la hipótesis de que estos FT regulan la expresión de genes involucrados en diversos mecanismos celulares, como los implicados en la defensa frente al estrés oxidativo, estudiamos la modulación de la expresión de algunos de estos genes en el estado indiferenciado y en la diferenciación. En este trabajo analizamos en particular la regulación del gen Sod2. Mediante RT-qPCR, previamente observamos que su expresión disminuyó a lo largo de distintos protocolos de diferenciación, tanto en líneas de CME, Ainv15 y R1, como en CMPI. Asimismo, los FT también redujeron su expresión. Luego, generamos dos vectores reporteros pSod2.1-Luc y pSod2.2-Luc, mediante el clonado de dos fragmentos que abarcan distintas regiones del promotor de Sod2, río arriba del gen de Luciferasa. Realizamos ensayos de trans-activación en una línea celular de fibroblastos, cotransfectando estas construcciones con vectores de expresión de Oct4 y Nanog, y observamos que la actividad del promotor de Sod2 es inducida por dichos FT en ambas construcciones. Finalmente, analizamos mediante RT-qPCR la modulación de la expresión de Sod2 en CME R1 que fueron transfectadas con vectores que codifican para short hairpin RNA dirigidos contra Oct4 y Nanog. Encontramos una disminución en la expresión del gen en estudio en las condiciones de reducción de mRNA de estos FT. Creemos que un mayor entendimiento de esta regulación contribuirá a la comprensión de los mecanismos moleculares relevantes en el mantenimiento de las propiedades fundamentales y la integridad de su genoma.

034 (514) LA DIFERENCIACIÓN DE CÉLULAS MADRE EMBRIONARIAS ES REPRIMIDA POR LA INHIBICIÓN DE LA REPLICACIÓN DEL ADN E INFLUENCIADA POR LA DIVISIÓN CELULAR
Ariel Waisman¹; Camila Vazquez Echegaray¹; Soledad Cosentino¹; Claudia María Solari¹; Lino Barañao¹; Ali Bivanlou²; Alejandra Guberman¹
Fac.de Cs. Exactas, Universidad de Buenos Aires¹ Universidad Rockefeller²

Las células madre embrionarias (CME) pueden cultivarse indefinidamente in vitro manteniendo su pluripotencia, es decir, la capacidad de generar todos los tipos celulares del organismo adulto. Estas células, que se asemejan a células del epiblasto del embrión preimplantatorio, pueden rápidamente dar lugar a células similares a un estadio posterior en el desarrollo, el epiblasto postimplantatorio (EpiLCs). Esta transición, que ocurre en tan sólo 24-48 horas, ocurre concomitantemente con un cambio sustancial de los programas transcripcionales (PTs), con genes de pluripotencia naïve disminuyendo su expresión, y genes marcadores de EpiLCs siendo regulados positivamente. En este trabajo decidimos

estudiar los posibles mecanismos que regulan la transición entre las CME y EpiLCs, bajo la hipótesis de que procesos como la replicación del ADN y la división celular podrían ser importantes en el cambio de PTs. Mediante el uso del sistema reportero de ciclo celular FUCCI y análisis de microscopía por tiempo prolongado, estudiamos el ciclo celular de CME. Encontramos una llamativa correlación entre la duración del ciclo total entre células hermanas, la cual fue notablemente mayor cuando analizamos la duración de la fase G1. Luego, generamos cultivos de CME sincrónicos aprovechando las propiedades del sistema FUCCI y, mediante análisis de la expresión génica por RT-qPCR, observamos que la transición de PTs entre CME y EpiLC comienza en la misma generación celular que recibe la señal. Algunos genes, sin embargo, parecen requerir el pasaje a través de mitosis para poder modificar su actividad transcripcional. Notablemente, cuando inhibimos la replicación del ADN observamos un bloqueo en la capacidad de las células para modificar la expresión de genes en la transición hacia EpiLCs. Descifrar los mecanismos que regulan estos procesos podría ser muy importante para entender la regulación del cambio entre PTs en la diferenciación de CM pluripotentes.

PRESENTACIONES DE POSTERS

INFECTOLOGÍA, INFLAMACIÓN E INMUNOLOGÍA 1

035 (68) ESTUDIO DE PREVALENCIA DE LA VARIABILIDAD CLÍNICA DE LA ENFERMEDAD DE CHAGAS CON OTRAS PATOLOGÍAS ASOCIADAS

Bruno Selva¹; Romina Blasco²; Noemi Miler¹; Silvina Lo Presti²; Daniela Velazquez¹; Patricia Paglini²; H. Walter Rivarola²

Univ. Nac. de Cordoba Fac. de Cs. Médicas¹ INICSA²

La Enfermedad de Chagas (ECH) es un problema de salud pública. Aun no se explica completamente por qué el 30% de las personas infectadas evolucionan hacia una enfermedad cardíaca y el 70% permanece asintomático aunque con serología persistente; como tampoco la amplia variabilidad clínica. Los objetivos fueron: verificar la persistencia del T. cruzi en la fase crónica de la ECH, cuantificar la prevalencia de HTA, diabetes (DBT), alteraciones cardíacas y sintomatología en pacientes chagasicos (CH) y no chagasicos (NCH) y comprobar la sinergia entre los factores de riesgo (HTA, DBT, etc) y la ECH. Se obtuvieron muestras desangre de 67 pacientes que se clasificaron en: serología + o - para ECH: sin cardiopatía, con cardiopatía leve o severa. Serología + o - para ECH: con y sin signos sugestivos para miocardiopatía. Se correlacionaron sus antecedentes patológicos personales y síntomas en relación a su serología. Resultados: Serología: 44,8% (+) y 55,2% (-). El 50% con serología + son hipertensos, NCH un 48,6%. La prevalencia de diabéticos (DBT) con serología (-) es casi el doble que en los CH. En los CH e hipertensos (HTA) se detectó en sangre ADN de T. cruzi en un número significativamente mayor que en los individuos CH y sin HTA. Las alteraciones cardíacas en los pacientes con serología + fueron significativamente superiores que las encontradas en los individuos con serología (-). Solamente encontramos miocardiopatía dilatada en individuos CH. Un 40% de los CH con sugestiva miocardiopatía poseen niveles de títulos de anticuerpos altos. Los CH con PCR positiva (+) presentaron sintomatología moderada y severa, y los CH con PCR negativa (-) solamente evidenciaron sintomatología moderada. Conclusión: La sinergia de distintas patologías como la HTA, la DBT o la misma cardiopatía chagásica sumado a la presencia del T. cruzi en sus diferentes variantes podrían estar explicando la variabilidad clínica que presentan los CH.

036 (114) EVALUACIÓN DE LA RESPUESTA INMUNE Y PERSISTENCIA BACTERIANA IN VIVO LUEGO DE LA INFECCIÓN INTRAMAMARIA CON DOS CEPAS DE STAPHYLOCOCCUS AUREUS EN UN MODELO MURINO

Elizabet A.L. Pereyra¹; C.S. Andreotti¹; C. Baravalle¹; M.S. Renna¹; A. Dure¹; L.F. Calvino²; B.E. Dallard¹
Instituto de Ciencias Veterinarias del Litoral ICIVET-Litoral UNL-CONICET¹ EEA Rafaela, INTA²

El objetivo del trabajo fue evaluar y cuantificar componentes de la respuesta inmune innata (monocitos/macrófagos-MM) y adaptativa (linfocitos T CD4+ y CD8+ y linfocitos B) y la persistencia bacteriana in vivo luego de la inoculación intramamaria (IM) de dos cepas de *Staphylococcus aureus*, de origen bovino con características genéticas y epidemiológicas diferenciales en un modelo murino. La cepa A, aislada solo una vez durante la lactancia a partir de un animal con infección intramamaria (IIM) clínica (cepa no persistente) y la cepa B de un animal con IIM crónica aislada durante toda la lactancia (cepa persistente). Se utilizaron 3 grupos de ratones en lactancia que fueron inoculados en forma IM con las cepas A, B y solución fisiológica (control). Los ratones fueron sacrificados a diferentes tiempos, desde las 6 hs hasta 264 hs post inoculación (pi). La identificación de las células inmunes se realizó por inmunohistoquímica. Además, se evaluó la persistencia in vivo de las cepas A y B luego de la IIM, donde se obtuvieron los valores promedios de log UFC/glándulas disgregadas. La cepa A, en comparación con la B, estimuló un mayor reclutamiento de MM, linfocitos T y B a la glándula mamaria (GM) hasta las 96 hs pi ($P < 0,05$) lo cual se asoció con un mayor control del proceso infeccioso, demostrado por el menor número de bacterias recuperadas de la GM al final del ensayo. Si bien a las 118, 216 y 264 hs pi, el aflujo de MM, linfocitos T y B a la GM estimuladas por la cepa B se incrementó ($P < 0,05$), éste no fue suficiente para el control de la infección a juzgar por el alto número de UFC/ml recuperadas de la GM en estos periodos. La respuesta inmune del hospedador dirigió con cada cepa, observándose una mayor y más efectiva respuesta inicial para la cepa A con respecto a la B. Posteriormente, una segunda respuesta celular, estimulada principalmente por la cepa B, posiblemente debida a la reanudación del proceso infeccioso, que no fue efectiva para controlar la IIM.

037 (313) FOTOINACTIVACIÓN DE BACTERIAS GRAM POSITIVAS A PARTIR DE UNA NUEVA PORFIRINA SINTÉTICA

Leandro A. Mamone¹; Darío Ferreyra²; Gabriela M Di Venosa¹; Pablo Vallecorsa¹; Daniel Sáenz¹; Gustavo Calvo¹; Alcira Batlle¹; Fernanda Buzzola³; Edgardo Durantini²; Adriana G Casas¹

CIPYP¹ Univ. Nac. de Rio Cuarto² IMPaM³

La terapia fotodinámica antimicrobiana (TFDA) ha surgido como un tratamiento alternativo antimicrobiano frente al cual las bacterias no podrían desarrollar resistencia. Esta modalidad emplea una molécula fotosensibilizante (FS), que es capaz de generar especies reactivas en presencia de oxígeno luego de absorber un fotón de luz visible. Las porfirinas y sus derivados modificados sintéticamente, se encuentran entre las especies químicas usualmente empleadas como FS. En este trabajo, estudiamos la acción de una nueva porfirina: 5,10,15,20-tetrakis[4-(3-N,N-dimetilamino-propoxi)fenil]porfirina (TAPP) como FS en *S. aureus* creciendo tanto en suspensión como biopelícula. El espaciador alifático del TAPP provee gran movilidad al grupo amino, facilitando la unión a la célula bacteriana. Evaluamos la toxicidad de TAPP en oscuridad y luego de irradiar con luz blanca (fototoxicidad o TAPP-TFDA) cultivos de *Staphylococcus aureus* de la cepa RN6390 en crecimiento planctónico o en biopelículas crecidas sobre poliestireno. En los cultivos planctónicos, no registramos efectos tóxicos en oscuridad empleando concentraciones de TAPP menores a 5 µM. Usando una concentración de 2,5 µM de TAPP y una dosis lumínica de 165 J cm⁻², obtuvimos la erradicación total bacteriana (8 logs de reducción en la supervivencia de la fracción tratada vs el control sin tratar). Las biopelículas de *S. aureus* fueron menos sensibles a la fotoinactivación que los cultivos en suspensión. La toxicidad de TAPP en oscuridad se observó a concentraciones superiores a 30 µM. Luego de la irradiación (165 J cm⁻²), registramos fotoinactivación de la biopelícula empleando TAPP 20 µM, obteniendo una reducción de 2 logs en las UFC/ml. También analizamos los efectos de la TAPP-TFDA sobre biopelículas, por microscopía de fluorescencia luego de tinción con el kit LIVE/DEAD y por microscopía electrónica. Nuestros resultados indican que la TAPP-TFDA es promisorio para el tratamiento de infecciones de bacterias Gram positivas.

038 (364) EFECTOS DEL CO-TRATAMIENTO CON LA TOXINA SHIGA TIPO 2 Y LA CITOTOXINA SUBTILASA EN RATONES BALB/C. CONTRIBUCIÓN A LA PATOGENESIS DEL SÍNDROME URÉMICO HEMOLÍTICO

Alvarez, Romina Soledad; Girard, Magalí Celeste; Sacerdoti, Flavia; Ibarra, Cristina; Amaral, María Marta
Laboratorio de Fisiopatología, IFIBIO-CONICET, Facultad de Medicina, UBA.

Las infecciones por *Escherichia coli* productor de toxina Shiga (STEC) pueden causar diarrea acuosa, colitis hemorrágica y complicaciones sistémicas conocidas como Síndrome Urémico Hemolítico (SUH). En Argentina, el SUH es la primera causa pediátrica de insuficiencia renal aguda (IRA) como resultado de la destrucción de las células endoteliales y epiteliales renales por acción de la toxina Shiga tipo 2 (Stx2). Previamente, demostramos que la citotoxina Subtilasa (SubAB), identificada en cepas de STEC, disminuye la viabilidad celular por apoptosis en células endoteliales glomerulares humanas y en la línea epitelial renal HK-2. El objetivo de este trabajo se centró en estudiar los efectos *in vivo* del co-tratamiento con Stx2 y SubAB. Para ello, ratones BALB/c al momento del destete (18-21 días de edad) fueron inoculados por vía intraperitoneal con 1 ng Stx2; 0,2 µg SubAB o [1 ng Stx2 + 0,2 µg SubAB] /g de peso corporal. El grupo control fue inoculado con PBS. A continuación, se evaluó la sobrevivencia, el peso corporal y la ingesta de agua y comida. Los ratones tratados con ambas toxinas murieron en promedio a las 48 hs mientras que los tratados con Stx2 o SubAB murieron a las 72 hs (log-rank test; *p<0,001, n=7). El co-tratamiento causó una disminución significativa del peso corporal respecto a las toxinas por separado (media ± MES ([peso final – peso inicial] (g); [Stx2 + SubAB] = -0,8 ± 0,1 vs Stx2 = -0,5 ± 0,1 y SubAB = -0,5 ± 0,1; control: 0,2 ± 0,1; n=7 *p < 0,05). Este descenso del peso corporal se relaciona con una menor ingesta de comida (g) ([Stx2 + SubAB] = 0,5 ± 0,2 vs Stx2 = 1,2 ± 0,3 y SubAB = 0,9 ± 0,1; control: 2,2 ± 0,2; n=3 *p < 0,05). En relación a la ingesta de agua, no se observó diferencias significativas. Estos resultados indican que la acción conjunta de ambas toxinas induce daños más severos que podrían contribuir a la patogenia del SUH desencadenada por STEC productor de Stx2 y SubAB.

039 (365) EXPRESIÓN DE VARIANTES DEL ANTÍGENO DE SUPERFICIE DEL VIRUS HEPATITIS B (HBSAG) PARA MEJORAR LA EFICACIA DE LA VACUNA ACTUALMENTE COMERCIALIZADA

Priscila Perazzo; Nair Magalí Eguibar¹; Andrea Sordelli¹; Nicolas Rodríguez Del Valle¹; Rodrigo González²; Alejandro Nusblat²; María Lujan Cuestas¹
IMPAM¹ NANOBIOTEC - UBA-CONICET²

La circulación de mutantes del antígeno de superficie del virus hepatitis B (HBsAg) en presencia de anticuerpos anti-HBs tanto en pacientes que recibieron una adecuada inmunización activa/pasiva, como así también en individuos con hepatitis B crónica durante el curso natural de la infección constituye un importante problema de Salud Pública. D144A y G145R son las mutantes de escape más ampliamente reportadas en el mundo y no están incluidas en las vacunas anti-HBV actualmente comercializadas. Objetivos: optimizar la expresión en células eucariotas del gen *s* salvaje y mutado en las posiciones D144A y G145R y caracterizar su interacción con anticuerpos neutralizantes para HBsAg salvaje. Materiales y métodos: los genes correspondientes a HBsAg salvaje y mutado fueron sintetizados y clonados en el vector de expresión pPICZa y pTriEx®-63C/LIC y transformados en la cepa *Pichia pastoris* X-33 o transfectados en distintas células de mamífero, respectivamente (CHO, HeLa, Huh 7, HEK293). Para la transfección, se ensayaron diferentes condiciones (distintos agentes de transfección, medios de cultivos, tiempos de transfección, presencia o no de DMSO 1,25%). Para la detección del HBsAg, se tomaron muestras a distintos tiempos y se realizaron ensayos de ELISA comercial y Western blot. Se caracterizaron las VLPs y se midió la reactividad del HBsAg mutado y salvaje *in*

vitro (TEM y DLS) e *in silico*. Resultados: se logró una moderada expresión en las células HEK293 transfectadas con L-PEI con una relación N/P = 10, a las 144 h post-transfección. Con *P. pastoris*, se obtuvieron mayores niveles de expresión, y las VLPs obtenidas presentaron un tamaño aproximado de 20 nm y la reactividad con los anticuerpos anti-HBs fue variada. Conclusiones: la optimización de la expresión del HBsAg salvaje y mutado en células de mamífero y en *P. pastoris* constituye una primera aproximación para un potencial subsiguiente uso para la obtención de futuras vacunas anti-HBV con superior espectro antigénico.

040 (371) 5-EPI-ICETEXONA OBTENIDO DE SALVIA GILLIESII ES ACTIVO CONTRA TRYPANOSOMA CRUZI EN LA ETAPA AGUDA DE LA ENFERMEDAD DE CHAGAS REPRODUCIDA EN ANIMALES

Esteban Lozano¹; Mariana Strauss²; Renata Spina¹; Diego Cifuentes³; Carlos Tonn³; Walter Rivarola²; Miguel Sosa¹
IHEM-CONICET FCM UNCuyo¹ INICSA- CONICET Cát. Fís. Bioméd FCM, UNC² INTEQUI-CONICET FQBYF UNSL³

Trypanosoma cruzi, agente causal de la enfermedad de Chagas, afecta a millones de personas en Latinoamérica. La quimioterapia contra *T. cruzi* sigue siendo insuficiente debido a que las drogas disponibles, Nifurtimox y Benznidazol, tienen actividad limitada y efectos secundarios tóxicos en pacientes. En la búsqueda de nuevas terapias, los terpenoides son atractivos por su abundancia en el reino vegetal y son activos contra varios parásitos. El diterpeno 5-epi-icetexona (ICTX), obtenido de *Salvia gilliesii*, afecta las diferentes formas de desarrollo *T. cruzi*. Nos propusimos evaluar el efecto de la administración de ICTX (10 mg/kg/día) en ratones infectados con la cepa Tulahuén (Tc VI) de *T. cruzi*, simulando la fase aguda de la enfermedad. Metodología: Diferentes grupos de ratones Albino Swiss fueron utilizados: animales sin infectar, infectados sin tratamiento, o infectados y tratados intraperitonealmente con ICTX. Otro grupo de animales infectados fueron tratados oralmente con BZN (control de efecto antiparasítico). Durante 30 días de tratamiento, se analizó la parasitemia y supervivencia en los ratones. Se realizaron estudios histopatológicos a la 5ta semana de tratamiento en cada grupo. Resultados: Se observó un aumento importante en la supervivencia de ratones infectados y tratados (ICTX o BZN) con respecto a los no tratados. La parasitemia disminuyó significativamente en los ratones tratados (ICTX o BZN) con respecto a los controles. En la histopatología de músculo cardíaco y esquelético observamos la presencia de nidos de amastigotes entre las fibras musculares de los controles, acompañado de desorganización tisular e infiltrado inflamatorio. Nada de esto fue observado en los animales tratados (ICTX o BZN). Conclusiones: Demostramos que ICTX es también efectivo contra los parásitos en animales infectados, sin afectar la salud de los animales. Estos hallazgos transforman a ICTX en una prometedora droga que podría ser utilizada en el tratamiento contra la enfermedad.

041 (373) EFECTO INMUNOMODULATORIO DE UN EXTRACTO VEGETAL DE USO MEDICINAL (SMILAX CAMPESTRIS) EN CÉLULAS MACROFÓGICAS

Luciana Soledad Salaverry^{1,2}; Andrea Cecilia Parrado^{1,2}; Tomas Lombardo^{1,2}; Franco Mangone^{1,2}; Florencia Scotti^{1,2}; Ana Rugna³; Guillermo Blanco²; Teresa Gentile^{1,2}; Andrea Canelladan^{1,2}; Estela Rey-Roldan^{1,2}
Cátedra de Inmunología- Facultad de Farmacia y BioQuímica. UBA¹ IDEHU Dr R.A. Margn² Cátedra de Farmacobotánica- Facultad de Farmacia y BioQuímica. UBA³

La medicina popular se ha caracterizado por emplear diversos extractos vegetales con fines medicinales, por sus efectos anti-inflamatorios y anti-oxidantes. Entre las plantas medicinales empleadas se encuentra la "zarzaparrilla", siendo *Smilax campestris* (*S. campestris*) una especie con amplia distribución en el norte de nuestro país. En este trabajo evaluamos el efecto inmunomodulatorio de un extracto acuoso de rizomas de *S. campestris* sobre la actividad de enzimas metaloproteínasas (MMP, zimografía), la producción de anión superóxido y de glutatión (citometría

de flujo), en una línea celular monocítica-macrofágica humana THP-1 sometida a dos condiciones: ausencia (estado basal) o presencia (estado activado) del lipopolisacárido (LPS). Las células se incubaron con distintas dosis del extracto de *S. campestris* (1, 10, 100, 1000 y/o 10.000 ng ac. tánico/ml extracto) durante 24hs; en el caso de la condición activada por el lipopolisacárido adicionalmente se incubaron las células macrofágicas con LPS (1 µg/ml) durante 24hs (anión superóxido y glutatión) o 48hs (MMP). En condiciones basales, bajas concentraciones del extracto (10 ng/ml) incrementan la actividad MMP-9 ($p < 0,01$), efecto que correlaciona con un aumento en los niveles de anión superóxido ($p < 0,05$), sin modificar los niveles de la molécula antioxidante glutatión. Contrariamente, en células macrofágicas en estado activado, altas dosis de extracto (100 y 1000 ng/ml) disminuyen la actividad de MMP-9 inducida por LPS ($p < 0,01$), consistente con el efecto antiinflamatorio descrito en la bibliografía, sin observarse cambios en los niveles de glutatión. De esta forma, sugerimos un efecto inmunomodulatorio del extracto acuoso de *S. campestris* sobre la actividad de células macrofágicas.

- 042 (423) DESARROLLO DE MÉTODOS PARA DETERMINAR PERFILES PROTEÓMICOS Y ACTIVIDADES DE QUINASAS AFECTADOS EN EL CITOPLASMA DE MACRÓFAGOS HU-MANOS INFECTADOS CON MYCOBACTERIUM AVIUM PARA IDENTIFICAR NUEVOS BIOMARCADORES PROTEICOS Y CARACTERIZAR BLANCOS TERAPÉUTICOS**
 Cristian Jorge Alejandro Asensio^{1,2}; Rodolfo C. García²
 BIOMED¹ ICGEB, TRIESTE, ITALIA²

La tuberculosis, infección crónica con mycobacterias, no puede controlarse satisfactoriamente a nivel mundial por diversos motivos incluyendo la proliferación de cepas multi-resistentes a antibióticos. Identificar nuevos biomarcadores proteicos y nuevos blancos terapéuticos en las células infectadas ayudaría a modular la respuesta inmune a favor de ellas, independientemente de los antibióticos. Con este fin desarrollamos nuevos métodos proteómicos comparativos y de alta sensibilidad y otros bioquímicos, para buscar sistemáticamente alteraciones inducidas por la infección mycobacteriana en los perfiles de quinasas y de proteínas en macrófagos. Nos enfocamos en el citoplasma, compartimiento donde residen crónicamente las mycobacterias alterando un gran número de vías de señalización. La búsqueda fue orientada a identificar algunos blancos proteicos de la acción disruptiva del *Mycobacterium avium* como modelo. La estrategia general consistió en el análisis sistemático de células de la línea humana THP-1, infectadas durante distintas longitudes de tiempo, hasta días. Utilizamos ensayos radioactivos in vitro para marcar diferencialmente proteínas en las fracciones citoplásmicas. Los optimizamos para usar preferencialmente la actividad de quinasas de interés. El objetivo fue buscar diferencias reproducibles en los perfiles de proteínas marcadas in vitro utilizando geles 1D o 2D y comparando con células no tratadas o ingiriendo partículas de latex. Usando inhibidores peptídicos y químicos identificamos las quinasas involucradas en el marcado in vitro de las proteínas expresadas diferencialmente. Con otro método basado en arrays dispuestos en papel P81 con 600 posiciones, las actividades de quinasas relevantes fueron comparadas. Estos procedimientos permitieron la comparación simultánea de varias quinasas en citosoles y membranas y el hallazgo de nuevos biomarcadores proteicos afectados reproduciblemente en sus niveles de expresión debido a la infección. Fondos ICGEB.

- 043 (457) SE RETIRÓ EL RESUMEN**

- 044 (466) DIVERSIDAD GENÉTICA DE CEPAS DE STAPHYLOCOCCUS AUREUS AISLADAS DE INFECCIONES INTRAMAMARIAS PERSISTENTES Y NO PERSISTENTES Y SU ASOCIACIÓN CON LA PRESENCIA DE GENES DE VIRULENCIA Y LA PRODUCCIÓN DE BIOPELÍCULA**
 Sofía Clara Sacco¹; Elizabet Amanda Pereyra¹; María Sol Renná¹; Carolina Soledad Andreotti¹; Cecilia María Camusone²; Luis Fernando Calvino²; Bibiana Elisabet Dallard¹
 Laboratorio de Biología Celular y Molecular Aplicada, ICIVET-Litoral, UNL-CONICET¹ EEA Rafaela, INTA²

El objetivo de este trabajo fue evaluar la diversidad genética de cepas de *S. aureus* aisladas a partir de infecciones intramamarias (IIM) bovinas persistentes (P) y no persistentes (NP) y establecer asociaciones con la presencia de genes *cap*, *ica*, *agr*, *bap*, *bla_Z* y la producción de biopelícula. Se seleccionaron 33 cepas de *S. aureus* aisladas a partir de leche de bovinos con IIM clínicas y subclínicas. Las cepas aisladas solo una vez durante la lactancia fueron consideradas NP (n=25) y aquellas aisladas a partir de 3 muestreos consecutivos cada 21 días fueron consideradas P (n=8). La diversidad genética se evaluó por macrorestricción con *Sma*I y posterior electroforesis en campos pulsados (PFGE), la presencia de genes de virulencia por PCR y la cuantificación de la producción de biopelícula en microplaca. La evaluación por PFGE discriminó 25 pulstipos (PT) que fueron designados con letras (A-Y). El PT-Q estuvo representado por 6 cepas NP (19%), el PT-C representado por 2 cepas NP (6%) y el resto de los PT representados por una única cepa. Del total de cepas, 44% (14/32) fueron positivas a *cap5*, 48% (16/33) positivas a *cap8* y 6% (2/33) negativas para ambos genes. El 97% (32/33) fueron positivas para *icaA* e *icaC* y el 100% (33/33) positivas para *icaD*. El 97% (30/31) se identificaron como *agr*I y el 3% (1/31) como *agr*II; no se detectaron cepas *agr*III y *agr*IV. El 100% resultó *bap* negativa. El 21% (7/33) fue *bla_Z* positiva. El 100% de las cepas mostró capacidad para producir biopelícula: débil 33% (11/33), moderada 33% (11/33) y fuerte 33% (11/33). El 50% (4/8) de las cepas P fueron fuertes productoras de biopelícula, mientras que solo el 28% (7/25) de las NP mostraron esta capacidad. No se demostró asociación entre genotipos, presencia de genes de virulencia y producción de biopelícula con el origen de la cepa (P o NP). El alto porcentaje de cepas NP con fuerte capacidad para producir biopelícula podría asociarse con la persistencia en la glándula mamaria bovina.

- 045 (482) DETECCIÓN POR PROTEÓMICA DE LA PRIMERA VARIANTE POST-TRADUCCIONAL Y CITOSÓLICA DE LA HSP-A5 NO AFECTADA POR EL ESTRÉS DEL RETÍCULO ENDOPLÁSMICO PERO GENERADA ESPECÍFICAMENTE DURANTE LA ACTIVACIÓN DE RESPUESTAS INMUNES INNATAS**
 Cristian Jorge Alejandro Asensio^{1,2}; Rodolfo C. García²
 BIOMED¹ ICGEB, Trieste, Italia²

Identificamos varias proteínas citoplásmicas influenciadas en su expresión durante la infección bacteriana de macrófagos humanos. Nos enfocamos en una que siempre aumentó luego de la infección bacteriana o mycobacteriana. Se determinó pl e identidad y también su cinética de aumento durante 4 días post-infección, modelando infecciones intracelulares establecidas. Curiosamente, la proteína es una variante de la HSP-A5, chaperona del retículo endoplásmico (RE). Muestra un pl lejano del esperado y una localización citosólica no común para esta chaperona conocida por estar presente principalmente en el lumen del RE. Determinamos la vía de señalización de los macrófagos por la cual la infección bacteriana dispara, a nivel post-traducciona, el aumento reproducible de esta variante mediante un receptor inmune. Interesantemente, es una vía totalmente independiente del estrés del RE y no controlable por las bacterias ensayadas. Observamos que infecciones que no estresan el RE igualmente generan aumento de la nueva variante de HSP-A5. También, varios compuestos que estresan el RE no pueden modular la variante a pesar de aumentar, como esperado, la HSP-A5 normal. Optimizamos el único método para detectar con alta sensibilidad esta variante post-traducciona de muy baja abundancia (no analizable por western blot). El método, 30 veces más sensible que la coloración argéntica en geles, no necesita de separación bidimensional de proteínas. Proponemos a la variante como nuevo biomarcador proteico específico útil para comparar los efectos de la infección por distintas bacterias o por sus componentes de pared. El biomarcador es parte de una respuesta automática y sostenida en el tiempo de los macrófagos a infecciones. Este hallazgo prueba que programas sistemáticos de comparación de proteomas, sin hipótesis y utilizando estrategias alternativas, develan nuevas

proteínas y mecanismos por los cuales los macrófagos modulan sus respuestas a las infecciones en el citoplasma.

046 (485) CAPTURA NEUTRÓNICA EN BORO (BNCT) COMO TERAPIA PARA ARTRITIS: ESTUDIO A BAJA DOSIS EN EL REACTOR NUCLEAR RA-1 EN MODELO DE ARTRITIS INDUCIDA POR ANTÍGENO EN CONEJOS

Verónica Andrea Trivillin^{1,2}; Leandro Bruno³; David A Gatti³; Mariela Stur⁴; Marcela A Garabalino¹; Andrea Monti Hughes¹; Jorge Castillo¹; Hugo Scolari¹; Amanda E Schwint^{1,2}; Sara Feldman^{2,3,5}
CNEA¹ CONICET² LABOATEM-UNR³ Diagnóstico por Imágenes FCM⁴ CIUNR⁵

BNCT es una terapia binaria que se basa en la incorporación preferencial de compuestos borados al tejido blanco y la posterior irradiación con neutrones. Se demostró su eficacia terapéutica para diversos tipos de tumor. Se exploran nuevas aplicaciones de BNCT como el tratamiento de artritis reumatoidea (AR), buscando dañar selectivamente la membrana sinovial patológica. En estudios previos de biodistribución de los compuestos borados BPA y GB-10 administrados por vía intra-articular (ia) en un modelo de artritis inducida por antígeno en conejos hembras New Zealand (AIA) demostramos la incorporación de [B] terapéuticas a la membrana sinovial patológica. Nuestro objetivo fue realizar estudios de BNCT en el Reactor Nuclear RA-1 a baja dosis (2.4 a 3.9 Gy a sinovial) empleando BPA (0.26 mg 10B) y GB-10 (5 mg 10B) administrados ia en 3 conejos AIA (6 articulaciones) por grupo. Dos meses post-tratamiento se evaluaron clínica, bioquímica e imagenológicamente. Animales tratados (AIA-BNCT) no presentaron tumefacción, ni dolor frente a la palpación en las articulaciones. Los niveles de TNF-alfa e IFN- γ no disminuyeron significativamente respecto a AIA sin tratar, probablemente debido a que BNCT es un tratamiento local. Estudios de RMN de articulaciones femorotibiotuliana de AIA-BNCT, reveló en el 100% de los casos imágenes similares a las de grupo control sin AIA (C), sin necrosis y sin derrame peri-articular. El estudio histológico de membranas sinoviales obtenidas post-mortem (3 observadores independientes, 50 campos/muestra) mostró en 70 a 100% de los campos de AIA-BNCT características histológicas similares a las de C (sin hiperplasia de sinoviotelio, escaso o nulo infiltrado linfoplasmocitario, angiogénesis conservada). En 3/6 conejos se observaron algunas zonas con fibrosis. GB-10-BNCT y BPA-BNCT, aún a bajas dosis, podrían considerarse terapéuticamente útiles para el tratamiento local de artritis.

047 (497) INMUNIZACIÓN DE VACAS PREÑADAS CON STX2 INDUCEN ALTOS TÍTULOS DE ANTICUERPOS EN EL CALOSTRO QUE NEUTRALIZAN LA INFECCIÓN DE RATONES AL DESTETE CON E. COLI O157:H7 PRODUCTOR DE STX2

Adriana Andrea Albanese¹; Romina Fernandez Brando²; Bettina C Rabinovitz³; Marina Palermo²; Angel Cataldi³; C Ibarra¹
Laboratorio de Fisiopatogenia, IFIBIO-CONICET, Facultad de Medicina, UBA¹ IMEX-CONICET, Academia Nacional de Medicina² Instituto de Biotecnología, INTA-Castelar³

E. coli O157:H7 es responsable de una variedad de síntomas clínicos que incluyen diarrea acuosa, colitis hemorrágica y Síndrome Urémico Hemolítico, una complicación sistémica grave asociada con frecuencia a la toxina Shiga tipo 2 (Stx2). El objetivo de este estudio fue purificar las inmunoglobulinas hiperinmunes (IgG) anti-Stx2 presentes en el calostro de vacas inmunizadas y evaluar la capacidad neutralizante de las IgG sobre la citotoxicidad de Stx2. Vacas preñadas se inmunizaron por vía intramuscular con Stx2 inactivada (100 μ g, Phoenix, USA) 40 días y 20 días previo al parto. El calostro se recogió dentro de las 24 hs y las IgG hiperinmunes se purificaron por cromatografía de afinidad. La capacidad de neutralización se determinó por: 1) Citotoxicidad en células Vero y HCT-8; 2) Alteraciones en colon ligado de rata 3) Letalidad en el modelo del ratón lactante. La preincubación (30 min, 37°C) de Stx2 o E. coli O157:H7 (cepa 125/99 Stx2+) con

las IgG hiperinmunes neutralizó la acción citotóxica de la toxina en las líneas celulares y en el colon ligado de rata. A su vez, ratones destetados que recibieron 15 mg de IgG hiperinmune por vía intragástrica (IG) 1 h antes y 2 hs después del desafío con una dosis letal de E. coli O157:H7 mostraron una sobrevivencia del 100%. Estos resultados sugieren que las vacas preñadas inmunizadas con Stx2 producen IgG hiperinmunes en el calostro capaces de neutralizar la patogenicidad de E. coli O157: H7.

048 (527) USO DE MODIFICACIONES POST-TRADUCCIONALES DISTINTAS A LA FOSFORILACIÓN COMO NUEVO MÉTODO PROTEÓMICO PARA MARCAR IN VITRO CON FÓSFORO PROTEÍNAS CITOPLÁSMICAS LUEGO DE LA COSECHA DE MACRÓFAGOS HUMANOS INFECTADOS O NO

Cristian Jorge Alejandro Asensio^{1,2}; Rodolfo C. García²
BIOMED¹ ICGEB, TRIESTE, ITALIA²

Encontrar proteínas afectadas en su expresión específicamente como consecuencia de estímulos de células en cultivo es un objetivo de la Proteómica. Nuevos métodos de marcación y comparación de proteomas serán útiles, si revelan cuantitativa y reproduciblemente en geles los perfiles proteicos no detectables por las coloraciones tradicionales de proteínas (coomassie y argéntica). Aumentarán la posibilidad de detectar biomarcadores proteicos específicos de patologías, en especial los de baja abundancia relativa. Para esto, usando ensayos in vitro optimizamos la marcación de proteínas citoplásmicas de macrófagos luego de la cosecha y fraccionamiento sub-celular. Utilizamos reacciones distintas a la fosforilación de proteínas pero también basadas en la marcación con fósforo 32. Nos enfocamos en el uso de nucleótidos marcados radioactivamente como dadores in vitro de fosfato. Este tipo de reacciones tiene las ventajas de que no dependen de las quinasas de proteínas presentes en las fracciones. Además, siendo modificaciones post-traduccionales poco usadas en células humanas o animales se aumenta la probabilidad de que haya muchos sitios disponibles en varias proteínas para ser marcados in vitro. Hemos logrado obtener perfiles de proteínas distintos al de fosforilación y que inclusive varían entre tratamientos o a consecuencia de la infección. Interesantemente, algunas proteínas no son fácilmente detectadas por fosforilación *in vitro* pero sí por las otras modificaciones ensayadas aquí, demostrando que tienen sitios vacantes para ser marcados. El nivel de marcación es proporcional al nivel de expresión de las proteínas marcadas por lo que estos tipos de marcación con fósforo son nuevos métodos de "coloración" con alta sensibilidad y reproducibilidad. Los proponemos como herramienta alternativa de comparación de proteomas, independiente del fosfoproteoma y mostramos su aplicación en el análisis de una línea celular humana para hallar diferencias de expresión proteica.

049 (538) EVALUACIÓN DEL EFECTO INMUNOPROTECTOR DE UN EXTRACTO DE PANAX GINSENG EN UN MODELO MURINO DE MASTITIS POR STAPHYLOCOCCUS AUREUS

Paula Silvestrini¹; Sofía Sacco¹; Camila Beccaria¹; María S. Renna¹; Hugo H. Ortega¹; Luis F Calvino²; Bibiana E Dallard¹; Celina Baravalle¹
ICIVET¹ EEA Rafaela, INTA.²

El objetivo del trabajo fue evaluar el efecto inmunoprotector de un extracto de Panax ginseng (PG) aplicado en forma previa al desafío experimental en ratones con una cepa de Staphylococcus aureus aislada de mastitis bovina. Se utilizaron dos grupos de ratones cepa BALB/cJ en lactancia que fueron inoculados en forma intramamaria (IM) con 100 μ l de extracto de PG (50mg/ml) y con 100 μ l de solución fisiológica (SF). A las 72 hs post inoculación, ambos grupos fueron desafiados con una dosis de 1x10⁵ UFC/ glándula mamaria (GM) de S. aureus (cepa Newbould). A los 6, 24, 48, 72 y 96 hs post infección (pi) se extrajeron las GM y se evaluó la expresión génica de los receptores de la inmunidad innata tipo toll TLR2 y 4 y de las citoquinas IL1 α y TNF α . Asimismo se cuantificó el número de UFC/GM recuperadas pi. La expresión génica de TLR2 y 4 fue mayor en las GM tratadas con PG en

comparación con las tratadas con SF a las 48 hs pi ($p < 0,05$), no así en los demás periodos donde la expresión de ambos receptores fue similar. La expresión génica de IL1 α y TNF α estuvo influenciada por la infección ($p < 0,05$) y por el tiempo de muestreo ($p < 0,05$), observándose los mayores niveles de expresión a las 48 hs para IL1 α ($p < 0,05$) y a las 24, 48 y 72 hs pi para TNF α ($p < 0,05$) en las GM tratadas con PG en comparación con las tratadas con SF. La recuperación de *S. aureus* de las GM inoculadas con PG fue menor a la observada para las GM inoculadas con SF a lo largo de todo el muestreo ($p < 0,05$). El aumento en la expresión génica de los receptores de la inmunidad innata y de las citoquinas proinflamatorias, así como también la mayor capacidad para controlar la infección bacteriana por parte de los animales previamente tratados con PG, indicarían un efecto protector luego de la infección IM experimental en ratones. Estudios futuros utilizando bovinos en producción, permitirán generar conocimientos para el desarrollo de nuevos compuestos inmunoprotectores para el control de las infecciones IM

050 (569) SENESCENCIA PREMATURA Y EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE FACTORES INFLAMATORIOS EN CÉLULAS DEL EPITELIO PIGMENTARIO DE LA RETINA: IMPLICANCIAS EN LA DEGENERACIÓN MACULAR ASOCIADA CON LA EDAD

Mariela C. Marazita¹; Andrea Dugour²; Marquioni Ramella Melisa¹; Juan M. Figueroa²; Angela M. Suburo¹
*Universidad Austral Fac. de Cs. Biomédicas*¹ *Fundación Cassará*²

El mecanismo de senescencia celular prematura gatilla la expresión de numerosos factores inflamatorios (senescence associated secretory phenotype, SASP) que podrían contribuir en la degeneración tisular característica de las enfermedades del envejecimiento. La degeneración macular asociada con la edad (DMAE) es una de las principales causas de discapacidad visual irreversible en mayores de 65 años. Sumado a la edad, el hábito de fumar es uno de sus principales factores de riesgo. El componente inflamatorio y altos niveles de estrés oxidativo juegan un rol importante en su progresión. Objetivos: Evaluar en cultivos senescentes de células del epitelio pigmentario de la retina ARPE-19, la expresión diferencial de factores involucrados en el desarrollo de la DMAE. Metodología: Células ARPE-19 fueron incubadas con un concentrado de humo (CHC 200 $\mu\text{g/ml}$ Murty Pharma por 72 horas y 9 días de cultivo en medio fresco) o H₂O₂ (150 μM por 90 minutos y 10 días de cultivo en medio fresco). La inducción de senescencia por CHC o H₂O₂ fue estudiada mediante la detección de la actividad de β -galactosidasa (β -gal +) y la expresión de p21 y p16 por Western blot. Los niveles de IL-6 e IL-8 fueron analizados por qPCR y ELISA. Los niveles de VEGF y factor de complemento H (CFH) fueron estudiados por qPCR y Western blot. Resultados: Los cultivos senescentes aumentaron significativamente la expresión y secreción de IL-6 e IL-8 ($p < 0,001$), así como también, la expresión de VEGF ($p < 0,01$). Por el contrario, disminuyeron la expresión del factor de complemento H ($p < 0,01$). Conclusiones: La inducción de senescencia celular en el EPR desregula la expresión de factores inflamatorios ligados a la progresión de la DMAE. El SASP podría contribuir al estado de inflamación crónica característico de la enfermedad. El aumento en la expresión de VEGF podría estar asociado a procesos de neovascularización, mientras que la disminución de CFH podría promover la activación de la vía del complemento.

051 (585) CAMBIOS MORFOLÓGICOS DE LA HISTOARQUITECTURA PULMONAR EN RATONES INFECTADOS CON HELICOBACTER PYLORI

Andrea Celeste Arismendi Sosa¹; Angel Gabriel Salinas Ibañez¹; Veronica Perez Chaca¹; Silvana Piguillem¹; Florencia Fatima Ferramola¹; Alba Edith Vega¹; Alicia Penissi²; Cristina Aguilera²; Nidia Noemi Gómez¹
*Univ. Nac. de San Luis Facultad de Química, Bioquímica y Farmacia*¹ *IHEM, Fac. de Cs. Médicas Univ. Nac. de Cuyo*²

Los pulmones comparten el mismo origen embriológico con la túnica mucosa del estómago, estudios recientes sugieren una

asociación entre la infección por *H. pylori* y patologías extra-gastroduodenales entre las que se incluyen las enfermedades respiratorias. La respuesta inmune celular frente a *H. pylori* desencadena un proceso inflamatorio asociado a la activación de macrófagos e inducción de daño tisular. El objetivo de este trabajo fue estudiar en modelo experimental de ratón de la cepa BALBc; si la infección orotraqueal con *H. pylori* induce una respuesta inflamatoria y su impacto en la histoarquitectura pulmonar. Se realizó una infección de ratones machos WT con una suspensión de *H. pylori* por vía orotraqueal cada 72 h, luego fueron sacrificados a los 3, 7, 17, 22 y 31 días. Se les extrajo el pulmón de forma aséptica, los que fueron preparados para técnicas histológicas y teñidos con Hematoxilina-Eosina, Tricromico de Masson y Ácido periódico Schiff (PAS). El recuento bacteriano del pulmón fue determinado por la homogeneización de este órgano en solución salina y luego los homogenatos se sembraron en agar Mueller-Hinton y se contaron las unidades formadoras de colonias (CFU) después de la incubación por 72 h a 37°C. La histoarquitectura pulmonar (H&E) revela espacios alveolares expandidos que se intensifican con mayor tiempo de tratamiento. Se observa migración de células, principalmente en aéreas cercanas a los bronquiolos, en animales infectados. La tinción de TCM demuestra un incremento en el tejido conectivo alrededor de bronquiolos en los grupos infectados. Se observa regiones PAS (+) en macrófagos alveolares, como también a nivel extracelular. En todos los casos el cuadro se va modificando e incrementando el grado de compromiso pulmonar al aumentar el tiempo de tratamiento. Por lo que los resultados obtenidos nos permiten plantear el posible papel patogénico de *H. pylori* en las vías respiratorias, especialmente en personas con reflujo gastroduodenal.

052 (588) MECANISMO ANTI-INFLAMATORIOS DE LA NITRONA 5,5-DIMETIL-1-PIRROLINA N-ÓXIDO

Muñoz, Marcos; Della Vedova, María Cecilia; Rinaldo Tosi, Martin; Germano, María Jose; Gómez Mejiba, Sandra; Alvarez, Sergio; Zili, Zhai; Ramirez, Daro
IMIBIO-SL

La activación inflamatoria de los macrófagos tisulares induce su fenotipo inflamatorio (o tipo M1). Estas células M1 son centrales en la patología de muchas enfermedades inflamatorias crónicas (EIC), incluyendo inflamación del tejido adiposo (TA) en obesidad. La búsqueda de nuevas estructuras líderes basadas en mecanismos es uno de los objetivos fundamentales de la industria farmacéutica para el desarrollo de nuevos fármacos para el tratamiento de las EIC. La nitrona 5,5-dimetil-1-pirrolina N-óxido (DMPO) es un compuesto que reacciona con radicales libres y por lo tanto los estabiliza para su estudio e in vivo previene las reacciones en cadena que conducen a la formación de productos oxidados. El modelo de células RAW265.7 activadas con 1 ng/ml LPS es un buen modelo de inducción de un fenotipo M1 en macrófagos y para probar nuevas estructuras con potencial anti-inflamatorio. Este proceso es inhibido por tratamiento simultáneo con 50 mM DMPO y ocurre muy temprano en la cascada de señalamiento inducida por LPS. En efecto, DMPO reduce la inducción de genes inflamatorios (iNOS, TNF- α , IL-6, ICAM-1, etc), activación del NF- κ B (translocación de p-P65 al núcleo), cascada señalamiento (ERK1/2, JNK-1/2, P38, degradación de I κ B), sin embargo, no afectó la unión de LPS marcado con AlexaFluor488 a TLR-4 (confocal). Estos datos indican que DMPO inhibe la repuesta inflamatoria al LPS en macrófagos debido a su capacidad para reaccionar con anión radical superóxido, un efecto sobre vías posterior a la unión de LPS al TLR-4 (eje., unión de moléculas de señalamiento al dominio TIR de TLR-4) u otro anterior a la activación de PKC-d. La dilucidación de este mecanismo permitiría la formulación de estructuras novedosas con potencial antiinflamatorio, pero que preserven las características del DMPO.

053 (653) PRODUCCIÓN DE INTERLEUKINA 6 POR CULTIVOS DE FIBROBLASTOS DE DURAMADRE HUMANA LUEGO DE LA INFECCIÓN POR VIRUS HERPES SIMPLEX

Julian Herrera¹²³; Ezequiel Goldschmidt²³; Jordi Torres¹²³; Viviana Nino¹²³; Glenda Nerst²³; Jorge Geffner²³; Norberto Sanjuan¹²³
 IMPAM; Univ. de Buenos Aires; Fac. de Medicina¹ Univ. de Buenos Aires² Fac. de Medicina³

Los virus Herpes simplex 1 y 2 (HSV 1-2) pueden provocar cuadros de meningoencefalitis con consecuencias diversas. La patogenia de estas enfermedades es sólo parcialmente conocida. Recientemente, uno de nosotros (EG) pudo cultivar, por primera vez –de acuerdo a la bibliografía internacional- fibroblastos de duramadre humana, lo que ha permitido desarrollar diversos modelos in vitro de infecciones bacterianas y virales. Es sabido que las meningoencefalitis por HSV pueden dejar secuelas severas, pero su patogenia no es comprendida cabalmente. El objetivo de este trabajo fue estudiar la infectabilidad y el patrón de liberación de citoquinas por parte de fibroblastos de duramadre humana luego de la infección por HSV 1 ó 2. Se infectaron monocapas de cultivos celulares con una M.O.I = 1 ufp / célula de uno u otro virus y, desde el momento de la inoculación y hasta las 72 hs post-infección (pi) se evaluaron el efecto citopático, la presencia de virus por microscopía electrónica de transmisión (ME), los antígenos virales por inmunoperoxidasa y la liberación de TNF α , IL-1 e IL-6 por ELISA. A las 48 hs pi se observó la presencia de antígenos de HSV 1 ó 2 en los cultivos infectados, pero no en los controles, así como partículas virales completas por ME. Mientras que los valores de TNF α e IL-1 no mostraron diferencias en los sobrenadantes de cultivos infectados o no infectados, la IL-6 sí lo hizo. La liberación, por parte de los fibroblastos de la duramadre humana, de esta interleucina pro-inflamatoria probablemente contribuya al desarrollo de lesiones cicatrizales secuelas, y aporte información adicional para el tratamiento de estas meningoencefalitis con fármacos anti-inflamatorios.

054 (654) EFECTOS DEL ZINC SOBRE BIOPELÍCULAS PRODUCIDAS POR 5 BACTERIAS PATÓGENAS PARA EL HOMBRE

Nadia Wiczorko¹²³; Eduardo Lufi¹²³; Gabriela Pereyra Pereyra¹²³; Gabriela Reinoso¹²³; Ana Romeo²³; Norberto Sanjuan¹²³
 IMPAM; Fac. de Medicina; Univ. de Buenos Aires¹ Fac. de Medicina² Univ. de Buenos Aires³

El zinc es un metal que forma parte de la composición de los filtros de agua comerciales, en los que no hay desarrollo bacteriano. Eso lleva a la hipótesis de que interfiere con el crecimiento bacteriano, probablemente sobre la formación de biopelículas. En este trabajo se estudió el efecto del sulfato de zinc en el desarrollo in vitro de *Staphylococcus aureus*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Klebsiella pneumoniae*, *Proteus mirabilis* y *Escherichia coli*. Se emplearon cepas aisladas de pacientes, que se desarrollaron, por duplicado, en pocillos de plástico conteniendo, cada pocillo, 2 ml de caldo 2xYT. El inóculo fue de 108 UFC en 10 μ l de caldo 2xYT. Los pocillos conteniendo cada bacteria recibieron SO₄Zn.7H₂O en concentraciones de 0, 5, 10, 50 y 100 mM y se incubaron a 37°C, observándose los diariamente, hasta los 3 días post-inoculación (pi). Se realizó recuento de colonias y coloraciones de Gram durante esos 3 días. A las 24 hs todas las bacterias formaron biopelículas en la superficie, en ausencia de SO₄Zn y en las concentraciones 50 y 100 mM, pero no en las de 5 y 10 mM, excepto *Proteus mirabilis*, que las formó sin o con el agregado de SO₄Zn. El recuento de colonias demostró que *S.aureus* creció sin zinc y no lo hizo en absoluto en las concentraciones 5 y 10 mM. Las demás bacterias, excepto *P. mirabilis* disminuyeron significativamente el número de colonias en las concentraciones mencionadas. En los cultivos inhibidos por zinc se observaron, además, alteraciones morfológicas. Se concluye que la inhibición del crecimiento bacteriano por zinc a bajas concentraciones y la carencia de la misma a altas concentraciones sugieren un control genético, cuya expresión está en estudio, y que podría tener aplicaciones clínicas.

055 (655) PROTEÍNAS CANDIDATAS COMO BIOMARCADORES EN ENFERMEDAD DE CHAGAS

Santiago Orrillo¹; Andrea Mesias¹; Rubén M Cardozo²; Natalia Barrientos³; Julio Nuñez Burgos³; Nisha J Garg⁴; M. Paola Zago⁵
 IPE¹ Dirección Gral de Coordinación Epidemiológica, Ministerio de Salud Pública, Salta;² Hospital San Bernardo, Salta³ Dept. of Microbiology & Immunology, University of Texas Medical Branch (UTMB), Galveston, Tx, USA⁴ IPE-CONICET, CCT Salta y Fac de Medicina, Sede Salta, UNT- UNSa⁵

A pesar de los avances en el diagnóstico de la infección por *Trypanosoma cruzi*, los métodos actuales no permiten identificar los individuos en riesgo de desarrollar síntomas clínicos ni son confiables para evaluar respuesta a tratamientos o el progreso de la enfermedad. Numerosos grupos trabajan en la búsqueda de biomarcadores (BM) que permitan la detección temprana de pacientes seropositivos en riesgo de desarrollar cardiopatías y la evaluación de terapias tripanocidas. Este trabajo propone validar el uso de un conjunto de proteínas plasmáticas postuladas como BM por Wen et al. (2012). Se determinó su expresión diferencial mediante Western Blot, con muestras de plasma de pacientes seropositivos para Chagas, voluntarios sanos y pacientes con cardiopatías no chagásicas (OCM) reclutados en el Servicio de Cardiología del Hospital San Bernardo (Salta, Argentina). Se estudiaron las diferencias de expresión no sólo entre grupos experimentales implicados (Chagas+ vs Sanos vs OCM) sino también entre distintas categorías clínicas de pacientes con serología positiva para Chagas (Clasificación de Kuschnir 0 a 3), para darles un valor pronóstico. Los datos muestran que en pacientes con serología positiva hay un incremento estadísticamente significativo en el nivel plasmático de Vinculina (VCL) (p<0,0005), Miosina de cadena ligera 2 (MYL2) (p<0,0001) y Gelsolina (GSN) (p<0,0001) respecto de los sanos u OCM. La expresión diferencial de estas proteínas sería indicativa de la ocurrencia de fibrosis y daño cardíaco durante el desarrollo de la enfermedad, pudiendo constituir marcadores moleculares con valor predictivo y/o pronóstico. Esto brindaría una herramienta útil para mejorar el diagnóstico e iniciar tratamientos paliativos o preventivos en pacientes en los que el BM se anticipe al desarrollo de la patología hasta tanto exista un tratamiento antiparasitario eficaz para la Cardiomiopatía Chagásica Crónica

056 (668) EVALUACIÓN DEL IMPACTO DE FACTORES GENÉTICOS EN LA EVOLUCIÓN DE LA INFECCIÓN POR HIV DE PACIENTES COINFECTADOS VIH-VHC CON HEMOFILIA

María Cecilia Monzani¹; Natalia Aloisi¹; Marcelo Corti²; Daniela Neme²; M Marta Elizalde De Bracco¹; Patricia Bare¹ IMEX¹ Fundación de la hemofilia²

Con la administración de hemoderivados contaminados, un grupo de pacientes hemofílicos fue infectado por VIH y VHC hace más de 30 años. Algunos factores genéticos han sido relacionados con la respuesta inmune que el individuo desarrolla, determinando la evolución de la enfermedad por VIH. Analizamos la presencia de polimorfismos genéticos relacionados con la respuesta inmunológica (IL28b, HLA-B27 y HLA-B57), con la entrada de VIH a las células (correceptor CCR5) y su asociación con parámetros de progresión de la infección por VIH. Se obtuvo ADN genómico a partir de muestras de células mononucleares de sangre periférica de 66 pacientes con hemofilia coinfectados VIH/ VHC. Utilizando técnicas de PCR convencional o touch down se examinaron los genotipos existentes de IL28B (rs12979860) y CCR5. Asimismo, se determinó la presencia de los alelos HLA-B27 y HLA-B57. Se clasificaron los pacientes según sus cargas virales de HIV y valores de linfocitos T CD4+, según su evolución a SIDA, y su respuesta al tratamiento en Controladores de elite (CE), Progresores Crónicos (PCr), Progresores Rápidos (PR). La distribución de los alelos IL28b, CCR5, HLA-B27 y HLA-B57 en los distintos grupos de pacientes definidos según progresión clínica por VIH es: CE: 0.4, 0.4, 0.2, 0.2; Cr1: 0.41, 0.22, 0.15, 0.04; Cr2: 0.68, 0.21, 0.05, 0.11; PR: 0.53, 0.07, 0.13, 0.07, respectivamente. Las frecuencias halladas están dentro de las reportadas en el país. Las frecuencias alélicas de los factores genéticos estudiados, no muestran una contribución estadísticamente significativa en

la progresión clínica de la infección por HIV. Sin embargo, 4 de los pacientes 5 (80%) CE presentaron algún factor genético favorable, mientras que solo estuvieron presentes en 6 de los 15 (40%) PR.

057 (223) RESPUESTA DEL PULMÓN A UNA INFECCIÓN ORAL CON YERSINIA ENTEROCOLITICA O:3

Glenda Daniela Martín Molinero¹; Jesica V. Gutierrez²; Verónica Pérez Chaca²; Eugenia Ciminari²; Gabriel Boldrini¹; Silvina Alvarez¹; Nidia N. Gómez
IMIBIO-SL¹ UNSL²

Yersinia enterocolitica es una enterobacteria que puede causar infección sistémica con formación de abscesos en diversos órganos, entre ellos el pulmón. Ha sido descrita en casos clínicos de enfermedades respiratorias, lo que indica que el pulmón es uno de sus órganos blanco. Sin embargo, el impacto en pulmón de esta infección de origen gastrointestinal no ha sido profundamente estudiado. Este trabajo contribuye al estudio de los mecanismos que median esta infección y sus posibles secuelas en el estroma pulmonar. El objetivo fue determinar los niveles de estrés oxidativo en diferentes tiempos y la expresión y/o actividad de enzimas antioxidantes, marcadores de inflamación y del estado de la matriz extracelular. Ratones WT fueron infectados por vía intragástrica con 2 x10⁸ UFC de *Y. enterocolitica* O:3. A los 3, 14 y 21 días post infección (pi) los ratones fueron sacrificados. Se evaluó la expresión de SOD2, IL8, VCAM, ICAM, MCP1 y MMP-9, junto con la actividad de CAT a través del tiempo. Los niveles de TBARS aumentaron significativamente a los 14 y 21 días con respecto al control. Al realizar el seguimiento de la actividad de CAT se detectó que a los 14 días aumenta significativamente ($p < 0,001$), manteniéndose elevada a los 21 días ($p < 0,01$), con respecto al control. A los 21 días (pi) se detectó un aumento significativo de SOD2 ($p < 0,05$), IL8 ($p < 0,005$), ICAM-1 ($p < 0,0001$), MCP1 ($p < 0,0001$), VCAM-1 ($p < 0,05$) y MMP-9 ($p < 0,005$) con respecto a los grupos control y a los de 3 y 14 días (pi). El aumento de los niveles de TBARS está asociado con el incremento de estrés evidenciado desde el día 14, en conjunto con el reclutamiento de polimorfonucleares y macrófagos, lo que compromete a la matriz extracelular. En síntesis *Y. enterocolitica* produce un cuadro inflamatorio en el pulmón induciendo una respuesta exacerbada desde el día 14, con un concomitante daño al estroma pulmonar.

068 (622) MÉTODOS Y CRITERIOS PARA VALIDAR Y COMPARAR APTÁMEROS O SECUENCIAS DE ADN EN SU UNIÓN A PROTEÍNAS ADHERIDAS A NITROCELULOSA EN FORMA NATIVA O DESNATURALIZADA

Asensio, Cristian Jorge Alejandro; Masse Ederra, Catalina; Massip Copiz, Mara M.; Clauzure, Mariangeles; Valdivieso, Angel G.; Santa Coloma, Tomas A
BIOMED

Determinar cuali/cuantitativamente la unión del ADN a proteínas adheridas a nitrocelulosa y caracterizarla como específica son objetivos en las etapas de selección de aptámeros de ADN. La especificidad es importante cuando el blanco proteico de los aptámeros se debe detectar en una mezcla compleja de proteínas. En la actualidad, pocos aptámeros de ADN han sido validados en su especificidad en la presencia de mezclas complejas como es necesario con los lisados celulares en south-western. Para facilitar las mencionadas caracterizaciones ensayamos dos tipos de formato: a) el dot-blot para péptidos y proteínas nativas puras y b) el south-western para proteínas recombinantes desnaturalizadas y lisados. Establecer criterios y controles que permitan monitorear la eficacia de los procesos de selección en estos formatos, ahorrando tiempo y esfuerzo, es un importante tema a desarrollar en el área. Para identificar y caracterizar la señal de fondo debida a la unión inespecífica con las proteínas utilizamos una batería de oligonucleótidos y librerías sintéticos de distinta longitud, secuencia y estructura secundaria o topología. Comparamos la unión a varias proteínas y lisados cuando dichos oligonucleótidos están en forma de cadena simple o doble. También utilizamos como controles proteínas o péptidos que pegan ADN inespecifi-

camente por interacción electrostática u otro tipo de interacciones. Tuvimos en cuenta el efecto de los buffers de unión, el pH y la concentración de iones como así también el tipo de bloqueante de la nitrocelulosa. Encontramos que los perfiles de proteínas que unen ADN varían de un tipo celular a otro pero ciertas estrategias o criterios de selección son aplicables a cualquiera y permiten ayudar a determinar si una proteína es seleccionable dentro de una mezcla compleja. También estudiamos proteínas catiónicas, que basalmente unen ADN, como caso extremo de blanco proteico de aptámeros. Proponemos además un uso proteómico del ADN. Agradecimientos UCA

GENÉTICA 1

058 (72) ¿SON LOS GENES CHRNA9 Y CHRNA10 RESPONSABLES DE FILTRAR EL RUIDO AMBIENTAL? ESTUDIO EN PACIENTES CON FALTA DE DISCRIMINACIÓN AUDITIVA EN AMBIENTE RUIDOSO

Buonfiglio, Paula; Lotersztein, Vanesa; Elgoyhen, Ana Belen; Dalamon, Viviana
INGEBI

La pérdida auditiva tiene una incidencia de 1:1000 nacidos vivos, y el 50% es de causa genética. Sin embargo, existe un subgrupo de pacientes que acuden a la consulta audiológica pero no desarrollan hipoacusia, sino que presentan dificultad de discriminar los sonidos principalmente en ambientes ruidosos. Estos pacientes suelen permanecer sin tratamiento ni diagnóstico. El sonido percibido es traducido a una señal aferente que es transmitida al SNC, y es regulada por una vía eferente descendente inhibitoria, que podría ser activada durante las tareas de comportamiento con atención a un foco, al atenuar los estímulos auditivos percibidos en el entorno. Un débil funcionamiento del sistema eferente se correlacionaría con una pobre detección del tono en ambientes ruidosos. El objetivo del trabajo es identificar los causales genéticos relacionados con la dificultad discriminativa en ambientes ruidosos. Para ello analizamos los genes CHRNA9 y CHRNA10 que codifican para las subunidades alfa-9 y alfa-10 de receptores colinérgicos nicotínicos del sistema eferente, como potenciales candidatos genéticos. Se seleccionaron 15 pacientes con falta de discriminación de sonido en ambientes ruidosos. Se secuenciaron en forma completa los genes CHRNA9 y CHRNA10. Las secuencias obtenidas se compararon con la secuencia de referencia junto con un grupo control de 50 individuos. En total se detectaron 27 variaciones de secuencia. Como primera aproximación descartamos las variaciones exónicas sinónimas y las intrónicas reportadas con alta frecuencia en la base de datos 1000genomes. Dos mutaciones continúan en estudio como candidatas a ser causales de la patología en nuestros pacientes: p.T77N (en exón 3 de CHRNA10) y p.C169R (en exón 4 de CHRNA9). Ambas resultarían patológicas in-silico mediante los programas SIFT y PolyPhen. Se encuentran en proceso los experimentos funcionales para establecer su efecto en la proteína.

059 (95) ANÁLISIS DE LA REPETICIÓN G4C2 DEL GEN C9ORF72 EN UNA COHORTE DE PACIENTES CON DEMENCIA FRONTOTEMPORAL O ESCLEROSIS LATERAL AMIOTRÓFICA DE ARGENTINA

Tatiana Itzcovich²; Patricia Chrem-Méndez³; Bruno De Ambrosi⁴; María Julieta Russo³; Emanuel Silva⁵; Jorge Campos³; Martín Nogués⁴; Osvaldo Uchitel⁴; Ricardo Allegri³; Horacio Martinetto²; Gustavo Sevlever²; Ezequiel I. Surace²
Laboratorio de Biología Molecular, FLENI² Centro de Memoria y Envejecimiento, FLENI³ Clínica de Esclerosis Lateral Amiotrófica, FLENI⁴ Hospital Escuela de Agudos Dr Ramón Madariaga, Posadas, Misiones⁵

La expansión en el número de repeticiones del hexanucleótido G4C2 en el primer intrón del gen C9ORF72 (localizado en el cromosoma 9p21) es la causa genética más común tanto en Esclerosis lateral amiotrófica (ELA) como en Demencia frontotemporal (DFT). La DFT representa una entidad heterogénea

caracterizada por cambios en el comportamiento y el lenguaje debido a una neurodegeneración de los lóbulos frontal y temporal, mientras que la ELA está caracterizada por una degeneración progresiva de motoneuronas en el cerebro y la medula espinal. Sin embargo, y debido a una causa genética común, se puede observar cierto solapamiento clínico-patológico. El propósito del trabajo fue analizar una cohorte de pacientes de ELA y DFT de Argentina determinando el número de repeticiones G4C2. Para ello, se obtuvieron, con la aprobación del comité de ética institucional, muestras de ADN a partir de leucocitos de sangre periférica de 33 pacientes con DFT y 49 pacientes con ELA. El 48,5% de los pacientes con DFT y el 4% de los pacientes con ELA, presentaron antecedentes familiares de la patología. La genotipificación se realizó llevando a cabo un análisis de AFLP ("amplified fragment length polymorphism") y una RP-PCR ("repeat primed PCR") en el caso de tener que determinar la presencia de expansión. Los resultados mostraron que la frecuencia de expansión de G4C2 en C9ORF72 fue del 18,2% para DFT hereditaria y del 2% para ELA esporádica. Para DFT, la frecuencia de nuestra población fue similar a la reportada para otras poblaciones (ej. de EEUU y Europa), mientras que para ELA esporádica, la frecuencia fue menor (2% vs 5,5% en otras poblaciones). En conclusión, este trabajo representa el primer reporte en Argentina sobre la frecuencia de expansión en C9ORF72 en una cohorte de ELA y DFT.

060 (118) IMPORTANCIA DE LA UTILIZACIÓN DE LAS DIFERENTES TÉCNICAS MOLECULARES PARA EL CORRECTO DIA-GNOSTICO Y ASESORAMIENTO GENÉTICO DEL SÍNDROME DE RETT

Samara, Mariana Cecilia; Cantarella, M. Florencia; Capelli, Mariana; Loreti, Nazareth; Speche, Lucia; Ferreiro, Verónica
GENOS S.A.

El síndrome de Rett es un trastorno genético del sistema nervioso que lleva a una regresión en el desarrollo, especialmente en las áreas del lenguaje expresivo y de movimiento de las manos. En su forma clásica se presenta como dominante ligada al X, produciéndose por mutaciones en el gen MECP2 (Xq28). El Rett atípico, de aparición tardía y más leve, se produce por mutaciones en los genes ARX (Xp21.3), CDKL5 (Xp22.13), NTNG1 (1p13) y FOXP1 (14q12). El diagnóstico molecular de la patología se realiza principalmente mediante la secuenciación directa de los exones 2, 3 y 4 del gen MECP2, ya que las mutaciones puntuales en esta zona del gen representan la alteración molecular más frecuente responsable del Síndrome. La técnica de MLPA (amplificación múltiple de sondas ligadas) permite, en una segunda instancia, poner en evidencia deleciones o duplicaciones en gen MECP2 y en algunas zonas de los genes implicados en el Rett Atípico. Por último, la técnica de Microarrays Cromosómico aportaría una visualización más global de los defectos genéticos en los pacientes analizados. Se analizaron 26 muestras de pacientes con sospecha clínica de Síndrome de Rett. La estrategia diagnóstica planteada permitió hallar la alteración molecular en 4 niñas. Tres de ellas presentaron mutaciones puntuales en el gen MECP2 que habían sido previamente reportadas en la Rett Base (<http://mecp2chw.edu.au>). La última niña no presentó mutaciones puntuales en el gen MECP2, ni mostró alteraciones en un estudio de Microarrays. Sin embargo, el estudio de MLPA reveló una deleción completa del exón 3 y parcial del exón 4, en el gen MECP2 (c.27_?_1029+?del) p.R9fs. Se quiere demostrar la importancia de la utilización de una estrategia diagnóstica particular mediante el uso conjunto de numerosas técnicas moleculares para la resolución de casos clásicos y atípicos de Síndrome de Rett, con el objeto de brindar el correcto asesoramiento genético a las familias implicadas.

061 (142) DISTRIBUCIÓN DE LAS MUTACIONES DE KRAS EN CÁNCER COLORRECTAL EN POBLACIÓN ARGENTINA

Santiago David Molinas Zocche¹; Fernando Martin Fontao¹; Carolina Ramirez²; Lucas Damian Costa²; María Ana Redal¹
Hospital Italiano de Buenos Aires¹ Instituto de Ciencias Básicas y Medicina Experimental²

Introducción: El establecimiento de las terapias dirigidas anti-EGFR en el tratamiento de primera línea del cáncer colorrectal estadio IV (CCR) llevó a la implementación de análisis de KRAS en pacientes previo a la terapia, ya que los pacientes con mutación no responden a las mismas. No está reportada la distribución de las mutaciones en nuestra población, por lo que no contamos con datos sobre sus características y su frecuencia. Objetivo: Determinar la frecuencia de mutaciones en el oncogén KRAS en pacientes con CCR operados en el Hospital Italiano de Buenos Aires (HIBA) y establecer los distintos subtipos de mutación. Correlacionar esto con las características clínicas de los pacientes. Materiales y métodos: El análisis de la mutación de KRAS se realizó a partir de piezas quirúrgicas de resección del tumor primario de pacientes operados en el HIBA. Se extrajo el ADN a partir del tejido fijado en parafina, se amplificó por técnica de PCR y posterior secuenciación bidireccional por método de Sanger. Se tipificaron las mutaciones, se determinó su tipo y frecuencia. Se registraron características clínicas de los pacientes. Finalmente se procedió a su análisis estadístico. Resultados: Del total de los 272 pacientes estudiados, en 87 (32%) se ha detectado mutación en KRAS. Las mutaciones ocurrieron con una frecuencia de 75% (63) en el codón 12 y 25% (21) en el codón 13. El tipo de mutación más frecuente fue G12D con 24 casos, representando un 30% del total de mutaciones. El análisis estadístico no demostró correlación significativa entre las variables clínicas y la mutación de KRAS. Conclusiones: La frecuencia de mutación de KRAS y la distribución de los diferentes subtipos en la población estudiada de Argentina, se asemeja a la reportada en otras poblaciones. Las características clínicas no se han asociado de manera significativa al perfil mutacional de los pacientes, sugiriendo que ambas variables se comportan de manera independiente.

062 (175) MUTACIONES NO COMUNES HALLADAS EN PACIENTES CON RETINOBLASTOMA

Irene Szijan¹; Luce Leonela¹; Giliberto Florencia¹; Ferrer Marcela²; Parma Diana¹
Cátedra de Genética, Fac. Farm y Bioq. UBA¹ Neurobiol. Molec. Hospital de Clínicas José de San Martín²

El retinoblastoma (RB) es el cáncer ocular más común en la niñez. Puede ser unilateral o bilateral, los casos bilaterales tienen una mutación germinal, los unilaterales en su mayoría (80%): mutaciones somáticas, no son hereditarios. El objetivo es identificar mutaciones en pacientes con RB, determinar su carácter hereditario y predecir el riesgo en familiares. Se analizó el ADN constitucional (leucocitos) y algunos tumorales de 2 pacientes con RB bilateral y 5 con RB unilateral esporádico. Se analizaron las secuencias exónicas del gen RB1 y los grandes arreglos. El análisis de ADN constitucional mostró varios hallazgos interesantes: I. Una mutación germinal en 2 de 5 pacientes unilaterales, siendo lo más común las mutaciones somáticas. II. En los 2 pacientes bilaterales la mutación causante de RB fue una sustitución de G>A en el sitio de empalme de exones 1 y 2, (publicada solo 2 veces). La consecuencia esperada (análisis "in silico") es un salto del exón 1. III. En un paciente unilateral se identificó una mutación germinal "missense" en un dominio proteico conservado, siendo estas mutaciones raras en RB; en otro paciente unilateral se encontró deleción de adenina en una secuencia repetida en el exón 9. IV. Se identificó en el ADN constitucional una inserción de 21pb en el exón 20 de dos pacientes, uno bilateral y otro unilateral. Ambos pacientes presentaban además otra mutación: una sustitución de G>A y una deleción de A (ver arriba). Esta inserción es una duplicación de 9pb corriente arriba más otra duplicación de 12pb y podría ser no patogénica por no producir corrimiento del marco. Otra particularidad es su presentación heterocigota en mosaico en el paciente unilateral. Esta mutación no descrita antes fue hallada en dos pacientes no relacionados. Conclusiones: se identificaron mutaciones en el gen RB1 y se analizó su significado biológico para determinar si son la causa del tumor. Se pudo predecir el riesgo en los familiares de los pacientes.

063 (270) REARREGLO COMPLEJO DEL F8 ASOCIADO A DEFECTOS EN LA REPLICACIÓN DEL ADN POR "FORK

STALLING-TEMPLATE SWITCHING[™] (FOSTES) COMO CAUSA DE HEMOFILIA A SEVERA SIN INHIBIDOR

Martin Abelleyro¹; Liliana Rossetti¹; Tomas Tetzlaff³; Pamela Radic¹; Vanina Marchione¹; Irene Larripa¹; Carlos De Brasi^{1,2}

IMEX¹ IHEMA² UNGS³

Las grandes deleciones y los rearrreglos complejos del F8 son causa de hemofilia A severa (HAS) y predisponen al desarrollo de inhibidores terapéuticos, anti-FVIII. Este trabajo presenta la caracterización molecular completa de un gran rearrreglo complejo del F8 (compuesto por la concurrencia de 3 deleciones, 2 inserciones y 1 inversión) detectada por ausencia consistente de amplificación del promotor y el exón 1 del F8 en un paciente con HAS sin inhibidor. Para caracterizar este defecto se estudiaron las regiones 5' y el F8 IVS1 involucradas por un abordaje de análisis de acercamiento por bipartición. Se estudiaron 6 amplímeros río-arriba del F8 (a 100, 50, 25, 12, 6 y 3kb) y 3 amplímeros en el F8 IVS1 (IVS1, IVS1IU, IVS1ID) resultando todos positivos en el paciente hemocigota salvo los amplímeros de 3kb e IVS1ID. La amplificación PCR de larga distancia desde el producto de F8-3,5kb hasta el F8-IVS1 rindió una señal específica del alelo mutado de ≈2kb cuyo análisis de restricción múltiple permitió diseñar primers (F8-3,5kb y F8-IVS1) para la amplificación estándar de la deleción, su caracterización y el diagnóstico molecular directo del paciente, su hermano, madre y hermana. La secuenciación de Sanger del producto de 362bp permitió caracterizar un rearrreglo complejo de 23.477bp (ChrX:154253881-154230138), notación HGSV, NM_000132.3:c.[-3056_143+12716del15914{-3056_-3057insGGTCTCG}; 143+12761_143+14363del1602; 143+14363_143+14425inv; 143+14425_143+20543del6118{143+14425_143+14426insCCTGGCTA}]. Este rearrreglo del F8 presenta tres deleciones discontinuas, una inversión y dos inserciones (de 7 y 8bp) en sus extremos. Los 4 sitios de ruptura involucrados en la recombinación compleja presentan elementos Alu (AluY, AluS y AluJ). La complejidad estructural de este rearrreglo es consistente con el mecanismo FoSTes (Fork Stalling-Template Switching) por defectos en la replicación del ADN.

064 (281) EXPLORANDO LAS CAUSAS DE LA INACTIVACIÓN SESGADA DEL CROMOSOMA X. ANÁLISIS GENÉTICO DE XIST EN CASOS Y CONTROLES

Emilce Mora¹; Radic Claudia P¹; Giliberto Florencia²; Rossetti Liliana¹; Abelleyro Miguel M¹; Marchione Vanina D¹; Szijan Irene²; Larripa Irene B¹; De Brasi Carlos D¹

IMEX¹ Fac. de Farmacia y BioQuímica²

La inactivación al azar de uno de los dos cromosomas X en mujeres permite compensar la dosis génica con varones XY. La inactivación del X (XCI) sesgada es una marcada desviación del 50% y entre otras causas puede asociarse a deleciones sobre el gen XIST (X-inactivation specific transcript) responsable de la iniciación y el mantenimiento del XCI. La presencia de variantes tipo SNP (single nucleotide polymorphism) podrían modificar la expresión del XIST y su función. Objetivo: Identificar variantes genéticas del XIST asociadas a XCI sesgado. Población: 22 mujeres, 11 casos (con XCI sesgado 90-100%) y 11 controles (con XCI al azar 50-55%). En el primer grupo, se incluyeron mujeres portadoras y no-portadoras, sintomáticas y no-sintomáticas de hemofilia A y distrofia muscular de Duchenne. Se realizó un screening genético del XIST por CSGE (conformation sensitive gel electrophoresis) y secuenciación de Sanger. Se analizó la región regulatoria XIST (8 amplímeros), los sitios de splicing y exones del 2 al 5 completos (64, 137, 209 y 164pb, 4 amplímeros) y parcialmente los exones 1 (11372pb) y 6 (7325pb) incluyendo sólo las regiones con SNPs de frecuencias alélicas relevantes (8 amplímeros). El análisis de los 440 amplímeros no mostró mutaciones nuevas, sino 7 variantes alélicas de los 81 SNPs anotados en el XIST. Los OR (odds ratio) indicaron 2 SNPs potencialmente protectores 0.30 ≤ OR ≤ 0.33 (rs1794213; rs1620574, exón 6); un SNP neutro OR=1 (rs41305409, región regulatoria) y cuatro SNPs

potencialmente asociados a sesgo 2.6 ≤ OR ≤ 3.8 (rs6527, exón 1; y rs16992443, rs16992436 y rs16992442, exón 6). Éste es el primer estudio genético tipo caso/control del XIST sobre la propensión a sesgar la XCI realizado hasta el presente. Si bien no se observaron diferencias significativas en este estudio, la ampliación del número de controles (≥44) y la extensión de las regiones bajo estudio permitirá la elucidación de alguna de las causas de sesgo en la XCI.

065 (492) ASOCIACIÓN ENTRE UNO DE LOS POLIMORFISMOS DEL GEN QUE CODIFICA PARA EL RECAPTADOR DE SEROTONINA (SLC6A4) Y LA CONDUCTA SUICIDA

Ángeles R. Arena¹; Arnaldo R. Armesto¹; Soledad Puppo²; Leandro Grendas²; Federico Rebok²; Demián Rodante²; Agustina Fógola¹; Andrea E. Errasti¹; Federico M. Daray¹ Instituto de Farmacología, Facultad de Medicina, UBA.¹ Hospital Neuropsiquiátrico, "Braulio A. Moyano", Ciudad de Buenos Aires² Hospital de Clínicas "José de San Martín", Ciudad de Buenos Aires³

El gen que codifica para el recaptador de serotonina ha sido asociado a diferentes trastornos psiquiátricos. La activación transcripcional del mismo está modulada por un elemento polimórfico repetitivo, que consiste en una inserción/deleción de 44 pares de bases en la región promotora. Este polimorfismo consta de dos alelos denominados L (long) y S (short), que difieren en la actividad transcripcional y en la eficiencia del funcionamiento del recaptador. El presente proyecto tiene como objetivo evaluar la asociación entre la conducta suicida y uno de los polimorfismos del promotor del gen SLC6A4 (gen codificante para el transportador de la serotonina). Se incluyeron 37 pacientes que fueron hospitalizadas por presentar un intento de suicidio en dos Hospitales de la Ciudad de Buenos Aires. Las pacientes fueron evaluadas mediante una entrevista estructurada realizada por psiquiatras del equipo de investigación. Se definió como conducta suicida a todo acto autodestructivo en el que el paciente tenía intención de terminar con la vida. Para determinar los polimorfismos, se extrajo DNA genómico. La presencia de los alelos L y S se analizó por PCR en geles de agarosa. Se identificaron 3 genotipos SS, LS y LL a los cuales se les aplicó el análisis de equilibrio de Hardy-Weinberg. Como comparador se incluyeron 106 muestras de una base genética poblacional. El estudio fue aprobado por un Comité de Ética y todas las pacientes dieron su consentimiento informado por escrito. El análisis estadístico de chi2 cuadrado de los datos no mostró una asociación significativa entre el genotipo y el intento de suicidio; sin embargo, al hacer un análisis no paramétrico de correspondencia se observó una tendencia de asociación entre el genotipo LL y el intento de suicidio. Este resultado sugiere posible asociación entre ambas variables, e indica que es necesario aumentar el tamaño muestral con el objetivo de definir si este polimorfismo está asociado o no a la conducta suicida.

066 (530) COMPOSICIÓN GENÉTICA DE LA HIPERCOLESTEROLEMIA FAMILIAR EN ARGENTINA EN RELACIÓN A LOS PAÍSES MIEMBROS DE LA RED IBEROAMERICANA DE HF

Virginia G Bañares^{1,2}; Ana C Alves^{3,2}; Rodrigo Alonso^{4,2}; Cinthia Jannes^{5,2}; Ana M Medeiros^{3,2}; Pablo Corral²; Nicolás Delloca^{6,2}; María B Araujo²; Gerardo Elikir²; X Reyes^{7,2}; Ada Cuevas^{4,2}; Alejandra Vázquez-Cárdenas^{7,2}; Mario Stoll^{6,2}; Raúl Santos^{5,2}; Pedro Mata^{8,2}; Laura E Schreier^{9,2}; Mafalda Bourbon^{3,2}

Centro Nac de Genética Médica, ANLIS-MALBRAN, Argentina¹ Red Iberoamericana de Hipercolesterolemia Familiar² Instituto Nac de Saúde Dr R Jorge; e BioISI, Universidad de Lisboa, Portugal.³ Nutrición Clínica, Clínica Las Condes, Santiago, Chile⁴ InCor, Universidad São Paulo, Med School Hospital, Brazil.⁵ Programa GENYCO, Comisión Honoraria para la Salud Cardiovascular, Montevideo, Uruguay⁶ Fac de Medicina, Universidad Autónoma de Guadalajara, México⁷ Fundación Hipercolesterolemia Familiar, Madrid, España⁸ Lab de Lípidos y Aterosclerosis, Facultad Farmacia y Bioquímica, Univ de Buenos Aires, Argentina.⁹

La enfermedad cardiovascular (EC) es la principal causa de muerte en Argentina y el mundo y las dislipidemias un importante factor de riesgo, en especial las hipercolesterolemias. La Hipercolesterolemia Familiar (HF) esta subdiagnosticada y subtratada en la mayoría de los países. En Iberoamérica se estiman 3 millones de portadores de HF que, detectados en forma temprana, podría prevenirse en ellos la EC. El estudio genético permite la identificación temprana. Brasil, Chile, España, México, Portugal, Uruguay y Argentina integran hoy la Red Iberoamericana de HF (IBA). El objetivo de este trabajo es caracterizar la composición genética de la HF en los países IBA. Métodos: revisión de publicaciones e información genética inédita de países IBA. Genes estudiados, LDLR, APOB y PCSK9. En Argentina: LDLR: secuenciación exónica y MLPA; APOB, parte exones 26 y 29. Análisis In silico. Resultados: más de 9000 pacientes IBA principalmente de España, Portugal y Uruguay: 8, 3 y 2% de los portadores estimados respectivamente; homocigotas estimados detectados: 0%Chile - 80%Portugal. En Argentina; 30 casos, 5 homocigotas. Mutaciones en el LDLR: >90% en los 7 países; en APOB: 3, 3,5 y 5% en Brasil, España y Portugal respectivamente, países con todo APOB secuenciado; la mutación más frecuente, R3527Q-exón 26, en los 7 países; en PCSK9: 0% en España y Portugal, ninguna en Brasil y Uruguay, únicos países con este gen estudiado. En Argentina identificamos 13 mutaciones diferentes, 12 en LDLR; 2 presentes en más de un caso índice y 4 nuevas. Las variantes presentes en más de un país fueron 10: c.-135C>G, c.12G>A, c.274C>G; c.313+1G>C, c.530C>T, c.662A>G, c.1285G>A, c.1291G>A, c.1775G>A, c.2043C>A. Rango de la tasa genética/clínica: 30-70%, Argentina 70%. Conclusión; los países IBA comparten siglos de historia y probablemente muchos alelos HF, aquí describimos los 10 primeros. El análisis integrado de HF en IBA contribuirá al conocimiento sobre la genética de la enfermedad.

067 (618) CARACTERIZACIÓN DE MUTACIONES EN EL GEN DE LA DISTROFINA EN UNA POBLACIÓN PEDIÁTRICA ARGENTINA

*María E Foncuberta*¹; Soledad Monges¹; Fabiana Lubieñiecki¹; Jonàs Juan-Mateu²; Angélica Moresco¹; María Gabriela Obregón¹; Pía Gallano²; Lilien Chertkoff¹
Hospital de Pediatría Prof. Dr Juan P. Garrahan¹ Servicio de Genética, Hospital de La Santa Creu I Sant Pau, Barcelona, España²

Las distrofinopatías son un grupo de enfermedades hereditarias causadas por mutaciones en el gen DMD localizado en el cromosoma X (Xp21.2); abarcan a la distrofia muscular de Duchenne (DMD), la distrofia muscular de Becker (DMB) y la cardiomiopatía dilatada ligada al cromosoma X (CDLX). Las mutaciones en el gen DMD incluyen deleciones (65%), duplicaciones (5-10%) y mutaciones puntuales (25-30%). Aún no existe un tratamiento eficaz a largo plazo para este grupo de enfermedades. Varias terapias génicas se encuentran actualmente en desarrollo, entre ellas la terapia antisentido y la reversión del codón stop prematuro. Conocer el espectro y la frecuencia de las mutaciones en el gen DMD resulta de fundamental interés para la incorporación de pacientes en protocolos de investigación y para el desarrollo nuevos blancos terapéuticos. Objetivo: describir la frecuencia de mutaciones en niños con DMD/DMB. Describir las mutaciones potencialmente tratables en nuestra población. Metodología: se estudiaron 282 pacientes varones con una mediana de edad 8,42 años (r: 4 m -21 a) con sospecha clínica de distrofinopatía mediante la técnica de MLPA. En 43 pacientes con MLPA negativo, con clínica y biopsia compatible con DMD/BMD se secuenció el gen DMD (Sanger y NGS). Resultados: 218/282 (77,3%) presentaron mutaciones en el gen DMD. Se estimó la frecuencia y tipos de mutaciones en 200 pacientes (18 familiares excluidos); 133 presentaron deleción, 22 duplicaciones y 45 mutaciones puntuales (51% sin sentido, 29% pequeñas deleciones, 9% splicing, 7% inserciones, 4% cambio de sentido). El 44,5% de los pacientes con deleciones podrían restaurar el marco de lectura con el skipping de un único exón y 11,5% por la reversión de codón stop prematuro (mutaciones sin sentido). Conclusión: este estudio contribuye a la descripción del perfil de mutaciones en el gen DMD en población argentina y a

detectar pacientes con mutaciones potencialmente tratables con las nuevas terapias génicas.

069 (640) IMPLICANCIA DE LOS POLIMORFISMOS DEL GEN DE RESISTENCIA A MULTIDROGAS (MDR1) EN EL desencadenamiento DE LA PORFIRIA CUTÁNEA TARDÍA EN INDIVIDUOS CON VIH

*Johanna Zuccoli*¹; Viviana Melito^{1,2}; Jimena Lavandera³; Silvina Ruspini¹; Victoria Parera¹; Alcira Batlle¹; María Victoria Rossetti¹; Ana María Buzaleh^{1,2}
CIPYP¹ Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, UBA² Cátedra de Bromatología y Nutrición, Facultad de Bioquímica y Ciencias Biológicas, UNL, Santa Fe³

El nivel de expresión y la actividad biológica del gen de Resistencia a Multidrogas 1 (MDR1) afecta la farmacocinética de numerosos xenobióticos y antirretrovirales. Se han identificado 50 polimorfismos de nucleótido simple (SNP) de este gen, tres de ellos de alta frecuencia en los exones 26, 21 y 12. La Porfiria Cutánea Tardía (PCT) se desencadena por distintos factores incluyendo fármacos y drogas de abuso. En nuestro país el 17% de los PCT son portadores del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH). Previamente se genotipificó el exón 26 (c.3435C>T) en individuos control, con PCT y PCT-VIH observándose diferencias significativas en la frecuencia alélica entre el grupo control y los otros grupos, indicando una mayor prevalencia de la mutación en individuos con PCT. Estos resultados indicarían una posible influencia de este polimorfismo en el desencadenamiento de la PCT independientemente de la infección por VIH. El objetivo fue continuar estudiando la incidencia del polimorfismo del gen MDR1 en la asociación PCT/VIH, genotipificando los exones 21 (c.2677G>T/A) y 12 (c.1236 C>T) en dicha población por PCR-RFLP y evaluando la existencia de haplotipos (1236T-2677T/A-3435T) mediante el programa SNPStats. La frecuencia alélica fue: exón 21: 0,45 (control, n=40); 0,48 (PCT, n=41) y 0,62 (PCT-VIH, n=34); exón 12: 0,33 (control, n=39); 0,59 (PCT, n=29) y 0,35 (PCT-VIH, n=39). Se observaron diferencias significativas (p<0,05) entre control vs PCT-VIH (exón 21) y control vs PCT y PCT vs PCT-VIH (exón 12). Analizando los haplotipos, la frecuencia de CCG ("wild type") predominó en el grupo control mientras que TTT (polimórfico) se encontró en segundo lugar. En los grupos PCT y PCT-VIH esta relación estaba invertida. Los resultados evidencian una posible asociación del desencadenamiento de la PCT a la exposición a drogas en general y otros factores causantes de daño hepático, aunque no específicamente a la terapia antirretroviral.

070 (647) DIABETES TIPO MODY SUBTIPOS 2 Y 3 EN ARGENTINA. ACTUALIZACIÓN DE PREVALENCIA Y REPORTE DE NUEVOS HALLAZGOS

*Ariel Pablo López*¹; Sofia Trobo¹; Alejandro De Dios¹; Ignacio Chiesa²; María Silvia Perez²; Gustavo Daniel Frechel¹
Htal. de Clínicas Gral. San Martín¹ Laboratorio Manlab²

Introducción: las Diabetes tipo MODY se producen por alteraciones en distintos genes de expresión pancreática. Los subtipos 2 y 3 se producen por alteraciones el gen de la glucoquinasa y el del factor nuclear hepático 1 alfa, relacionados con el metabolismo de la glucosa. Estos pacientes tienen algunas características clínicas similares y otras diferenciales entre si y con respecto a los otros tipos de Diabetes. Objetivos: analizar en un grupo de pacientes clínicamente caracterizados como MODY2 y 3 la presencia de alteraciones en los genes respectivos con el objeto de diagnosticar a estos individuos como MODY en primera instancia y el subtipo presente en segundo término. Por otro lado, analizar la frecuencia de estos tipos de Diabetes en la población nacional y conocer el tipo de mutaciones presentes así como también realizar un aporte tanto de las particularidades de las mutaciones halladas como de las características de la herencia familiar de las mismas. Métodos: se genotipificaron 38 pacientes con características clínicas de MODY2 y otros 24 con características clínicas de MODY3, no relacionados y sus familiares directos con o sin clínica de Diabetes. Para ello se realizó la secuenciación automatizada de los productos de amplificación de los genes 1a y del 2

al 10 de la glucoquinasa y del 1 al 10 de HNF1a. Resultados: se diagnosticaron 22 pacientes con MODY2 y 6 con MODY3 en esa población. Se confirmó la herencia autosómica dominante de estos tipos de diabetes salvo en dos casos. Entre todas las familias estudiadas existió correlación entre el genotipo encontrado y el fenotipo observado. Se determinaron las prevalencias, siendo de 57,89% del subtipo 2 y un 25,00% del subtipo 3. Conclusión: se logró diagnosticar un grupo de estos pacientes lo que permitirá instituirles un correcto tratamiento y un asesoramiento genético familiar. Se actualizaron además los datos de prevalencia y de herencia en nuestra población de este tipo de Diabetes.

METABOLISMO Y NUTRICIÓN 1

071 (12) EVALUACIÓN DE PARÁMETROS METABÓLICOS Y DEL ESTADO OXIDATIVO HEPÁTICO EN RATAS MACHO SOMETIDAS A UNA DEFICIENCIA MODERADA DE ZINC
 Facundo Mendes Garrido¹; Franco Brunello¹; Julieta Gondolesi¹; Diego Lucero²; Laura Schreier²; Analía Tomat¹; Cristina Arranz¹

Cátedra de Fisiología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA. IQUIMEFA-CONICET. Laboratorio de Lípidos y Aterosclerosis, Depto. Bioq. Clínica, Facultad de Farmacia y Bioquímica UBA²

La deficiencia de zinc durante la vida fetal y la lactancia induce un aumento de la presión arterial y alteraciones cardiovasculares y renales en ratas macho adultas. El objetivo fue evaluar parámetros metabólicos séricos y el estado oxidativo en el hígado de ratas sometidas a una deficiencia moderada de zinc. Ratas Wistar hembras recibieron dieta baja en zinc (B,8ppm) o control (C,30ppm) durante la preñez hasta el destete (día 21). Las crías macho continuaron con dieta B o C durante 60 días post-destete (CC, BB y BC). Al día 74 de vida, se obtuvo una muestra de sangre luego de un ayuno de 12 hs para determinar la glucemia y el perfil lipídico en suero. A los 81 días de vida se evaluó la morfología y el estado oxidativo hepático. Análisis estadístico: ANOVA, test a posteriori Bonferroni (n=6/grupo).

	CC	BB	BC
Glucemia (mg/dL)	130±6	154±5*	128±5
Trigliceridemia (mg/dL)	114±8	152±14*	115±7
Colesterol total/c-HDL	1,32±0,2	1,35±0,2	1,35±0,2
TBARS (pmoMDA/mg prot)	33±4	38±5	31±6
CAT (pmol/mg prot)	2,1±0,1	3,1±0,3*	2,3±0,1
SOD (USOD/mg prot)	3,2±0,3	3,3±0,4	3,2±0,4

TBARS: Especies reactivas del ácido tiobarbitúrico; CAT: catalasa; SOD: superóxido dismutasa. *p<0,05 vs BC y CC. Las ratas BB presentaron un aumento de la glucemia y la trigliceridemia, así como una mayor actividad de la enzima antioxidante CAT hepática, que permitiría probablemente compensar el daño oxidativo inducido por esta injuria nutricional. El contenido adecuado en zinc durante el crecimiento post-destete revirtió estos cambios. No se observaron alteraciones morfológicas ni cambios en el contenido de colágeno en los cortes histológicos de hígado teñidos con hematoxilina-eosina y Sirius red respectivamente. La deficiencia de zinc desde la vida fetal hasta la adultez produce elevación de la presión arterial, la glucemia y la trigliceridemia en ratas macho que contribuirían al desarrollo de síndrome metabólico en la vida adulta.

072 (20) LA SEMILLA DE SALVIA HISPÁNICA L (CHIA) DIETARIA MEJORA LAS DEFENSAS ANTIOXIDANTES, CITOQUINAS INFLAMATORIAS Y EL ESTRÉS OXIDATIVO DEL TEJIDO ADIPOSEO DISFUNCIONAL DE RATAS DISLIPÉMICAS INSULINO RESISTENTES

María Del Rosario Ferreira Cordoneda¹; Silvina Alvarez²; Paola Illesca¹; Ma. Sofía Gimenez²; Yolanda B. Lombardo¹
Dpto. de Cs. Biológicas. Lab. de Enfermedades relacionadas con la Nutrición. FBCB. UNL¹ IMIBIO-SL CONICET UNSL²

El objetivo del presente trabajo es evaluar el posible efecto beneficioso de la semilla de chía (rica en ácido α -linolénico (18:3, n-3) sobre algunos mecanismos involucrados en la disfunción del tejido adiposo (TA) de ratas dislipémicas insulino resistentes inducida por ingesta crónica (6 meses) de una dieta rica en sacarosa (DRS). Para lograr este objetivo se evaluaron: defensas antioxidantes, citoquinas inflamatorias y estrés oxidativo. Metodología: Ratas Wistar recibieron durante 3 meses DRS (p/p 62,5%). Luego, la mitad de los animales continuó consumiendo DRS mientras que en la otra mitad el aceite de maíz (AM) como fuente de grasa dietaria se reemplazó por semilla de chía durante 3 meses adicionales. Un grupo de referencia recibió dieta control durante todo el período experimental. Se determinó: a) El índice de adiposidad visceral y en plasma niveles de Triglicéridos, AGNE, glucosa, insulina, ácido úrico, TBARS y de las citoquinas leptina, TNF- α , IL-6.b) En tejido TA epididimal: 1-actividades enzimáticas: xantina oxidasa (XO), glutatión peroxidada (GPx), glutatión reductasa (GR), superóxido dismutasa (SOD), catalasa (CAT); y la expresión génica de GPx, SOD y factor de transcripción Nrf2. 2- Estado Redox del glutatión (ER) Resultados: la semilla de chía: 1-Corrigió los niveles plasmáticos de lípidos, glucosa, insulina, ácido úrico, leptina, TNF α e IL-6 y reduce los niveles de TBARS (p<0,05); 2-Normaliza/mejora las actividades enzimáticas XO, CAT, GR y el ER. La expresión génica de GPx incrementa normalizándose su actividad. Expresión y actividad SOD alcanzan valores controles y se observa un incremento (p<0,05) de la expresión del Nrf2. Conclusión: Los resultados sugieren posibles mecanismos involucrados en el efecto beneficioso de la semilla chía sobre la reducción de la adiposidad visceral y disfunción del tejido adiposo en este modelo experimental que mimetiza en numerosos aspectos bioquímico- metabólicos al síndrome metabólico del humano.

073 (90) MARCADORES DE ESTRÉS OXIDATIVO EN LA ENFERMEDAD PERIODONTAL

Paula M. González¹; Cecilia Ramos²; María E. Antona²; Silvia M. Friedman²; Eisa V. Macri²; Susana Puntarulo¹
Fisicoquímica-IBIMOL, FFyB, UBA-CONICET¹ Bioquímica General y Bucal, FO, UBA²

En la enfermedad periodontal (EP) el biofilm bacteriano induce una respuesta inmunoinflamatoria que desencadena estrés oxidativo, nitrosativo y daño celular con pérdida de soporte dentario. El objetivo del trabajo fue analizar, en ratas Wistar adultas, la actividad de la NADPH diaforasa (NOS-like) y el contenido de radicales lipídicos (RL•) durante el desarrollo de EP. La EP se indujo mediante ligadura de hilo del 1° molar de la hemimandíbula derecha (EP+L) bajo anestesia (n=24). El molar contralateral se usó como control no tratado (C-EP). En el tejido gingival se efectuaron determinaciones al cabo de 0 (controles, C), 48, 72 h y de 1, 2 y 4 semanas post ligadura. El contenido de RL•, determinado por resonancia paramagnética electrónica (EPR), en controles (113±6 pmol/mg PF) aumentó significativamente a la semana 1 de la EP (173±14 pmol/mg PF, ANOVA p<0,05) y retornó a los valores controles en los restantes tiempos estudiados. La actividad de la enzima NOS-like, medida por espectrofotometría, resultó de 22,6±0,6 UA/ μ g prot min en C, y de 129±12 y 52±6 UA/ μ g prot min, p<0,0001 y p<0,001; en EP+L a las 72 h y a 1 semana, respectivamente; volviendo a los valores C a las 2 semanas de tratamiento. En C-EP no se verificaron cambios en la actividad NOS-like con respecto a C; sin embargo, el contenido de RL• se incrementó significativamente al cabo de 1 semana (164±19 pmol/mg PF, p<0,05) no observándose cambios a las 48 h, 2 y 4 semanas (86±16, 104±24 y 111±8 pmol/mg PF, respectivamente). Estos resultados que avalan la etiología multifactorial de la EP permiten concluir que: a) los marcadores de daño oxidativo y nitrosativo son herramientas útiles para evaluar las etapas en el desarrollo de la EP, y b) la actividad de la enzima NOS-like permitiría estimar efectos locales, mientras que el contenido de RL• se asociaría con un daño sistémico. En ambos casos, los efectos se pueden observar a partir de las 72 h y hasta 1 semana de generada la EP.

074 (134) EFECTO DEL FLAVONOIDE DIETARIO QUERCETINA SOBRE LA BIODISPONIBILIDAD DE ÓXIDO NÍTRICO EN TEJIDO CARDÍACO DE RATAS TRATADAS CON L-NAME

Valeria Calabro; Barbara Piotrkowski; Monica Galleano; Cesar G. Fraga
IBIMOL

La disminución de la biodisponibilidad de óxido nítrico (NO) es un marcador temprano de desarrollo de enfermedades cardiovasculares y se asocia con un aumento de especies activas del oxígeno. Se estudió el metabolismo del NO y del anión superóxido en tejido cardíaco de ratas deficientes en NO por tratamiento con L-NAME y su modulación por el flavonoide dietario quercetina (QC). Ratas S-D machos se dividieron en 4 grupos y recibieron durante 4 d: dieta control y agua (C); dieta control + QC (4g/kg dieta) y agua (Q), dieta control y L-NAME en el agua (360mg/L) (L) y dieta control + QC (4g/kg dieta) y L-NAME en el agua (360mg/L) (LQ). La PA final fue significativamente mayor en el grupo L y la presencia de QC en la dieta logró prevenir dicho aumento (* $p < 0,001$). La actividad de la enzima óxido nítrico sintasa (NOS) fue significativamente menor en las ratas tratadas con L-NAME ($p < 0,001$), independientemente de la presencia o ausencia de QC en la dieta. La expresión de la isoforma inducible de la NOS (iNOS) mostró un aumento en el grupo L ($p < 0,05$), el cual fue prevenido por el tratamiento con QC. En cuanto al metabolismo del anión superóxido, se observó una mayor actividad de la enzima NAD(P)H oxidasa (NOX) en tejido cardíaco del grupo L comparado con ratas que recibieron QC ($p < 0,05$). Asociado a este aumento se observó una mayor expresión de p47phox (subunidad reguladora de la NOX) en el grupo L que fue prevenida por QC ($p < 0,01$ L vs. C y Q; $p < 0,05$ L vs. LQ). Además, la actividad de la enzima superóxido dismutasa (SOD) fue significativamente mayor en L comparado con los otros grupos ($p < 0,001$), retornando a valores controles en ratas LQ. Se concluye que la suplementación con QC aumentaría la biodisponibilidad de NO en tejido cardíaco de ratas tratadas con L-NAME mediante la modulación de la actividad y/o expresión de las enzimas NOX y NOS, siendo mayor su efecto sobre la regulación del metabolismo del anión superóxido. UBACyT; CONICET; PICT

075 (160) ALTERACIONES MORFOLÓGICAS PRODUCIDAS POR EL TRATAMIENTO CON UNA DIETA ALTA EN GRASA EN LA RATA

Nahuel M. Sanchez Eluchans; H. J. Lee; J. S. Merlo; A. S. Donoso; S. M. Cantú; H. A. Peredo; A. M. Puyó
Cátedra de Anatomía e Histología, Fac. de Farmacia y BioQuímica (UBA)

Una dieta alta en grasa (DG) desarrolla resistencia a la insulina, fenómeno asociado a alteraciones metabólicas y hemodinámicas que semejan el síndrome metabólico humano. Estudiamos en dos períodos de tratamiento (8 y 12 semanas), el efecto de dicha dieta sobre parámetros metabólicos, presión arterial y la morfología del hígado y la arteria aorta de ratas Sprague-Dawley macho. Se utilizaron 4 grupos: control (C8 y C12, $n=6$, dieta normal); y con DG (DG8 y DG12, $n=6$, DG: 50% P/P de grasa bovina adicionada a la dieta normal). Los animales se sacrificaron a las 8 y 12 semanas y se midieron glucosa, triglicéridos (kits comerciales) e insulina (ELISA) en plasma. Las muestras de órganos fueron procesadas con la técnica histológica de rutina, teñidas con H - E y Sirius Red y la morfometría se realizó por análisis de imágenes. La PA sistólica (PAS) se midió por método indirecto. A partir de la semana 8 la DG aumentó el% de esteatosis (DG8, 65 ± 18 vs. C8, 5 ± 3 ; DG12, 60 ± 16 vs. C12, $0,8 \pm 0,3$, $p < 0,05$); y de fibrosis perivascular (DG8, 32 ± 3 vs. C8, 11 ± 1 ; DG12, 26 ± 3 vs. C12, 15 ± 3 , $p < 0,05$) hepáticas; la glucemia (mg/dl, DG8, 149 ± 3 vs. C8, 112 ± 9 ; DG12, 141 ± 9 vs. C12, 127 ± 7 , $p < 0,05$); la insulinemia (ng/ml, DG8, $3,5 \pm 0,5$ vs. C8, $1,6 \pm 0,2$; DG12, $3,4 \pm 0,6$ vs. C12, $1,1 \pm 0,2$, $p < 0,05$), la triglicéridemia (mg/dl, DG8, 110 ± 6 vs. C8, 62 ± 11 ; DG12, 177 ± 45 vs. C12, 91 ± 18 , $p < 0,05$ y la PAS (mmHg, DG8, 150 ± 9 vs. C8, 125 ± 1 ; DG12, 149 ± 3 vs. C12, 121 ± 6 , $p < 0,01$). El peso del hígado (g, DG12, $13,3 \pm 0,7$ vs. C12, $11,1 \pm 0,8$, $p < 0,05$); el cociente peso del hígado/peso corporal

(mg/g, $2,82 \pm 0,12$ vs. $2,60 \pm 0,05$, $p < 0,05$); y el cociente espesor de la pared/diámetro de la luz de la aorta abdominal ($\mu\text{m}/\text{mm}$, DG12 $63,7 \pm 3,7$ vs. $46,7 \pm 3,4$, $p < 0,01$) aumentaron a partir de la semana 12. Se concluye que la DG produce un remodelado vascular que contribuiría a aumentar la resistencia periférica y la PAS; y alteraciones estructurales hepáticas que empeorarían la resistencia a la insulina al prolongarse la modificación dietaria.

076 (291) EFECTO DE LOS ÁCIDOS GRASOS TRANS EN LA REGULACIÓN DE TRIGLICÉRIDOS HEPÁTICOS EN ANIMALES ALIMENTADOS CON DIFERENTE PERFIL DE ÁCIDOS GRASOS INSATURADOS

Jimena V Lavandera^{1,2}; Julieta Jovellano¹; Agustina Kler¹; Juliana Sain^{1,2}; Claudio A. Bernal^{1,2}; Marcela A. Gonzalez¹
Universidad Nacional del Litoral, Fac. de Bioq. y Ccias. Biol., Cátedra de Bromatología y Nutrición¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)²

La ingesta de ácidos grasos trans (AGT) y el consumo de distintos tipos de grasa dietaria están directamente relacionados con la modulación de los niveles tisulares y plasmáticos de triglicéridos (TG). El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de dietas con diferente perfil de ácidos grasos insaturados (AGI) y la presencia o no de AGT sobre la regulación de TG en ratones. Ratones CF1 macho (22g) fueron alimentados (120 días) con dietas estándar (AIN: American Institute of Nutrition) que difieren en las relaciones de los distintos AGI n-3/n-6/n-9: Aceites de Canola (C)(10,9/19,0/63,2), Maíz (M)(0,9/53,3/31,3) y Oliva (O) (0,8/9,7/76,3); en ausencia ó presencia de 0,75% AGT: Ct, Mt, Ot, respectivamente. Se determinó: contenido de triglicéridos séricos (TGs) y hepáticos (TGh), velocidad de secreción hepática de triglicérido-pre- β -lipoproteínas (VSTG) y capacidad de remoción periférica de los TG circulantes a través de la enzima lipoproteína-lipasa (LPL), en tejido adiposo (TA) y músculo. Resultados: media \pm SEM $p < 0,05$ (One-Way ANOVA, Scheffé). Los niveles de TGh aumentaron por la adición de AGT en los grupos: O (53%), M (76%) y C (68%), mientras que los TGs sólo fueron aumentados en el grupo Ct (49%). La VSTG aumentó significativamente en los grupos Ot (156%) y Ct (57%), sin cambios en Mt. La actividad de LPL en TA varió en Ot (+80%), mientras que en músculo se vio incrementada por los AGT en los grupos O y M (43% y 32% respectivamente). Los AGT condujeron a una esteatosis hepática en los grupos O, M y C. La VSTG fue incrementada por acción de los AGT en los grupos O y C, con aumento en los TGs solo en el grupo Ct. Este aumento en los TGs en Ct estaría relacionado a la ausencia de cambios en las actividades de LPL. Los niveles normales de TGs encontrados en el grupo Ot vs O, se deberían a un aumento en las actividades de LPL en músculo y tejido adiposo. Los AGT afectaron los TG a través de distintos mecanismos dependiendo de la grasa dietaria utilizada.

077 (341) COMPARACION DEL EFECTO PREBIOTICO ENTRE LA HARINA DE LUPINO Y UN PAN ELABORADO CON HARINA DE TRIGO, EN UN MODELO EXPERIMENTAL EN RATAS

Adriana Weisstaub¹; María Inés Palacio²; Analía Etcheverría²; Luis Dynner¹; Guillermo Manrique²; Angela Zuleta¹
Universidad de Buenos Aires¹ Univ. Nac. del Centro De La Pcia. de Bs. As²

El pan blanco constituye un alimento de consumo masivo apto para la introducción de ingredientes naturales tendientes a la obtención de alimentos funcionales. El lupino (*Lupinus albus*) contiene galactooligosacáridos (GOS) como rafinosa, estaquiosa y verbascosa que no son hidrolizados en el intestino humano llegando intactos al colon donde son fermentados por bifidobacterias y lactobacilos promoviendo su establecimiento y desarrollo. El objetivo de este trabajo fue comparar el efecto prebiótico sobre la microflora intestinal de dieta control(C) según AIN 93, pan blanco elaborado con harina de trigo(Pb) y de harina de lupino(L) para considerar el posterior diseño de un pan adicionado con harina de lupino. Para ello ratas Wistar macho recién destetadas se alimentaron durante 60 días con las dietas ad libitum (8/grupo)

C, Pb y L. Se recogieron heces frescas para realizar recuentos de enterobacterias en agar Mac Conkey y lactobacilos en agar MRS a tiempo inicial, 20, 45 y 60 días removiéndose el ciego para medir peso y pH cecal. El peso cecal (g) de C, Pb y L no presentó diferencias ($3,23 \pm 0,36$ vs $3,59 \pm 0,84$ vs $4,15 \pm 0,91$) aunque L tuvo un menor pH ($7,42 \pm 0,25$ vs $7,15 \pm 0,29$ vs $5,99 \pm 0,11$ $p < 0,0001$). El número de lactobacilos (UFC g⁻¹) durante los 60 días fue constante en los tres grupos pero L disminuyó significativamente el recuento de enterobacterias ($p < 0,0001$) por consiguiente C y Pb presentaron una menor relación Lactobacilos/Enterobacterias en comparación a L ($-0,03 \pm 0,66$ vs $1,00 \pm 0,96$ vs $6,47 \pm 0,50$ $p < 0,0001$). La ingesta de harina de lupino ocasionaría un descenso del pH debido a la fermentación de los GOS manteniendo el crecimiento de lactobacilos y disminuyendo el de enterobacterias en comparación al pan blanco. Los resultados obtenidos permitirían considerar a la harina de lupino como un potencial ingrediente prebiótico en el diseño de panificados más saludables en comparación al pan blanco a base de harina de trigo. * Financiado por UBACyT N° 20020130200028BA y PICT N° 200.

078 (410) EVALUACIÓN DEL ESTADO REDOX EN EL CEREBRO EN UN MODELO EXPERIMENTAL DE EXCITOTOXICIDAD MEDIADA POR GLUTAMATO

Ailen G Hvozda Arana¹; Claudia G Reides¹; Romina M Lagagni Vitar¹; Susana F Llesuy¹; Sandra M Ferreira¹
Universidad de Buenos Aires. Facultad de Farmacia y Bioquímica. Cátedra De Química General e Inorgánica. IBIMOL UBA-CONICET

El glutamato es el principal neurotransmisor excitatorio del sistema nervioso central. Niveles incrementados de glutamato han sido asociados con desórdenes neurológicos como la epilepsia, isquemia cerebral, parkinson y glaucoma. El objetivo fue evaluar las alteraciones que se producen en el estado redox en el cerebro de ratas en un modelo experimental de excitotoxicidad mediado por glutamato. Se utilizaron 2 grupos de ratas Wistar (120 g): a un grupo (n=3) se le inyectó 2 mg de glutamato/ kg de peso por vía ip a los días 1, 5 y 9 y un grupo control (n=3) que se le inyectó por vía ip solución fisiológica en los mismos tiempos. Las determinaciones se realizaron en homogeneizados de cerebro. Se determinaron marcadores de daño a lípidos, los niveles de glutatión, la capacidad antioxidante total, la actividad de superóxido dismutasa (SOD) y los niveles de catalasa (CAT). Los resultados obtenidos indican que el glutamato produce una disminución significativa del 14% de los marcadores de peroxidación lipídica con respecto al control (2744 ± 6 pmol/mg de proteína; $p < 0,01$). Los niveles de glutatión en el grupo tratado se encuentran disminuidos significativamente en un 34% con respecto al control ($2,6 \pm 0,3$ $\mu\text{mol/g}$ órgano; $p < 0,01$). La capacidad antioxidante total se encuentra disminuida significativamente en un 38% en el grupo tratado con respecto al control ($8,9 \pm 0,4$ nmol/ mg de proteína; $p < 0,01$). No se observaron cambios significativos en la actividad de SOD ni en los niveles de CAT. Estos resultados sugieren que en este modelo experimental se observa una disminución significativa de los niveles de antioxidantes no enzimáticos sin alteraciones en las enzimas antioxidantes evaluadas. El daño a lípidos se encuentra disminuido, lo cual podría sugerir que es a expensas de consumir antioxidantes no enzimáticos. Esta situación puede ser revertida por la utilización de estrategias terapéuticas con sustancias antioxidantes.

079 (496) GLUTAMINA COMO ESTRATEGIA TERAPÉUTICA PARA LA PROTECCIÓN DE LA ABSORCIÓN INTESTINAL DE CALCIO AFECTADA POR ESTRÉS OXIDATIVO

Luciana Beatriz Moine¹; Gabriela Edith Díaz De Barboza²; Adriana Pérez²; Nori Graciela Tolosa De Talamini^{1,2}
Lab Metabolismo Fosfocalcico y Vit D Dr Fernando Cañas. INICSA-CONICET. UNC¹ Cátedra de Bioquímica y Biología Molecular. Facultad de Ciencias Médicas. UNC²

Menadiona (MEN) disminuye la absorción intestinal de Ca²⁺ a través de estrés oxidativo y apoptosis de enterocitos. Se ha reportado que glutamina (GLN) previene la muerte celular desencadenada por estrés oxidativo. Entonces, es posible suponer que

su administración puede prevenir los efectos causados por MEN. Por ello, nos propusimos estudiar el rol protector de GLN sobre la absorción intestinal de Ca²⁺ alterada por la quinona. Se evaluó el efecto de GLN en pollos Gallus gallus adultos. La absorción intestinal de Ca²⁺ se midió por la técnica del asa intestinal ligada in situ. Se cuantificó el contenido de glutatión intracelular (GSH) y la actividad de las enzimas antioxidantes catalasa (CAT) y superóxido dismutasa (SOD) por espectrofotometría. La apoptosis se evaluó por la técnica de TUNEL, expresión de proteínas pro y antiapoptóticas por western blot y determinación de la actividad de caspasa 3 por ELISA. Los datos se analizaron mediante ANOVA a una vía y test de Bonferroni, considerando diferencias significativas a $p < 0,05$. Los resultados indican que la menor dosis y tiempo de tratamiento para la prevención de la absorción intestinal de Ca²⁺ fue 0,5g de GLN/kg de peso corporal (pc) por vía oral administrada 30 min antes de 2,5 μmol de MEN/kg de pc por vía intraperitoneal. GLN previno la disminución de GSH y el aumento de la actividad de CAT y SOD provocada por MEN. Evitó el incremento de enterocitos TUNEL positivos, de la actividad de caspasa 3 y de la expresión proteica de la molécula proapoptótica FAS producidos por MEN. Se observó una tendencia a prevenir la disminución de la expresión de calbindina D28k, proteína antiapoptótica. En conclusión, GLN protege a los enterocitos de la apoptosis desencadenada por MEN. Probablemente, este efecto se deba al mantenimiento del estado redox y al bloqueo de la vía apoptótica extrínseca mediada por FAS. GLN protegería la absorción intestinal de Ca²⁺ por mantenimiento del número de células con capacidad de absorción.

080 (587) ESTUDIO DE LA VÍA DE SEÑALIZACIÓN HEPÁTICA DE INSULINA EN RATONES KNOCK-OUT PARA EL RECEPTOR TNFR1 (KOR1) EN UN MODELO DE DIETA RICA EN GRASA (HIGH FAT DIET, HFD)

Flavia Lambertucci¹; Ainelen Arboatti¹; María Guillermina Sedlmeier¹; Silvina Villar²; María Paula Ceballos¹; Eduardo Roggero²; María De Lujan Alvarez¹; Ariel Quiroga¹; Cristina Ester Carnovale¹; Daniel Eleazar Frances¹; María Teresa Ronco¹
IFISE¹ IDICER²

La obesidad es considerada un proceso inflamatorio con aumento de TNFa, que al interactuar con el receptor TNFR1, modula la vía de señalización de la insulina a través de la activación de JNK (c-Jun N-terminal quinasa) disminuyendo la amplificación intracelular de la señal. En el presente trabajo nos planteamos evaluar el rol del receptor TNFR1 hepático en la vía de señalización de la insulina en un modelo de dieta rica en grasa. Ratones adultos C57BL/6 wild type (WT) y KOR1 (n=6 c/u) fueron alimentados con dieta estándar (CHOW-WT, CHOW-KOR1) y con dieta rica en grasa (40%) durante 16 semanas (HFD-WT, HFD-KOR1). Glicemia (mg/dl, ayuno 10 h): CHOW-WT: $91,8 \pm 13,0$; CHOW-KOR1: $71,7 \pm 4,4$; HFD-WT: $136,6 \pm 7,2$; HFD-KOR1: $100,6 \pm 4,4$ †# (* $p < 0,05$ vs CHOW-WT; † $p < 0,05$ vs CHOW-KO; # $p < 0,05$ vs HFD-WT). La prueba de tolerancia a la glucosa (2gr/kg p.c.) mostró un aumento significativo en los valores del área bajo la curva en los ratones HFD-WT (+23%), CHOW-KOR1 (+36%), HFD-KOR1 (+42%) vs CHOW-WT ($p < 0,05$). Para evaluar, in vivo, la vía de señalización de insulina a los ratones de los distintos grupos se les administró insulina corriente (0,75U/kg p.c.) 15 minutos antes de la eutanasia. Se determinó por Western Blot la fosforilación (P) del Receptor de Insulina (RI), de las proteínas AKT y JNK, observándose un cambio significativo en los animales HFD-WT (P-RI: -43%, P-AKT: -35%, P-JNK: +30%) con respecto a los CHOW-WT ($p < 0,05$). Además se observó una disminución en P-RI, P-AKT y P-JNK en los animales KO en ambas dietas: CHOW (P-RI: -20%, P-AKT: -35%, P-JNK: -26%) y HFD (P-RI: -31%, P-AKT: -44%, P-JNK: -22%) ($p < 0,05$). Estos resultados fueron corroborados en un modelo in vitro de cultivo primario de hepatocitos de ratones WT y KOR1. Nuestros resultados sugieren que la ausencia del receptor TNFR1 produce una disminución en la activación de la vía de señalización de insulina hepática, tanto en CHOW como HFD, y que la misma no estaría mediada por activación de JNK.

081 (602) INHIBICIÓN DE LA ACTIVIDAD DE MIELOPEROXIDASA EN EL PULMÓN OBESO MEJORA LA SENSIBILIDAD A LA INSULINA

María Cecilia Della Vedova¹; Marcos David Muoz¹; Martin Rinaldi Tosi¹; María Gabriela Plateo-Pignatari¹; María Jose German²; Silvana Garcia¹; Sandra E. Gómez-Mejiba¹; Nidia Noemi Gómez²; Dario Ceferino Ramirez¹
 IMIBIO-SL¹ Universidad Nacional de San Luis²

El efecto y mecanismo de la inflamación sistémica crónica sobre la inflamación pulmonar y como esta afecta la resistencia a la insulina (RI) en sujetos obesos no ha sido elucidado. Previamente hemos reportado que el pulmón de ratones obesos por la dieta contiene más neutrófilos, mieloperoxidasa (MPO) y marcadores de oxidación por HOCl. Por otro lado, la hidrazida del ácido 4-aminobenzoico (ABAH) inhibe la producción de HOCl por MPO (IC50% 0.3 mM). Hipotetizamos que la producción de HOCl por MPO en el pulmón obeso agudiza la RI periférica mediante la liberación de productos oxidados y mediadores de la inflamación, resultantes de la inflamación neutrofílica pulmonar, en la circulación sistémica. Para probar nuestra hipótesis un grupo de ratones B6 fue alimentado ad-libitum por 16 semanas con una dieta rica en grasa y fructosa (HFD+F, obesos) y una dieta baja en grasa (LFD, control). Durante la última semana de dieta los animales fueron intratraquealmente instilados diariamente con: PBS(vehículo), LPS[50mg/ratón], ABAH[0,5nmoles/ratón] y ABAH+LPS. A nivel pulmonar y sistémico, y con respecto al grupo control, los ratones obesos tuvieron mayor: glucemia basal, RI (AUC), neutrófilos, actividad y proteína MPO, marcadores de estrés oxidativo (clorotirosina y nitrotirosina) y TNF- α . El pre-tratamiento con ABAH redujo la actividad de MPO en pulmón y suero, y además normalizó la RI en obesos. Por otro lado, la instilación intratraqueal de LPS a ratones control y obesos incrementó el contenido de neutrófilos, MPO y marcadores de estrés oxidativo e inflamación, e indujo (en control) o agudizó (en obesos) la RI. Estos efectos de LPS en ratones control y obesos fueron prevenidos en ratones control y obesos pre-tratados con ABAH. Estos datos garantizan la búsqueda de inhibidores de MPO para reducir la inflamación pulmonar y sistémica, y por ende reducir la RI en obesos, especialmente aquellos expuestos a contaminantes del aire. PICT-2014-3369/PROICO-2-3214 (DCR) y PROICO10-0414(SEGM)

082 (639) DOS NUEVOS CASOS DE COEXISTENCIA DE PORFIRIA VARIEGATA Y PORFIRIA CUTANEA TARDIA

Viviana Alicia Melito²; Gabriela Nora Cerbino¹; Nancy Medina¹; Bárbara Xoana Granata¹; Marcelo Néstor Guolo¹; Fabiana Alejandra Caballero¹; María Victoria Rossetti¹; Victoria Estela Parera¹
 CIPYP - CONICET - UBA¹ FCEyN - UBA²

Las Porfirias son enfermedades raras, hereditarias e independientes entre sí, pero existen casos de coexistencia como Porfiria Cutánea Tardía (PCT) y Porfiria Variegata (PV) en una familia o un individuo. La PCT puede ser Adquirida (PCT-A: 75%) y resulta de una falla genética en la Uroporfirinógeno decarboxilasa (URO-D) o de su inhibición y se manifiesta con lesiones dermatológicas en zonas expuestas. La PV es una Porfiria mixta por actividad reducida de la Protoporfirinógeno oxidasa (PPOX), con sintomatología aguda y/o cutánea. En PV: ác. delta-aminolevulíco (ALA), porfobilinógeno (PBG) y porfirinas (PTO) urinarios elevados en los ataques agudos; porfirinas fecales aumentadas (PTMF) con patrón de excreción e Índice de porfirinas plasmáticas (IPP) característicos. Los pacientes PCT tienen porfirinas urinarias, con predominio de uro y heptaporfirinas e IPP elevados. Se estudiaron 2 pacientes con manifestación cutánea pertenecientes a familias PV. P1: portador latente de la mutación familiar (c.808-1G/C), desencadenó sintomatología cutánea a los 70 años. P2: joven de 30 años presentó síntomas cutáneos luego de tomar anticonceptivos durante 4 años. Se cuantificaron ALA, PBG, PTO, IPP, PTMF y patrones de excreción de PTO y de PTMF. Se amplificaron y secuenciaron los genes que codifican para la PPOX y la URO-D. P1: PTO= 8594 μ g/24h, CRO: 45% Uro, 30% Hepta, 5% Hexa, 10% Penta, 10% Copro; IPP= 3,63 (619nm). PTMF: 280 μ g/gseco.

P2: PTO= 4790 μ g/24h, CRO: 50% Uro, 35% Hepta, 5% Hexa, 5% Penta, 5% Copro, IPP= 5,32 (619nm). PTMF= 446 μ g/gseco. No se detectó la mutación familiar (c.503 G >A, p.R168H). No se detectó mutación en el gen URO-D indicando que en ambos pacientes se trata de PCT-A. Estos casos enfatizan la importancia de establecer el diagnóstico diferencial correcto para aplicar el tratamiento específico, en particular cuando coexisten una Porfiria netamente cutánea (PCT) y otra con compromiso agudo (PV), con abordajes terapéuticos y consejo genético diferentes.

083 (649) LONGITUD TELOMÉRICA EN PACIENTES CON DIABETES TIPO 2 DESCOMPENSADA METABÓLICAMENTE Y LUEGO DEL TRATAMIENTO

Andrea Elena Iglesias Molli¹; Andrea Millán¹; Alberto Penas Steinhart^{2,3}; María Amelia Linari⁴; Gloria Edith Cerrone¹; Gustavo Daniel Frechtel¹
 INIGEM, Laboratorio de Diabetes y Metabolismo, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA-CONICET.¹ IDEHU, División Endocrinología, Hospital de Clínicas "José de San Martín", UBA-CONICET² Instituto Universitario en Ciencias de la Salud, Fundación "H.A.Barceló", Secretaría de Ciencia y Te³ Sección de Endocrinología y Nutrición, UOM Vicente López⁴

Introducción: La diabetes de tipo 2 (DM2) se caracteriza por presentar un estado de inflamación crónica de bajo grado, que se asoció a una menor longitud telomérica (LT). Objetivos: Estudiar la LT en pacientes con DM2 descompensada y luego del tratamiento; y correlacionarlo con variables bioquímico-clínicas. Metodología: Se estudiaron 30 pacientes con DM2 descompensados metabólicamente (HbA1c>8%), y luego de 6 meses de tratamiento farmacológico y cambios en el estilo de vida (HbA1c<7%). A todos ellos se les tomaron determinaciones bioquímicas, clínicas y antropométricas. La LT se determinó por PCR cuantitativa en tiempo real por método SYBR Green, midiendo por duplicado la relación entre la longitud de los telómeros y el número de copias simples del gen RPLPO (radio T/S) en ADN genómico extraído de sangre periférica por la técnica del CTAB. Los resultados se analizaron estadísticamente en SPSS 20.0 con un nivel de significación de 0,05. Resultados: Las variaciones de la LT luego del tratamiento no mostraron cambios estadísticamente significativos, pero se observó una asociación entre el aumento de la LT y una mayor disminución en los valores de HbA1c (p=0.049, r=0.485). La LT se asoció con la edad (p=0.010, r=-0.588), y se observó una correlación negativa entre la variación en la LT y la edad (p=0.035, r=-0.513). Además se observó una correlación positiva entre la variación de la LT y la dosis de metformina empleada en el tratamiento (p=0.007, r=0.627). Conclusiones: En aumento en la LT se asoció a los pacientes que presentaron un mejor control metabólico, evaluado en función al nivel de disminución de los valores de HbA1c. Además los pacientes de edades avanzadas mostraron mayor acortamiento de la LT comparado a aquellos más jóvenes. Hace falta definir el efecto farmacéutico de la metformina sobre el LT.

084 (669) EFECTOS DE LA MALNUTRICIÓN PROTEICA DURANTE EL DESARROLLO SOBRE LA FISIOLÓGIA HEPÁTICA DE RATAS ADULTAS

Rocío Abalo¹; Stella Maris Echarte²; Estela Motta³; Eduardo Horacek³; Sabrina Campisano¹; Andrea Chisari²
 Departamento de Química, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, UNMdP¹ Instituto de Investigaciones Biológicas, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, UNMdP² Servicio de Laboratorio Central; Hospital Dr Oscar Alende, Mar del Plata³

Estudios recientes demostraron que las consecuencias de una nutrición inadecuada en el útero pueden extenderse a la etapa adulta del organismo afectado. Estas observaciones llevaron a la formulación de una hipótesis conocida globalmente bajo el nombre de "fetal programming" (programación fetal); la misma se basa en la relación entre un bajo peso al nacer, generalmente ocasionado por una dieta restrictiva en las madres gestantes, y

la susceptibilidad a padecer diferentes patologías en la etapa adulta. El objetivo es estudiar los efectos de una malnutrición proteica durante la gestación-lactancia, al destete y hasta los 120 días de edad sobre la función hepática de los descendientes. Se emplearon ratas Wistar preñadas alimentadas con una dieta con 8% de proteínas durante la gestación-lactancia. Al día 120 post-nacimiento los animales fueron sacrificados, se les extrajo sangre por punción cardíaca y se disecó el hígado. Se registró el peso corporal y del hígado. Se evaluó los niveles séricos de las transaminasas (GOT y GPT), proteínas totales (Pt), triglicéridos (TG), colesterol (Col) y glucemia (Glu). La estructura hepática se analizó en cortes histológicos. Los pesos corporales y hepáticos resultaron significativamente ($p < 0,05$) menores en los individuos del grupo MM respecto a los CC y MC. Los niveles séricos de Pt y Col no mostraron diferencias significativas; mientras Glu y TG resultaron mayores en MC respecto de los CC y MM (diferencias significativas $p < 0,05$). La curva de Tolerancia a la glucosa mostró tener un área inferior significativamente en MM ($p < 0,05$). Los preparados histológicos presentaron diferencias notorias: los MM poseen gran cantidad de vacuolas lipídicas. En Conclusión: La falta de proteínas durante el desarrollo, compromete la integridad a nivel estructural y funcional del hígado, que se manifiestan en la adultez.

CARDIOVASCULAR 1

085 (44) EL CARVEDILOL Y SUS ANÁLOGOS PREVIENEN LAS ARRITMIAS INDUCIDAS POR DIGITÁLICOS

Luis Alberto Gonano¹; Tamara Tottef¹; Marisa Sepúlveda¹; Alicia Mattiazzi¹; Wayne Chen²; Martín Vila Petroff¹
 Centro de investigaciones cardiovasculares. UNLP-CONICET¹ Universidad de Calgary²

El efecto inotrópico producido por la inhibición de la Na⁺/K⁺-ATPasa con digitálicos ha sido usado para tratar la insuficiencia cardíaca por más de 200 años. Sin embargo, la ventana terapéutica de estos fármacos se ve limitada por la aparición de arritmias. Recientemente demostramos que estas arritmias son mediadas por la fosforilación del receptor de ryanodina (RyR2), que promueve la pérdida espontánea de Ca²⁺ del retículo sarcoplasmático (RS). Teniendo en cuenta estudios que muestran que el Carvedilol y sus análogos son capaces de prevenir las arritmias inducidas por sobrecarga de Ca²⁺ del RS, hipotetizamos que al reducir la probabilidad de apertura del RyR podrían prevenir las arritmias inducidas por digitálicos. En cardiomiocitos de rata estimulados a 0.5 Hz y tratados con ouabaina, observamos un aumento del 60 ± 5% (n=15) en la amplitud de contracción y la aparición de contracciones espontáneas (CE) al retirar la estimulación eléctrica. El tratamiento con Ouabaina 50 µM aumentó el número de CE de 11 ± 4/10 min (en ausencia de Ouabaina) a 69 ± 10/10min (n=13). Al realizar experimentos similares en presencia de 1 µM Carvedilol, la frecuencia de CE se redujo significativamente (24 ± 4/10min; n=13. $P < 0,05$). Para confirmar que la capacidad del Carvedilol para prevenir la actividad espontánea inducida por ouabaina se debe a su capacidad de estabilizar el RyR y no a su efecto β bloqueante, repetimos experimentos; 1) en presencia de un bloqueante β distinto, el Atenolol y 2) en presencia de un análogo del Carvedilol con mínima actividad β bloqueante (VK-II-86). Observamos que 1 µM Atenolol no fue capaz de prevenir las CE inducidas por Ouabaina (65 ± 20 eventos/10min; n=7) en tanto que VK-II-86 redujo significativamente la frecuencia de CE inducidas por Ouabaina (39 ± 9 eventos/10min; n=14. $P < 0,05$). Concluimos que el tratamiento combinado de digitálicos con análogos del Carvedilol podría ampliar la ventana terapéutica de los primeros, al reducir el riesgo de arritmias.

086 (50) EL BLOQUEO CRÓNICO DEL RECEPTOR DE ENDOTELINAS A (ET-A) REGULA LA PRESIÓN ARTERIAL (PA) Y LA TIROSINA HIDROXILASA (TH) EN BULBO OLFATORIO (BO) DE RATAS HIPERTENSAS DOCA-SAL

Luis Roberto Cassinotti¹; María Julia Guil¹; Vanina Paola Morales¹; Liliána Bianciotti²; Marcelo Sergio Vatta¹

Cátedra de Fisiología, IQUIMEFA-CONICET, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires¹
 Cátedra de Fisiopatología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA. INIGEM-CONICET²

Numerosos estudios demostraron la participación del sistema nervioso central (SNC) en la regulación de la PA y en el desarrollo y/o mantenimiento de la hipertensión. El SNC juega un papel clave en la regulación a corto plazo de la PA y nuevas investigaciones avalan su participación a largo plazo. Poco se conoce acerca del papel del BO en el control de la actividad cardiovascular. Resultados de nuestro laboratorio demostraron que la transmisión noradrenérgica se encuentra aumentada en el BO de ratas hipertensas DOCA-sal. El tratamiento agudo con el antagonista del receptor ET-A (BQ-610), administrado vía intracerebroventricular (ICV), disminuyó la transmisión noradrenérgica lo que se vio acompañado por una disminución de la PA en estos animales. Como existen diferencias entre la regulación aguda y crónica de la PA, el objetivo del presente trabajo es estudiar los efectos crónicos de la infusión ICV de BQ-610 (100ng/ul, flujo de 12ng/h) en los animales DOCA-sal. Durante cinco semanas se evaluó la PA y la frecuencia cardíaca. Los dos grupos experimentales, normotenso y DOCA-sal, fueron subdivididos a la cuarta semana en dos subgrupos; uno recibió líquido cefalorraquídeo artificial y el otro BQ-610 durante 7 días. Finalizada la semana 5 los animales se sacrificaron y se aisló el BO para la evaluación de los niveles totales de la TH y sus variantes fosforiladas en las serinas 19, 31 y 40 como marcadores de la actividad de la enzima. Los resultados mostraron que el BQ-610, administrado crónicamente, en las ratas DOCA-sal disminuyó la PA en 20mmHg. Además, en BO los niveles totales de la TH y de todas las variantes fosforiladas disminuyeron en los animales hipertensos tratados. Estos resultados muestran que el bloqueo crónico central del receptor ET-A disminuye la PA en los animales DOCA-sal y produce la disminución de la transmisión noradrenérgica en el BO lo que sugiere una relación entre el esta región del SNC y la regulación central de la función cardiovascular.

087 (51) EL TRATAMIENTO CON UN EXTRACTO DE CACAO ENRIQUECIDO EN POLIFENOLES DISMINUYE EL TAMAÑO DEL INFARTO Y MEJORA EL ESTADO MITOCONDRIAL EN RATAS NORMOTENSAS E HIPERTENSAS ESPONTÁNEAS (SHR)

Luisa Fernanda Gonzalez Arbelaez^{1,3}; Juliana C Fantinelli^{1,3}; Alejandro Ciocci Pardo^{1,3}; José Luis Ríos²; Guillermo Schinella³; Susana M Mosca^{1,3}
 Centro de Investigaciones Cardiovasculares¹ Universitat de Valencia, España² Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de La Plata³

Alimentos derivados del cacao, Theobroma cacao L. (Sterculiaceae), tales como chocolate y productos relacionados, son alimentos ricos en polifenoles que resultan del procesamiento industrial del grano. Nuestro objetivo fue determinar los efectos de un extracto de cacao enriquecido en polifenoles (EC) en isquemia-reperusión miocárdica. Los principales componentes del EC utilizado son: epicatequina, procianidina B2, catequina y procianidina B1. Corazones aislados de ratas normotensas (Wistar, W) e hipertensas espontáneas (SHR) fueron sometidos a 30 min de isquemia global y 60 min de reperusión según la técnica de Langendorff. En el grupo tratado, EC (30 µg/ml) fue administrado durante los 10 primeros minutos de la reperusión. Se midió el tamaño del infarto y la expresión de las formas fosforiladas de Akt, GSK-3β y eNOS. El estado mitocondrial fue evaluado a través de la medición de la respuesta al calcio del poro de permeabilidad transitoria de la mitocondria (PPTM) por cambios de la dispersión de la luz (DL) y el potencial mitocondrial (Dym) en mitocondrias aisladas. EC disminuyó significativamente el tamaño del infarto (9 ± 1 y 12.4 ± 0.6% vs. 29 ± 2 y 31 ± 2% para W y SHR, respectivamente), y aumentó la expresión de P-Akt, P-GSK-3β y P-eNOS. La respuesta del PPTM al calcio aumentó significativamente en mitocondrias de ratas tratadas con respecto a las controles (0.60 ± 0.02 vs. 0.15 ± 0.04 u.a. en

W; 0.54 ± 0.03 vs. 0.10 ± 0.02 u.a. en SHR). El Dym fue más electronegativo en los animales tratados (-134 ± 11 vs. -110 ± 4 mV para W control; -122 ± 8 vs. -110 ± 9 mV en SHR control). Estos datos demuestran que EC disminuye el tamaño del infarto siendo mayor en las ratas normotensas. Este efecto aparece asociado a una mejora del estado mitocondrial traducido en una mayor respuesta al calcio y una menor despolarización. Estas acciones beneficiosas serían mediadas a través de la activación de vías dependientes de Akt, GSK-3 β y eNOS.

088 (70) EFECTOS DEL COMPUESTO C (CC), INHIBIDOR DE LA KINASA ACTIVADA POR AMP (AMPK) EN AURÍCULAS AISLADAS DE RATAS SOMETIDAS A ISQUEMIA-REPERFUSIÓN SIMULADAS (IS-RS) EN PRESENCIA DE ÁCIDOS GRASOS (AG) EN EL MEDIO DE INCUBACIÓN
 Hermann, Romina; Fernandez Pazos, María De Las Mercedes; Mestre Cordero, Victoria; Reznik, Federico; Velez, Debora; Savino, Enrique; Marina Prendes, María Gabriela; Varela, Alicia
 Cátedra de Fisiología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA. IQUIMEFA-CONICET

El papel desempeñado por la AMPK, en la injuria por isquemia-reperfusión es controversial. Está bien demostrado que esta enzima se activa en la isquemia, activación que persiste en la reperfusión, estimulando la glucólisis y la oxidación de los AG. Además, se ha hallado que los niveles plasmáticos de AG se elevan junto con la aparición de los síntomas asociados con el infarto agudo de miocardio y, en modelos experimentales de isquemia-reperfusión, los AG en concentraciones similares a las halladas en la clínica, disminuyen la recuperación funcional. El objetivo fue estudiar los efectos del CC (10 μ M), administrado durante la Is-Rs, en la aurícula izquierda sometida a 75min Is-75min Rs en presencia de AG, analizando la recuperación contráctil y la viabilidad celular. Aurículas izquierdas de ratas hembras estimuladas a 1Hz fueron incubadas isométricamente en Krebs-Ringer (glucosa 10 mM, O₂ 95%-CO₂ 5%, pH 7.4) o en dicho medio conteniendo palmitato-albúmina 1,2 mEq/L. En la Is se reemplazó O₂ por N₂, glucosa por 2-desoxiglucosa 10 mM, se sustrajeron los AG, pH 6,8. Se empleó ANOVA, n=8. La presencia de AG en el medio de incubación disminuyó la recuperación contráctil y el CC careció de efectos en todos los grupos. (Fuerza sistólica pico (Fs%): Is-Rs 39 \pm 3; Is-Rs+CC 42 \pm 3; Is-Rs+AG 27 \pm 2*; Is-Rs+AG+CC 26 \pm 3*; *p<0,05 vs Is-Rs, Is-Rs+CC). Con el fin de aumentar la exigencia energética, se evaluó la máxima respuesta inotrópica al Isoproterenol 2 μ M (ISO) añadido al final de la Rs. Tanto los AG como el CC disminuyeron la reserva contráctil. Sin embargo, la disminución en presencia de AG fue revertida por el CC (Fs%: Is-Rs 91 \pm 9; Is-Rs+CC 67 \pm 7*; Is-Rs+AG 66 \pm 8*; Is-Rs+AG+CC 92 \pm 5; *p<0,05 vs Is-Rs, Is-Rs+AG+CC). Ni los AG, ni el CC afectaron la viabilidad celular (técnica MTT) (%: Is-Rs 72 \pm 9; Is-Rs+CC 64 \pm 9; Is-Rs+AG 64 \pm 6; Is-Rs+AG+CC 76 \pm 4). Los resultados sugieren que la AMPK resultaría nociva o beneficiosa dependiendo de los sustratos energéticos presentes en la reperfusión.

089 (104) EFECTO DEL TRATAMIENTO DE PROANTOCIANIDINAS EXTRAÍDAS DE LIGARIA CUNEIFOLIA (LC) EN RATAS WISTAR CON DIETA HIPERLIPÉMICA SOBRE LA CONCENTRACIÓN DE COLESTEROL PLASMÁTICO Y LA VISCOSIDAD SANGUÍNEA
 Gloria García¹; Diego Crosetti¹; Alicia Dominighini¹; Sebastian Galliano¹; Natasha Gerschovskiy¹; Jose Gonzalez²; Leda Urli¹; Juan Monti²; María Teresa Ronco²; Marcelo Wagner³; Cristina Carnovale²; Alejandra Luquita¹
 Biofísica - FCM - UNR¹ Fisiología - Fac. Cs. Bioq. y Farm. - UNR-CONICET² Farmacobotánica - Fac. Farm. y Bioq. - UBA³

Lc o "muérdago criollo" es utilizada como infusión en medicina popular para dar mayor fluidez a la sangre disminuyendo el exceso de colesterol plasmático. Anteriormente demostramos que en ratas tratadas con extracto crudo de Lc vía intraperito-

neal (i.p.), disminuye el colesterol (Co) plasmático y aumenta la viscosidad sanguínea. Del extracto crudo se purificó Proantocianidina (PLC). Analizamos el efecto del tratamiento de PLC sobre la concentración plasmática de Co y la viscosidad sanguínea. Ratas Wistar macho adultas endocriadas (n=24), de 70 días de edad, tratadas de acuerdo a normas internacionales, fueron alimentadas durante 28 días con dieta estándar adicionada con 40% de primer jugo bovino (cada 100g: 1,2g de Co, 1,06g de grasa total y 6,8g de proteínas). Se utilizaron ratas Controles (C) (n=12) inyectadas i.p. con solución fisiológica y Tratadas (T) (n=12) inyectadas i.p. con PLC 3mg/100g peso corporal, cada 24 horas durante 3 días. Al cuarto día las ratas se anestesiaron con Ketamina-Xilacina (100mg/kg-3mg/kg i.p.), obteniéndose sangre por punción cardíaca. Se determinaron en plasma: Co, CoHDL, CoLDL y Triglicéridos (TG) por métodos enzimáticos. En sangre: viscosidad sanguínea y plasmática con viscosímetro rotacional Wells-Brookfield LVT a una velocidad de cizallamiento de 230 s⁻¹ a 37 °C. La viscosidad sanguínea relativa estandarizada a un hematocrito de 45%(VSrs), se calculó como: (Viscosidad sanguínea/Viscosidad plasmática) 45/Hto. Resultados(media \pm ES): Co plasmático (mg%): C:97,50 \pm 4,69, T:53,47 \pm 4,14**; CoHDL: C:25,00 \pm 0,87, T:24,00 \pm 0,79 (ns vs. C); CoLDL: C:24,12 \pm 1,20, T:19,03 \pm 0,33**; TG: C:164,62 \pm 29,55, T:83,30 \pm 6,63**; VSrs: C:6,39 \pm 0,32, T:5,85 \pm 0,08* (*p<0,05; **p<0,001). El tratamiento con PLC produce un descenso de Co plasmático, CoLDL y TG, que conduce a disminución de la viscosidad sanguínea en ratas hiperlipémicas. Es importante haber logrado una fracción de Lc que es un potente hipolipemiante.

090 (197) PAPEL DEL OXIDO NITRICO SOBRE EL EFECTO INOTRÓPICO NEGATIVO ASOCIADO CON EL ESTRÉS HIPEROSMÓTICO
 Malena Morell; Luis Gonano; Juan Ignacio Burgos; Martin G Vila Petroff
 Centro de Investigaciones Cardiovasculares Dr Horacio E Cingolani

En diferentes situaciones patológicas como estados de deshidratación severa, hiperglucemia, hiperlipidemia y diabetes, los cardiomiocitos sufren encogimiento osmótico y éste se asocia con un efecto inotrópico negativo (EIN). En un trabajo previo demostramos que el hinchamiento hipotónico promueve la liberación de Óxido Nítrico (NO) y que éste aportaría soporte contráctil. El objetivo de este estudio es evaluar si el estrés hiperosmótico (SH) también promueve la liberación de NO y de ser así, examinar su impacto sobre la contractilidad. La perfusión de miocitos cardíacos de ratas wistar macho, cargados con el sensor de NO (DAF-FM), con una solución hipertónica (SH:440 mOsm) provoca la disminución del volumen celular (26% \pm 1.95; n=21) y el aumento de la fluorescencia de DAF-FM (10% \pm 2.55; n=22) comparado con miocitos perfundidos con solución isosmótica (SI:309 mOsm; n=10). Cuando se exponen las células a la SH suplementada con L-NAME (inhibidor de las Óxido Nítrico Sintetas (NOS)), con Nitroguanidina (NG:inhibidor de la NOS1) y con Wortmanina (WT:inhibidor de la NOS3) éstas sufren la reducción en su volumen pero con ausencia de liberación de NO. Cuando se cargan las células con el indicador de Ca²⁺ FURA 2 AM se observa que el transitorio de Ca²⁺ no se modifica durante el estrés hiperosmótico, pero se detecta una marcada reducción en la amplitud de contracción (67.9% \pm 5.6; n=10) sugiriendo que el SH produce un EIN debido a una disminución en la sensibilidad de las proteínas contráctiles al Ca²⁺. El EIN observado durante el SH se exacerba en presencia de L-NAME y de WT (88.06% \pm 4.5; n=11 y 89.36% \pm 5.84; n=5 respectivamente) pero no se modifica con NG, sugiriendo que el NO derivado de la NOS3 estaría generando el soporte contráctil. Estos resultados sugieren que durante el estrés hiperosmótico se libera NO vía NOS1 y NOS3. La isoforma NOS3 sería la encargada de jugar un papel protector al reducir el EIN asociado con el estrés hiperosmótico.

091 (203) IGF-1 COMO POTENCIAL MEDIADOR DE LA CARDIOPROTECCIÓN INDUCIDA POR EL ENTRENAMIENTO

AERÓBICO EN RATAS SHR: ROL DEL NHE-1 Y DE LAS ESPECIES REACTIVAS DEL OXÍGENO

Alejandra Del Milagro Yeves; Andres Javier Medina; Irene Lucia Ennis
Centro de Investigaciones Cardiovasculares. Fac. Cs. Médicas. UNLP-CONICET

El miocardio de las ratas espontáneamente hipertensas (SHR) presenta alteraciones estructurales y funcionales características de la hipertrofia cardíaca patológica, entre las que se destacan el aumento del estrés oxidativo, la hiperactividad del intercambiador Na⁺/H⁺ cardíaco (NHE-1) y la activación de calcineurina, fosfatasa ríe abajo del NHE-1. Recientemente, demostramos que una rutina diaria de natación es capaz de convertir el remodelado cardíaco patológico de las ratas SHR en fisiológico, proceso acompañado de una disminución de la actividad de calcineurina. En el proyecto actual nuestro objetivo fue evaluar si uno de los efectores del ejercicio aeróbico, el factor de crecimiento similar a insulina 1 (IGF-1) inhibe la hiperactividad del NHE-1 y el estrés oxidativo en ratas SHR. La actividad del NHE-1 y la producción de H₂O₂ se determinaron por epifluorescencia en cardiomiocitos aislados cargados con los indicadores BCECF-AM y DCF-DA, respectivamente. IGF-1 (10nmol/L) indujo una disminución significativa de la actividad del NHE-1, expresada como eflujo de H⁺ durante la recuperación de una acidosis intracelular [JH⁺, en mmol/L/min vs pHi; IGF-1 (n=7) vs control (n=17), p<0.05], efecto que se previno en presencia del antagonista específico del receptor de IGF-1, AG1024 (100 nmol/L, n=6; NS vs control). Además, el IGF-1 disminuyó significativamente el contenido de H₂O₂ intracelular, expresado como% a los 10 min respecto al tiempo cero (IGF-1: 395±275, n=7 vs control: 206±45, n=9), resultado evitado por AG1024 (542±149%, n=3; NS vs control). El efecto antioxidante de IGF-1 se correlacionó con un aumento de la actividad de la superóxido dismutasa, (en U/mg: IGF-1: 20±1.5, n=7 vs control: 14.5±1.6, n=5, p<0.05). En resumen, nuestros resultados sugieren que la inhibición de la hiperactividad del NHE-1 y el efecto antioxidante del IGF-1 constituirían adaptaciones responsables del fenotipo cardíaco fisiológico de las ratas SHR sometidas a una rutina de natación.

092 (228) EFECTO INOTRÓPICO DEL IGF-1 EN CARDIOMIOCITOS AISLADOS DE RATÓN: ROL DEL ÓXIDO NÍTRICO (NO) Y DE LA QUINASA II DEPENDIENTE DE CA²⁺/CALMODULINA (CAMKII)

Juan Ignacio Burgos; Alejandra Yeves; Irene Ennis; Martín Vila-Petroff
Centro de Investigaciones Cardiovasculares Dr Horacio E. Cingolani, Facultad de Cs. Médicas, UNLP, CCT Conicet La Plata

Las enfermedades cardiovasculares representan la principal causa de muerte en el mundo y su prevalencia está en aumento. El entrenamiento físico aeróbico es una estrategia terapéutica propuesta para reducir la morbimortalidad cardiovascular. Entre los efectos cardíacos beneficiosos inducidos por el ejercicio se destaca un aumento de la contractilidad cardíaca. El principal mediador de la vía de señalización disparada por el entrenamiento es el factor de crecimiento insulínico de tipo 1 (IGF-1). Sin embargo, aún no se ha dilucidado si el IGF-1 ejerce un efecto directo sobre la contractilidad y en tal caso, el mecanismo intracelular involucrado. En este sentido, ha sido propuesto que la CaMKII desempeña un papel crítico en la adaptación cardíaca contráctil al ejercicio. El objetivo de nuestro trabajo fue explorar el efecto inotrópico del IGF-1 y las vías de señalización intracelular involucradas en cardiomiocitos aislados de ratón. IGF-1 (10 nM) indujo un aumento significativo del acortamiento celular (127,59±7,44%, n=9, vs. basal; p<0.05) que se previno por inhibición de la CaMKII con KN93 (2,5 μM, 102,67±2,54%, n=9) y de la síntesis de NO, potencial activador de esta quinasa [L-NAME, 2,5 mM: 79,57±3,39%, n=7; y nitroguanidina (NG), 240 nM: 81,34±6,15%, n=6]. Luego evaluamos la producción de NO, y tal como esperábamos detectamos un aumento significativo en

presencia de IGF-1 (142,56±4,24%, n=17), inhibido por L-NAME o NG (110,37±2,52%, n=11 y 114,98±1,33%, n=10, respectivamente), indicando un efecto estimulante de IGF-1 sobre la isoforma neuronal de la NOS (nNOS). La producción de NO inducida por IGF-1 no se redujo por KN93 (135,37±1,10%, n=9), sugiriendo que la activación de CaMKII sería un eslabón posterior en la cadena de señalización. En resumen, el IGF-1 tendría un efecto inotrópico positivo en los cardiomiocitos murinos mediado por la CaMKII cuya activación sería consecuencia del aumento de NO mediada por la nNOS.

093 (305) DESARROLLO DE HIPERTROFIA CARDÍACA INDUCIDA POR LA INHIBICIÓN ESPECÍFICA DEL COTRANSPORTADOR NA⁺/HCO₃⁻ ELECTROGÉNICO CARDÍACO

Romina A Di Mattia; María C Ciancio; Ernesto A Aiello; Alejandro Orlowski
Centro de Investigaciones Cardiovasculares Dr Horacio E. Cingolani

El cotransportador Na⁺/HCO₃⁻ cardíaco (NBC) es uno de los principales mecanismos alcalinizantes en los miocitos cardíacos. En el corazón se describieron dos isoformas del NBC; una electrogénica, NBCe1 (2 HCO₃⁻:1 Na⁺) y otra electroneutra, NBCn1 (1 HCO₃⁻:1 Na⁺). Aunque en cada ciclo ambas isoformas incorporan Na⁺ al interior celular, el NBCe1 lo hace de un modo más eficiente ya que contribuye con la mitad del Na⁺ por cada HCO₃⁻. El incremento del Na⁺ aumenta el Ca²⁺ intracelular conduciendo a la hipertrofia cardíaca (HC). Hemos demostrado una disminución de la actividad del NBCe1 y un incremento del NBCn1 en modelos de HC. Debido a la inexistencia de inhibidores farmacológicos específicos no se ha determinado aún la relación causa/consecuencia. Se desarrolló un ARN de interferencia (shNBCe1) en un vector lentiviral para estudiar el efecto de la inhibición del NBCe1 en la HC. Mediante western-blots se demostró la disminución de la expresión del NBCe1 en células transducidas (cont: 100±5, n=4 vs shNBCe1: 15±2, n=4, P<0.05). Con la técnica de inmunofluorescencia se determinó en cultivos de miocitos neonatales transducidos con el shNBCe1 una disminución significativa de la expresión del NBCe1. Además, se obtuvo aumento significativo del tamaño celular (cont: 14330±350, n=68 vs shNBCe1: 18570,61±611*, n=66, P<0.05). El lentivirus se inyectó en la pared antero-lateral del ventrículo izquierdo de rata. Luego de 30 días, se obtuvo mediante ecocardiografía el índice de masa ventricular izquierda, evidenciando un incremento en las ratas inyectadas con el shNBCe1 (shNBCe1: 1.85±0.07, n=2 vs cont: 1.57±0.03, n=2). Se aislaron los miocitos y se cargaron con el indicador de pH BCECF. Las células se despolarizaron con alto K⁺ para estudiar la actividad del NBCe1. Las células transducidas con el shNBCe1 mostraron una disminución de la actividad del NBCe1. Estos resultados indican una posible causa del desarrollo de hipertrofia cardíaca por una disminución de la actividad del NBCe1.

094 (489) IMPACTO DE LOS TRASTORNOS TIROIDEOS SOBRE LA FUNCIÓN CARDIOVASCULAR EN LA ADULTEZ. IMPLICANCIA DEL ÓXIDO NÍTRICO CARDÍACO

Natalia Soledad Ogonowski; Débora Pessah; Giselle Piro; Gustavo Cernadas; Noelia Arreche; Bernardita Puchulu; Ana Balaszczuk; Andrea Fellet
Facultad De Farmacia Y Bioquímica UBA

El objetivo fue estudiar la implicancia del óxido nítrico (NO) en los efectos cardiovasculares de las hormonas tiroideas (HT) durante el envejecimiento. Métodos: se utilizaron ratas macho Sprague-Dawley de 2 (jóvenes, j) y 18 (adultas, a) meses de edad eutiroides (EU), hipotiroideas (hipo, metimazol 0.02% en el agua de bebida durante 28 días) e hipertiroideas (Hiper, T3 60ug/kg animal i.p cada 2 días durante 28 días), (n=9/grupo). Se determinaron: presión arterial (PA) y frecuencia cardíaca (FC) (método directo), parámetros ecocardiográficos (modo M) y actividad de la NO sintasa (método de conversión de [14C (U)]-L-arginina en [14C (U)]-L-citrulina en aurícula derecha (AD) y ventrículo izquierdo (VI)). El análisis estadístico se realizó con el programa SPSS

Statistics 19.0 (IBM). Los datos se expresaron como la media (X) \pm error estándar de la media (ESM). Se consideró significativo el 5% de probabilidad (* $p < 0.05$ versus j del mismo estado tiroideo; † $p < 0.05$ versus EU del mismo grupo etéreo). Resultados:

	EU j	EU a	hipo j	hipo a	Hiper j	Hiper a
FC (lpm)	347 \pm 4	373 \pm 20	211 \pm 3†	184 \pm 17†	423 \pm 5†	359 \pm 15
PAM (mmHg)	91 \pm 3	65 \pm 2*	74 \pm 2†	50 \pm 2*†	78 \pm 1†	69 \pm 3*
Dd (mm)	5.20 \pm 0.18	9.97 \pm 0.15*	5.23 \pm 0.19	6.65 \pm 0.09*†	4.70 \pm 0.10	6.50 \pm 0.10*†
Ds (mm)	1.77 \pm 0.06	6.70 \pm 0.08*	2.17 \pm 0.10	3.65 \pm 0.36*†	2.28 \pm 0.07	3.60 \pm 0.15*†
Actividad NOS AD (pmol, 103/g.h)	16 16861 \pm 13	4420 \pm 20*	288 \pm 10†	1235 \pm 9*†	1282 \pm 20†	1581 \pm 10*†
Actividad NOS VI (pmol, 103/g.h)	146 \pm 3	1565 \pm 20*	2571 \pm 15†	4324 \pm 10*†	2345 \pm 18†	2496 \pm 20†

Conclusiones: El envejecimiento disminuye la función cardiovascular a expensas de una disminución de la fracción de eyección la cual se acompaña de un aumento del diámetro ventricular. La participación del NO en estas alteraciones depende del estado tiroideo, de la edad y de la cámara cardíaca estudiada.

095 (529) CARDIOTOXICIDAD DE DOXORRUBICINA EN UN MODELO EXPERIMENTAL DE SÍNDROME METABÓLICO INDUCIDO POR UNA DIETA RICA EN FRUCTOSA

Natalia Lucia Rukavina Mikusic¹; Natalia Ogonowski²; Nicolás Martín Kouyoumdzian¹; Andrea Fellet²; María Inés Rosón¹; Marcelo Choi¹; Ana Balaszczuk²; Stella Maris Celuch² *ININCA¹ Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires²*

La doxorubicina (DOX) es efectiva en el tratamiento de varios tipos de cáncer, pero la marcada toxicidad cardíaca es un factor limitante para su uso. En este trabajo se investigó la hipótesis de que la cardiotoxicidad de la DOX podría estar aumentada en condiciones patológicas que impliquen un aumento del riesgo cardiovascular. Con este propósito se analizaron posibles alteraciones anatómicas y funcionales cardíacas luego de la administración de DOX en un modelo de síndrome metabólico en ratas. Ratas Sprague-Dawley macho 50-200g) recibieron, durante 8 semanas, fructosa 10% en el agua de bebida (FRU) o agua corriente (controles). Al final de este período se determinó la presión arterial sistólica (PAS) y posteriormente cada grupo fue dividido en dos subgrupos: uno recibió DOX (6 mg/kg, ip) y el otro fue tratado con el vehículo (SF). A los 3 días de la administración se realizó un ecocardiograma doppler y, previo al sacrificio, se extrajo sangre por punción cardíaca para la determinación de parámetros bioquímicos. Los valores de PAS y de triglicéridos plasmáticos (TG) fueron mayores en el grupo FRU que en el control (PAS: control 140 \pm 5.7 mmHg vs FRU 163 \pm 5.6 mmHg; TG: control 100.4 \pm 29.4 vs 230.2 \pm 23.9 mg/dl; $p < 0.05$). DOX aumentó casi un 100% ($p < 0.05$) el colesterol total y el LDL plasmáticos, tanto en los animales controles como en los que recibieron una dieta rica en FRU ($n=8$). La dieta rica en FRU no alteró la relación peso corazón/peso corporal ni produjo cambios en la función sistólica. DOX no modificó la función sistólica en el grupo control, pero indujo disminuciones significativas en el grupo FRU ($n=6$) (fracción de acortamiento: 0.35 \pm 0.03 vs 0.22 \pm 0.03, $p < 0.05$; fracción de eyección: 0.66 \pm 0.03 vs 0.51 \pm 0.05, $p < 0.05$). Se concluye que la cardiotoxicidad producida por DOX podría agravarse en situaciones de mayor riesgo cardiovascular como ocurre en el síndrome metabólico.

096 (632) EFECTOS DEL EJERCICIO MODERADO EN LA HIPERTROFIA MIOCÁRDICA INDUCIDA POR SOBREENPRESIÓN CARDÍACA DE RECEPTORES AT1

Aruanno, María E.; Cassaglia, Pablo; Wilensky, Luciana; Martínez Naya, Nadia L.; Morgunovsky-Michell, Isaac L.; Volberg, Verónica; Morales, Celina; Gonzalez, German E.; Gelpi, Ricardo J. *Instituto de Fisiopatología Cardiovascular (Infica), Departamento de Patología, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires*

Fue mostrado que el ejercicio moderado (EM) transformó la hipertrofia cardíaca patológica en fisiológica en ratas hipertensas. Nuestro objetivo fue evaluar el rol del EM sobre la hipertrofia cardíaca patológica de ratones con sobreexpresión cardíaca específica de receptores AT1 de Angiotensina II (AT1). Métodos: Ratones FBV y transgénicos AT1 fueron divididos en 4 grupos: 1) FBV sedentario (Sed); 2) AT1 Sed; 3) FVB + EM y 4) AT1 + EM. El EM consistió en un protocolo de natación realizada durante 90 minutos por día, 6 días por semana. A las 4 semanas se realizó ecocardiografía y se cuantificó la hipertrofia y la fibrosis cardíaca. Resultados: (Media \pm ESM)

	FVB Sed (11)	AT1 Sed (9)	FVB + EM (7)	AT1 + EM (11)
PC (g)	33 \pm 1	34 \pm 1	31 \pm 1	31 \pm 1
FC (lat/min)	447 \pm 18	293 \pm 12†	458 \pm 15	276 \pm 12†
VI/LT (mg/mm)	5.0 \pm 0.1	6 \pm 0.2	6 \pm 0.1	7 \pm 0.1#
DSVI (mm)	2 \pm 0.1	3 \pm 0.1	3 \pm 0.1	3 \pm 0.1
DDVI (mm)	4 \pm 0.1	4 \pm 0.1	4 \pm 0.1	5 \pm 0.1†#
FE (%)	71 \pm 1.4	71 \pm 1.1	69 \pm 1.5	69 \pm 1.9
TRIV	19 \pm 0.8	24 \pm 1.2†	16 \pm 0.5	22 \pm 1.1†

PC: peso corporal; VI: ventrículo izquierdo; LT: longitud de tibia; FC: frecuencia cardíaca; DSVI y DDVI: diámetro sistólico y diastólico del VI respectivamente; FE: fracción de eyección; TRIV: tiempo de relajación isovolumétrica* $p < 0.05$ FVB+EM vs FVB Sed; † $p < 0.05$ AT1+EM vs FVB EM; ‡ $p < 0.05$ AT1 Sed vs FVB Sed; # $p < 0.05$ AT1 Sed vs AT1+EM.

Conclusión: El EM incrementó la hipertrofia miocárdica, indujo dilatación ventricular y enlenteció la relajación isovolumétrica, favoreciendo el remodelamiento adverso en ratones con sobreexpresión cardíaca de receptores AT1.

098 (642) EL POSCONDICIONAMIENTO ISQUÉMICO PROTEGE CONTRA LAS ARRITMIAS DE REPERFUSIÓN EN RATAS ALIMENTADAS CON UNA DIETA ALTA EN GRASA Y FRUCTOSA

Emiliano Diez^{1,2}; Natalia Jorgelina Prado¹; Amira Zulma Ponce Zumino^{1,2}; Roberto Miguel Miatello^{1,2} *IMBECU¹ FCM-UNCuyo²*

El poscondicionamiento isquémico es una maniobra cardioprotectora con propiedades antiarrítmica, pero se desconoce si sus efectos beneficiosos se mantienen en corazones expuestos a factores de riesgo coronario, como aquellos presentes el síndrome metabólico asociado al consumo de dietas ricas en grasas y carbohidratos. Nos propusimos evaluar si el poscondicionamiento mantiene sus propiedades antiarrítmicas en animales alimentados con una dieta alta en grasa y fructosa, un modelo en el que recientemente confirmamos un aumento de la incidencia de arritmias por isquemia-reperusión. Ratas Wistar macho fueron alimentadas con una dieta suplementada con 20% grasa de origen animal y 20% de fructosa. Luego de 8 semanas de las respectivas dietas, los animales fueron sacrificados bajo anestesia con ketamina 60 mg/kg y acepromazina 0,1 mg/kg (ip) y los corazones perfundidos según la técnica de Langendorff y sometidos a 10 minutos de isquemia regional. Al momento de la reperusión se distribuyeron aleatoriamente en corazones control y poscondicionados mediante 3 ciclos de 30 segundos de reperusión y 30 segundos de reoclusión de la arteria coronaria y se evaluaron los electrocardiogramas durante 10 minutos de reperusión. Se analizó la incidencia de las arritmias de acuerdo a la Convención de Lambeth. Se confirmó el síndrome metabólico en todos los animales incluidos. El poscondicionamiento isquémico disminuyó la incidencia de fibrilación ventricular (2/10 vs C 9/10, $P=0,0055$ mediante prueba exacta de Fisher) y la duración (mediana 0 s RIQ 0-158 s vs C mediana 480 s RIQ 125-585 s, $P < 0,05$ por Kruskal-Wallis). Otras arritmias ocurrieron en proporciones y duraciones similares en ambos grupos. Los resultados indican que el poscondicionamiento isquémico redujo las arritmias severas durante la reperusión en corazones de animales con síndrome metabólico con incremento en la arritmogénesis.

558 (375) EFECTOS DEL COMPUESTO C (CC), INHIBIDOR DE LA KINASA ACTIVADA POR AMP (AMPK), EN LA AURÍCULA AISLADA DE RATA SOMETIDA A ISQUEMIA-REPERFUSIÓN SIMULADAS (IS-RS)

Romina Hermann; Victoria Mestre Cordero; María De Las Mercedes Fernandez Pazos; Federico Reznik; Debora Velez; Enrique Savino; María Gabriela Marina Prendes; Alicia Varela
Cátedra de Fisiología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA. IQUIMEFA-CONICET

La AMPK, enzima que es activada con el incremento en la relación AMP/ATP, desempeña un papel clave en la regulación del metabolismo energético celular. Anteriormente mostramos que el CC (10 μ M) genera un menor descenso de la función contráctil durante la Is, disminuye la reserva contráctil y el contenido tisular de ATP al final de la Rs, sin afectar la producción energética en mitocondrias aisladas ni la viabilidad celular. Los objetivos fueron: estudiar el perfil de activación de la AMPK en la aurícula sometida a 75min Is-75min Rs, analizando la relación AMPK α Thr172/AMPKtotal; evaluar el efecto del CC sobre la producción isquémica de lactato e investigar la relación entre la activación de la AMPK y la autofagia, mediante la relación LC3II/LC3I, indicador de formación de autofagosomas, y la proteína p62, degradada vía autofagosoma/lisosoma. Se emplearon aurículas izquierdas de ratas hembras estimuladas a 1Hz e incubadas isométricamente en Krebs-Ringer (glucosa 10mM). En la Is se reemplazó O₂ por N₂, glucosa por 2-desoxiglucosa 10mM, pH 6.8. Se empleó ANOVA, n=8. Los resultados mostraron activación de la AMPK durante la Is, que persistió durante la Rs disminuyendo gradualmente, y fue inhibida por el CC (fin estabilización: 1,7 \pm 0,1*, Is: 2,4 \pm 0,1, Is+CC: 1,5 \pm 0,2 UA*; *p<0,05 vs Is). La producción de lactato se redujo significativamente cuando la Is se realizó en presencia del CC (Is vs Is+CC: 5,2 \pm 0,5 vs 3,0 \pm 0,9 μ mol/g ps; p<0,01). Por otra parte, se observó un incremento en la relación LC3II/LC3I durante la Rs, que fue prevenido por el CC (fin estabilización: 0,9 \pm 0,1*, Rs: 1,7 \pm 0,1, Rs+CC: 0,9 \pm 0,1 UA*; *p<0,05 vs Rs). La desaparición de p62 fue abolida en presencia de CC (fin estabilización: 1,2 \pm 0,1*, Rs: 0,6 \pm 0,1, Rs+CC: 1,5 \pm 0,1 UA*; *p<0,05 vs Rs). Los resultados indican que en las presentes condiciones experimentales la AMPK es activada en la Is y persiste en la Rs. Sus efectos en la Is serían acompañados de un incremento de la glucólisis y del proceso de autofagia en la Rs.

TRANSDUCCIÓN DE SEÑALES

099 (18) DOXORRUBICINA MODIFICA LA METILACIÓN DEL GEN CDKN2B Y LA EXPRESIÓN DE LA PROTEÍNA P15 EN CÉLULAS DE CÁNCER DE MAMA

Laura C Gómez; Mayra L Sottile Fleury; Silvina B Nadin; Laura M Vargas-Roig
 IMBECU

Introducción: Doxorubicina (Doxo) es una de las drogas de primera línea utilizadas en el tratamiento del cáncer de mama. En células MCF-7 resistentes a Doxo, se han reportado cambios epigenéticos en genes relacionados con importantes mecanismos celulares. El hallazgo de marcadores moleculares que permitan predecir la respuesta a Doxo constituye un paso necesario para personalizar y optimizar el tratamiento. La metilación aberrante de Genes Supresores Tumorales (GSTs) se relaciona con la progresión tumoral y con la resistencia a drogas antineoplásicas. Basados en estos antecedentes nuestro objetivo consiste en determinar si Doxo modifica la metilación y/o expresión de GSTs en células tumorales maMarías. Metodología: Se utilizaron líneas celulares de cáncer de mama MCF-7 y MDA-MB231. Se realizó MS-MLPA (Methyl Specific-Multiplex Ligation Probe dependent Amplification) y Western Blot. Resultados: Se determinó el perfil de metilación de 36 GSTs de las mencionadas líneas celulares. Cada línea celular se expuso durante 24 h con la dosis IC50 de Doxo determinada por ensayo clonogénico (MCF-7 IC50=24,312nM y MDA-MB 231 IC50=22,23nM). Finalizado el tratamiento, se determinó nuevamente el perfil de metilación de los 36 GSTs. En la línea celular MDA-MB-231 no se observaron cambios en el perfil de metilación luego del tratamiento con Doxo. En la línea celular MCF-7, observamos que el gen CDKN2B, que se encontraba

moderadamente metilado (0.51) antes de la administración de Doxo, se desmetiló completamente por efecto de la droga. La expresión de la proteína p15 (codificada por el gen CDKN2B), aumentó luego del tratamiento con Doxo. Conclusión: La administración de Doxo en células MCF7 disminuye la metilación del gen CDKN2B y aumenta la expresión de la proteína p15. Estudios moleculares combinados (epigenéticos y proteicos) podrían constituir novedosas herramientas que permitan al médico oncólogo personalizar el tratamiento antitumoral.

100 (189) IMPLICANCIA DEL ESTRÉS OXIDATIVO INDUCIDO POR LA TERAPIA FOTODINÁMICA EN LA FOSFORILACIÓN DE ERK1/2 Y SU PARTICIPACIÓN EN LA ACTIVACIÓN DE HIF

María Julia Lamberti; Natalia Belén Rumie Vittar; Viviana Alicia Rivarola
 Univ. Nac. de Río Cuarto

La terapia fotodinámica (TFD) consiste en la aplicación de compuestos fotosensibilizadores (FSs) activables por luz de una determinada longitud de onda. El daño celular es producido por la formación de especies reactivas del oxígeno (ROS). En estudios previos demostramos que las ROS inducidas por la TFD incrementan la actividad del factor inducible por hipoxia (HIF) en cultivos hipóxicos de carcinoma colorrectal (CCR). HIF es un factor de transcripción activado en respuesta a la disminución de la presión de O₂ e involucrado en múltiples vías de supervivencia. El rol que juegan las ROS en controlar la actividad de HIF involucra diversas señalizaciones intercelulares. Por ello, se propuso evaluar el rol del estrés oxidativo desencadenado por la TFD como estimulador de las vías PI3K/Akt y RAF/MEK/ERK, ambas involucradas en la regulación de HIF-1. Los esferoides de SW480-HRE (células de CCR reporteras de la actividad de HIF) fueron sometidos a condiciones letales del tratamiento fotodinámico, y se evaluó la activación de Akt y ERK1/2 (Western Blot), lo que demostró que sólo la vía de supervivencia ERK1/2 fue regulada positivamente por la intervención fotodinámica. Con el fin de determinar si la fosforilación inducida sobre ERK1/2 es relevante en la activación de HIF y en la adquisición de sensibilidad al tratamiento, los cultivos se incubaron con el inhibidor de dicha vía (U0126). Los resultados demostraron que la inhibición selectiva de ERK1/2 indujo una disminución de la actividad de HIF (citometría de flujo), así como un aumento en la susceptibilidad al tratamiento (MTT). A continuación, se demostró que la inhibición del estrés oxidativo (antioxidante NAC) suprimió la activación de la vía RAF/MEK/ERK (Western Blot). Estos resultados permitieron identificar por primera vez el eje TFD \rightarrow ROS \rightarrow ERK1/2 \rightarrow HIF, y la influencia de estos mediadores moleculares en la sensibilidad a la TFD de los microtumores de CCR.

101 (254) PAPEL DE LA HUMANINA EN LA SUPERVIVENCIA DE LAS CÉLULAS DE CARCINOMA MAMARIO

Florencia Gottardo; Mariela A. Moreno Ayala; Antonella S. Asad; Gabriela Jaita; Maríanela Candolfi; Adriana Sellicovich
 INBIOMED (UBA-CONICET)

La Humanina (HN) es un péptido de origen mitocondrial que tiene una potente acción citoprotectora en células normales. Ha sido descrito que la HN endógena o exógena puede proteger células de tejidos normales frente a los efectos tóxicos de la quimioterapia. Sin embargo, el papel de este péptido en la patogénesis tumoral es aún muy poco conocido. Recientemente ha sido demostrado que la HN está sobreexpresada en células de cáncer gástrico, sobre las cuales ejerce una actividad antiapoptótica. El objetivo del presente trabajo fue evaluar si la HN está involucrada en la resistencia de las células de cáncer de mama a un estímulo citotóxico. La expresión de HN fue evaluada por inmunofluorescencia en células de carcinoma mamario murino 4T1. Observamos una expresión intensa de HN en el núcleo y en el citoplasma en el 100% de las células. Además, para evaluar la función de la HN en estas células utilizamos la privación de suero como estímulo citotóxico. Mediante la incorporación

de BrdU (ELISA), observamos que la HN revirtió la inhibición de la proliferación de células 4T1 inducida por la privación de suero de manera dosis dependiente (suero=0.89±0.06; sin suero=0.71±0.02*, 0.5µM HN=0.63±0.04*, 5µM HN=0.83±0.02, 10µM HN=0.88±0.02, *:p<0.05 vs suero). También, mediante la técnica de TUNEL observamos que la privación de suero es un buen inductor de apoptosis en estas células (suero=0.7%; sin suero=2.0%, p<0.05). La incubación de células 4T1 con HN (10µM) por 24 hs revirtió el efecto proapoptótico de la privación de suero (suero: 1.2%; suero+HN: 1.5%; sin suero: 4.4% sin suero+HN: 1.2%, p<0.01 vs su control correspondiente, X2). Nuestros resultados sugieren que la HN cumple un papel citoprotector ante estímulos proapoptóticos y antiproliferativos en células tumorales maMarias. De esta forma, la HN podría ser un blanco terapéutico para la sensibilización de las células de cáncer de mama a tratamientos citotóxicos.

102 (333) EFECTO DEL ÁCIDO 20-HIDROXIEICOSATETRA-NÓICO (20-HETE) EN LA VIABILIDAD CELULAR DE LÍNEAS DE CÁNCER DE PRÓSTATA HUMANO

Cecilia Colombero¹; Daniela Papademetri²; Elida Alvarez²; Susana Nowicki¹

CEDIE-CONICET FEI - División de Endocrinología, Hospital de Niños Ricardo Gutiérrez¹ Cátedra de Inmunología - IDEHU, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA/CONICET²

El 20-HETE es un producto del metabolismo del ácido araquidónico por el citocromo P450, y participa en varios procesos tumorales. Sin embargo, su rol en el cáncer de próstata no ha sido aún explorado. Nuestro objetivo fue evaluar la función del 20-HETE en la viabilidad celular en líneas de cáncer de próstata humano. Se utilizaron las líneas celulares LNCaP (andrógeno sensible) y PC-3 (andrógeno insensible); cultivadas en medio completo (MC) o deprivado de esteroides (MDE). Se realizaron estímulos diarios con 20-HETE o con el inhibidor específico de su síntesis (HET0016, 1-10 µM). Se evaluó viabilidad celular por ensayo de MTT y apoptosis por ensayo de TUNEL y Western Blot. En MC, el HET0016 (5 días) redujo la viabilidad de LNCaP (en%: Control (C), 100±3; 1µM, 30±3*; 10µM, 14±2*); este efecto fue debido, al menos en parte, al aumento de células TUNEL+ del 2% (C) al 36% (10µM). En cambio, la viabilidad de PC-3 no se alteró. En MDE la dihidrotestosterona (DHT, 0.1nM, 5 días) aumentó la viabilidad de LNCaP, siendo este efecto inhibido por el HET0016 (en%: C, 101±4; DHT, 266±13*; DHT+HET0016 10µM, 152±11#). Asimismo, la disminución de células TUNEL+ por DHT fue revertida por HET0016 (C, 19%; DHT, 2%; DHT+HET0016, 13%). El 20-HETE (50nM, 5 días), aumentó la viabilidad de LNCaP en MDE (en%: C, 100±5; 20-HETE, 150±6*) y disminuyó la cantidad de células TUNEL+ (C, 23%; 20-HETE, 7%). Por el contrario, no tuvo efecto en PC-3. El clivaje de PARP en LNCaP aumentó por HET0016 en MC y disminuyó por el 20-HETE en MDE. Nuestros resultados indican que en células tumorales de próstata andrógeno sensibles el mantenimiento de la viabilidad celular requiere de la producción de 20-HETE, y que su inhibición induce apoptosis resultando en el clivaje de PARP nuclear. El agregado de 20-HETE a un medio sin esteroides, provoca un aumento de la viabilidad también relacionado a la disminución de la apoptosis celular. (* p≤0,0001 vs C; # p≤0,0001 vs DHT según ANOVA seguido del test de Bonferroni).

103 (419) EFECTOS ANTITUMORALES DE LA FRACCIÓN D DE MAITAKE (GRIFOLA FRONDOSA) EN CÁNCER DE MAMA

Eliana Noelia Alonso¹; María Julia Ferronato¹; Norberto Ariel Gandini¹; María Eugenia Fermento¹; Diego Javier Obiol¹; Julian Arevalo²; María Marta Facchinetti¹; Alejandro Carlos Curino¹

Laboratorio de Biología del Cáncer, INIBIBB-CONICET, Bahía Blanca, Argentina¹ Servicio de Patología del Hospital Interzonal de Agudos Dr José Penna, Bahía Blanca, Argentina²

La Fracción D es un extracto de proteoglicanos obtenido del hongo medicinal *Grifola frondosa* (Maitake). Su efecto antitumoral ha sido atribuido principalmente a la capacidad inmunomoduladora. Sin embargo, previamente demostramos que la Fracción D actúa también directamente sobre células tumorales maMarias (LM3, MDA-MB-231 y MCF7) modulando la expresión génica, disminuyendo la viabilidad y capacidad migratoria. El objetivo del presente trabajo fue evaluar el efecto de la Fracción D sobre los procesos celulares que contribuyen al desarrollo y progresión del cáncer mamario. Acompañando a la disminución de la capacidad migratoria de las células LM3 inducida por la Fracción D, observamos que el tratamiento con el proteoglicano disminuyó la invasividad de dichas células (65,67± 2,1 vs 58,67± 2,3; p<0,05). En correlación con esto, observamos que la Fracción D reorganizó el citoesqueleto de actina de las células LM3, disminuyendo el número de lamelipodios/filopodios (47,86 ± 5,3 vs 29,55 ± 1,1; p<0,05). Más aún, la Fracción D aumentó la adhesión de las células LM3 (p<0,001), contribuyendo a la inducción de un fenotipo tumoral menos maligno. Los efectos antitumorales de la Fracción D demostrados in cultivo fueron corroborados in vivo. En un modelo murino de trasplante ingenérico con LM3, el tratamiento de los ratones con la Fracción D disminuyó el volumen y el peso tumoral (1,81 cm3 vs 0,99 cm3; 1,69 g vs 0,94 g; p<0,05) en comparación con el vehículo. La Fracción D aumentó la expresión de Bax (0,4 vs 1,9; p<0,05) en los tumores mamaros de los ratones, mientras que no afectó la expresión de Ki-67 ni el índice mitótico. Observamos también que el tratamiento con la Fracción D disminuyó el número de metástasis pulmonares en los ratones (p<0,05). En conclusión, resultados in cultivo e in vivo sugieren que la Fracción D afecta el crecimiento tumoral y el proceso metastático inhibiendo la viabilidad celular, favoreciendo la adhesión y disminuyendo la migración e invasión.

104 (222) VÍAS DE SEÑALIZACIÓN REGULADAS POR ACIL-COA-SINTETASA-4: POSIBLES NUEVOS BLANCOS TERAPÉUTICOS COMBINADOS TRABAJANDO EN FORMA SINÉRGICA PARA EL TRATAMIENTO DE TUMORES DE MAMA TRIPLE NEGATIVOS Y REFRACTARIOS AL TRATAMIENTO HORMONAL

Ulises Daniel Orlando; Ana Fernanda Castillo; Melina Dattilo; Angela Rosaria Solano; Paula Mariana Maloberti; Ernesto Jorge Podestá

INBIOMED

La acil-CoA-sintetasa-4 (ACSL4), de alta especificidad para el ácido araquidónico se encuentra expresada en la región tumoral a diferencia del tejido normal circundante, en cáncer de mama denominado triple negativo y en el refractario al tratamiento hormonal, ambos de mal pronóstico, con tratamientos poco eficaces con alta toxicidad. Hemos demostrado in vitro e in vivo que ACSL4 juega un papel casual en la regulación de la agresividad tumoral. Estudiamos por transcriptoma y proteómica funcional los mecanismos moleculares utilizados por ACSL4 para su acción, en células MCF7 que sobreexpresan ACSL4 bajo el control de doxiciclina, comprobando la activación de varias vías de señalización, siendo los dos componentes del sistema mTOR, mTORC1 (un complejo multiproteico rapamicina- y nutriente-sensitivo) y mTORC2 (un complejo sensitivo a factores de crecimiento e insensitivo a nutrientes), los que presentan mayor activación (p<0.001). Se incrementa la fosforilación de mTOR en Ser 2448, de la proteína quinasa S6 en Thr 389, la proteína S6, en Ser 235/236, 240/244, de AKT en Ser 543, de Rictor en Thr 1135, una sub-unidad del mTORC2 y del factor de iniciación 4E-BP1 en Ser 65, el cual incrementa la disponibilidad del factor de iniciación eIF4E. Los resultados fueron confirmados en otros dos modelos de cáncer de mama. Estudiando el papel funcional de esta regulación, utilizando dosis submaximas de inhibidores de la vía mTOR y de ACSL4 obtuvimos un efecto inhibitorio sinérgico significativo (p<0.01) sobre la proliferación celular. También demostramos que la inhibición de ACSL4 aumenta los niveles de expresión de ERα, permitiendo la restauración de la sensibilidad al tamoxifeno, observando un efecto significativo sinérgico (p<0.001) en la inhibición de la proliferación celular en células MDA-MB-231 triple negativa.

Estos efectos podrían dar lugar a una estrategia terapéutica que permita la reducción de las dosis efectivas altamente tóxicas en tumores que sobre-expresen ACSL4.

105 (26) ESTUDIO CITOGENÉTICO POR ACGH EN BLASTOCISTOS PREIMPLANTADOS DE PORTADORES DE REARREGLOS ESTRUCTURALES BALANCEADOS

María Eugenia Ducatelli¹; Andressa Grazziotin Mondadori; Laura Gómez Patti²; Fabian Coco; Nicolas Neuspiller; Fernando Gismondi; Roberto Coco
Fecunditas

Es conocido que los portadores de rearreglos cromosómicos tienen mayor riesgo para generar gametas aneuploides, las cuales originan embriones anormales, la mayoría letales en etapas pre implantatoria y post implantación. Solo una minoría llegan a término y originan nacidos con cromosomopatías. La mayoría de los datos de estudio cromosómico en portadores de rearreglos corresponden a embriones en día 3 de desarrollo y abordados en su mayoría por FISH o qPCR de los cromosomas involucrados en el rearreglo. El objetivo del presente fue determinar el riesgo de desbalance cromosómico en el estadio de blastocisto, considerado el mismo como la selección natural del mejor. La serie estuvo compuesta por 26 pacientes portadores de rearreglos: 5 inversiones pericéntricas, 4 fusiones céntricas y 17 translocaciones recíprocas. Las motivaciones fueron abortos recurrentes, nacidos malformados y esterilidad primaria. Previo al PGD se evaluó la reserva ovárica y el espermograma. La estimulación ovárica fue realizada con gonadotropinas recombinantes y agonistas o antagonistas del GnRH. Se realizó ICSI y se cultivó hasta blastocisto. En D3 o D4 se perforó la zona pelúcida para facilitar la eclosión del trofoblasto. Las células eclosionadas fueron aspiradas y entubadas en un eppendorf para su posterior amplificación y realización del aCGH con la plataforma 24 Sure Plus BlueGnome-Illumina. Los blastocistos biopsiados fueron vitrificados para su posterior transferencia uterina con endometrio preparado con estrógenos y progesterona. El promedio de ovocitos aspirados fue 16,2 (r:5-46), el promedio de ovocitos fecundados normales fue 11,1 (r:2-26) y el promedio de blastocistos fue 4,8(r:1-11). De los 63 blastocistos biopsiados en el grupo de translocaciones recíprocas, 42,9% resultaron normales, 36,5% anormal debido a una alteración relacionada con la translocación y 20,6% con anomalías no relacionadas. De los 23 blastocistos de las fusiones céntricas el 57,8% resultó normal, 17,4% con anomalías relacionadas a la fusión y 34,8% con anomalías no relacionadas. De los 24 blastocistos provenientes de las inversiones pericéntricas, el 56,5% resultó normal, 13% con anomalías relacionadas y 30,5% con anomalías no relacionadas. Los resultados hallados evidencian que la llegada a blastocisto disminuye sustancialmente el riesgo teórico esperado en la fecundación. Por otro lado, como no todos los ovocitos fecundados llegan a blastocisto, se reduce el número de biopsias y de estudios. Estos hechos no son menores si se tiene en cuenta el costo de los mismos.

106 (317) EFECTO DE LA DISMINUCIÓN DE LA TENSIÓN DE OXÍGENO SOBRE LA EXPRESIÓN DE NHE-3 EN PLACENTA HUMANA

Valeria Dietrich¹; Mauricio Di Paola¹⁴; Bernardo Maskin²; Mariana Farina³; Alicia E Damiano¹⁴
*Ílfbio Houssay*¹ Hospital Nacional "Dr Prof. Alejandro Posadas"² CEFYBO³ Cát de Biología Celular y Molecular, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA⁴

La hipoxia intermitente es crucial en el desarrollo de preclampsia (PE), donde los períodos de isquemia/reperfusión y la expresión sostenida del factor inducible por hipoxia (HIF-1 α) producirían daños sobre el trofoblasto, alterando sus funciones. Previamente, en placenta preecláptica informamos una disminución en la expresión del intercambiador Na⁺/H⁺ tipo 3 (NHE-3), principal regulador del pH intracelular. Sin embargo, se desconoce si la expresión del NHE-3 placentario responde a cambios en la tensión de O₂. Nuestro objetivo fue evaluar si el NHE-3 está regulado por cambios en la tensión de O₂ en placenta humana.

Se evaluó la expresión de NHE-3 en un modelo de cultivo de explantos de placenta humana normal bajo distintas condiciones de oxigenación o bien tratados con CoCl₂, estabilizador del HIF-1 α . Por estudios in silico, se analizó la presencia de elementos de respuesta a hipoxia (HRE) en el promotor de NHE-3 humano. Los experimentos in vitro revelaron que en hipoxia el transcripto de NHE-3 aumentó mientras que la proteína disminuyó significativamente (p<0.05). Esta disminución revertió luego del agregado de MG-132 (inhibidor de la degradación proteasomal). En hipoxia/reoxigenación, encontramos una disminución significativa de la expresión transcripcional y proteica de NHE-3 (p<0.05), patrón similar al de placentas preeclápticas. Los estudios in silico mostraron un sitio probable para HRE en el promotor de NHE-3. Sin embargo, el tratamiento con CoCl₂ no produjo cambios a nivel transcripcional sugiriendo que HIF-1 α no actuaría directamente sobre NHE-3. Por otro lado, al igual que en hipoxia, la expresión proteica disminuyó, efecto que fue revertido con MG-132. Estos resultados sugieren que el aumento de HIF-1 α por la hipoxia no regularía la expresión transcripcional del NHE-3, aunque induciría su degradación proteasomal que no podría ser revertida por la posterior reoxigenación. Esto afectaría la homeostasis del trofoblasto que conduciría al desencadenamiento de la PE.

443 (448) EL FACTOR DE CRECIMIENTO DERIVADO DE PLAQUETAS B (PDGFB) MEJORA LA FUNCIONALIDAD OVÁRICA EN MODELO DE SÍNDROME DE OVARIO POLIQUÍSTICO (PCOS)

Maríana Di Pietro¹; Leopoldina Scotti¹; Griselda Iruستا¹; Marta Tesone¹²; Fernanda Parborelli¹; Dalhia Abramovich¹ *IBYME*¹ Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas, Universidad de Buenos Aires, Buenos Aires²

El PCOS es la alteración endócrina más frecuente en mujeres en edad fértil. Es un síndrome heterogéneo y se caracteriza por presentar hiperandrogenismo, oligomenorrea y ovarios poliquísticos con fallas en la fertilidad. Debido a que no se conoce su etiología, las terapias actuales solo apuntan a disminuir los síntomas. Las pacientes con PCOS poseen además alteraciones en la angiogénesis ovárica. Se han encontrado altos niveles del factor de crecimiento de endotelio vascular (VEGF), un aumento en el sistema de angiopoyetinas (ANGPTs) y una disminución en el sistema de PDGF. Hipótesis: La administración local de PDGFB mejora la angiogénesis ovárica y favorece el desarrollo folicular y la tasa de ovulación disminuyendo la formación de quistes. Métodos: utilizamos un modelo de PCOS en rata por administración de DHEA. Un grupo de ratas PCOS fue operado en el día 15 de tratamiento y se le administró 25 ng de PDGFB recombinante en forma intraovárica. Otro grupo de ratas PCOS recibió vehículo. Al día 16 las ratas fueron sacrificadas y se extrajeron los ovarios. Resultados: Al igual que en humanos, encontramos una disminución del sistema de PDGF en ovarios de ratas PCOS. La administración local de PDGFB disminuyó el% de folículos primordiales y los niveles de la Hormona Anti-Mülleriana (AMH). Además, el tratamiento con PDGF disminuyó el% de quistes y aumentó el% de cuerpos lúteos (CL). Analizamos el número de ratas con CL en cortes histológicos como una medida indirecta de ovulación. Este número aumentó luego de la administración de PDGFB. Además, PDGFB restableció el% de área de células periendoeliales, disminuyó los niveles ováricos de ANGPT1 sin cambios en VEGF. Conclusión: La administración local de PDGFB mejorara la estabilidad vascular ovárica. Esto favorecería la llegada de nutrientes, hormonas y factores de crecimiento a los folículos, lo que permitiría mejorar el desarrollo folicular, la tasa de ovulación y disminuir la formación de quistes en ovarios PCOS.

108. (379) EPIGENÉTICA EN EL ESPERMATOZOIDE: PROTEÍNAS Y DESCONDENSACIÓN CROMATÍNICA

Maite Yael Cambiasso¹; Yamila Raquel Juárez¹; Vanina Laura Julianelli³; Marina Romanato¹; Lucrecia Piñeiro De Calvo¹; Juan Carlos Calvo¹²
*IBYME*¹ Departamento de Química Biológica, FCEyN-UBA² PROCREARTE³

La epigenética puede modificar la expresión génica del espermatozoide y condicionar la fecundación y el desarrollo del embrión. Entre los factores epigenéticos, se encuentran la posible metilación de protaminas (Pr), el contenido de las mismas y la relación Pr1/Pr2, que podrían afectar la descondensación cromatínica del espermatozoide. (1) Presentamos el aislamiento, electroforesis, cuantificación y caracterización por Western blot (WB) de Pr. El semen de donantes normozoospermicos (OMS) se lavó en buffer Tris/NaCl y resuspendió en buffer con SDS. Luego de sonicar se separaron los núcleos en colchón de sacarosa. El precipitado nuclear se lavó con PMSF y las proteínas se aislaron con urea y DTT y tratamiento posterior con etanol frío, HCl y TCA. Luego de electroforesis ácida se analizó por WB la presencia de Pr1 y Pr2; otro gel se analizó digitalmente para obtener la relación cuantitativa entre Pr. Demostramos la presencia de Pr1 y Pr2, de los posibles productos de procesamiento y/o modificación postraduccional de esta última y generamos una curva de calibración para cuantificar la relación Pr1/Pr2 en muestras de pacientes. (2) Evaluamos la descondensación cromatínica in vitro de espermatozoides de donantes normozoospermicos, previamente incubados en condiciones capacitantes, con heparina (H) y/o dermatán sulfato (DS) y GSH. Ambos glicosaminoglicanos (GAGs) descondensaron la cromatina espermática, aunque con diferente potencia (DS vs H $p < 0.05$, $n=10$, ANOVA / Dunn). El análisis in silico de Pr1, Pr2, H y DS indicó una distribución diferencial de cargas que podría explicar la descondensación diferencial en presencia de uno u otro GAG. Conclusión: Evaluar la presencia de Pr1 y Pr2 y su relación y al mismo tiempo analizar la descondensación in vitro con H y/o DS en muestras de pacientes infértiles brindaría la posibilidad de comenzar el abordaje hacia la identificación de factores epigenéticos que podrían estar vinculados con la infertilidad masculina. Subsidio: CONICET-ANPCYT-Fundación René Barón

HEMATOLOGÍA 1 Y NEFROLOGÍA 1

109 (169) TABAQUISMO, HÁBITOS DIETARIOS Y POLIMORFISMOS EN LOS GENES METABOLIZANTES DE XENOBIÓTICOS GSTT1, GSTM1 Y CYP1A1: ESTUDIO CASO-CONTROL EN ENFERMEDADES ONCOHEMATOLÓGICAS

María Belen Cerliani¹; Ignacio Miguel¹; Juan Antonio Gili²; Graciela Klein³; Silvia Saba³; Walter Pavicic¹; Silvina Richard¹

Lab. de Citogenética y Mutagénesis, IMBICE (CIC-CO-CONICET), La Plata¹ Laboratorio de Epidemiología Genética, ECLAMC-CEMIC-CONICET, Buenos Aires² Unidad de Diag., Trat. y Sostén de Enfermedades Hematológicas, HIGA "Prof. Dr Rossi", La Plata³

Los polimorfismos en los genes metabolizantes de xenobióticos y los niveles de exposición a sus sustratos podrían impactar en la susceptibilidad al cáncer. Los genes GSTM1 y GSTT1 (glutación S-transferasa M1 y T1) participan en la detoxificación de hidrocarburos aromáticos policíclicos (HAPs) y ROS, pueden presentar delección y la ausencia de actividad se asoció a distintos tipos de cáncer. CYP1A1 (citocromo P450 1A1) también interviene en la metabolización de HAPs y presenta un SNP (CYP1A1*2A) asociado a susceptibilidad al cáncer. El estilo de vida y los hábitos dietarios constituyen factores de riesgo adicionales. Se conoce poco de los factores de riesgo que desarrollan enfermedades oncohematológicas, excepto ciertas alteraciones genéticas y exposiciones ambientales. Nuestro objetivo fue analizar la asociación entre enfermedades oncohematológicas y polimorfismos en GSTT1/GSTM1/CYP1A1, hábitos dietarios y tabaquismo. Se diseñó un estudio caso-control, con 125 casos (leucemia/linfoma/mieloma) y 310 controles (16-89 años). Previo consentimiento informado, se tomaron muestras de sangre y se les realizó una encuesta a los pacientes que concurren al HIGA "Dr Rossi" (La Plata). Las delecciones de GSTs se determinaron mediante PCR multiplex, y los alelos de CYP1A1 mediante PCR-RFLP, con posterior visualización en gel de agarosa. Los análisis estadísticos se realizaron con STATA. Respecto del tabaquismo,

los ex-fumadores mostraron un aumento en el riesgo de enfermedad (OR=1.67, IC95% 1.03-2.71, $p=0.04$). Entre los factores dietarios, el consumo de carnes asadas 3 o más veces/mes se asoció a mayor riesgo de enfermedad (OR=1.72, IC95% 1.08-2.75, $p=0.02$), al igual que el consumo diario de café (OR=1.77, IC95% 1.03-3.03, $p=0.03$). No se encontró asociación entre las patologías y el consumo de alcohol o de conservas, delección de GSTM1/GSTT1, o el polimorfismo CYP1A1*2A. Futuros análisis incluirán una evaluación de las interacciones entre los genotipos y los hábitos de vida.

110 (346) VALIDACIÓN DE CONDICIONES DE PROCESAMIENTO Y ALMACENAMIENTO DE MUESTRAS DE SANGRE PARA LA DETERMINACIÓN DEL MARCADOR DE ACTIVACIÓN DE LA VÍA ALTERNATIVA DEL COMPLEMENTO C5B-9 EN PACIENTES CON MICROANGIOPATÍA TROMBÓTICA (MAT)

Célia Dos Santos¹; María F. Alberto¹; Juvenal Paiva¹; María M. Casinelli¹; María A. Lazzari²; Ana C. Kempfer²; Analía Sánchez-Luceros^{1,2}

Academia Nacional de Medicina¹ IMEX-CONICET²

C5b-9 ha surgido como un posible marcador para el diagnóstico y monitoreo de MATs. El análisis de biomarcadores del complemento es afectado por factores pre-analíticos que generan resultados imprecisos. Además, en agudo, las muestras de pacientes son derivadas de diferentes centros de internación a lo largo del país, muchos de los cuales no cuentan con equipo de laboratorio especializado. Nuestro objetivo fue evaluar condiciones críticas de procesamiento y almacenamiento de muestras de 4 donantes sanos (D1-D4) y 2 pacientes con Síndrome Urémico Hemolítico atípico (P1-P2) para el análisis de C5b-9 (ELISA; BD Biosciences). La sangre fue colectada en EDTA 1,5 mg/ml o citrato de sodio 3,13% (CIT), procesada enseguida a temperatura ambiente (TA) o 4°C, o después de 24 o 48h almacenada a 4°C. Se fraccionó el plasma, centrifugando a 4°C y trasvasándolo entre 2 ciclos: (i) 2x1000g/10min (ii) 1x1000g/10min; 1x12000g/2min. Fue procesado enseguida, o congelado (-70°C) para determinación ulterior. Se comparó temperatura de descongelación: 37°C/TA/4°C. Los niveles de C5b-9 fueron similares entre muestras EDTA y CIT procesadas inmediatamente a 4°C (D1 y P1: $p=ns$). Los niveles aumentaron entre muestras EDTA y CIT procesadas a 4°C y a TA respectivamente (D4: $p < 0.05$; P2: $p < 0.01$). También se observó un aumento en las muestras CIT comparado a las EDTA congeladas (D1: $p < 0.05$). La concentración de C5b-9 aumentó de 33-56% en las muestras D1-D2-D3 (i) vs. (ii). C5b-9 en el plasma de D2 y D3 permaneció estable en sangre almacenada hasta 24h. D1 descongelado a 37°C y a TA mostró activación de C5b-9 de 128% ($p < 0.001$) y 100% ($p < 0.05$) respectivamente. La descongelación a 4°C no indujo activación in vitro de C5b-9. En conclusión, se recomienda la recolección de sangre en EDTA, su procesamiento dentro de 24h y el fraccionamiento así como la descongelación del plasma a 4°C. Tomando estos recaudos, se pueden obtener resultados válidos y reproducibles de C5b-9 en pacientes con MAT.

111 (484) ERITROPOYETINA Y ERITROPOYETINA CARBAMILADA EN LA MIGRACIÓN ENDOTELIAL

Romina Eugenia Maltaner¹; Agustina Schiappacasse; María Eugenia Chamorro; Alcira Beatriz Nesse; Daniela Cecilia Vittori

Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales UBA - IQUIBICEN CONICET

La eritropoyetina (Epo) es reconocida por sus efectos hematopoyéticos, y más recientemente, cardiovasculares, como la angiogénesis y la cardioprotección. A diferencia de Epo, su derivado carbamilado (cEpo) no estimula la migración de células endoteliales. Con el objetivo de explicar dicha diferencia, evaluamos la participación de diferentes mecanismos mediante ensayos de scratching y técnicas de citometría de flujo en cultivos de la línea endotelial humana EA.hy926. Dada la relación de las especies reactivas de oxígeno (ROS) con la migración celular, estudiamos

su rol como mediadoras del efecto de Epo. Si bien el antioxidante N-acetil-cisteína (NAC, 5 μ M) inhibió significativamente la migración inducida por Epo 200 ng/mL (Sin suero: $26 \pm 1,5\%$; *Epo: $39 \pm 2,8\%$; Epo + NAC: $27 \pm 3,0\%$; * $p < 0,05$; $n = 7$) a 15h, en ese mismo tiempo Epo tendió a disminuir las ROS generadas en ausencia de suero (citometría de flujo). La participación de óxido nítrico sintasa (NOS) fue estudiada como otro mecanismo del efecto promigratorio de Epo. Al igual que lo observado para factores angiogénicos como VEGF, la inhibición de NOS por N-metil-L-arginina (NMLA) impidió significativamente la migración inducida por Epo a 15 h (Epo: $33 \pm 1,0\%$ vs. Epo + NMLA: $25 \pm 1,3\%$, $p < 0,05$; $n = 6$). Considerando que la ausencia de efecto de cEpo en células eritroides se debería a una mayor actividad de la fosfatasa PTP1B, que inactiva el receptor de eritropoyetina, investigamos su participación en la respuesta diferencial del endotelio a estos factores. El tratamiento con un inhibidor específico de PTP1B (CinnGel2Me, 20 μ M) revirtió significativamente la incapacidad de cEpo (200 ng/mL) de estimular la migración endotelial a 15 h (cEpo: $27 \pm 1,7\%$ vs. cEpo + CinnGel: $34 \pm 2,0\%$; $p < 0,05$; $n = 5$). Estos resultados sugieren la participación de NOS en el efecto promigratorio de Epo, y señalarían a la fosfatasa PTP1B en el efecto diferencial de Epo y cEpo sobre la migración endotelial, como se ha descrito en células eritroides.

112 (633) ROL DE FACTORES HUMORALES Y LINFOCITOS T EN LA APOPTOSIS DE PLAQUETAS EN TROMBOCITOPENIA INMUNE (PTI)

Nora Paula Goette¹; Matias Grodzielski¹; Paola Roxana Lev¹; Ana Claudia Glembotsky¹; Marta Susana Pierdominici²; Dardo Riveros³; Alejandro García³; Felisa Concepción Molinas¹; Paula Graciela Heller¹; Rosana Fernanda Marta¹ IDIM¹

Htal. Gral. De Agudos "Ramos Mejía"² CEMIC (Ctro. De Educación Médica e Inv. Clínica)³

En un estudio previo demostramos aumento de apoptosis en plaquetas de pacientes con PTI. Con el objetivo de investigar el mecanismo por el cual se produce esta anormalidad, en el presente trabajo evaluamos el efecto del plasma de pacientes con PTI en la apoptosis de plaquetas normales (PN), en presencia y ausencia de linfocitos CD3+ del mismo donante (LT). Se estudiaron 18 pacientes diagnosticados según criterios actuales. Se obtuvo plasma recalcificado de pacientes y controles. Los plasmas fueron incubados ya sea en presencia de PN o de PN+LT durante 1 hr a 37°C. Luego de lavar para eliminar el plasma, se evaluaron los parámetros de apoptosis: expresión porcentual de fosfatidilserina (PS) y de caspasa 3 activa (casp3a) y la variación del potencial de membrana mitocondrial ($\Delta\psi_m$) por citometría de flujo. Se observó una tendencia a mayor apoptosis en presencia de plasma de PTI en las PN (pacientes vs controles: PS $8,3 \pm 4$ vs $6,5 \pm 2$; casp3a $17,6 \pm 4$ vs $12,5 \pm 5$; ambos $p = NS$; $\Delta\psi_m$ $3,9 \pm 1$ vs $5,1 \pm 2$ $p = 0,03$). En presencia de LT, los plasmas de PTI ($n = 6$) indujeron un franco aumento de exposición de PS ($p = 0,038$) en PN respecto a los plasmas control ($n = 4$). Para estudiar si los auto-anticuerpos son los responsables del efecto apoptótico, se realizó la incubación de PN+LT en presencia de plasma de PTI previamente incubado con plaquetas normales para adsorber los auto-anticuerpos. En estas condiciones se revirtió el efecto apoptótico observado en los correspondientes plasmas completos ($p = 0,0055$). Estos resultados sugieren la presencia de factores humorales en el plasma de pacientes con PTI que por se disminuyen la sobrevida plaquetaria, además de un efecto citotóxico de los auto-anticuerpos, principalmente en presencia de los linfocitos T actuando como células efectoras.

113 (635) MODULACIÓN DE PROTEÍNAS CITOPASMÁTICAS QUE RESPONDEN AL HIERRO SOBRE IMPORTADORES DEL HIERRO EN CÉLULAS DE NEUROBLASTOMA HUMANO TRATADAS CON INDUCTORES DE INFLAMACIÓN Y DE ESTRÉS OXIDATIVO

Gisela Giorgi¹; Pamela Urrutia²; Marta Elena Roque¹; Marco Tulio Nuez²

Laboratorio de Fisiología Humana, INBIOSUR, Universidad Nacional del Sur¹ Laboratorio de Biología del Envejecimiento, Departamento de Biología, Universidad de Chile²

La expresión de proteínas que regulan el hierro celular depende del sistema de proteínas citoplasmáticas que responden al hierro (IRP) y de elementos regulados por hierro (IRE). Se propone estudiar en células neuronales la modulación por IRP de la expresión del transportador de metales divalentes1 (DMT1) en presencia de inductores de inflamación y de estrés oxidativo. Materiales y Métodos. Células 1)SH-SY5Y; 2)SH-SY5Y knockdown para IRP1 (C9); 3)SH-SY5Y transfectadas con vector puro (Puras) +(TNF α , IL6,LPS) por 18 hs; SH-SY5Y con o sin N-acetilcisteína (NAC). Western Blot: para DMT1,IRP1 y RTf. RTf. PCR: para DMT1, IRP1, actina. EMSA: actividad de IRP1, sonda de ARN con secuencia IRE marcada con biotina, incubada con extractos citosólicos. Estadística: $p < 0,05$, ANOVA-Test de Tukey. Resultados: SH-SY5Y+TNF α +IL6+LPS sin NAC: la actividad de IRP1 aumentó respecto al control, sin cambios en los niveles proteicos. DMT1 aumentó en células +TNF α +IL6 por WB, con tendencia a aumentar con LPS, respecto al control ($p < 0,05$). El ARNm de DMT1 y RTf no cambió. SH-SY5Y+(TNF α ,IL6,LPS) con NAC aumentó la actividad de IRP1; sin cambios en sus niveles proteicos. Con NAC, disminuyó DMT1 en células +LPS+IL-6, con tendencia a disminuir con TNF α , respecto a células sin NAC ($p < 0,05$). El tratamiento con NAC, disminuyó el nivel de RTf en células +TNF α y con tendencia a disminuir con +LPS+IL-6, respecto a las células sin NAC ($p < 0,05$). C9: El nivel de ARNm y la actividad de IRP1 disminuyeron en C9 sin tratar respecto a células puras sin tratar($p < 0,05$). En el C9 +TNF α +IL6+LPS, la expresión de IRP1 aumentó con respecto al control; sin cambios de actividad. En C9+TNF α +IL6+LPS aumentó el nivel proteico y el ARNm de DMT1. Concluimos que en células SH-SY5Y en inflamación, DMT1 es modulado post-transcripcionalmente por IRP independiente de ROS y en "knockdown" para IRP1 por otra vía, evidenciando que IRP1 no es el único mecanismo del control de DMT1 en inflamación

114 (367) EFECTO DE ESTRADIOL SOBRE LA REGULACIÓN DE LA PROLIFERACIÓN CELULAR EN CULTIVOS PRIMARIOS Y TRI-DIMENSIONALES DE CÉLULAS EPITELIALES TUBULARES DE CORTEZA RENAL HUMANA

Laura B Marquez¹; Fernando Ibarra^{1,2}; Claudia Silberstein¹ Lab. de Investigaciones Biomédicas, IFIBIO Houssay CO-NICET, Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, UBA¹ Lab. de Riñón Experimental, Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA²

La capacidad de recuperar la función renal luego de un daño depende de la habilidad de los túbulos renales de regenerarse. Hay estudios que demuestran que la función ovárica tiene efectos protectores sobre el riñón, posiblemente debido a las hormonas sexuales femeninas. En estudios previos (SAFIS 2014), demostramos que el tratamiento con benzoato de estradiol estimuló la proliferación celular y la tubulogénesis en cultivos primarios de células epiteliales tubulares de la corteza renal humana (CERH). El objetivo del presente trabajo fue estudiar la vía de acción de 17 β -estradiol sobre la regulación de la proliferación de cultivos de CERH primarios y tridimensionales (3D-CERH). Los cultivos primarios de CERH se desarrollaron a partir de nefrectomías realizadas en el Hospital Nacional Prof. A. Posadas. Se evaluó la tasa de proliferación celular por incorporación de bromodeoxiuridina en las CERH y en estructuras tubulares de cultivos 3D crecidos en matrigel. El tratamiento con 17 β -estradiol (10 nM) estimuló significativamente la proliferación celular de las CERH respecto a las células control ($p < 0,05$, $n = 3$). La incubación de las CERH con ICI-182780 (10 y 100 nM), inhibidor de receptores ER, inhibió el efecto de 17 β -estradiol sobre la proliferación celular. Por otro lado, el tratamiento con dibutilil AMPcíclico (dbAMPc, 1mM) redujo significativamente ($p < 0,05$, $n = 3$) la proliferación tanto en las CERH como en las estructuras tubulares de cultivos 3D-CERH, aún en presencia de 17 β -estradiol. Los efectos de estrógenos son mediados por la unión a sus receptores nucleares ER α y ER β que actúan como factores de transcripción nuclear y/o por la unión al receptor de membrana GPR30, estimulando adenilato ciclasa y AMPc. En base a nuestros resultados podemos concluir que el efecto de estradiol sobre la proliferación de CERH estaría mediado por receptores ER. Los estrógenos

podrían estar implicados en los mecanismos de regeneración del epitelio de los túbulos renales.

115 (377) EFECTOS DE LA INHIBICIÓN DEL ESTRÉS OXIDATIVO CON TEMPOL SOBRE EL BALANCE HIDROSALINO EN RATAS CON SOBRECARGA AGUDA DE SODIO

Marcelo Roberto Choi^{1,2,3}; Nicolás Martín Kouyoumdzian^{1,3}; Natalia Lucía Rukavina Mikusic^{1,3}; Elsa Zotta⁴; Marcela Pandolfo³; Silvana Lorena Della Penna³; Belisario Enrique Fernández^{1,3}; Jorge Eduardo Toblli¹; María Inés Rosón^{1,3}
 ININCA, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ Cátedra de Anatomía e Histología² INFIBIOC³ Cátedra de Fisiología, Facultad de Medicina, UBA⁴

El radical superóxido es un mediador clave en el mecanismo dipsógeno y en la reabsorción tubular de sodio. El tempol, mimético de la superóxido dismutasa, metaboliza al anión superóxido y aumenta la expresión de eNOS. El objetivo del presente trabajo fue estudiar el efecto del tempol sobre el balance hidrosalino en ratas con sobrecarga aguda de sodio. Ratas Sprague Dawley (n=6-8/grupo) se les inyectó solución isotónica (C) o hipertónica (Na): NaCl 0.8M, 2ml/100gr por vía ip; con (c/B) y sin (s/B) acceso al agua de bebida, y con (c/T) y sin tempol (100 mg/Kg ip); Durante 90 minutos se midió función renal, ingesta de agua y concentración plasmática de sodio y proteínas. Se determinó la expresión renal de AQP1 y eNOS y localización de AQP2 en médula renal. La natremia y proteinemia se incrementaron en el grupo Na s/B y en los grupos Na con tempol (c/B y s/B) (p<0.01). El grupo Na c/B tuvo menor diuresis y natriuresis que el grupo Na s/B. El tempol incrementó la diuresis, natriuresis y excreción fraccional de sodio solamente en el grupo Na c/B c/T vs Na c/B (p<0,05). El tempol inhibió la ingesta de agua en el grupo Na c/B c/T respecto del grupo Na c/B (p<0,05). En el grupo Na c/B aumentó la expresión de AQP1 (C c/B: 1,10±0,07 vs Na c/B: 2,18±0,12, p<0,05) y eNOS (C c/B: 1,01±0,07 vs Na c/B: 2,04±0,09) en corteza renal. El tempol incrementó la expresión de AQP1 y eNOS en corteza renal, en los grupos C c/B c/T (AQP1, 5,07±0,07; eNOS, 4,63) y Na c/B c/T (AQP1, 5,54±0,11; eNOS, 4,62) vs sus respectivos grupos sin tempol. El tempol incrementó la localización de AQP2 en membrana plasmática de túbulos colectores medulares en el grupo Na c/B c/T (p<0,05). El tempol facilita la diuresis y natriuresis en ratas con sobrecarga aguda de sodio, asociada a una mayor expresión de eNOS. Sin embargo, incrementa la hipernatremia al inhibir el mecanismo de la sed, a pesar de incrementar la AQP1 en corteza y la localización de AQP2 en túbulo colector medular.

116 (467) EFECTO DEL COMPLEMENTO CROMOSÓMICO SEXUAL SOBRE LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES ANGIOTESINÉRGICOS A NIVEL RENAL

Florencia Dadam¹; María Julia Cambiasso^{1,3}; Laura Vivas^{1,2}; Ximena Caeiro¹
 IMMF-INIMEC-CONICET-UNC¹ Fac. De Cs. Exactas - Univ. Nac. de Córdoba² Fac. Odontología - Univ. Nac. De Córdoba³

Evidencias previas demuestran un efecto activador de los esteroides gonadales sobre la expresión dimórfica sexual de receptores angiotensinérgicos AT1/AT2 a nivel renal. Si bien no se puede negar el rol indiscutible de los esteroides gonadales en el dimorfismo sexual, una serie de estudios indican que algunas características sexualmente dimórficas no pueden ser explicadas en su totalidad por la acción de las hormonas esteroideas gonadales. Teniendo en cuenta estudios propios que sugieren que el complemento cromosómico sexual (CCS) modula no sólo la expresión de los receptores angiotensinérgicos a nivel central sino también la respuesta dimórfica sexual bradicárdica barorefleja, nos propusimos evaluar si el CCS modula diferencialmente la expresión del ARNm de los receptores para Angiotensina II y Angiotensina (1-7) a nivel renal. Para este propósito empleamos una cepa de ratón transgénico que permite deslindar los efectos de los factores: a) hormonal (comparando machos versus hembras), b) del CCS, comparando XY-hembras vs. XX-hembras y XY-machos vs. XX-machos, c) así

como de la interacción de ambos factores. Se emplearon ratones de 55 días de edad de los cuatro genotipos que fueran gonadectomizados con 15 días de antelación. La corteza y médula renal fueron disecadas y se evaluaron por PCR en tiempo real los niveles de ARNm de los receptores AT1, AT2 y Mas. El análisis estadístico de los datos demostró que, independientemente del estatus gonadal, el CCS modula los niveles del ARNm del receptor AT1 a nivel de la corteza renal, siendo su expresión mayor en ratones con CCS-XY vs. aquellos con CCS-XX {F(1,7)=10,90, p<0.01}. Sin embargo, no se evidenciaron diferencias en la expresión de los receptores AT2 y Mas. Por su parte, a nivel de la médula renal no se observaron diferencias significativas atribuibles a los factores fenotipo, CCS ni a la interacción de los factores para ninguno de los receptores angiotensinérgicos analizados. Subsidiado por: ANPCyT, ISN, SECyT, Mincyt-Cba y CONICET.

117 (470) CAMBIOS EN LA EXPRESIÓN DE LAS ISOFORMAS DE SUBUNIDAD α DE LA Na+K+ATPASA ASOCIADOS A LA SENESCENCIA

María Constanza Potilinski; Rosalía Moretta; Eduardo García Gras; Carlos Amorena
 CESYMA-UNSAM

Durante la senescencia se observa un decrecimiento en la función renal y un incremento en la susceptibilidad de desarrollar enfermedades renales. Como resultado, se observa una reducción en la tasa de filtrado glomerular y una disminución de la capacidad de concentración urinaria. La Na+K+ATPasa promueve las condiciones energéticamente favorables para el transporte de Na+ en los túbulos proximales de la corteza renal, donde la mayor parte de la carga de Na+ filtrada es activamente reabsorbida junto con el agua. La subunidad α es el dominio catalítico de la Na+K+ATPasa. Existen tres isoformas de la subunidad α con diferente distribución relativa y sujetas a la regulación temporal. El objetivo de este trabajo es determinar si cambios en los patrones de distribución relativa de esta subunidad podrían estar relacionados con el decrecimiento de la función renal durante la senescencia. Para ello se utilizaron ratas Wistar macho jóvenes (3 meses, N=6) y ratas Wistar macho senescentes (20 meses, N=6). Determinamos la expresión total de la subunidad α en muestras de corteza y médula renal. Se realizó la cuantificación del ARNm por la técnica de RT-PCR y los niveles de proteína por Western Blot para esta subunidad en ambos grupos experimentales. A su vez, se realizó la cuantificación específica del ARNm de las subunidades $\alpha 1$ y $\alpha 2$ en muestras de corteza renal. Como resultado observamos un decrecimiento en la subunidad α total en las muestras de corteza renal de los animales senescentes tanto a nivel del mensajero como a nivel proteico. Para la subunidad $\alpha 1$ se observó un decrecimiento en las muestras de corteza renal de los animales senescentes, sin embargo, no se observaron cambios en la expresión del mensajero de $\alpha 2$. Estos resultados en conjunto nos estarían indicando que un cambio en la expresión de las isoformas predominantes podría afectar el funcionamiento de la Na+K+ATPasa contribuyendo así al decrecimiento en la reserva funcional renal.

118 (595) NEFROPATÍA DIABÉTICA Y SU PROGRESIÓN A LA CRONICIDAD

Erika Abril Seyahian¹; Santiago Melendi¹; Leandro Cacciagiuri³; Felipe Jové¹; Rosario Musacco Sebio⁴; Christian Saporito Magriñá⁴; Marisa G Repetto⁴; Alicia Araoz¹; Mauricio Castro Parodi⁵; Alicia E Damiano⁵; Federico Ochoa¹; Néstor Lago²; Elsa Zotta¹
 Sección Patología. IFIBIO-Houssay-Conicet. FMED. UBA.¹ CEPEA. FMED. UBA.² Laboratorio de Lípidos y Aterosclerosis. Dpto de Bioquímica Clínica. FFyB. INFIBIOC-UBA.³ Cátedra de Química General e Inorgánica. FFyB. UBA.⁴ Laboratorio de Biología de la Reproducción. IFIBIO-Houssay-Conicet. FMED. UBA.⁵

La Enfermedad Renal Crónica (ERC) es una patología de alta prevalencia que afecta a más del 17% de los individuos mayores de 20 años alrededor del mundo. Una de las principales causas de ERC en Argentina y occidente es la diabetes mellitus (DM).

Desarrollamos un modelo de DM Tipo I en ratas Sprague Dawley. Se realizaron estudios preliminares a los 15 días, 45 días y a los 3 meses post inoculación para determinar la progresión de las alteraciones estructurales y bioquímicas en el tiempo y su relación durante la evolución de la lesión renal a la cronicidad. El Clearance de Creatinina (Ccr) no mostró alteraciones significativas a los 15 días post-inoculación, disminuyó a los 45 días y aumentó a los 3 meses de evolución de la patología. Se evaluó el daño renal utilizando estudios histológicos (técnicas de PAS y Tricrómico) e histológico ultra estructural (por Microscopía Electrónica de Transmisión). Tres meses luego de la inoculación observamos el desarrollo de lesiones nodulares de Kimmelstein Wilson características de DM. Por Microscopía electrónica se estudiaron las características de las células, procurando evaluar cambios en la morfología mitocondrial que se pudieran asociar con un deficiente funcionamiento de las mismas. Se realizaron técnicas para estudios de muerte celular como la expresión de Klotho, una proteína recientemente descubierta como antiapoptótica y TUNEL. Aunque son muy numerosos los estudios que demuestran que la muerte celular juega un papel relevante en la etiología de muchas enfermedades, parece evidente que futuros estudios deberán estar encaminados tanto a documentar nuevas asociaciones entre ésta y la enfermedad renal, como a desarrollar nuevas terapias que mejoren tanto la sobrevida como la calidad de vida de los pacientes.

119 (599) PARTICIPACIÓN DE LA ACUAPORINA 2 (AQP2) Y DEL INTERCAMBIADOR NA⁺/H⁺ 1 (NHE1) EN LA MIGRACIÓN DE CÉLULAS RENALES

Nuevo, María Jimena; Mendivil, Tomás; Pizzoni Alejandro; Rivarola, Valeria; Ford, Paula; Capurro, Claudia; Di Giusto, Gisela

Laboratorio de Biomembranas IFIBIO-HOUSSAY, FMED, UBA.

Una característica común de las células migrantes es su polarización dentro del plano de movimiento generando dos zonas diferentes: lamelipodio y cuerpo celular. Nuestros resultados preliminares mostraron que la AQP2 participa del proceso de migración de células renales. En este trabajo nos proponemos investigar la posible asociación entre la AQP2 y el NHE1, transportador involucrado en los flujos iónicos localizados en el lamelipodio y en la adquisición de la polarización celular. Como modelo experimental utilizamos dos líneas celulares de túbulo colector cortical: WT-RCCD1 que no expresa AQPs y AQP2-RCCD1 que expresa constitutivamente AQP2 en la membrana apical. Corroboramos la participación de la AQP2 en la migración realizando el clásico ensayo de cicatrización de herida en presencia o no de HgCl₂ (100 μM) y midiendo el % de cicatrización de la monocapa a las 4 hs. Los resultados mostraron que las células AQP2 disminuyeron su capacidad migratoria en presencia del inhibidor de AQPs (C: 35 ± 2% vs. HgCl₂: 28 ± 3%, n=22, *p<0,05). Realizamos la determinación del volumen del lamelipodio por inmunofluorescencia. Los resultados mostraron que los lamelipodios de las células WT migrantes poseen un mayor volumen (723 ± 94 μm³) que los de las células AQP2 (499 ± 47 μm³) (n=50, p<0,05). Cuando evaluamos la participación del intercambiador NHE1, utilizando el inhibidor HOE-694 1 μM, observamos que las células AQP2 disminuyeron el % de cicatrización (C: 32 ± 1% vs. HOE: 24 ± 1%, n=5, *p<0,01). Al observar mediante inmunofluorescencia estas células AQP2 migrantes en presencia de HOE, notamos una disminución del 28 ± 1% (n=32) en la formación de los lamelipodios, resaltando la importancia del NHE1 como organizador de la polarización celular. En base a los resultados proponemos una coordinada participación de la AQP2 y del NHE1 en los cambios rápidos y localizados del volumen del lamelipodio lo que resultaría clave para el favorecimiento del proceso de migración celular.

120 (613) ROL DE LA ISOFORMA 1 DEL INTERCAMBIADOR SODIO/PROTÓN (NHE1) EN EL CRECIMIENTO EN MEDIO ÁCIDO DE CÉLULAS RENALES QUE EXPRESAN AQP2

Christensen, María José; Di Giusto, Gisela; Ford, Paula; Capurro, Claudia; Rivarola, Valeria

Laboratorio de Biomembranas. IFIBIO Houssay

De la asociación entre los mecanismos de proliferación y el pHi surge la posibilidad que una alteración crónica del pH lo modifique dado que el control del pH intracelular (pHi), regulado en parte por los intercambiadores Na⁺/H⁺ (NHE), es necesario para una correcta modulación de los procesos de proliferación. Previamente mostramos en células renales que la expresión del canal de agua acuaporina 2 (AQP2) induce una disminución de la proliferación asociada al NHE1. El objetivo de este trabajo fue investigar si la exposición a medio ácido de las células renales alteraba su crecimiento. Para ello se utilizaron dos líneas celulares de túbulo colector cortical: WT-RCCD1, la cual no expresa AQPs, y AQP2-RCCD1 que expresa constitutivamente AQP2 en la membrana apical. Se realizaron estudios de proliferación, inmunofluorescencia e inmunoblot. Nuestros estudios muestran que luego de 24hs de exposición a medio ácido (ΔpH=0.4) las células que expresan AQP2 aumentan significativamente su proliferación (%=12.1±4.7, p<0.05 n=26) mientras que en las células WT se inhibe el crecimiento (%=-20.2±6.8, p<0.01 n=26). Este resultado se repite si se aumenta el gradiente hasta 0.7 unidades de pH. A mayores diferencias de pH ambas líneas disminuyen su crecimiento. Al inhibir el NHE1 durante el crecimiento en acidosis se observó que NHE1 no ejercía más un efecto antiproliferativo en las células que expresan AQP2. Por otra parte nuestros estudios mostraron que, si bien la expresión total de NHE1 no cambiaba en presencia de medio ácido, la localización cambiaba drásticamente hacia la membrana plasmática solo en las células que expresan AQP2. Nuestra hipótesis es que este cambio de localización de la NHE1 durante la exposición a medio ácido modifica su regulación eliminando el efecto antiproliferativo que ejerce en las células con AQP2. Esto podría explicar el efecto proliferativo de la acidosis en línea AQP2-RCCD1.

121 (625) CARACTERIZACIÓN DE LA APOPTOSIS EN UN MODELO ANIMAL DE SÍNDROME URÉMICO HEMOLÍTICO, Santiago Ezequiel Melendi¹; Federico Ochoa¹; Abril Seyahian¹; Felipe Jove¹; Alicia Araoz¹; Nestor Lago²; Elsa Zotta¹

IFIBIO Houssay UBA-CONICET, Fac. de Medicina, UBA¹ Centro de Patología Experimental y Aplicada, Departamento de Patología, Fac. de Medicina, UBA²

En la Argentina, el SUH constituye la causa más frecuente de insuficiencia renal aguda en niños, el 30% permanece con alteración de la función renal. Es producido por la infección con *Escherichia coli* productor de toxina Shiga tipo 2 (Stx2). El objetivo de nuestro trabajo fue caracterizar el desarrollo de apoptosis, en un modelo experimental de SUH en ratas. Ratas Sprague-Dawley (150-200 g) fueron inyectadas por vía intraperitoneal. El grupo experimental fue inoculado con sobrenadante de cultivo bacteriano de *E-coli* recombinante que expresa Stx2 (sStx2). Se inoculó 3 mL/ 200 g de peso (dosis letal) y 0.25 mL/ 200 g de peso (dosis subletal). El grupo control se inoculó con el mismo volumen de sobrenadante de cultivo bacteriano de *E-coli* recombinante que no expresa Stx2 (sControl) En todos los grupos se realizaron estudios funcionales, histológicos, inmunofluorescencia para BAX y Bcl-2, inmunotipificación de Klotho y detección de apoptosis por fragmentación de ADN (TUNEL), a distintos tiempos de evolución. Los estudios funcionales mostraron una disminución del filtrado glomerular a la semana e hiperfiltración a los tres meses. A este tiempo, los animales presentaron microalbuminuria, proteinuria, e histológicamente una glomeruloesclerosis focal y segmentaria (GEFS) y desarrollo de fibrosis túbulo intersticial. La inmunofluorescencia para BAX y Bcl-2 muestra variaciones significativas de su expresión en corteza y medula renal en los grupos experimentales respecto del control. La inmunotipificación de Klotho en tejido renal muestra acentuada disminución en los distintos tiempos de evolución luego de la inoculación de Stx2. Estos resultados se correlacionan con el aumento en la apoptosis inducido por Stx2 evidenciable por la técnica de TUNEL. Nuestros resultados muestran que tanto en la lesión aguda como en la evolución a la cronicidad, la apoptosis forma parte de los

mecanismos fisiopatológicos que conducen al daño renal en la nefropatía del SUH.

TRANSDUCCIÓN DE SEÑALES 2

123 (33) WNT5A PROMUEVE LA ACTIVACIÓN DE NF-KB Y AKT EN MELANOMA

Gastón Alexis Barbero¹²³; María Agustina Del Grosso¹²; María Victoria Castro¹²; María Belén Villanueva¹²³; Ivonne Muñoz Contreras¹²; Pablo Roberto Lopez Bergami¹²³
Universidad Maimonides¹ Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico (CEBAD)² Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas - CONICET³

Melanoma es la forma más agresiva del cáncer de piel y es el responsable de más del 60% de las muertes producidas por cáncer de piel. Wnt5a es una glicoproteína de secreción involucrada en la vía de señalización no canónica de Wnt y juega un papel importante en melanoma incrementando la motilidad, invasión, proliferación y resistencia a apoptosis. Uno de los blancos de Wnt5a es Akt, una quinasa de serina/treonina clave en la vía de PI3K, que asegura la transcripción de genes involucrados en proliferación y supervivencia celular. Sin embargo, se sospecha que muchas otras vías de señalización aún no identificadas mediarían estos y otros efectos de Wnt5a sobre las células de melanoma. Muchos tumores sólidos incluyendo melanoma, muestras elevados niveles y/o elevada actividad transcripcional de NF-kB (nuclear factor kappa-light-chain-enhancer of activated B cells). Este complejo, formado por el dímero p65/p50, luego de ser activado por fosforilación trasloca al núcleo y regula la transcripción de más de 150 genes blancos involucrados en supervivencia celular, favoreciendo así la tumorigenicidad de la célula. El objetivo del presente trabajo es estudiar la existencia de una posible vinculación entre Wnt5a y la activación de las vías de señalización de Akt y NF-kB en líneas celulares de melanoma. Células MeWo fueron estimuladas por distintos tiempos con Wnt5a para establecer la cinética de activación de Akt y p65, determinando sus niveles de fosforilación mediante Western Blot. Este experimento demostró un marcado aumento en la fosforilación de Akt y p65 luego de entre 30 y 60 minutos de estimulación con Wnt5a. Luego, estimulamos 10 líneas celulares correspondientes a melanoma primario y metastásico con Wnt5a durante 60 minutos para establecer con qué frecuencia estas vías de señalización eran activadas por este ligando. Se pudo observar que Akt es activada por Wnt5a en 8 líneas celulares. Cuatro de estas 8 líneas presentan a su vez fosforilación de p65 en respuesta a Wnt5a. Interesantemente, las dos líneas celulares en las cuales Wnt5a no activó la fosforilación de Akt, mostraron una inhibición de la fosforilación basal de p65 ante el tratamiento por Wnt5a. Experimentos realizados con células transducidas establemente con Akt-Myr (una variante miristoilada y, consiguientemente activa, de Akt) y con el inhibidor de PI3K LY294002, permitieron establecer que Akt está directamente involucrada en la fosforilación de p65. Además, se determinó que la fosforilación de p65 por Wnt5a es dependiente de Dvl pero independiente de Ikbα. Finalmente determinamos que la estimulación de células de melanoma con Wnt5a no se limita a fosforilar p65 sino que también produce la activación de la vía de señalización NF-kB al observar mediante western blot cambios en la expresión de conocidos genes blancos de esta vía luego de 8, 18 y 36 horas de estimulación con Wnt5a. Estos experimentos revelaron que Wnt5a induce un aumento en los niveles de N-cadherina, RelB, p53, Bcl2, Mcl1, ciclina D y Bax. Estos resultados demuestran por primera vez que el ligando Wnt5a activa la vía de señalización de NF-kB en melanoma a través de mecanismos dependientes e independientes de Akt.

124 (48) LA SUMOILACIÓN DE FKBP51 MODULA SU ACTIVIDAD, MEDIADA POR HSP90, COMO COCHAPERONA DEL RECEPTOR DE GLUCOCORTICOIDES

Maja Ludmila Budziński¹; María Antonica Noguero¹²; Romina Gobbi¹; Clara Sokn¹; Sergio Senin¹; Nils Gassen³; Theo Rein³; Ana Clara Liberman¹; Eduardo Arzt¹²

IBioBA-CONICET-MPSP¹ FBMC, FCEN, UBA.² Instituto Max Planck de Psiquiatría, Munich, Alemania.³

FK-506 binding protein (FKBP) 51 es una co-chaperona que regula la actividad del receptor de glucocorticoides (GR), mediador clave en la respuesta a estrés. Alteraciones en su funcionalidad están asociadas al desarrollo de desórdenes psiquiátricos e inmunes. Sin embargo, aún no se han descrito modificaciones post-traduccionales sobre FKBP51 que modulen su actividad. La sumoilación consiste en la adición covalente del péptido SUMO y juega un rol clave en estrés. Por esta razón, estudiamos a FKBP51 como blanco de sumoilación y su impacto sobre la actividad del GR en el contexto neuronal. Previamente demostramos que FKBP51 es sumoilado mediante ensayos de sumoilación in vitro e in vivo y evaluamos el efecto de la sumoilación de FKBP51 sobre la actividad del GR. A continuación, analizamos si FKBP51 endógeno es blanco de sumoilación y la influencia de PIAS4 (enzima E3 ligasa) y distintos tipos de estrés celular (shock térmico e hipoxia) sobre la sumoilación y la actividad del mismo. Observamos mediante ensayos de purificación por afinidad a resinas de níquel que FKBP51 endógeno es sumoilado y que al inhibir la expresión de PIAS4 se inhibe la sumoilación endógena y también se pierde el efecto inhibitorio de FKBP51 sobre la actividad del GR, así como interacción de FKBP51 endógeno con Hsp90. Demostramos mediante ensayos de western blot que en condiciones de estrés celular como shock térmico e hipoxia, aumenta la sumoilación de FKBP51 aumentando su efecto inhibitorio sobre la actividad transcripcional del GR ($p < 0.05$). Además, observamos que en shock térmico aumenta la sumoilación de PIAS4 lo cual modula su actividad como E3 ligasa, pudiendo ser éste un posible mecanismo por el cual en dicha condición aumenta el efecto inhibitorio de FKBP51 sobre la actividad del GR. Nuestros hallazgos atribuyen una nueva función a PIAS4 dentro del sistema regulatorio de la actividad del GR y lo convierten en un blanco interesante con potencial terapéutico para el tratamiento de desórdenes asociados. Apoyado por ANPCyT, CONICET, UBA y FOCEM (COF 03/11).

125 (60) MECANISMO DE REGULACIÓN DEL PH EXTRACELULAR POR EL CANAL DE CLORURO CFTR

Cancio, Carla Estefanía; Mori, Consuelo; Massip Copiz, María Macarena; Clauzure, Mariángeles; Valdivieso, Ángel Gabriel; Santa Coloma, Tomás Antonio
BIOMED; Pont. Univ. Cat. Arg. "Sta. María de Los Bs. As".

La Fibrosis Quística (FQ) es causada por mutaciones en el gen CFTR, que codifica un canal de Cl⁻ y HCO₃⁻ activado por AMPc. Se ha propuesto que la falla de la función del CFTR como transportador de HCO₃⁻ induce una disminución del pH extracelular (pHe). Anteriormente, reportamos que la reducción de la actividad del Complejo I mitocondrial (C1m) en FQ está mediada por un efecto autocrino de interleuquina-1 beta (IL-1β). Esta falla en el C1m podría afectar la producción de lactato por efecto Warburg. Proponemos como hipótesis que el pHe estaría disminuido por una combinación entre el menor transporte de HCO₃⁻ y el aumento en la producción de ácido láctico. Nuestro objetivo fue demostrar esta hipótesis y estudiar los mecanismos de regulación del pHe mediados por CFTR. Como modelo se utilizaron células Caco-2 (CFTR salvaje) transfectadas con un plásmido de ARN de interferencia contra el CFTR (shRNai, Caco-pRS26) y con un plásmido control (Caco-pRS30003). Las células Caco-pRS26 mostraron una reducción significativa del pHe con respecto a las células controles. El tratamiento de las células Caco-pRS30003 (CFTR salvaje) con IL-1β exógena produjo una reducción significativa del pHe. El bloqueo de la señalización de IL-1β con el antagonista ILRN1 en células Caco-pRS26 rescató parcialmente el pHe, lo que sugiere un efecto autocrino de dicha citoquina. Luego se estudiaron diferentes vías de señalización de IL-1β. La inhibición de c-Src (PP2) y de JNK (SP600125), aumentó significativamente el pHe en ambas líneas celulares. El tratamiento con oxamato, un inhibidor de la lactato deshidrogenasa, rescató el pHe en las células Caco-pRS26 comparadas con las células controles. Estos datos sugieren que la producción

de ácido láctico, incrementada por la disminución de la actividad del CFTR, cumple un rol fundamental en la regulación del pH. Agradecimientos: CONICET, PIP2012-2014-0685 y PICT2012-1278 de la ANPCYT. Beca Agencia (CEC), beca UCA (MC) y becas CONICET (CM, MMMC, MC).

126 (61) REGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN DE LA INTERLEUQUINA-1 β EN FIBROSIS QUÍSTICA

Clauzure, Mariángeles; Massip Copiz, María Macarena; Cancio, Carla; Mori, Consuelo; Asensio, Cristian; Valdivieso, Ángel Gabriel; Santa Coloma, Tomas Antonio
BIOMED

La fibrosis quística (FQ) está caracterizada por una condición inflamatoria general con elevada concentración de citoquinas en esputo, incluyendo la citoquina proinflamatoria interleuquina-1 β (IL-1 β). Trabajos previos de este laboratorio demostraron que la expresión de IL-1 β se encuentra aumentada cuando se afecta la actividad del CFTR, aumento que es independiente de la presencia de una infección. Asimismo, que la IL-1 β está involucrada en la disminución de la actividad del Complejo I mitocondrial (mCx-I) mediante un efecto autocrino. Por otro lado, hubo una reducción muy importante de los niveles de ROS mitocondriales y una reducción total de los niveles de ROS citoplasmáticos con recuperación de la actividad del mCx-I en presencia de bloqueantes de IL-1 β (Ab bloqueantes y IL1RN). Esto sugiere que el daño mitocondrial (ROS y mCx-I) en FQ es producido por dicho "loop" autocrino. El paso siguiente y objetivo general de este trabajo, fue determinar los efectos de la concentración de cloruro intracelular en la expresión de IL-1 β . Para estudiar la posible modulación de la expresión del gen de IL-1 β por la [Cl⁻]_i (ya que la función principal del CFTR es modular los niveles de este anión), se utilizó la técnica de RT-PCR en tiempo real a partir de muestras de ARNm de células IB3-1 (línea celular proveniente de tráquea de paciente con FQ). Las células fueron previamente incubadas en presencia de diferentes concentraciones de Cl⁻ (0-140 mM). Los resultados obtenidos sugieren que efectivamente los niveles de Cl⁻ intracelular pueden modular la expresión de IL-1 β independientemente de la presencia o ausencia del CFTR. De modo que Cl⁻ actuaría como segundo mensajero entre el CFTR y la regulación de la expresión de IL-1 β . Agradecimientos: Subsidios CONICET (PIP 2012-2014, 0685), ANPCYT (PICT-2012, 1278) y UCA. Becas CONICET (MMMC, MC, CM), ANPCYT (CEC) y Banco Santander-Río (MC y CM).

127 (122) INTERACCIÓN DE BMP-4 Y ÁCIDO RETINOICO EN LA INHIBICIÓN DE LA FUNCIÓN DE LA CÉLULA CORTICOTRÓFICA

Leandro E. Nieto¹; Mariana Fuertes¹; Valeria G. Antico Arciuch¹; Eduardo Arzt^{1,2}

Instituto de Investigación en Biomedicina de Buenos Aires - CONICET - MPSP¹ Departamento de Fisiología, Biología Molecular y Celular, Fac. de Cs. Exactas y Naturales, UBA²

La Proteína morfogenética ósea 4 (BMP-4) es un factor de desarrollo, metabolismo y diferenciación celular que se encuentra presente en la hipófisis normal y estimula a la célula lactotrófica hipofisaria. Previamente demostramos que el tratamiento in vitro con BMP-4 de células corticotrofas tumorales AtT-20, disminuye la secreción de corticotrofina (ACTH) y la proliferación celular. Demostramos además que el Ácido Retinoico (AR), un metabolito de la Vitamina A que induce diferenciación y apoptosis en distintos tipos celulares, inhibe la proliferación, invasión y el crecimiento tumoral corticotrofo in vivo. Este trabajo busca elucidar la posible interacción entre las vías de señalización de BMP-4 y AR en la regulación del corticotrofo, y los mecanismos moleculares participantes. En la línea celular tumoral corticotrofa de ratón AtT-20, se determinó la expresión de receptores de AR mediante Western Blot, observando la presencia de receptores de tipo RAR β , RXR α , y RXR γ , utilizando la línea celular HeLa como control positivo de expresión de estos receptores. En células AtT-20 transfectadas con un vector conteniendo la secuencia promotora de Proopiomelanocortina (POMC) asociada a

un gen reportero de Luciferasa, y luego estimulando con BMP-4, observamos la inhibición de POMC (59% 100 ng/mL; p < 0.01) en forma dosis dependiente (50-200 ng/mL), determinando que la acción de BMP-4 sobre ACTH se produce a nivel transcripcional. Esta inhibición de BMP-4 se observa estimulando el promotor con CRH (100 nM) o Forskolina (10 μ M). La cotransfección con los inhibidores de la vía de señalización de Smads, Smad 6 y Smad 7, revierte esta acción. Demostramos que el AR (100 nM) también inhibe (42%; p < 0.05) transcripcionalmente a POMC. El cotratamiento de AR y BMP-4 presenta un efecto sinérgico. Tras el análisis in silico de la secuencia promotora de POMC, observamos que el mismo contiene un elemento de respuesta a AR (RARE), por lo cual analizamos el efecto de BMP-4 y AR sobre la actividad transcripcional del reportero RARE-Luc. Encontramos que BMP-4 amplifica el efecto estimulador de AR sobre RARE. Los resultados demuestran que ambos factores inhibitorios, BMP-4 y AR, actúan a nivel transcripcional sobre POMC, haciéndolo en forma sinérgica. La secuencia RARE del promotor de POMC estaría involucrada en esta regulación. El potencial uso terapéutico de estas sustancias sobre los tumores corticotropos se verá favorecida con la comprensión de los mecanismos involucrados. Apoyado por ANPCyT, CONICET, UBA y FOCEM (COF 03/11).

128 (127) ROL DIFERENCIAL DE ERK 1/2 MAPK Y P38 MAPK EN LA RESPUESTA DE LAS CÉLULAS DE ADENOCARCINOMA DE COLON HUMANO ESTIMULADAS CON EL ANÁLOGO TUMORAL DE LA HORMONA PARATIROIDEA

Calvo, Natalia G; Carriere, Pedro; Martín, María Julia; Gentili, Claudia
INBIOSUR

El análogo tumoral de la hormona paratiroidea (PTHrP) está implicado en varios tumores como el carcinoma de colon. La patogénesis de esta enfermedad involucra varios procesos, incluyendo la supervivencia celular, la proliferación, la migración y la angiogénesis. Previamente demostramos que, en las células Caco-2 derivadas de adenocarcinoma de colon humano, el tratamiento con PTHrP exógeno (10⁻⁸ M) incrementa la migración mediante ERK 1/2 MAPK. En el presente trabajo se estudiaron los mecanismos moleculares que modulan la migración inducida por PTHrP en estas células intestinales tumorales. Mediante el ensayo de cierre de la "herida" se evidenció que p38 MAPK no participa en el aumento en la capacidad de migrar inducido por PTHrP. La hormona induce la fosforilación mediante ERK 1/2 de la serina/ treonina quinasa S6 ribosomal (RSK), una enzima implicada en la migración, la invasión y la metástasis tanto in vitro como in vivo. Sin embargo, mediante el uso de un inhibidor específico, se observó que p38 MAPK no revierte la fosforilación de RSK inducida por PTHrP. Mediante la realización de una "herida" en la monocapa celular seguido del análisis de inmunofluorescencia utilizando anticuerpos anti-fosfotirosina y anti-actina, se observó además la presencia de numerosas pequeñas estructuras, presumiblemente correspondientes a las adhesiones focales asociadas con filamentos de actina en las células tratadas con PTHrP por 24 horas. Análisis por Western blot revelan que PTHrP aumenta la expresión proteica de la quinasa de adhesión focal (FAK), que está involucrada en procesos de migración celular regulando principalmente la señalización relacionada con la adhesión celular a la matriz extracelular. Más aun, se evidenció que estos cambios de la expresión son dependientes de ERK 1/2 MAPK pero independientes de p38 MAPK. En conclusión, nuestros resultados revelan un rol diferencial de ERK 1/2 MAPK y p38 MAPK en la respuesta de las células Caco-2 estimuladas con PTHrP.

129 (173) LA PROTEÍNA DE EXPRESIÓN ESPECÍFICA TUMORAL MAGEB2 COMO REGULADOR DE LAS VÍAS DE CONTROL DE LA BIOGÉNESIS RIBOSOMAL

Fatima Ladelfa^{1,2}; Leticia Peche³; Julieta Laiseca^{1,2}; Franco Pascucci¹; Martin Monte^{1,2}

Laboratorio de Oncología Molecular, Dpto Qca Biologica FCEYN, UBA.¹ IQUIBICEN, CONICET² LNCIB, Trieste, Italia³

MageB2 es una proteína de expresión específica tumoral perteneciente a la familia MAGE. Previamente demostramos que su expresión confiere ventajas proliferativas *in vitro* e *in vivo*. MageB2 presenta localización nucleolar, regula la biogénesis ribosomal y bajo condiciones de estrés interfiere con uno de los principales checkpoints nucleolares: la activación de proteínas ribosomales. Aquí estudiamos los efectos de la expresión de MageB2 sobre dos de las principales vías que regulan la biogénesis ribosomal: las vías oncogénicas de c-myc y PI3K/AKT. Mediante Western Blot observamos que los niveles endógenos de c-myc son mayores en presencia de MageB2. Además, mediante RT-qPCR observamos que los niveles de precursor del RNA ribosomal (pre-rRNA) aumentan en condiciones de sobreexpresión (SE) conjunta de c-myc y MageB2 (3,5 y 2 veces en relación a la SE única de c-myc o MageB2, respectivamente). Por otra parte, observamos que en condiciones de SE de c-myc, Δ NoLS-MageB2 (mutante de localización nuclear), se ve relocalizado en el nucléolo. Estos resultados sugieren que existiría conexión entre c-myc y MageB2 en la regulación de la biogénesis ribosomal donde c-myc estimula la localización nucleolar de MageB2 y MageB2 estabiliza y potencia la función de c-myc en la transcripción de pre-rRNA. En relación con la vía de señalización de PI3K/AKT observamos que, en fibroblastos humanos normales Wi38 modificados para la expresión estable de MageB2, AKT permanece activado (fosforilado) en condiciones de bajo suero (0,1% suero) a diferencia de lo observado en las células control, en las cuales los niveles de p-AKT son nulos. Estos resultados sugieren que MageB2 mantendría activa la vía de AKT aún en ausencia de estímulos proliferativos. En conjunto, nuestros resultados sugieren que MageB2 regularía las principales vías de control de la biogénesis ribosomal y proliferación celular, explicando, al menos en parte, las bases de su potencial oncogénico.

130 (176) RELACIÓN ENTRE EL CANAL EPITELIAL DE SODIO (ENAC) Y EL CANAL REGULADOR DE LA FIBROSIS QUÍSTICA (CFTR), Y LA PROTEÍNA XSHROOM1

Palma, Alejandra; Marino, Gabriela; Galizia, Luciano; Kotsias, Basilio
Instituto de Investigaciones Médicas Alfredo Lanari

xShroom1 es una proteína endógena de ovocitos de *Xenopus laevis* asociada al citoesqueleto que regula a ENaC a través del número de canales en la membrana. Por otro lado ENaC y el canal de cloruro CFTR se coexpresan en numerosos epitelios con una interacción entre ambos dependiendo del tejido en donde se encuentran. Nuestro objetivo fue estudiar si la activación del CFTR afecta la actividad del ENaC, y la relación de ambos canales con xShroom1, midiendo las corrientes con pulsos de -140 a +60 mV y expresando los datos con el pulso de -100 mV. Examinamos si xShroom1 produce un efecto sobre las corrientes de CFTR. En ovocitos coinyectados con CFTR y oligonucleótidos antisentido contra xShroom1, se observó un aumento de la corriente de CFTR ($-0.95 \pm 0.52 \mu\text{A}$, n=8) respecto a los ovocitos controles coinyectados con el sense de xShroom1 ($-0.19 \pm 0.12 \mu\text{A}$, n=10, p<0.01). Observamos que las corrientes sensibles a amiloride, INa(amil), en ovocitos coinyectados con ENaC y CFTR fueron menores cuando activamos el canal CFTR con forskolina e IBMX: $-1.33 \pm 0.54 \mu\text{A}$ vs $-0.69 \pm 0.52 \mu\text{A}$, n=6, p<0.01. En ovocitos coinyectados con ambos canales y oligonucleótidos antisentido contra xShroom1 las INa(amil) fueron menores ($-0.52 \pm 0.03 \mu\text{A}$, n=3) respecto a los ovocitos controles coinyectados con el sense de xShroom1 ($-1.56 \pm 0.47 \mu\text{A}$, n=4, p<0.05), y la activación del CFTR produjo que las INa(amil) disminuyan aún más ($-0.16 \pm 0.07 \mu\text{A}$, n=3, p<0.05). La inhibición por CFTR fue mayor en ovocitos coinyectados con oligonucleótidos antisentido (70%) respecto a los coinyectados con los sense de xShroom1 (54%). Concluimos que xShroom1 regula al CFTR en forma inversa al ENaC demostrando que la función del ENaC no solo es por estímulos hormonales y de proteasas sino que su funcionamiento depende también de la activación del CFTR tal como ocurre con la relación complementaria que tiene con la P glicoproteína y que además de su función como canal iónico es un regulador clave de otras proteínas de membrana

131 (188) ROL DE LA TIROSINA QUINASA C-SRC EN FIBROSIS QUÍSTICA. PARTICIPACIÓN DE LA IL-1 β

Massip Copiz, María Macarena; Valdivieso, Ángel Gabriel; Clauzure, Mariángeles; Cancio, Carla Estefanía; Mori, Consuelo; Asensio, Cristian; Santa Coloma, Tomás Antonio
BIOMED; Pont. Univ. Cat. Arg. "Sta. María de los Bs. As."

La Fibrosis Quística (FQ) es una de las enfermedades hereditarias autosómicas recesivas más frecuentes, causada por mutaciones en el canal de cloruro CFTR. Anteriormente encontramos que la expresión y activación de c-Src estaba aumentada en diferentes modelos celulares de FQ. Teniendo en cuenta que en FQ se encuentra elevada la concentración de interleuquina-1 β (IL-1 β) y que nuestro laboratorio ha demostrado que a dosis altas la IL-1 β inhibe la expresión del ARNm del CFTR, los objetivos de este trabajo fueron estudiar el rol de la IL-1 β endógena en la activación de c-Src y evaluar la participación de c-Src en diferentes parámetros celulares alterados en FQ. Se utilizaron dos modelos: células IB3-1 (derivadas de un paciente con FQ) y S9 (IB3-1 corregidas que expresan CFTR wt) y células CaCo-2, que expresan CFTR wt, transfectadas con un plásmido shARN específico de CFTR (CaCo-2/pRS26) o con su plásmido control (CaCo-2/pRSctrl). Utilizando diferentes estrategias de bloqueo de la IL-1 β , se observó mediante WB una disminución diferencial de la actividad de c-Src en células con fenotipo FQ (CaCo-2/pRS26) comparadas con las células control (CaCo-2/pRSctrl). Paralelamente, se evaluó el rol de c-Src en diferentes variables celulares alteradas en FQ. Se observó que c-Src participa significativamente en el aumento de las especies reactivas de oxígeno, en la disminución del pH extracelular y, preliminarmente, en el aumento de la proliferación celular observado en los modelos FQ. En conclusión, la inhibición de la actividad o expresión del CFTR produce un incremento en la actividad de c-Src y este incremento ocurre por la estimulación de una señalización autócrina de IL-1 β . El aumento de c-Src media así diferentes efectos celulares alterados en FQ. Agradecimientos: Subsidios ANPCYT (PICT-2012-1278), CONICET (PIP 2012-2014-0685) y UCA. Becas CONICET (MMMC, MC, CM) y ANPCYT (CEC).

132 (205) EVALUACIÓN DE LOS NIVELES DE EXPRESIÓN DE POSIBLES GENES DE REFERENCIA PARA ESTUDIOS DE RT-QPCR EN MÚSCULO ESQUELÉTICO DE RATONES EN CRECIMIENTO QUE SOBREENPRESAN HORMONA DE CRECIMIENTO

Piazza, Verónica Gabriela; Mc Callum, Gregorio Juan; Muia, Nadia Vanina; Turyn, Daniel; Miquet, Johanna Gabriela; Sotelo, Ana Isabel
IQUIFIB, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Univ de Buenos Aires

La técnica de PCR cuantitativa precedida de transcripción reversa (RT-qPCR) es ampliamente utilizada para determinar los niveles de ARN mensajero. Dada su elevada sensibilidad y las diversas fuentes de variabilidad que pueden afectar los resultados es imprescindible una correcta normalización. De las estrategias disponibles, el uso de genes de referencia como control interno es la más utilizada. En los últimos años se han desarrollado algoritmos que permiten seleccionar genes de referencia y validar su uso para cada experimento. Cuando la variable en estudio es el desarrollo o el crecimiento se han reportado mayores dificultades en los trabajos de validación publicados. El objetivo de este trabajo fue validar genes de referencia para normalizar los niveles de expresión de genes blanco de la hormona de crecimiento (GH) en músculo esquelético de ratones que sobreexpresan GH y sus hermanos de camada normales durante el período de crecimiento (2, 4 y 9 semanas de vida). Se analizaron genes frecuentemente utilizados como control interno y otros ya validados para condiciones experimentales similares, pertenecientes a distintas clases funcionales para disminuir la posibilidad de coregulación. Se midieron los niveles de expresión de ACTB, B2M, GAPD, GSK3, HPRT1, RNA18S, RPL13A y YWHAZ con el método de cuantificación relativa ($\Delta\Delta\text{Ct}$). Los resultados se analizaron mediante los algoritmos geNorm, NormFinder, BestKeeper y el método de

comparación de ΔCt . Si bien estos algoritmos validarían el uso de RPL13A, YWHAZ y RNA18S o GSK3 para normalizar, sus niveles de expresión muestran una tendencia dependiente de la edad y/o el genotipo. Estos resultados revelan la importancia de la validación de genes para utilizarlos como control interno en estudios de RT-qPCR y la necesidad de evaluar los datos crudos antes del procesamiento con los algoritmos disponibles. Además, plantean la necesidad de reconsiderar otros métodos de normalización de los resultados.

133 (263) REGULACIÓN CRUZADA ENTRE RECEPTORES H1 Y H2 A HISTAMINA POR LIGANDOS AGONISTAS Y AGONISTAS INVERSOS

Antonela Diaz Nebreda¹; Emiliana Echeverría²; Daniel Zapata²; Carlos Davio²; Natalia Fernandez²; Federico Monczor²; Carina Shayo¹
IBYME-CONICET¹ ININFA²

Los receptores H1 y H2 a histamina (RH1 y RH2) son receptores acoplados a proteína G, que regulan la producción de IPs y de AMPc respectivamente. Se coexpresan en varios tejidos y regulan procesos fisiológicos y patológicos como alergia/inflamación, secreción gástrica, neuromodulación, proliferación y diferenciación celular. Previamente hemos descrito en células leucémicas U937 y en células CHO que sobreexpresan RH1 y RH2 que el tratamiento con sus agonistas (AGO) conduce a la desensibilización (DSS) cruzada de ambos receptores. El objetivo de este trabajo es profundizar el estudio de la DSS cruzada causada por AGO o AGO inversos de estos receptores. En células HEK293T transfectadas con RH1 y RH2 observamos que el estímulo con AGO H1 induce la DSS del RH2. Dado que la DSS homóloga de ambos receptores involucra la participación de GRK2, evaluamos que dominio de GRK2 participa en la DSS cruzada utilizando las mutantes GRK2K220R y GRK2D110A (sin actividad kinasa y RGS, respectivamente). El dominio kinasa resultó necesario para la DSS heteróloga. Por otro lado, evaluamos la capacidad de AGO H2 de interferir sobre la respuesta inflamatoria/antiinflamatoria de agonistas/agonistas inversos del RH1, respectivamente. Para ello, cotransfectamos células HEK293T con RH1, RH2 y un plásmido que codifica para luciferasa río abajo del promotor de IL6. En este sistema, se observó que el AGO H2 revirtió los efectos sobre la actividad del reportero inducidos por AGO y AGO inversos H1. Por último, determinamos en células U937 que ligandos AGO inversos del RH1 pueden, al igual que los AGO, causar una DSS cruzada de la respuesta del RH2. Estos resultados describen mecanismos involucrados en la regulación cruzada entre los RH1 y RH2 y muestran evidencias de la implicancia que dichos mecanismos poseen sobre la regulación de procesos fisiológicos/patológicos modulados por ligandos antihistamínicos, ampliamente utilizados en la clínica para combatir situaciones de tipo alérgico-inflamatorias.

134 (297) LA DISMINUCIÓN DE LA EXPRESIÓN DE RAC3 FAVORECE LA ADIPOGÉNESIS A TRAVÉS DE UN AUMENTO DE AUTOFAGÍA

Lira, María Cecilia; Rosa, Francisco D; Pabelo, Laura C; Fernández Larrosa, Pablo Nicolás; Costas, Mónica A; Rubio, María Fernanda
Lab. Biología Molecular y apoptosis IDIM

El coactivador RAC3 es reclutado por distintos factores de transcripción e incrementa su actividad transcripcional. En trabajos previos demostramos que la disminución en sus niveles de expresión favorece los procesos de autofagia y también la adipogénesis. Durante la adipogénesis hay un remodelamiento celular que requiere de autofagia. Por ello decidimos estudiar como afectan los niveles de RAC3 en la autofagia inducida durante la diferenciación adipocítica. Se utilizaron clones estables de la línea fibroblástica murina L929 que expresan un ARN de interferencia para RAC3 murino (siRNA) o el control que tiene los mismos nucleótidos colocados al azar. La diferenciación se indujo con: 0,1 $\mu\text{g/ml}$ insulina, 1 μM dexametasona, 0,1 mM Indometacina y 0,5 mM 3-isobutil-1-metilxantina (DI3). Al estudiar la marcación

de vesículas ácidas con monodansyl-cadaverina (MDC), observamos un incremento de la marcación tras 6 h de estímulo con DI3 tanto en las células control como las que expresan el siRNA (control $84\% \pm 17$ vs siRNA $92\% \pm 14$) sin diferencia significativa entre ambas. En condiciones basales (control $9\% \pm 13$ vs siRNA $42\% \pm 11$ $p < 0,001$) y tras 1 h de inducción (control $23\% \pm 10$ vs siRNA $87\% \pm 16$ $p < 0,001$), se observó que las células que expresan el siRNA poseen una marcación significativamente mayor para MDC. Estos resultados coinciden con lo observado por microscopía de fluorescencia para LC3II, proteína asociada a los autofagosomas mostrando un aumento del patrón granulado en células con bajo RAC3. Al estudiar los estímulos individuales observamos que solo el tratamiento con Insulina induce un aumento significativo en la marcación con MDC en las células control ($9\% \pm 13$ basal vs $43\% \pm 8$ Insu $p < 0,01$) pero no así en las células que expresan el siRNA-RAC3 ($42\% \pm 11$ basal vs $32\% \pm 9$ Insu) A partir de estos resultados podríamos concluir que uno de los mecanismos por los cuales la disminución de RAC3 favorecería la adipogénesis sería por un aumento de la autofagia.

135 (306) ESTABLECIMIENTO DE LA POLARIDAD MIGRATORIA: IMPLICANCIA DEL CITOESQUELETO DE ACTINA EN LA LOCALIZACIÓN POLARIZADA DEL CENTROSO-MA

Florencia Hidalgo¹; Facundo Tonucci¹; Evangelina Almada¹; Anabela Ferretti¹; Rodrigo Vena²; Cristian Favre¹; M. Cecilia Larocca¹
IFISE¹ IBR²

La generación de un fenotipo migratorio es central en procesos tan diversos como la diferenciación embrionaria y la metástasis tumoral. Un evento temprano es la generación de un eje antero-posterior Golgi (AG)-centrosoma (Ct)-núcleo (N). AKAP350 (A350) y CIP4 son proteínas de ensamblaje, que modulan la dinámica del citoesqueleto celular. Previamente demostramos que A350 recluta CIP4 al AG y al Ct, y que ambas proteínas participan en el establecimiento de la polaridad migratoria. Nuestro objetivo fue evaluar si el citoesqueleto de actina está implicado en ese mecanismo. Células con pérdida en la expresión de A350 (A350KD) o de CIP4 (CIP4KD); o con deslocalización centrosomal de A350 (A350CTD) fueron pretratadas con la droga desestructurante de actina citocalasina D y luego sometidas a ensayos de "wound-healing". Analizamos la polaridad migratoria mediante microscopía confocal de inmunofluorescencia. Determinamos la distancia del centroide del N y del Ct al frente de migración, relativa a la distancia del centroide de la célula. Observamos que el pretratamiento con Citocalasina D (Cito-) normalizó la ubicación del Ct delante del N en las células con pérdida en la función de ambas proteínas. (Distancia(%): Cito-: control(C): N -17 ± 3 , Ct 2 ± 10 ; A350KD: N -20 ± 4 , Ct $-30 \pm 9^*$; A350CTD: N -21 ± 3 , Ct $-20 \pm 9^*$; CIP4KD: N -25 ± 2 , Ct $-36 \pm 7^*$; Cito+: C: N -23 ± 5 , Ct 2 ± 10 ; A350KD: N -20 ± 4 , Ct $17 \pm 9\#$; A350CTD: N -18 ± 4 , Ct $10 \pm 6\#$; CIP4KD: N -25 ± 2 , Ct $-8 \pm 8\#$. * $p < 0,05$ respecto al C; $\#p < 0,05$ respecto al Cito-). En células A350CTD, pero no en CIP4KD, el pretratamiento con citocalasina D normalizó la polarización del AG y la eficiencia migratoria, indicando el rol causal de la afectación de la localización anterior del Ct en la alteración de esos parámetros. Nuestros resultados sugieren que A350 y CIP4 facilitan la desestructuración del citoesqueleto de actina permitiendo la localización anterior del centrosoma. CIP4 participaría en mecanismos adicionales involucrados en la polarización del AG.

135b (384) LA PROTEÍNA EPAC1 PARTICIPA EN LA RESPUESTA β -ADRENÉRGICA SOSTENIDA DEL MIOCARDIO

Diego Tomas Quiroga¹; Matilde Said^{1,2}; Leticia Vittono^{1,2}; Cecilia Mundiña-Weilenmann^{1,2}
Univ. Nac. de La Plata¹ Centro de Investigaciones Cardiovasculares. CONICET²

La estimulación β -adrenérgica es el mecanismo más poderoso de regulación de la función del corazón como bomba. Clásicamente, los efectos de los agonistas β se atribuían al aumento del

AMPC y activación de PKA, pero recientemente se identificó una familia de proteínas fijadoras de AMPc, las proteínas Epac1 y 2. Aún no existen inhibidores específicos de Epac, pero el uso de agonistas selectivos permitió establecer que la estimulación de Epac promueve su translocación a membrana, y desencadena la activación de Rap1 y de CaMKII como un elemento río abajo. Nuestro objetivo fue determinar en qué medida la vía de Epac contribuye a la respuesta contráctil temprana y sostenida de la estimulación β -adrenérgica en el miocardio. Se trataron miocitos aislados y corazones perfundidos tipo Langendorff, con dosis submáximas del agente β -adrenérgico, isoproterenol (Iso, 3-10nM) en presencia y ausencia de un inhibidor de Rap (GGTI, 10 μ M) o de CaMKII (KN-93, 3 μ M). En miocitos, el aumento temprano de contractilidad inducido por Iso (20min), no se modificó por GGTI o KN-93. Sin embargo, éstos provocaron una caída del efecto inotrópico positivo del Iso a los 200min (acortamiento sarcomérico, expresado como% longitud inicial: Iso+GGTI:7,5 \pm 0,9% n=9 vs Iso:13,1 \pm 0,9% n=11, Iso+KN-93:7,7 \pm 0,9% n=5 vs. Iso:12,8 \pm 0,6% n=4 de 3 a 4 corazones distintos, P<0,05). En concordancia Epac1, detectada por Westernblot, sólo aumentó en membranas aisladas de corazones sometidos a perfusión prolongada con Iso (159 \pm 9% control n=4, P<0,05) con aumentos significativos en la fosforilación de Thr17 de fosfolamban, sustrato de CaMKII. Los datos muestran que Epac1 no participa en la respuesta aguda del Iso pero su rol es preponderante en el efecto inotrópico positivo de la estimulación β -adrenérgica a tiempos prolongados, efecto que se asocia a su translocación a membrana. Estos resultados sugieren que la activación de Epac es un evento importante que permite el sostenimiento de la respuesta β -adrenérgica.

NEUROCIENCIAS 2

136 (54) TE EN DOSIS NO TÓXICAS, ADMINISTRADO EN RATAS MADRE ALTERA LA EXPLORACIÓN MOTIVADA EN LAS HIJAS: EFECTO DEL SE

Silvia G. Ratti; Alejandro Azzolina; Edgardo O. Alvarez
Lab Neuropsicof Exptl, IMBECU

Se sabe que el Selenio (Se) participa en importantes reacciones metabólicas que afectan el comportamiento natural. Nuestro laboratorio ha mostrado previamente que Te altera estas conductas cuando es administrado en concentraciones no tóxicas. Se conoce que en los suelos los elementos traza se intercambian naturalmente. El objetivo de esta investigación fue evaluar si Se podría revertir algunas conductas como la exploración motivada. Para ello, se trabajó con ratas preperinatales provenientes de: ratas-madre sin tratamiento (C, control, n=10); ratas madres expuestas a 0.3 μ g/L de ZnTe disueltos en el agua de beber después de la fecundación durante la preñez, lactancia y período prepuberal (Te, n=10); ratas madre expuestas a 0.3 μ g/L de ZnTe y 1.07 μ g/L de Na₂O₃Se (Se+Te, n=10) y ratas madre expuestas a Na₂O₃Se (Se, n=10). Al día 30, los hijos de los 4 grupos se sometieron individualmente al OVM (caja detectora de actividad motora, 5 min) y a la Prueba de Exploración Lateralizada (LDHB, 3 min). Toda la actividad conductual se expresa digitalmente en Cuentas/min (C/min). Los resultados en el OVM mostraron que el grupo tratado con Te mostró un aumento significativo en la Actividad Horizontal (2576 \pm 119 Vs 1764 \pm 216 C/5min, Vs C, p<0.05) y la Actividad Ambulatoria (1497 \pm 107 Vs 1074 \pm 175 C/3min, Vs C, p<0.01). En cambio, los grupos Se y Se+Te, sus actividades fueron similares a C. En el LDHB, los animales controles mostraron exploración sesgada a la izquierda (62 \pm 8 Vs 35.5 C/3min, Izq Vs Der) que no se observó en grupo Te (53 \pm 4.5 Vs 55 \pm 4.7 C/3min, n.s.), mientras que la lateralidad no fue afectada en los grupos Se y Se+Te (50 \pm 4 Vs 38 \pm 4 C/3min, p<0.05; 47 \pm 3 Vs 30 \pm 3 C/3min, Izq Vs Der p<0.05). En conclusión: los resultados apoyan nuestra hipótesis de un intercambio entre Se y Te con la consiguiente pérdida de algunas funciones comportamentales.

137 (65) VÍAS DE MUERTE CELULAR INDUCIDA POR MN EN CÉLULAS MICROGLIALES BV2

Soledad Porte Alcon; Agus- tina Alaimo; Roxana Mayra Gorojod; Mónica Lidia Kotler

Laboratorio de Apoptosis en el Sistema Nervioso y Nano-Oncología, QB-FCEN-UBA, IQUIBICEN-CONICET

El Manganismo es una enfermedad neurodegenerativa desencadenada por exposición crónica a manganeso (Mn) que resulta en su acumulación en el cerebro y consecuente muerte neuronal. Sus síntomas son similares a la enfermedad de Parkinson Idiopático. El daño inducido por Mn involucra también a las células gliales. El Mn activa la glia, generando la liberación de especies reactivas del oxígeno (ROS)/nitrógeno y citoquinas inflamatorias que exacerban el daño. Nuestro grupo ha demostrado que el Mn induce muerte celular y activación de células microgliales BV2; sin embargo, los mecanismos subyacentes no han sido dilucidados. Por lo tanto, nuestro objetivo se enfocó en estudiar las vías de muerte inducidas por el Mn en células BV2. Las células se incubaron con diferentes concentraciones citotóxicas del metal (250, 500 y 750 μ M, 24 hs). El Mn aumentó hasta tres veces los niveles de ROS mitocondriales [MitoSOX Red; p<0,001 (250 μ M)]. A 250 y 750 μ M se detectó incremento en la expresión de TNF- α analizado por inmunocitoquímica y WB. La expresión de las pro-caspasas 8 y 3 disminuyó ligeramente a 500 y 750 μ M (p<0,05), mientras que el producto de clivaje de pro-caspasa 9 (~33 kDa) disminuyó para las tres concentraciones de Mn (p<0,05). La pre-incubación con inhibidores específicos de caspasa-8 y -9, Z-IETD-FMK (10 μ M) y Ac-LEHD-CMK (10 μ M) respectivamente, no rescató de la muerte inducida por 250 μ M de Mn (MTT). Por otra parte, el estudio mediante WB del balance Bax/Bcl-2, indicó una tendencia hacia la inducción de apoptosis (3 veces de aumento para 250 μ M Mn). La inhibición de la quinasa RIP-1 empleando Necrostatina-1 (25 μ M) no resultó en una reversión del efecto citotóxico inducido por Mn (MTT), lo cual indica que la muerte celular necroptótica no se encuentra activada. Los resultados obtenidos descartan la activación de una vía necroptótica de muerte y señalan a la apoptosis como posible responsable parcial de la citotoxicidad inducida por Mn.

138 (132) NEUROPROTECCIÓN POR ESTRADIOL EN LA ENCEFALOPATÍA DE LA RATA ESPONTÁNEAMENTE HIPERTENSA (SHR): PARTICIPACIÓN DEL FACTOR NEUROTRÓFICO DERIVADO DEL CEREBRO (BDNF), TNF α Y RECEPTORES DE ESTRÓGENO

Julieta Correa¹; Labombarda Florencia^{1,2}; Brocca M.Elvira¹; De Nicola Alejandro F.^{1,2}; Pietranera Luciana^{1,2}
IBYME¹ Fac. de Medicina. UBA²

El 17 β -estradiol (17 β -E2) revierte anomalías en el hipocampo en un modelo de hipertensión experimental, la SHR. Existen dos subtipos del receptor clásico para 17 β -E2 (ER): ER α y ER β . Poseen una distribución neuroanatómica distinta, siendo el segundo mayormente expresado en el SNC y el primero responsable de las acciones sistémicas del 17 β -E2. Ambos están involucrados en los efectos neuroprotectores de este esteroide en el hipocampo. Existen evidencias que el TNF α modula la expresión de la neurotrofina BDNF. En este trabajo estudiamos mecanismos adicionales que median las acciones neuroprotectoras del 17 β -E2 sobre la encefalopatía hipocampal de la SHR. Para ello se trataron ratas macho SHR (PA: 180 mm Hg) y WKY de 16 semanas de vida con agonistas específicos para los receptores ER α (PPT) y ER β (DPN) mediante inyecciones s.c de 2.5 mg/kg día por medio durante 2 semanas. Los animales se sacrificaron, se extrajo el ARNm de los hipocampos y se realizaron PCR en tiempo real para BDNF y TNF α . En situaciones basales, la SHR mostró menor expresión del ARNm para BDNF y TNF α (p<0.05). El tratamiento con 17 β -E2 aumentó la expresión de BDNF y disminuyó aún más la de TNF α . La activación selectiva de ER α con PPT disminuyó los niveles de TNF α (p<0.05), mientras que DPN no los modificó. DPN fue más potente que 17 β -E2 para aumentar BDNF. Los resultados demostraron que los animales SHR tienen menor expresión de BDNF y de TNF α . El tratamiento con 17 β -E2 aumenta la expresión de BDNF, posiblemente de manera directa a través de su elemento regulador en el promotor de BDNF, y regula en baja al TNF α , sugiriendo que la estimulación de ambos ER α y ER β cumplen funciones complementarias. El análisis de los efectos de los agonistas

selectivos de los ER podrían sentar las bases para su posible utilidad terapéutica en la neuropatología de la hipertensión experimental.

139 (202) LA ACTIVIDAD PROLIFERATIVA EN LA RETINA DE ZEBRAFISH ES INHIBIDA POR ANTAGONISTAS DE LOS RECEPTORES GLUTAMATÉRGICOS Y TETRODOTOXINA (TTX)

Matias Pedro Medrano; Claudio Bejarano; María Paula Faillace
IFIBIO – Houssay

El zebrafish (ZF) es un modelo experimental para estudiar procesos plásticos de crecimiento o regeneración. La retina de ZF, a diferencia de los mamíferos, crece a partir de una zona proliferativa marginal (CMZ) mientras que en el tejido diferenciado se agregan bastones originados de precursores derivados de la glía de Müller. Ante un daño, la retina se regenera a partir de células progenitoras originadas por activación mitótica de la glía de Müller. El glutamato transmite la información fótica desde los fotorreceptores a las células bipolares (CB) y de éstas a las células ganglionares (CG) y también desde los fotorreceptores a la glía de Müller. Se utilizó DNQX (antagonista de los receptores AMPA-Kainato), expresados en las CB-OFF y las CG. Resultados previos indicaron que las subunidades del receptor AMPA se expresan en CMZ y retina madura. TTX bloquea los canales de sodio dependientes de voltaje y la actividad eléctrica. Todos los compuestos se inyectaron en el vítreo incluyendo bromodeoxiuridina (BrdU) que fue inyectada 4 h previas a la eutanasia. Se determinó inmunoreactividad (IR) para BrdU y la proteína CREB fosforilada (pCREB) en retinas intactas tratadas con TTX o DNQX. Los tratamientos con DNQX (100 μ M, durante 20 h) y TTX (14 μ M, durante 1 semana) disminuyeron significativamente la proliferación celular en la retina madura. TTX también tuvo un efecto inhibitorio en la CMZ. Ambos tratamientos inhibieron significativamente la IR de pCREB, principalmente en las capas internas y los fotorreceptores, indicando una disminución de la actividad neuronal. Se examina al presente el efecto del TTX y DNQX sobre la actividad proliferativa en la retina inducida por un daño. El glutamato regula la actividad mitótica en la retina madura intacta y por consiguiente el crecimiento retiniano en el ZF adulto. La despolarización de las células retinianas controla positivamente la actividad mitótica de los progenitores neuronales tanto en la CMZ como en el tejido diferenciado.

140 (239) ANFETAMINA REPETIDA A TRAVÉS DE LOS RECEPTORES AT1 INDUCE UN EFECTO FACILITADOR SOBRE LA RESPUESTA INFLAMATORIA Y PEROXIDACIÓN LIPÍDICA CEREBRAL

Brenda S. Casarsa¹; María De Los Angeles Marinzalda¹; Natalia A. Marchese²; Martin Basmadjian²; Gustavo Baiardi¹; Claudia Bregonzio²
Lab. Neurofarmacología, FCQ, UCC, IIByT-CONICET¹
Dep. Farmacología, FCQ, UNC, IFEC-CONICET²

La Angiotensina II (Ang II) es pro-inflamatoria y se conoce que tanto Ang II como la administración de anfetamina (ANF), producen un aumento de: ICAM-1, HSPs, TNF- α , IL-6 y R-AT1 a nivel central y periférico, además de promover el daño oxidativo (peroxidación lipídica) a nivel de la vasculatura cerebral. Se ha descrito que estos efectos deletéreos de Ang II son mediados por la estimulación de los receptores AT1 (R-AT1). El objetivo del presente trabajo fue evaluar el efecto de la exposición repetida a ANF y el rol de los R-AT1 sobre: a) respuestas inflamatorias en la vasculatura cerebral (HSP-70 y R-AT1) y en el líquido cefalorraquídeo -LCR- (IL-6 y TNF- α) frente a ANG II icv.; b) peroxidación lipídica en la microvasculatura cerebral, 7 ó 21 días posteriores a ANF frente a un challenge de ANF. Se usaron ratas Wistar macho (250-320g), pretratadas con bloqueante de los R-AT1 -candesartan- (3mg/kg v.o)/vehículo por 10 días e inyectadas con ANF (2.5mg/kg i.p)/salina del día 5 al 10. El día 10 ó 26, se colocaron las cánulas icv. El día del experimento (día 18 ó 32), recibieron

Ang II (400pmol icv.) ó challenge de ANF (0,5mg/Kg i.p). Noventa minutos después de Ang II y 60 minutos después del challenge, se extrajo LCR y se aislaron microvasos cerebrales. Resultados: La exposición repetida a ANF en respuesta a Ang II icv. produjo un aumento en: a) IL-6 y TNF- α en el LCR b) intensidad de inmunofluorescencia para R-AT1 y HSP-70 en microvasos cerebrales. El pretratamiento con candesartan previno estas respuestas, así como el aumento en la peroxidación lipídica de la microvasculatura cerebral. Los resultados obtenidos nos permiten concluir que la exposición repetida a ANF estimula los R-AT1 lo que induce un aumento en los marcadores de inflamación y peroxidación lipídica cerebral en respuesta a Ang II icv. y a ANF aguda respectivamente.

141 (274) ESTUDIO DE LAS PROTEÍNAS ADAPTADORAS AP-2 EN EVENTOS DE EXCITOTOXICIDAD.

Mariana Elizabeth Troncoso^{1,2}; Joana Asensio¹; Alicia Seltzer¹; Miguel Angel Sosa^{1,3}
IHEM - CONICET¹ Facultad de Ciencias Exactas y Naturales - Universidad Nacional de Cuyo² Facultad de Ciencias Médicas - Universidad Nacional de Cuyo³

Antecedentes: La endocitosis mediada por vesículas cubiertas con clatrina es un proceso crucial para el mantenimiento de la integridad neuronal. La cubierta de las vesículas tiene proteínas adaptadoras. AP2 es un heterotetrámero formado por subunidades α , β 2, μ 2 y d2. En el tejido nervioso se han descrito dos isotipos de α , α 1 y α 2, y su co-existencia aún no ha sido explicada. Objetivos: Estudiar el comportamiento de ambas subunidades α en neuronas, en modelos animales o en líneas celulares, sometidos a diferentes condiciones de excitotoxicidad. Metodología: Cultivos de líneas celulares: neuronas estriatales; StHdhQ7 (normales) y StHdhQ111 (con extensión poliglutamina típica de la enfermedad de Huntington), fueron tratadas con 250 μ M de ácido quinolínico (AQ) durante 3 o 6 hs. Las células fueron procesadas para estudios de IFI, o de inmunoblot, utilizando un anticuerpo anti-AP2. Animales: se realizó una lesión por hipoxia-isquemia (H/I) a ratas (Wistar – Kyoto) de 7 días de edad. El tejido cerebral se extrajo a los 5 días post-lesión. Para evaluar la presencia de proteínas “docking” para AP-2 en membranas de cerebro de ratas o de las células, se realizaron ensayos “binding” con AP-2 obtenidas de cerebro bovino. Resultados: En células se observaron (por IFI y WB) diferencias en la expresión de AP-2 entre ambas líneas celulares, siendo menor en las Q111, pero con una distribución perinuclear que co-localiza con golgina. El tratamiento con AQ indujo cambios en ambas líneas celulares; con una redistribución dispersa, pérdida de co-localización con golgina y un aparente aumento de la expresión en las Q111. En animales se observó un aumento de AP-2 en la corteza de H/I del lado contralateral, y una tendencia similar en hipocampo. En los ensayos “binding” se observó que la subunidad α 1 tiene afinidad por membranas, la cual es menor en la corteza de animales H/I. Concluimos que la maquinaria endocítica podría ser alterada por la excitotoxicidad.

142 (294) LA INHIBICION DE NNOS REVIERTE LA SENSIBILIZACION A COCAÍNA: IMPORTANCIA DEL HIPOCAMPO EN LA EXPRESIÓN DE ESTE FENÓMENO

Emilce Artur De La Villarmois¹; Laura A. Gabach^{1,2}; Valeria P. Carlini³; Mariela F. Perez²
Fac. de Cs. Químicas, Univ. Nac. de Córdoba¹ IFEC-CONICET² INICSA-CONICET, Fac.de Medicina, Univ. Nac.de Córdoba³

La sensibilización comportamental es un aumento en la respuesta al efecto hiperlocomotor producido por la administración repetida de psicoestimulantes que subyace a la búsqueda y la recaída a las drogas de abuso. El hipocampo (HP) es una región del cerebro importante para procesos de aprendizaje asociativo que ocurren durante la adicción. El óxido nítrico es un neurotransmisor que participa en la plasticidad sináptica en el HP y en los efectos conductuales de cocaína (COC). Estudios de nuestro grupo demostraron un papel clave de la vía nNOS/

NO/sGC/GMPc en el desarrollo de la sensibilización a COC y en la mejora de la plasticidad sináptica del HP, ya que la inhibición de nNOS durante la administración de COC previno la sensibilización. En este trabajo proponemos determinar si la inhibición de nNOS después de la administración de COC es capaz de revertir la expresión de la sensibilización comportamental y caracterizar la participación del HP en este fenómeno. Para ello ratas Wistar macho fueron administradas con COC (i.p. 15 mg/kg/día) durante 5 días. Un grupo recibió el inhibidor de nNOS, 7-nitroindazole (7-NI, 50 mg/kg/día) por los siguientes 5 días, y otro una única administración intra-HP (16.31 µg/µl) de 7-NI. En ambos casos se evaluó la expresión de la sensibilización 24 hs después de la última administración de 7-NI, el umbral para generar LTP en el HP mediante electrofisiología (in vitro, indicador de plasticidad sináptica) y los niveles de proteína de nNOS por Western Blot. Los resultados mostraron que la inhibición de nNOS por ambas vías revirtió la expresión de sensibilización, la plasticidad sináptica HP asociada y el incremento en la expresión de nNOS en animales sensibilizados. Concluimos que el HP tiene un rol fundamental en la expresión de la sensibilización a COC, enfatizando la participación de la nNOS en este fenómeno. La interferencia de esta vía de señalización podría ser utilizada para reducir la vulnerabilidad a la adicción.

143 (307) ALTERACIONES PRODUCIDAS POR LA ASFIXIA PERINATAL EN EL PATRÓN DE NEURONAS SECRETORAS DE REELINA EN LA CORTEZA PREFRONTAL DE LA RATA

Pablo Vazquez; Elena Peña; Mariana Noto; Pablo Jusim; Fabián Loidl
IBCN

La asfixia perinatal, un déficit global y transitorio en el aporte de oxígeno al feto en el período peri-parto, aumenta 5 veces la probabilidad de padecer esquizofrenia a largo plazo. En la fisiopatología de este trastorno psiquiátrico se encuentra involucrada la molécula de matriz extracelular reelina. Esta proteína juega un papel importante en la migración neuronal durante el desarrollo así como en la maduración y plasticidad de dendritas y espinas sinápticas. En este trabajo analizamos el efecto que la asfixia perinatal produce en la distribución de neuronas que expresan reelina en la corteza prefrontal prelímbica de ratas (PN35). Se utilizaron los siguientes grupos experimentales: nacidas por parto vaginal (VC), nacidas por cesárea (CC) y sometidas a asfixia perinatal por 19 min (PA). Se realizaron cortes coronales de corteza prefrontal de 40 µm y se tomaron fotografías panorámicas incluyendo todas las capas de la corteza con una profundidad aproximada de más de 1000 µm y un grosor lateral de 850 µm. Para los conteos se analizó tanto la frecuencia como la distancia de las células marcadas a la línea central interhemisférica (superficie de la corteza) utilizando el programa Image J. Con los datos preliminares analizados se observa que el número de células con marcaje inmunohistoquímico para reelina tiene una tendencia a disminuir en el grupo PA (media de células marcadas por foto panorámica ±ES: VC 176,0±20,00; CC 196,3±36,75; PA 154,4±28,98). Esta disminución es más pronunciada en las capas más profundas (entre los 900 y 1000 µm de profundidad) alcanzando significancia estadística (p=0,0203, media CC 19,00; PA 5,16). La disminución en el marcaje de neuronas con reelina en PA podría estar relacionado con una disminución en el grosor de la corteza producido por la asfixia. Los pasos siguientes de esta investigación estarán orientados a analizar otros tipos neuronales.

144 (328) EL CONSUMO COMBINADO DE ALCOHOL Y BEBIDAS ENERGIZANTES PROLONGA LA RESACA ALCOHÓLICA EN UN MODELO EXPERIMENTAL EN RATÓN

Lucas G Asorey; Barbara J Gonzalez; Lucia Frankon; Silvia Carbone; Rodolfo A Cutretra
IFIBIO Houssay

Se denomina resaca alcohólica al conjunto de signos y síntomas que tienen lugar luego de una ingesta excesiva de alcohol (OH), cuando la alcoholemia es próxima a cero. En relación a la mezcla de OH y bebidas energizantes (BE), es una práctica que

se incrementó entre los jóvenes. Se analizó el efecto combinado del OH y BE sobre la resaca alcohólica en parámetros motores y motivacionales, en un modelo experimental en ratón. Ratones de la cepa Swiss (n=160), de tres meses de edad, mantenidos en un régimen de 12:12 LO (apagado de las luces a las 7 pm) alimento y agua 'ad libitum' recibieron uno de los siguientes tratamientos: Sal+Sol. azucarada; Sal+BE; OH+sol. azucarada; OH+BE. Las dosis de OH fue en todos los casos de 3.8 gr/kg BW (sol 20% V/V) inyectada i.p. La utilizada para BE fue 18 ml/kg, para gavage. Los controles recibieron volúmenes equiparables de solución salina (para el OH) y una solución azucarada isocalórica en el caso de BE. Los animales fueron evaluados una hora antes de recibir uno de los tratamientos descriptos (7 am). Los diferentes tratamientos fueron administrados a las 8 am. Las mediciones comenzaron a las 2 pm (comienzo de la resaca alcohólica). Se hicieron mediciones a las 8 pm y a las 2 am. Las pruebas comportamentales usadas fueron campo abierto y laberinto en cruz. Los resultados mostraron en el caso de la actividad locomotora, una disminución significativa a las 2 pm en los grupos OH+sol. azucarada y OH+BE respecto a sus controles (p<0.05; ANOVA Univariado-Bonferroni, para campo abierto; p<0.001 para laberinto en cruz). Sin embargo, esta diferencia se mantuvo solo para OH+BE a las 7 pm (p<0.001 para ambas pruebas). Con respecto al comportamiento símil-ansiedad, se observó un aumento significativo para los grupos OH+sol. azucarada; OH+BE a las 2 pm (p<0.05) tanto en la prueba de campo abierto como en el laberinto en cruz. Estos resultados indican que la combinación OH+BE prolonga únicamente los efectos motores de la resaca alcohólica.

145 (335) TRPV4 CONTRIBUYE AL POTENCIAL TRANSMEMBRANA AFECTANDO LA RESPUESTA DE REGULACIÓN DE VOLUMEN EN CÉLULAS DE MÜLLER DE LA RETINA

Vanina A Netti; Juan Fernandez; Maia Kalstein; Alejandro Pizzoni; Gisela Di Giusto; Valeria Rivarola; Paula Ford; Claudia Capurro
Laboratorio de Biomembranas, IFIBIO-Houssay, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires

En la retina, las células de Müller controlan la homeostasis del medio extracelular donde la actividad neuronal altera los gradientes osmóticos favoreciendo el swelling celular. Este swelling es seguido de una respuesta reguladora de descenso de volumen (RVD), mediado parcialmente por un flujo isoosmótico de KCl y agua a través de canales iónicos y de Acuaporina-4 (AQP4). Recientemente mostramos en un modelo de células de Müller humanas (MIO-M1) que el RVD es fuertemente modulado por cambios en el potencial de membrana (Vm). El objetivo de este trabajo fue evaluar los mecanismos relacionados con el RVD haciendo particular hincapié en el canal de Ca²⁺-mecanosensible TRPV4. El volumen celular, la concentración de Ca²⁺ intracelular y el Vm fueron evaluados en las células MIO-M1 empleando sondas fluorescentes en medios iso e hipotónicos. Los resultados mostraron que, en condiciones isotónicas, la inhibición de TRPV4 con RN1734 induce una despolarización celular, mientras que la activación del canal con 4α-PDD causa un descenso del Vm, ambas dependientes del Ca²⁺ externo, indicando que existiría una interacción funcional entre TRPV4 y canales de K⁺ sensibles a Ca²⁺ que determina el Vm de reposo. Frente a un swelling celular existe un leve incremento de Ca²⁺ intracelular, independiente del TRPV4, pero la inhibición del mismo anula los cambios en el Vm inducidos por el swelling osmótico. Sin embargo, la activación farmacológica del TRPV4 produce un gran incremento del Ca²⁺ intracelular que aumenta la eficiencia del RVD. En conjunto estos resultados muestran que en células de Müller el TRPV4 participa en modo indirecto en el establecimiento del Vm en estado estacionario. Si bien el TRPV4 no está involucrado en el influjo de Ca²⁺ inducido por el swelling osmótico, sí participa de los cambios en el Vm que ocurren durante el RVD, modulando los gradientes electroquímicos para el flujo de iones determinando la eficiencia de la recuperación del volumen celular.

146 (338) EFECTO DEL LIPOPOLISACÁRIDO (LPS) DE ES-CHE- RICHIA COLI SOBRE EL ESTRÉS OXIDATIVO EN CEREBRO DE RATAS SOBRECARGADAS CON FE

Natacha Estefanía Piloni; Elizabeth Robello; Susana Puntarulo
IBIMOL

El objetivo de este trabajo fue analizar el efecto del LPS (4 mg/kg) en ratas Sprague Dawley expuestas a sobrecarga de Fe-dextrán. En el modelo de sobrecarga subcrónica (6 dosis, 50 mg/kg, cada 48 h) las ratas, luego de 72 h de la administración de la 6ta dosis recibieron una dosis ip de LPS (Fe-LPS) y los controles (LPS) recibieron 6 dosis de solución fisiológica previo a la administración de LPS. Luego de 78 h del tratamiento con Fe-dextrán y 6 h post administración de LPS (grupo Fe-LPS), se observó un aumento significativo del contenido de Fe total (329 ± 32 pmol/mg PF) con respecto al valor en controles (solución fisiológica) (202 ± 6 pmol/mg PF) y con respecto a los datos en cerebro de animales tratados con LPS (219 ± 4 pmol/mg PF). Ni la relación ascorbilo/ascorbato, determinada por Espectroscopía de Resonancia Paramagnética Electrónica y HPLC, respectivamente, ni el contenido de TBARS (determinado espectrofluorométricamente) se modificaron significativamente luego de 78 h en cerebro de animales tratados con sobrecarga subcrónica de Fe, ni en presencia ni ausencia de LPS con respecto a los controles. En el tratamiento agudo (1 dosis 500 mg/kg), la administración de Fe o de Fe y LPS, llevó a un aumento significativo de Fe tanto en ausencia (3584 ± 928 pmol/mg PF) como en presencia de LPS (3249 ± 554 pmol/mg PF), mientras que el contenido de radical ascorbilo sólo se incrementó en el cerebro de animales sobrecargados con Fe en ausencia de LPS (159 ± 41 pmol/mg PF), con respecto al control (122 ± 19 pmol/mg PF) a las 6 h post-tratamiento. Estos resultados sugieren que la administración simultánea de Fe agudo y LPS tendría un efecto protector a nivel oxidativo en el medio hidrofílico por la capacidad del NO-LPS dependiente de quelar Fe. En cambio, la administración de LPS posterior a un tratamiento subcrónico con Fe, no afecta la condición redox, sugiriendo la estrecha relación entre la respuesta oxidativa y el protocolo de administración de Fe y LPS.

147 (520) ROL DE LAS CÉLULAS GLIALES DE MÜLLER EN LA REGENERACIÓN DE LA RETINA

Yanel Andrea Volonté^{1,2}; Olga Lorena German^{1,2}; Marcos Javier Dibo¹; María Victoria Simon^{1,2}; Nora Patricia Rotschein^{1,2}; Luis Enrique Politi^{1,2}
INIBIBB; Univ. Nac. del Sur¹ Univ. Nac. del Sur²

La retinitis pigmentosa, al igual que en su modelo animal, los ratones rd, es una enfermedad neurodegenerativa de la retina que conduce irreversiblemente a la ceguera por muerte de las neuronas fotorreceptoras (FR) por apoptosis. Dado que se carece aún de tratamientos efectivos para esta enfermedad, una estrategia prometedora es la de lograr regenerar los FR eliminados utilizando células gliales de Müller (CGM), consideradas células madre. Se ha demostrado que las CGM regeneran la retina en peces y, aunque son potencialmente capaces de regenerar los FR en mamíferos, no lo hacen ni en la retinitis pigmentosa ni en los ratones rd. Una de las causas posibles de este defecto es que la degeneración progresiva de los FR en estas enfermedades alteraría el "diálogo" neuro-glial requerido para el normal funcionamiento de las CGM. Para investigar este problema comparamos cultivos primarios mixtos neuro-gliales y co-cultivos de CGM y progenitores de FR, obtenidos de retinas de ratones normales (wt) o rd recién nacidos. Determinamos la presencia de características de células madre en las CGM evaluando la capacidad proliferativa, por incorporación de BrdU, la expresión de nestina, un marcador de células madre y de la lámina nuclear, cuya integridad se correlaciona con la morfología nuclear y con la mitosis. Las CGM rd presentaron mayor número de núcleos con morfologías y acumulaciones de la lámina nuclear anormales respecto de los wt. Además, las CGM en los cultivos mixtos rd mostraron menor expresión de nestina e incorporación de BrdU que los wt. Notablemente, cuando las CGM rd se co-cultivaron con neuronas wt, aumentó la expresión de nestina en las CGM rd, sugiriendo que la interacción de las CGM con FRs rd podría alterar su potencial regenerativo. Estos resultados sugieren

que la degeneración de los FRs rd alteraría el "diálogo" normal de los FRs con las CGM, contribuyendo así a interferir con su capacidad regenerativa.

TOXICOLOGÍA 1

148 (98) LA REGULACIÓN EPIGENÉTICA DEL GEN DE β -CASEÍNA DURANTE LA ACTIVACIÓN SECRETORIA EN LA GLÁNDULA MAMARIA ES MODIFICADA POR LA EXPOSICIÓN PERINATAL A BISFENOL A

Altamirano, Gabriela A.; Delconte, Melisa; Gómez, Aye-lén; Masat, Eduardo; Luque, Enrique H.; Muñoz-De-Toro, Mónica; Kass, Laura
Instituto de Salud y Ambiente del Litoral, CONICET-UNL, Fac. Bioquímica y Cs. Biológicas (UNL)

Previamente demostramos que la exposición perinatal a Bisfenol A (BPA) altera la diferenciación funcional de la glándula maMária y el contenido proteico de la leche, induciendo principalmente una baja expresión de β -caseína (β -cas) al finalizar la gestación. Nuestro objetivo fue estudiar si la exposición perinatal a BPA produce cambios en los mecanismos de regulación epigenética de β -cas durante la activación secretoria de la glándula maMária. Ratas Wistar preñadas (F0) fueron expuestas a través del agua de bebida a BPA (0, 0.6 o 52 ug/kg/día) desde el día 9 de gestación (DG9) hasta el destete. Las crías hembras (F1) fueron preñadas y se obtuvieron muestras de glándula maMária en DG21 y día 2 de lactancia (DL2). Utilizando RT-PCR en tiempo real se analizó la expresión de los ARNm de β -cas, de las histonas-deacetilasas (HDAC1 y HDAC3) y de la histona metiltransferasa EZH2. Además, se realizó un análisis de metilación de β -cas utilizando enzimas de restricción sensibles a metilación y posterior PCR en tiempo real. En ambos días estudiados, la exposición perinatal a BPA produjo una disminución en los niveles de β -cas y un aumento en la expresión de HDAC1. Mientras que en DL2, existió un aumento en la expresión de EZH2 en ambos grupos y una disminución de HDAC3 solo en el grupo BPA52. También en DL2, se observó hipermetilación del gen de β -cas en dos de los sitios estudiados, enhancer y exón 7. En conclusión, la exposición perinatal a BPA induce alteraciones en la expresión de enzimas claves en la regulación epigenética de β -cas. Estos cambios se ven reflejados en los mecanismos de metilación diferencial, indicando que existe una falla en la transcripción del gen, y en consecuencia, una menor expresión de β -cas. Nuestros resultados sugieren que, el BPA actúa sobre la glándula maMária modificando la regulación epigenética de genes asociados con su diferenciación funcional.

149 (151) BÚSQUEDA DE MARCADORES PRONÓSTICOS EN INTOXICACIONES AGUDAS POR MONÓXIDO DE CARBONO

Cortez, Analía E.; Galarza, Rocío A; Rhon Calderón, Eric A; Faletti, Alicia G.
CEFAYBO - CONICET, Facultad de Medicina - UBA

La intoxicación aguda por monóxido de carbono (CO) es frecuente en nuestro país y tiene un alto riesgo de mortalidad. Es más, aquellos pacientes que sobrevivieron a una intoxicación aguda por CO tienen alto riesgo de sufrir el denominado Síndrome neurológico tardío (SNT) en un futuro con secuelas irreversibles sobre el sistema nervioso central. El SNT puede presentarse desde una semana o en meses después de la intoxicación. El objetivo de este trabajo fue la búsqueda de marcadores pronósticos que nos permitan prever el desarrollo del SNT. Para ello se utilizaron ratas machos adultas expuestas a CO en dosis agudas capaces de causar la pérdida de conciencia (6000 ppm por 20 segundos) y se estudió daño genético mediante ensayo cometa, expresado como porcentaje de ADN presente en la cola del cometa, en sangre periférica (SP), médula ósea (MO) y cerebro (Cbro), a 1 y 24 h y a los 7 y 30 días de la exposición. A 1 h encontramos que las ratas expuestas al CO (CO) exhibían mayor daño genético en SP (14 ± 3 , $p < 0.05$) y MO (31 ± 3 , $p < 0.01$) respecto a ratas controles (C 5.1 ± 0.6 ;

15±2, respectivamente). A los 7 días encontramos mayor daño genético en MO (27±2, p<0.001) y Cbro (36±3, p<0.05) respecto a los C (10±2; 27±3, respectivamente). Asimismo, observamos una relación entre los resultados obtenidos entre SP y MO a 1 y 24 h de exposición y aquellos obtenidos entre MO y Cbro a los 7 d de la exposición. Si bien en un futuro estos resultados serán confrontados con la observación de los micronúcleos presentes en MO, estos datos preliminares nos estarían indicando que la evaluación genética, mediante el ensayo cometa, nos podría orientar en el pronóstico de un posible desarrollo de SNT después de una intoxicación aguda.

150 (244) CARACTERIZACIÓN TOXICOLÓGICA DEL EXTRACTO COMERCIAL FRACCIÓN D MAITAKE (GRIFOLA FRONDOSA) ADMINISTRADO POR VÍA ORAL EN BIOMODELOS ANIMALES

Aguilera Braico, Diego Máximo; Santa Coloma, Tomás; Balogh, Gabriela Andrea
BIOMED

Mediante el método de la Dosis Fija, se estudió la toxicidad aguda administrando oralmente una única dosis de 2000 mg/kg peso de Fracción D de Maitake (Pro4X) empleando 5 ratones machos y 5 hembras normales de 6-8 semanas de edad de la cepa BALBc. Los animales fueron divididos en dos grupos, Grupo control y Grupo Tratado. Luego de 14 días de observación, hallamos que la mortalidad inducida por la administración oral única de 2000 mg/kg peso de Fracción D de Maitake (Pro4X) fue del 0%. Los resultados indican que el tratamiento con Fracción D Maitake significativamente incrementa el peso de los animales del Grupo tratado (24.5±1.49) con respecto a los animales del Grupo Control (22.57±2.19), p<0.05. Además, observamos que Maitake disminuye el valor del hematocrito% (desde 33.00±1.22 hasta 28.20±4.44, p<0.05); y el valor de hemoglobina% (desde 11.18±0.41 hasta 9.52±1.53, p<0.05). Por otra parte, realizamos estudios para evaluar Toxicidad sub-aguda de la Fracción D de Maitake Pro4X empleando una dosis diaria de 5 mg/kg/día administrado oralmente durante 28 días consecutivos empleando 5 ratones machos y 5 hembras divididos en: Grupo Control y Grupo Tratado. Luego de finalizado el tratamiento, los animales fueron sacrificados para evaluar los órganos internos, aspecto macroscópico, el peso de los mismos; los cuales fueron reservados para estudios histológicos en tacos de parafina y el resto fue congelado a -80°C para posteriores estudios genómicos. De los experimentos de toxicidad en dosis aguda y sub-aguda podemos concluir que la Fracción D de Maitake (Pro4X) no ha demostrado signos de toxicidad en ninguno de los dos ensayos, con una mortalidad del 0% y un valor de DL50 que se sitúa por encima de los 2000mg/kg peso. Hasta el momento, podemos inferir que Fracción D Maitake demuestra ser un compuesto seguro y no-toxico e inócuo para el tratamiento de animales. Este proyecto fue subsidiado por el BIOMED-UCA-CONICET.

151 (310) ESTUDIO DE LA INDUCCIÓN DE LA TRANSCRIPCIÓN DE ENZIMAS CITOCROMO P450 POR qPCR EN CÉLULAS JEG-3 POR LA EXPOSICIÓN A CLORPIRIFOS

Victoria Sánchez¹; Natalia Guiñazú^{1,2}
LIBIQUIMA, Depto de Química, Facultad de Ingeniería, Univ. Nac. Del Comahue¹ Departamento de Ciencias del Ambiente, FACIAS, Univ. Nac. Del Comahue²

La placenta expresa enzimas metabolizantes del sistema citocromo P450 como CYP1A2, CYP2D6 y CYP3A4. Estas enzimas pueden ser reguladas por factores ambientales, lo que condiciona sus niveles de expresión y puede provocar alteraciones en la respuesta farmacológica, como así también en la susceptibilidad a la acción de tóxicos. Se conoce que mujeres embarazadas que residen en zonas rurales del Alto Valle, están expuestas ambientalmente a insecticidas organofosforados (OF). Considerando al trofoblasto como una célula participe del metabolismo, el objetivo de este trabajo fue analizar cambios en la expresión y actividad de enzimas CYP, en la línea celular de trofoblastos JEG-3 inducidos por la exposición a OF. Se estudió la expresión

basal de ARNm de CYPs: 2D6, 2B6, 2C19, 1A2 y 3A4 por RT-PCR convencional en células JEG-3. Las células fueron además expuestas a diferentes concentraciones (0,01; 0,1; 1; 10 y 100 µM) del OF clorpirifos (Cp) por 8 h y se analizó la expresión de las CYP 2B6, 2C19, 1A2 y 3A4 respecto de los controles (DMSO 0,02%) por qPCR. Adicionalmente, se determinó actividad enzimática de 7-etoxycoumarina (ECOD) a las 24 h de exposición, por fluorescencia. Se observó que las células JEG-3 expresan las CYPs 2B6, 2C19, 1A2 y 3A4 en condiciones basales, aunque no se detectó expresión de 2D6. El estudio de niveles de transcripto luego de la exposición a Cp demostró inducción de CYPs 2C19, 2B6 y 3A4, 1,5 veces respecto del control sólo a la mayor concentración ensayada. Los ensayos de actividad enzimática ECOD no registraron aumento de la actividad enzimática. El OF Cp induce la transcripción de enzimas importantes para el metabolismo de drogas y xenobióticos, sin embargo nuestros resultados no son concluyentes debiéndose estudiar actividad enzimática a mayores tiempos de incubación. En el caso de comprobar cambios en la actividad inducida por OF, estos resultados tendrían relevancia en escenarios de coexposición a xenobióticos durante el embarazo

152 (315) LA EXPOSICIÓN A ORGANOFOSFORADOS ALTERA EL BALANCE REDOX CELULAR Y MITOCONDRIAL EN LA LÍNEA CELULAR TROFOBlastICA JEG-3

Valeria Leticia Rivero Osimani^{1,2}; Gladis Magnarelli²; Guiñazú Natalia^{1,3}
LIBIQUIMA-Facultad de Ingeniería Uncoma¹ Facultad de Ciencias Médicas Uncoma² Facultad de Ciencias del Ambiente y La Salud Uncoma³

El principal mecanismo de neurotoxicidad de los plaguicidas organofosforados (OFs), es la inhibición de la enzima acetilcolinesterasa. Sin embargo, otros mecanismos independientes de los colinérgicos como el estrés oxidativo han sido postulados. Las mitocondrias participan del balance energético y oxidativo en los trofoblastos. Considerando que alteraciones en la cadena respiratoria mitocondrial podría inducir estrés oxidativo el objetivo de este trabajo fue estudiar si la exposición de células JEG-3 a OFs afecta el estado redox mitocondrial y el sistema de defensa antioxidante. Las células JEG-3 fueron cultivadas en presencia de los OFs clorpirifos (Cp) y metilazinfos (Ma) 0,01; 1 y 100 µM por 4 horas. Se evaluó la viabilidad celular mediante la técnica de resazurina, y la actividad de catalasa (CAT), glutatión S transferasa (GST) y los niveles de glutatión reducido (GSH). Adicionalmente, se purificaron las mitocondrias mediante centrifugación diferencial y se determinó la actividad de la cadena respiratoria (complejos I+III y IV), y el estado oxidativo mitocondrial por fluorescencia con DCFDA. Los resultados muestran que ambos OFs disminuyen la viabilidad celular respecto del control (DMSO 0,02%) a todas las concentraciones ensayadas (p<0,001). Asimismo, Cp moduló la actividad de CAT; GST y los niveles de GSH a altas y bajas concentraciones, mientras que Ma solo aumentó la actividad de GST. El tratamiento con Cp disminuyó la actividad de los complejos I+III y IV a bajas concentraciones, y Ma mostró cambios significativos en todas las concentraciones ensayadas. Por otra parte Cp modifica el estado oxidativo mitocondrial sin observarse cambios significativos con Ma. Los resultados obtenidos demuestran que las mitocondrias son afectadas por los OFs, sin embargo, la extensión de las modificaciones celular dependen del principio activo utilizado. La disfunción mitocondrial, sería participe de los efectos citotóxicos y el desbalance redox observado.

153 (393) ACTIVACIÓN DE LAS VÍAS DE SEÑALIZACIÓN C-SRC/HER1 Y DEL RECEPTOR DE ESTRÓGENOS-α EN MUESTRAS DE TUMORES MAMARIOS DE MUJERES EXPUESTAS AMBIENTALMENTE A BIFENILOS POLICLORADOS (PCBS)

Adriana Ridolfi¹; Andrea Randi²; Carolina Pontillo²; Gloria Alvarez¹; Nancy M. Olivera¹; María Eugenia Rodríguez Girault¹
Cátedra de Toxicología y Química Legal- Fac. de Farmacia y Bioquímica - Univ. de Buenos Aires¹ Laboratorio de

Efectos Biológicos de Contaminantes Ambientales-Fac. de Medicina - Univ. de Buenos Aires²

Los Bifenilos Policlorados (PCBs) son contaminantes orgánicos persistentes, se acumulan en tejido graso, exhiben propiedades de disruptores endócrinos, y se reclasificaron por la IARC como carcinógenos humanos. Existen 209 congéneres: de exposición (No DL-PCBs), y "tipo-dioxina" (DL-PCBs) similares a la TCDD, que se unen al receptor de hidrocarburos aromáticos. Dado el aumento de casos de cáncer de mama, y las consecuencias en morbilidad y mortalidad, existe interés en investigar la relación entre contaminantes ambientales y el riesgo de este tipo de cáncer. La activación de c-Src y del Receptor del Factor de Crecimiento Epidérmico (HER1) están involucrados en crecimiento y progresión tumoral. Compuestos tipo-dioxina muestran acciones estrogénicas, estimulando proliferación en células de cáncer mamario. Objetivo: evaluar en un estudio de caso-control en sueros y muestras de tumores mamaros de mujeres: a) niveles de congéneres de PCBs (cromatografía gaseosa), b) histopatología tumoral (histología H-E), c) vías de señalización de c-Src/HER1 y del Receptor de Estrógenos α (RE α) (inmunoblot) y d) asociación entre tipos de PCBs y malignidad tumoral. Resultados: Los niveles de DL-PCBs fueron mayores en sueros (2,41 \pm 1,69 vs 1,42 \pm 0,72 ng/ml p<0,01) y tejido mamario (200,1 \pm 33,9 vs 61,1 \pm 49,2 ng/g de lípidos p<0,05) de mujeres con tumores malignos que benignos. En sangre predominaron los congéneres PCB-105, 118 y 126, y en tejido mamario PCB-156 y 118. Se encontró asociación positiva entre TEQs (Equivalentes Tóxicos) y riesgo de cáncer de mama (sangre:OR=1,118 p=0,003; tejidos:OR=2,143 p=0,016). La activación de c-Src (105% p<0,01) y la fosforilación en Tir845 del HER1 (210-350% p<0,5) fueron mayores en tumores malignos que en benignos. Encontramos mayor activación del RE α fosforilado en Tir537 vía c-Src, en tumores malignos que en benignos. Concluimos que la exposición ambiental a PCBs tipo-dioxina podría contribuir al riesgo de cáncer de mama en la población estudiada.

154 (397) LA INTOXICACIÓN CRÓNICA CON CADMIO INDUCE HIPERTENSIÓN, ESTRÉS OXIDATIVO Y ALTERACIONES EN EL METABOLISMO LIPÍDICO EN AORTA DE RATA
 Álvarez, Silvina; Boldrini, Gabriel; Perez Chaca, María V; Piguillem, Silvana; Gómez, Nidia; Giménez, María Sofía
 IMBIO-SL

El Cadmio (Cd) es un elemento tóxico y un contaminante ambiental. Estudiamos su efecto sobre la presión arterial, la histoarquitectura y marcadores de estrés oxidativo y metabolismo lipídico en la aorta de rata. Se utilizaron ratas macho, de la cepa Wistar: un grupo recibió agua común (control-Co) y el otro, 15 ppm de Cd en el agua de bebida por 60 días (Cd). Durante el tratamiento, se midió la presión arterial con un sistema CODA y se cuantificaron los niveles de Cd en aorta y suero. Se aisló ARN total con Trizol y se midió la expresión del factor Nrf2, NOX2, p47, GPx, SOD, NFKB, ACC, FAS, DGAT2, HMGCoAR, SREBP2 y CT por PCR. Las aortas fueron fijadas, seccionadas, teñidas y analizadas por microscopía óptica. La concentración de Cd en suero y aorta aumentaron significativamente en el grupo Cd (p<0.05). Cd indujo aumento significativo de las presiones sistólicas y diastólicas (p<0.05). NOX2 aumentó (p<0.001) en el grupo Cd, aunque p47 no mostró cambios. Nrf2 disminuyó en Cd (p<0.05), GPx no se modificó y SOD aumentó significativamente en el grupo Cd (p<0.05). NFKB no mostró diferencias. Con respecto al metabolismo lipídico, se observó una disminución en la expresión de ACC y FAS (p<0.05), sin cambios en DGAT2, sugiriendo una disminución en la síntesis de ácidos grasos. Por otro lado, SREBP2 y HMGCoAR aumentaron significativamente (p<0.05), indicando un incremento en la síntesis de colesterol endógeno. CT no mostró diferencias. A nivel estructural, en las aortas Cd se observaron láminas irregulares de células endoteliales rodeando el lumen, así como cambios estructurales en la túnica íntima, las células endoteliales presentan citoplasmas más grandes y claros que en las aortas controles. Las células de la túnica media en contacto con la íntima mostraron

alteraciones semejantes. Esto demostraría que una intoxicación crónica con Cd induce hipertensión acompañada por un cuadro de estrés oxidativo, alteraciones en el metabolismo lipídico y cambios estructurales en aorta.

155 (472) LAS VÍAS DE SEÑALIZACIÓN DEL TGF β -1 ESTÁN INVOLUCRADAS EN LA MIGRACIÓN E INVASIÓN CELULAR INDUCIDAS POR UN DISRUPTOR ENDOCRINO, EN CÉLULAS DE CÁNCER MAMARIO

Noelia Victoria Miret¹; Carolina Pontillo¹; Clara Ventura²; Alejandro Carozzo³; Florencia Chiappini¹; Diana Kleiman¹; Natalia Fernandez³; Claudia Cocca²; Andrea Randi¹
 LEBCA, Fac. de Medicina, UBA¹ Lab Radioisótopos, Depto Físico Matemática, FFyB, UBA² Lab Transducción de Señales y Desarrollo de Fármacos, FFyB, UBA³

La exposición a contaminantes orgánicos persistentes puede ser un factor de riesgo para el desarrollo de cáncer de mama. El Hexaclorobenceno (HCB) es un contaminante ambiental, exponiéndose la población a través del alimento, el agua y el aire. Es un compuesto tipo-dioxina y un ligando débil del Receptor de Hidrocarburos Aromáticos (AhR). Demostramos que el HCB actúa como disruptor endócrino, estimulando proliferación, migración, invasión y metástasis en diferentes modelos de cáncer de mama. El Factor de Crecimiento Transformante- β 1 (TGF- β 1) es crítico en morfogénesis maMaría y está activado en cáncer de mama. Objetivo: estudiar en células de cáncer de mama humano MDA-MB-231, a) la acción del HCB (0,005; 0,05; 0,5 y 5 μ M) sobre expresión, activación y vías del TGF- β 1 (Western Blot), b) implicancia del TGF- β 1 en la migración (cierre de herida) e invasión (transwell) inducidas por el tóxico, c) la regulación cruzada entre TGF- β 1/AhR (RT-qPCR). Resultados: el HCB (0,05; 0,5 y 5 μ M) incrementa los niveles proteicos de TGF- β 1 (p<0.01) y su activación (p<0.01) a 2 y 6 h, así como estimula la fosforilación de Smad3 (p<0.01) y las vías independientes de Smad (JNK p<0.01 y p38 p<0.05) a 5, 15 y 30 min. La acción del HCB sobre la migración e invasión depende de Smad3, JNK y p38, mientras que ERK1/2 está involucrado en migración (p<0.01). El tóxico reduce los niveles de ARNm del AhR de manera dosis-dependiente (0,05 y 5 μ M, p<0.01), similar al tratamiento con TGF- β 1 (p<0.001), en cambio, ejerce el efecto opuesto en presencia de inhibidor de TGF- β 1 (5 μ M, p<0.01). La activación del AhR por HCB aumenta el contenido de ARNm del TGF- β 1 (0,05 y 5 μ M, p<0.05). Conclusión: en MDA-MB-231, el HCB induce expresión y activación del TGF- β 1, modula el cross-talk entre TGF- β 1/AhR, y estimula la migración e invasión involucrando vías dependientes e independientes de Smad3. Estos hallazgos aportan evidencias acerca del mecanismo molecular de acción del HCB en la progresión del cáncer de mama.

156 (589) ESTUDIO SOBRE LA ACTIVIDAD DE COLINESTERASAS EN SANGRE DE HABITANTES Y TRABAJADORES RURALES DE LA PROVINCIA DE BUENOS AIRES

Bonetto, Julián; Ostera, Juan Manuel; Irigoyen, Mara H.; Quiroga, Patricia; Pagano, Eduardo; Villamil Lepori, Edda
 Facultad de Farmacia y Bioquímica – UBA

Durante 2014-15 en Argentina se cultivaron 25 millones de hectáreas de cultivos transgénicos habiéndose utilizado más de 335 millones kg de a productos fitosanitarios. Esta situación en Argentina, llevó a plantear que los pobladores y trabajadores podrían estar expuestos a agroquímicos, y verse afectadas las actividades de las colinesterasas plasmáticas (Che) y eritrocitarias (AChe) según la exposición, la época del año y las prácticas agropecuarias aplicadas. Se evaluaron poblaciones con gran producción agrícola. Por un lado, habitantes de los partidos de Chivilcoy-Bragado (CB) (N=59) zonas con un manejo cuidado de los agroquímicos. Por otro lado, se evaluó la actividad de dichas enzimas en individuos del partido de Pergamino (P) (N=152). Previa a la toma de muestras de sangre se realizó una encuesta a fin de separar en tres grupos: sujetos con exposición laboral (L), habitantes rurales o con exposición ambiental (A) y no expuestos (N). Se realizaron dos recolecciones de sangre, en

dos épocas diferentes según el calendario de aplicaciones de agroquímicos, una instancia previa al barbecho químico (pre-exposición) y una instancia posterior a la aplicación de insecticidas (pos-exposición). Se utilizó el método de Ellman para la medición de las actividades enzimáticas tanto de Che y AChE. Se observaron diferencias significativas durante el periodo de pre-exposición, en las actividades de las AChE y las Che entre P y CB ($p < 0,001$ y $p < 0,05$) respectivamente y entre las Che y las AChE al comparar los sujetos N y L ($p < 0,001$ y $p < 0,01$, respectivamente). Además, se registraron diferencias significativas en las actividades de AChE al comparar las instancias pre y post exposición, en los individuos que estuvieron presentes en ambos muestreos. Estos resultados indican que un manejo y uso cuidadoso de los agroquímicos podrían estar influyendo en la actividad de estas enzimas en los individuos evaluados. Estudio financiado con fondos del proyecto PID 0032/2011.

157 (628) INTOXICACIÓN CON CADMIO EN CEREBELO: EFECTO DEL TIEMPO DE EXPOSICIÓN Y DISTINTAS DIETAS PROTEICAS

Martín Molinero, Glenda Daniela; Álvarez, Silvina M.; Boldrini, Gabriel G.; Plateo Pignatari, Mara G.; Giménez, María Sofía.
IMIBIO-SL

Cadmio (Cd) es un elemento tóxico y un contaminante ambiental. Se estudió su efecto sobre marcadores de estrés oxidativo y apoptosis en cerebelo de rata, en presencia de dos dietas: una rica en caseína, y otra en soja, utilizando dos tiempos de exposición: un mes y dos meses. Se utilizaron 4 lotes de ratas hembras Wistar: 2 recibieron una dieta con caseína (Cas) y 2, con soja (So). En cada grupo, un lote recibió agua corriente (Control-Co) y el otro, 15 ppm de Cd en el agua de bebida. Esto se realizó por 30 y 60 días. Se extrajeron los cerebelos, se aisló ARN y se determinó la expresión del factor Nrf2, NOX2, p47, GPx, SOD, Bax y Bcl2 por RT-PCR. A los 30 días, NOX2 aumentó en ambos grupos Cd ($p < 0,05$), mientras que a los 60 días disminuyó en el grupo Cas-Cd sin variaciones en los grupos Soja. P47 mostró un incremento en So-Co a los 30 días, disminuyendo en Cas-Cd a los 60 días, con un aumento en So-Cd. El factor nrf2 aumentó en Cas-Cd a los 30 días, a su vez se observó un incremento en ambos grupos Soja ($p < 0,005$), mientras que disminuyó en los grupos Cd a los 60 días. Paralelamente, GPx aumentó en Cas-Cd a los 30 días, y disminuyó en ambos grupos Cd a los 60 días ($p < 0,05$). SOD aumentó en ambos grupos Cd ($p < 0,05$) a los 30 días pero disminuyó en Cas-Cd, aumentando en So-Cd a los 60 días. La relación bax/bcl2 aumentó en Cas-Cd ($p < 0,05$) siendo ésta menor en So-Cd, a los 30 días. A los 60 días esta relación fue más alta en Cas-Cd, mientras que disminuyó en So-Cd. Asimismo, en el grupo de 30 días se determinó la expresión de NFkB, el cual mostró un incremento en Cas-Cd, con una disminución en So-Cd ($p < 0,05$) e Interferón gamma, el cual aumentó en ambos grupos Cd ($p < 0,05$). Esto indica que la intoxicación con Cd induce un estado de estrés oxidativo con respuesta del sistema antioxidante a los 30 días, cambiando a los dos meses de exposición, donde aparentemente el sistema antioxidante se deprime. Esto es consistente con una mayor relación bax/bcl2, indicadora de apoptosis. Se observa que Soja brindaría mayor protección antioxidante.

HEMATOLOGÍA 2

158 (113) RELACIÓN ENTRE TRAMPAS EXTRACELULARES DE NEUTRÓFILOS (NETS), NUCLEOSOMAS CIRCULANTES Y NIVELES DE MIELOPEROXIDASA (MPO) EN NEOPLASIAS MIELOPROLIFERATIVAS (NMP)

Cecilia Paola Marin Oyarzun¹; Agustina Carestia²; Paola Lev¹; Ana Glembofsky¹; Beatriz Moiraghi³; Miguel Castro Ríos⁴; Rosana Marta¹; Felisa Molinas¹; Mirta Schattner²; Paula Heller¹

Hematología Investigación. IDIM A. Lanari. UBA. UE IDIM-CONICET¹ Laboratorio de Trombosis Experimental. IMEX.

CONICET-Academia Nacional de Medicina² Hematología. Hospital JM Ramos Mejía.³ Centro de Hematología Clínica de San Isidro⁴

Las NMP se caracterizan por proliferación de células mieloides e incluyen la Policitemia Vera (PV), la Trombocitemia Esencial (TE) y la Mielofibrosis (MF). En base a la presencia de activación leucocitaria, tendencia trombótica y un microambiente inflamatorio, estudiamos en 41 pacientes (P) la capacidad de sus neutrófilos de formar NETs, la presencia de nucleosomas circulantes y su correlación con los niveles de MPO. La formación espontánea de NETs in vitro (inmunofluorescencia (IF) para ADN/elastasa) no difirió globalmente entre P y controles, $1,50 \pm 1,8\%$ vs. $0,84 \pm 0,5\%$, $p = NS$, encontrándose elevada en 15% de los casos. En los neutrófilos de los P se halló aumento basal de especies reactivas del oxígeno (EROS), $21,2 \pm 24\%$ vs. $4,9 \pm 1\%$, $p < 0,01$ (citometría de flujo), si bien solo en 1/3 este aumento se asoció a la formación espontánea de NETs. Hubo significativamente menor formación de NETs en respuesta a PMA (IF), $39,62 \pm 23,9\%$ vs. $53,36 \pm 18,3\%$, $p < 0,05$, hallazgo confirmado por medición del ADN liberado (fluorimetría), $0,44 \pm 0,3$ vs. $0,62 \pm 0,3$ ug/mL, $p = 0,01$. Este defecto se asoció a una menor generación de EROS ($p < 0,01$). Los pacientes presentaron niveles mayores de nucleosomas circulantes, $0,23 \pm 0,2$ vs. $0,09 \pm 0,04$ ug/mL, $p < 0,0001$ (ELISA), los cuales fueron leves en TE, moderados en PV y mayores en MF, sobretodo en estadios avanzados, $p < 0,01$ y también de MPO (ELISA), 84 ± 61 vs. $48,8 \pm 12$ ng/mL, $p < 0,05$. No hubo correlación entre nucleosomas y NETs; la asociación con MPO fue moderada pero no significativa, mientras que sí hubo correlación con niveles de LDH sérica, $r = 0,69$, $p < 0,0001$. Como conclusión, se describe por primera vez la presencia de nucleosomas circulantes en NMP, que representan un marcador de enfermedad avanzada. La contribución de la NETosis al aumento de nucleosomas no es clara, mientras que su asociación con LDH sugiere que la lisis celular podría constituir una fuente de los mismos. El defecto en la producción de NETs y ROS en respuesta al PMA podría reflejar un defecto en la inmunidad innata en NMP.

159 (420) LA EXPRESIÓN DE OCT-2, OCA-B, BCL6, PU.1 Y IRF8 PREDICE PRONÓSTICO EN PACIENTES CON DIAGNÓSTICO DE LINFOMA DIFUSO DE CÉLULAS GRANDES B

Julián Francio; Erica Rojas-Bilbao; Elisa Bal De Kier Joffe; Marta Zerga; Lydia Puricelli; Stella Maris Ranuncolo
IOAHR

El Linfoma Difuso de Células Grandes B (LDCGB), derivado del centro germinal (CG), es el linfoma No-Hodgkin más frecuente en adultos. Un tercio de los pacientes recae o resulta refractario al tratamiento estándar. No se dispone de marcadores capaces de predecir el pronóstico del paciente con LDCGB. El tránsito de las células B por el CG es controlado por la activación y represión secuencial de factores de transcripción (FT) importantes en su desarrollo. Oct2 y OCAB, son responsables del incremento de BCL6 en el CG, siendo reclutados hacia su gen blanco por PU1 y IRF8. La depleción de PU1 o IRF8, mediante shARNs en líneas celulares de LDCGB, mostró la disminución en la unión de Oct2/OCAB a BCL6, en ensayos de ChiP. Basándonos en estos hallazgos, evaluamos la expresión de Oct2, OCAB, BCL6, PU1 y IRF8 a nivel tisular mediante IHQ, en 73 pacientes con LDCGB [38 hombres Md edad y rango 59 (25-85); 35 mujeres 59 (17-82)]. El análisis univariado evidenció la ausencia de correlación entre la expresión de Oct2, BCL6 o IRF8 y los parámetros clínico-patológicos indicadores de pronóstico en LDCGB. El estudio de sobrevida global (SG), mediante las curvas de Kaplan-Meier, mostró que los pacientes con un porcentaje de células tumorales positivas $\geq 70\%$ para Oct2, OCAB y BCL6 [(Log Rank Test $X^2 = 3,7$) $p = 0,05$; $4,0$ $p = 0,04$ y $4,0$ $p = 0,04$], se asoció con mal pronóstico y menor SG. El alto número de pacientes que mostraron más del 70% de células positivas para Oct2, BCL6 y IRF8 contrasta con el 17% y el 5% para OCAB y PU1. Estos FT en condiciones normales, son esenciales en la formación del CG, mostrando altos niveles de expresión. Sin embargo, el 42% y el 63% de las muestras mos-

traron pérdida de OCAB y PU1. La evaluación de estos FT es de interés en el establecimiento del pronóstico de los pacientes con LDCGB. Estos resultados tienen trascendencia terapéutica dado que evidencia la necesidad de atacar simultáneamente múltiples interacciones entre múltiples factores en este linfoma a células B.

160 (471) EFECTO DE HOMOCISTEINA-TIOLACTONA EN CULTIVOS DE CÉLULAS ENDOTELIALES

María Eugenia Chamorro; Romina Maltaner; Agustina Schiappacasse; Irene Quintana; Valeria Genoud; Daniela Vittori; Alcira Nesse

Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, IQUIBICEN-CONICET

La hiperhomocisteinemia (HHcy) ha sido asociada a la disfunción e injuria endotelial involucrada en el desarrollo de trombosis y aterosclerosis. Recientemente, se ha propuesto que la homocisteína-tiolactona (HTL), especie altamente reactiva, sería responsable de la acción perjudicial de la HHcy. La reacción de N-homocisteinilación ocurre cuando HTL acila los residuos lisina de las proteínas. La presencia de suero en el cultivo de células endoteliales permite su crecimiento, migración y desarrollo. El objetivo de este trabajo es estudiar el efecto de suero tratado con HTL en la migración de la línea endotelial EA.hy926. Suero fetal bovino fue incubado en presencia de HTL (concentraciones finales 2 y 4 mM) durante 18 h, a 37 °C (SFB-HTL). Control: SFB incubado con PBS. Por electroforesis capilar y electroforesis en gel de poliacrilamida en condiciones nativas se observaron cambios en el patrón de bandas proteicas y, en particular, modificación de la movilidad electroforética de la albúmina. La disminución de la carga neta negativa de las proteínas corrobora el bloqueo de residuos lisina por la reacción de N-homocisteinilación. Se estudió la acción del SFB N-homocisteinilado sobre la migración celular mediante la prueba de scratching con la cuantificación de la migración por el ancho de la herida y sobre la proliferación celular por el ensayo de MTT. En presencia del SFB-HTL la migración celular disminuyó en comparación con los cultivos con SFB, en forma dependiente de la concentración de HTL (Tamaño de la herida: SFB 10±4,3%; *SFB-HTL2 37±7,1%; *SFB-HTL4 59±9,0%; *P<0,05 vs. SFB; n=5). La proliferación celular no fue alterada por la presencia del SFB-HTL. La N-homocisteinilación de las proteínas del suero altera su efecto promigratorio sobre las células endoteliales frente a una injuria, sugiriendo un posible mecanismo de acción antiangiogénica.

161 (494) OPTIMIZACIÓN DE LA PREPARACIÓN DEL PLASMA RICO EN PLAQUETAS PARA SU APLICACIÓN EN MEDICINA REGENERATIVA

Julia Etulain¹; Nadia Cicconi¹; Silvio Rosell²; Mirta Schattner¹ Laboratorio de Trombosis Experimental, IMEX-CONICET. Academia Nacional de Medicina. CABA, Argentina.¹ Unidad de Hemoterapia. Hospital Tornú. CABA, Argentina.²

El plasma rico en plaquetas (PRP) se emplea en medicina regenerativa como fuente de factores proangiogénicos derivados de plaquetas, y se procesa y aplica siguiendo protocolos clásicos de coagulación y transfusión de plaquetas. Considerando que dichos protocolos no han sido optimizados para inducir regeneración tisular, el objetivo de este estudio fue optimizar la preparación del PRP para tal fin a través de diversas variables y estudiando la proliferación de las células endoteliales HMEC-1. El PRP o las plaquetas libres de plasma (PL) se estimularon con trombina (1U/ml) y CaCl₂ (22mM) (37°C, 30min). Los sobrenadantes se incubaron con HMEC-1 por 24h y se determinó la proliferación celular (pnpp). Los resultados se expresan en veces del control sin estimular (n=6; *p<0.05 vs sin estimular; #p<0.05 vs PRP; &p<0.05 vs 37°C). Considerando que además de los factores proangiogénicos plaquetarios, el PRP contiene sustancias angiogénicas plasmáticas, se comparó la capacidad angiogénica del PRP con las PL. La proliferación de HMEC-1 inducida por PL fue mayor a la inducida por PRP (2.4±0.2**# vs 1.7±0.1*), y el efecto antiangiogénico del plasma fue revertido diluyendo el PRP con solución fisiológica (50%=2.2±0.2*, 25%=2.4±0.2**,

12%=2.2±0.2*). Si bien el PRP para medicina regenerativa se procesa a 37°C, es sabido que la activación plaquetaria aumenta a menor temperatura. En concordancia, la proliferación de HMEC-1 inducida por PRP activado a 4 o 23°C fue mayor que a 37°C utilizando PRP puro o diluido (25%) (PRP100%: 4°C=2.9±0.2***&&, 23°C=2.4±0.2**&, 37°C=1.7±0.1*. PRP25%: 4°C=4.2±0.3***&&, 23°C=3.4±0.3***&, 37°C=2.4±0.2**). Este efecto fue asociado a una mayor liberación de VEGF plaquetario (factor proangiogénico) (4°C=12±1***&&, 23°C=10±1**&, 7.5±0.6*ng/ml). En conclusión, la activación de PRP a 4°C y posterior dilución del mismo sería más eficiente para la utilización de estos biomateriales con fines regenerativos comparado con los protocolos actuales.

162 (498) CONTRIBUCIÓN DE DIFERENTES MECANISMOS FISIOPATOLÓGICOS A LA TROMBOCITOPENIA EN LA PTI

Paola Lev¹; Matías Grodzielski¹; Nora Goette¹; Ana Glembofsky¹; Veronica Montero²; Marta Pierdominici³; Felisa Molinas¹; Paula Heller¹; Rosana Marta¹

UE IDIM CONICET¹ CEMIC, Norberto Quirno² Hospital Ramos Mejía³

Previamente demostramos aumento de apoptosis de plaquetas (PQ) de PTI, así como inhibición de la formación de proplaquetas (FPP=trombopoyesis) de megacariocitos (MK) normales en presencia de plasma de pacientes, debida en parte a la presencia de autoanticuerpos contra antígenos megacariocíticos. En este trabajo estudiamos el efecto del plasma de PTI sobre el desarrollo de MK a partir de progenitores hematopoyéticos (megacariopoyesis) con el objetivo de evaluar la contribución de estos tres mecanismos en la trombocitopenia en nuestra cohorte de pacientes. Se estudiaron 23 pacientes diagnosticados de acuerdo a los criterios actuales (recuento de PQ, 35±17x10⁹/L). Para evaluar si los plasmas de PTI tenían algún efecto sobre la megacariopoyesis normal, se obtuvieron progenitores CD34+ de sangre de cordón umbilical, cultivados con 10% de plasma recalcificado de pacientes o controles durante 12 días. Se analizó el n° de células totales, MK totales (CD61+) y la expresión de CD42b (marcador de madurez de MK). Los cultivos incubados durante 12 días con plasma de PTI produjeron un n° mayor de células totales, MK totales y células CD42b+, respecto a los incubados con plasma normal (test t con corrección de Welch, p=0.036, 0.037 y 0.038, respectivamente) 3 de 23 muestras de PTI dieron valores superiores al rango normal. La FPP estuvo inhibida en presencia de 12 de 23 plasmas de PTI. Catorce de 23 pacientes tuvieron aumento de apoptosis de PQ. Se observó inhibición de FPP conjuntamente con apoptosis de PQ en 7 de las 23 muestras. Contrariamente a lo descripto, la megacariopoyesis fue normal o aumentada en presencia de plasma de PTI. La inhibición de la FPP indicaría que la disminución de la producción de PQ ocurre en la etapa final de formación de las mismas y no durante el desarrollo megacariocítico. La coexistencia de inhibición de FPP y apoptosis de PQ refuerza la idea de que más de un mecanismo patológico podría contribuir a la trombocitopenia en un mismo paciente.

163 (636) FUNCIÓN RENAL EN EL BALANCE DEL HIERRO

Gisela Giorgi¹; Norma María Giusto²; Marta Elena Roque¹ Laboratorio de Fisiología Humana, INBIOSUR, Universidad Nacional del Sur¹ INIBIBB²

El riñón cumple funciones en la homeostasis del hierro. Estudios de nuestro laboratorio identificaron en deficiencia de hierro proteínas que participan en la restauración de la anemia como Prohepcidina, Ferroportina y Transportador de Metales Divalentes1 (DMT1). Para avanzar en el conocimiento de proteínas que movilizan hierro renal se estudiaron DMT1, ZIP14 (SLC39A14), Receptor de Transferrina (RTf) y Hcpidina en modelos animales. Materiales y Métodos. Ratones CF1 (N=12/modelo, n=6/grupo, diseño pareado) en Modelos de: 1) Sobrecarga de Fe (SCFe): FeSacarato ip (1,3g/kg); 2) Deficiencia de Fe (DFe): flebotomía con anestesia (5ds/30ds); 3)

Hipoxia normobárica:(8,5%O₂- 91,5%N₂/12días); Controles de los tres modelos.IHQ:anti-DMT1,-ZIP14,-RTf,-Prohepcidina,-ferritina. WB:anti-DMT1/anti-rabbit. *Bioética*: CICUAE-UNS CDBBF791/14:026/2014, 027/2014) Estadística: p<0,05. Test t-student .Resultados: En corteza fue leve la inmunoreactividad de DMT1 y RTf en TPS2. Por WB se observó disminución de DMT1 (p<0,05). ZIP14 mostró intensa inmunomarcación apical en TPS1-S2. La expresión de Ferritina y Prohepcidina fue evidente en TPsS1 y S2. En médula interna (MI) DMT1y RTf no mostraron cambios, siendo evidente la inmunomarcación de Prohepcidina. *DfE*: en corteza, DMT1 y RTf mostraron localización apical en S2 y S3. La expresión de Prohepcidina fue débil en S2. En MI, la expresión de DMT1 fue intracelular. *Hipoxia*: en corteza, DMT1 y RTf se localizó en la membrana apical del epitelio tubular S2 y S3. La expresión de Prohepcidina celular fue débil en TPS2 y MI. El cambio de localización celular de DMT1 y RTf en hipoxia y deficiencia de hierro podría explicar la función de estas proteínas en la captación tubular de hierro en alta demanda. En sobrecarga de hierro fue evidente el rol del importador ZIP14 en la captación del hierro. Concluimos que el riñón contribuiría a la homeostasis del hierro en estados de alta y baja demanda, por la acción coordinada del eje Hpcidina-DMT1-RTf-ZIP14

FARMACOLOGÍA 1

164 (4) EFECTO DEL FITOESTRÓGENO GENISTEÍNA (GNT) SOBRE LA RESISTENCIA A MULTIDROGAS EN LÍNEAS CELULARES DE CÁNCER DE MAMA

Juan Pablo Rigalli¹; Guillermo Nicolás Tocchetti¹; Maite Rocío Arana¹; Silvina Stella Maris Villanueva¹; Johanna Weiss²; Viviana Alicia Catania¹; María Laura Ruiz¹
IFISE¹ Universität Heidelberg²

El cáncer de mama afecta a 1,4 millones de mujeres al año. El 25% de las pacientes presenta resistencia a la quimioterapia, en parte por sobreexpresión de proteínas de resistencia a multidrogas que median el eflujo de agentes citostáticos. GNT es un fitoestrógeno presente en la soja con capacidad de inducir transportadores de drogas. Se desconoce si tal efecto ocurre en cáncer de mama. Se trataron células MCF-7 y MDA-MB-231 con GNT (0,1-10µM, 48 h) o vehículo (C) y se evaluó: 1-expresión proteica (por inmunoblot) de P-glicoproteína (P-gp), proteína asociada a resistencia a multidrogas 1 (MRP1) y proteína de resistencia del cáncer de mama (BCRP); 2-eflujo y resistencia a doxorubicina (DOX) y mitoxantrona (MXR), sustratos de los transportadores (por citometría de flujo y tinción con cristal violeta); 3-mecanismo molecular: a-expresión de transportadores a nivel de ARNm por qPCR; b-presencia de un mecanismo traduccional (coincubación con cicloheximida, CHX). Los resultados se expresan como media ± SD (n=3-4, p<0,05). En MCF-7, GNT (10µM) indujo la expresión proteica de MRP1 y BCRP (121 y 381%, respectivamente) y aumentó el eflujo de DOX y MXR (55 y 136%, respectivamente). El incremento del eflujo fue prevenido por inhibición de BCRP confirmando un rol prevalente de tal transportador. Las células pretratadas con GNT 10 µM mostraron mayor resistencia a DOX (IC50: 1,3±0,1µM vs C: 0,3±0,1µM) y a MXR (IC50: 3,5±0,8µM vs C: 2,0±0,7µM). En MDA-MB-231 se observó inducción de MRP1 (70 y 74%) por GNT 0.1 y 1µM, respectivamente, sin embargo, no se asoció a mayor eflujo o resistencia a DOX o MXR. Ninguna de las inducciones observadas a nivel proteico en ambas líneas se asoció a aumento de ARNm, sugiriendo un mecanismo no transcripcional. Todas las inducciones fueron prevenidas por CHX, evidenciando un mecanismo traduccional. Los resultados sugieren una menor eficacia de la quimioterapia del cáncer de mama en pacientes expuestas a GNT, en especial de fármacos sustratos de BCRP.

165 (22) IN VIVO EFFECTS OF METFORMIN AGAINST ECHINOCOCCUS GRANULOSUS LARVAL STAGE

Julia A Loos¹; Daniela* Drago²; Claudia Del Carmen* Melucci Ganzarain²; Valeria A* Dávila²; Christian Rodríguez R¹; Andrea C Cumino¹
Conicet - FCEyN, Universidad Nacional de Mar del Plata¹

FCEyN, Universidad Nacional de Mar del Plata²

Cystic echinococcosis is a zoonotic infection caused by the larval stage of the cestode *Echinococcus granulosus*. Chemotherapy currently employs benzimidazoles, however 40% of cases do not respond favorably. With regard to these difficulties, novel therapeutical tools are needed to optimize treatment in humans. The aim of this work was to explore *in vivo* the effect of metformin (Met) against *E. granulosus*, due to the fact that *in vitro* the drug inhibits the survival of *E. granulosus* protoscoleces and metacestodes. We demonstrated the chemotherapeutic and chemopreventive pharmacological effects of the drug. At a dose rate of 50 mg/kg/day, Met induces protection against the infection in mice. In the clinical efficacy studies, a reduction in cyst weight was observed after the administration of 50 mg/kg to mice with cysts developed during four months (0.54 ± 0.10 g), compared to those collected from control mice (1.75 ± 0.2 g). *In vitro* synergic therapeutic effects were observed in presence of Met plus albendazole (0.07 ± 0.01 g) at low doses (5mg/kg day of ABZSO), suggesting the importance of chemoprophylactic and clinical efficacy studies combining Met with conventional anti-echinococcal agents to test the potential use of this drug in hydatidosis therapy. P-glycoprotein expression was investigated and since Met was detected into murine cysts (0.2 to 0.5 µg Met/g wet weight of cyst), we analyzed the genome occurrence OCT1/OCTN1 orthologs in *Echinococcus sp.* We identified five putative OCT1/OCTN1 of which OCT A, B, D and E were expressed in protoscoleces and metacestodes allowing the accumulation of the drug in parasitic tissues. Possible mechanisms for the susceptibility of metformin are discussed in relation to dual metabolic control of parasite and host.

166 (30) INDUCCIÓN DE ESTRÉS DE RETÍCULO ENDOPLÁSMICO, AUTOFAGIA Y MUERTE CELULAR POR BORTEZOMIB EN LOS ESTADIOS LARVIARIOS DE ECHINOCOCCUS GRANULOSUS. M

M. Celeste Nicolao; Andrea C. Cumino
CONICET - FCEyN, Universidad Nacional de Mar del Plata

El bortezomib (Bz) es un ácido borónico dipeptídico, que inhibe la actividad proteolítica de la subunidad β5 del proteasoma 26S e induce la muerte celular en varios tumores celulares. Bz es un fármaco aprobado por la FDA, cuyo mecanismo de citotoxicidad aún no está completamente dilucidado. En este trabajo, se ha determinado el impacto de la inhibición *in vitro* del proteasoma sobre la viabilidad de los estadios larvarios de *Echinococcus granulosus* (Eg, agente causal de la hidatidosis humana) y su relación con la autofagia. El Bz inhibe la viabilidad de los protoescolísticos (PTS) y metacestodos (MTC) de manera dosis dependiente, observándose un efecto significativo con 5 µM y 0,1 µM luego de 24 h, respectivamente. Además, se encontró un efecto sinérgico sobre la viabilidad de ambos estadios larvarios utilizando una combinación de Bz más el inductor autofágico rapamicina. Mediante RT-PCR y qPCR se comprobó la inducción de estrés de retículo endoplásmico en PTS tratados con Bz, observándose sobreexpresión del ARNm de las chaperonas calnexina y grp-78 respecto a los controles. La inducción de autofagia fue estudiada mediante expresión de genes (atg6, atg8, atg12 y atg16) por RT-PCR y qPCR en ambos estadios larvarios encontrándose un aumento de la expresión de estos genes en PTS y de atg-8 en MTC. Además, mediante ensayos de Western Blot e inmunodetección *in toto* se determinó la sobreexpresión de la proteína marcadora de autofagia LC3 en PTS tratados con Bz respecto a los controles. La localización de dicha proteína fue observada en el tegumento, ventosas y en el sistema excretor de PTS. Estos resultados muestran que, el bloqueo del proteasoma y la inhibición del plegamiento de las proteínas podrían dar lugar a estrés del retículo endoplásmico, favoreciendo la muerte celular por autofagia en los estadios larvarios de Eg, lo que contribuye a la identificación de nuevas dianas terapéuticas para la quimioterapia de la hidatidosis.

167 (31) LA OVEJA COMO MODELO EXPERIMENTAL DE OSTEONECROSIS MAXIMAR ASOCIADA AL USO DE AMINOBISFOSFONATOS (ONMBPS)

Susana Noemi Zeni¹; Mario Davison²; Leandro Lyardet²; Mariana Preliasco²; Graciela Yaful³; Perla Torres³; Gretel Pellegrini¹
 INIGEM¹ Facultad de Odontología. Universidad Nacional de Rio Negro² Facultad de Veterinaria. Universidad Nacional de Rio Negro³

Una de las reacciones secundarias por el tratamiento crónico con bisfosfonatos, especialmente los más potentes es la ONMBPs, posiblemente por la intensa reducción del remodelamiento óseo que se produce por dicho tratamiento. Objetivo: Desarrollar un modelo experimental de ONMBPs en ovejas debido a que su tamaño permite realizar manipulaciones en la cavidad bucal, evaluando los cambios del remodelamiento óseo y masa ósea maxilar por el tratamiento durante 2 años con zolendronato (ZOL) en dosis equivalente al utilizado en neoplasias. Métodos: Se utilizaron 12 ovejas hembras adultas (9 OVX y 3 SHAM) de la raza Corriedale; 6 OVX recibieron ZOL, las otras 6 (3 OVX y 3 SHAM) recibieron solución fisiológica. Al año, se extrajo el primer molar y cresta iliaca. Al 2do. año se realizó un implante dental y contralateralmente un relleno óseo con material comercial (Bio-Oss); en el material extraído se determinó contenido de Ca y P. Se evaluó microbiológicamente el contenido de levaduras. Al sacrificio se evaluó calcemia (sCa), fosfatemia (sP), crosslaps (CTX) y fosfatasa alcalina ósea (FAO) en suero y se evaluó densitométricamente el contenido mineral óseo de la hemimandíbula superior (CMO). Resultados expresados en el siguiente orden SHAM, OVX Y ZOL. sCa (mg/dl): 9.1±0.8; 9.0±0.5; 8.9±0.4; sP (mg/dl): 4.63±0.21; 4.37±0.22; 3.96±0.36; FAO (mg/dl): 50.3±2.5; 58.3±0.6; 54.0±4.3; CTX; 644±8.7a; 826±83b; 271±57c; Ca (g/g tejido): 0.707±0.263a; 0.443±0.049b; 0.537±0.048c; P (g/g tejido): 0.290±0.084; 0.208±0.011; 0.211±0.048; CMO mandíbula (g/cm²): 32.1±9.2a; 24.0±6.1b; 42.3±3.0c. Letras diferentes indican diferencias estadísticamente significativas (p<0.05). La sobrevida de los grupos SHAM y OVX fue del 100%, del grupo ZOL 77% (2 murieron); se observó necrosis de mandíbula por Actinomices en 2 ZOL (33%). El sCa y FAO no presentaron diferencias entre los grupos; existió tendencia a menor sP en el grupo ZOL respecto de SHAM y OVX, sin diferencias entre ellos. Respecto de las SHAM: al año, la resorción aumentó en OVX y disminuyó en ZOL; el contenido de Ca en la mandíbula disminuyó en OVX; en ZOL se previno parcialmente la disminución; a los 2 años, la CMO fue significativamente menor en OVX y mayor en ZOL (p<0.01). Conclusiones: el tratamiento crónico con altas dosis de ZOL redujo notablemente la resorción y aumentó la masa ósea e indujo necrosis en el 33% de los casos, por lo cual fue posible generar un modelo experimental de ONMBPs por Tesis doctoral Odont. R.Davison. Universidades de Rio Negro, de Buenos Aires, CONICET y PICTO-2010-0181.

168 (43) RESPUESTA ADAPTATIVA AL ESTRÉS OXIDATIVO CAUSADO POR BENZNIDAZOL (BZL) EN LA LÍNEA CELULAR HEPÁTICA HEPG2. PARTICIPACIÓN DEL FACTOR 2 ASOCIADO AL FACTOR NUCLEAR ERITROIDE 2 (NRF2) Y DE LA PROTEÍNA ASOCIADA A RESISTENCIA A MULTIDROGAS 2 (MRP2)

Juan Pablo Rigalli¹; Virginia Gabriela Perdomo¹; Nadia Ciriacci¹; Daniel Eleazar Antonio Francés¹; María Teresa Ronco¹; Amy Bataille²; María Laura Ruiz¹; José Enrique Manautou²; Viviana Alicia Catania¹
 IFISE¹ University of Connecticut²

BZL es la única droga disponible para el tratamiento del mal de Chagas en áreas endémicas. Si bien su uso se asoció a estrés oxidativo, no hay estudios al respecto en modelos de hepatocitos humanos ni con concentraciones similares a las que podrían estar expuestos debido a la administración oral de BZL. En el presente trabajo se trataron células HepG2 con BZL (200 µM; 15 min 1, 3, 12, 24 y 48 h) y se determinaron los niveles de ROS y su mecanismo de detoxificación. Los resultados se expresan como la media ± SD (n=3, p<0.05). BZL aumentó ROS intracelulares (oxidación de DCFH2) a 1 y 3 h

de exposición (40 y 57%, respectivamente), normalizándose a 24 h. La relación glutatión oxidado:total (GSSG:GSH+GSSG) aumentó a 1, 3 y 24 h (31, 37 y 43%, respectivamente) debido al incremento del GSSG. A 12 y 24 h se determinaron las actividades de diversas enzimas antioxidantes y sólo se observó un aumento significativo en glutatión peroxidasa (66%) a las 12 h, explicando la disminución de ROS y el aumento de GSSG. Se cuantificó el flujo de GSSG al medio de cultivo a las 24 y 48 h de exposición, observándose un aumento (69 y 84%, respectivamente) que explica la normalización de la relación GSSG:GSH+GSSG a 48 h. La expresión de MRP2 (immunoblot) fue inducida por BZL a 24 y 48 h (68 y 75%, respectivamente). La mediación de Nrf2 en la inducción se evaluó midiendo su translocación al núcleo. Se observó mayor translocación a 24 y 48 h (204 y 89%, respectivamente). El rol de Nrf2 se verificó evaluando el efecto de BZL (200 mg/kg día, durante 3 días, i.p.) sobre la expresión de Mrp2 hepática (por qPCR) en ratones Nrf2+/+ y Nrf2-/. BZL indujo Mrp2 en Nrf2+/+ (194%) no así en ratones Nrf2-/. En conclusión, se corroboró la generación de ROS a una concentración de BZL similar a la que se alcanzaría en hígado. Su detoxificación se debe al incremento de la actividad glutatión peroxidasa y de MRP2, siendo Nrf2 un mediador clave del mecanismo compensador.

169 (406) NANOPARTÍCULAS MAGNÉTICAS PARA EL TRATAMIENTO DE ENFERMEDADES INFLAMATORIAS: ESTUDIO DE HEMOCOMPATIBILIDAD Y EFECTO SOBRE CÉLULAS ENDOTELIALES

Adrian E Campelo¹; Mariela A Agotegaray²; Verónica Lasalle²; Virginia L Massheimer¹
 INBIOSUR¹ INQUISUR-CONICET, Dpto. de Química, Universidad Nacional del Sur, Bahía Blanca, ARGENTINA.²

El uso de nanopartículas magnéticas (NPMs) para el transporte dirigido de fármacos mediante aplicación de un campo magnético encuentra aplicaciones promisorias en biomedicina. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de NPMs de magnetita recubiertas con quitosano y cargadas con Diclofenac (Dic) formuladas en nuestro laboratorio, sobre células sanguíneas y células endoteliales vasculares (CE). Las NPMs se obtuvieron mediante nanoprecipitación y encapsulamiento; se caracterizaron por difracción dinámica de la luz (medida del diámetro hidrodinámico Dh), microscopía electrónica de transmisión y espectroscopia UV para cuantificar el Dic. Cultivos de CE de aorta de rata fueron expuestos a 48 hs de tratamiento con dos formulaciones de NPMs (con y sin Dic) en concentraciones de 1, 10 y 100 µg/ml. La viabilidad celular se estudió mediante la técnica del MTT y por la capacidad de producir NO (reacción de Griess) al ser tratadas con Acetilcolina (ACh). Los ensayos de hemocompatibilidad se desarrollaron tratando muestras sanguíneas con 1, 10 y 100 µg/ml de NPMs. Se evaluó morfología de células sanguíneas, hemólisis, velocidad de sedimentación globular y agregación plaquetaria (AP). Las NPMs monodispersas presentaron un Dh de 80±10 nm y forma esférica (TEM). No se observaron cambios en la viabilidad de CE (MTT) en las dosis más bajas de NPMs. La producción basal de NO a las dosis estudiadas de NPMs no se vio afectada y no se detectaron diferencias significativas en el efecto de ACh sobre la producción de NO (3,6±0,25; 6,6±0,31 6,3±0,33 nmoles NO/ml Cont; ACh; NPMs+ACh p<0,01). Los parámetros hematológicos resultaron normales en dosis de 1 y 10 µg/mL. El tratamiento con 100µg/mL produjo alteraciones de la morfología de la membrana de los eritrocitos y una disminución de la AP de 80±5% y 82±4% (Con y sin Dic vs AP basal p<0,05). Los resultados sugieren que las NPMs obtenidas no producen alteraciones en la funcionalidad de CE y son hemocompatibles en dosis de 10 µg/mL.

CARDIOVASCULAR 2

170 ESTE TRABAJO FUE RETIRADO

171 (53) EFECTO DE LA EDAD Y LA EXPOSICIÓN AGUDA A LA ALTURA SOBRE LA CARDIOPROTECCIÓN Y

ESTIMULACIÓN β -ADRENÉRGICA. ROL DEL ÓXIDO NÍTRICO

Pablo H La Padula¹; Melisa Etchegoyen¹; Analia Czerniczyniec²; Silvia Lores-Arnaiz²; Moriondo Marisa¹; Paglia Nora¹; Jose Milei¹; Lidia E. Costa¹
 ININCA¹ IBIMOL²

Se evaluó el rol del óxido nítrico endógeno (NO) en la modulación de la contractilidad en condiciones basales, de estimulación β -adrenérgica, y de hipoxia/reoxigenación (H/R) en músculos papilares aislados (MP) de ventrículo izquierdo (VI) de ratas de 1 y 3 meses sometidas a 58.7 kPa en una cámara de hipopresión durante 48 h (HH) y de sus controles a 101.3 kPa (C). Ambos MP de cada rata se estudiaron paralelamente, uno suplementado con sustrato de la NO sintasa (NOS) L-arginina (arg) 2 mM para evaluar la máxima producción fisiológica de NO, y el otro con el inhibidor L-NNA 2 mM (inh). Se determinó secuencialmente, en condiciones isométricas, la tensión desarrollada (TD), luego de la adición de arg o inh, en respuesta a isoproterenol 10-4 M (ISO), y durante 60/30 min de H/R. Los resultados se expresan en% respecto al tratamiento previo. En C1 la respuesta a ISO fue 196±28 vs. 118±10 y la recuperación de TD pos H/R fue de 99±8 vs. 53±9, para L-arg e inh respectivamente, P< 0.01. Esta modulación por NO se perdió en el grupo C3. El grupo HH1 no mostró modulación de la respuesta a ISO ni cardioprotección por NO, efectos que sí se pudieron observar en el grupo HH3: 164±9 vs. 145±3 (respuesta a ISO) y 70±4 vs. 54±1 (recuperación pos H/R) para arg e inh, respectivamente, P< 0.05. La expresión de nNOS en VI fue en C1 34% superior a HH1, mientras que en C3 fue 59% inferior a HH3, P< 0.05. La exposición aguda a la altura no modificó la presión arterial. Conclusión: el NO, a través de la modulación del sistema β -adrenérgico, tendría un rol en la cardioprotección observada en animales normóxicos de 1m, efecto que se anularía con la edad. En cambio, luego de la exposición aguda a la altura simulada, el efecto del NO sobre la modulación β -adrenérgica y cardioprotección se hizo efectivo sólo en las ratas de 3m. El presente trabajo evidencia una sinergia entre los sistemas β -adrenérgico y del NO que podría utilizarse para el establecimiento de un modelo de cardioprotección.

172 (129) MECANISMOS QUE INTERVIENEN EN LA ACTIVACIÓN DEL PRECONDICIONAMIENTO ISQUÉMICO REMOTO

María Ailín Goyeneche¹; Martín Donato¹; Timoteo Marchini²; Virginia Pérez¹; Julieta Del Mauro³; Christian Höcht³; José Manuel Rodríguez²; Pablo Evelson²; Ricardo J. Gelpi¹
 Instituto de Fisiopatología Cardiovascular. Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires.¹ IBIMOL² Departamento de Farmacología. Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires.³

El preconditionamiento isquémico remoto (PCr) es un fenómeno por el cual, breves ciclos de isquemia-reperusión (I/R) de un órgano alejado del corazón, reducen el tamaño del infarto de miocardio producto de un episodio de isquemia prolongado. El objetivo fue determinar, antes de la isquemia miocárdica, algunos de los mecanismos intracelulares responsables de activar el PCr. Se estudió la participación de los receptores muscarínicos, la enzima Akt, el óxido nítrico sintasa endotelial (eNOS), los canales de K^{+}_{ATP} mitocondriales (mK^{+}_{ATP}) y la función mitocondrial considerando la producción de H_2O_2 . Corazones de ratas Wistar fueron aislados y perfundidos según la técnica de Langendorff y sometidos a 30min de isquemia/120min de reperusión (I/R, n=8). En un segundo grupo (n=9), se repitió el protocolo anterior pero, previo al aislamiento del corazón y con el animal anestesiado, se realizó un protocolo de PCr (3 ciclos de 5 min I/R de la arteria femoral). En 4 grupos adicionales, previo al PCr, se realizó vagotomía bilateral (n=7, VS), se administró atropina (n=6); L-NAME (n=8, inhibidor de la síntesis de ON) y 5-HD (n=5, bloqueante de mK^{+}_{ATP}). Se midió el tamaño de infarto, se evaluó la expresión de Akt y eNOS y la producción mitocondrial de H_2O_2 . En el grupo I/R el infarto fue de un 49.5±4.5%. El PCr disminuyó el tamaño del infarto a un 30.6±2.8% (p<0.05). La vagotomía bilateral y la atropina, abolieron el efecto del PCr (53.2±4.2 y 51.1±3.8%). Los mismo se observó con L-NAME

(49.1±1.8%) y 5-HD (53.1±4.2%). El PCr aumentó la fosforilación de Akt y eNOS (p<0.05) y este efecto fue abolido por VS. El PCr incrementó la producción mitocondrial de H_2O_2 un 27% (p<0.05), respecto de I/R. El PCr reduce el tamaño del infarto a través de la activación de los receptores muscarínicos, la fosforilación de la Akt y eNOS, la apertura de los mK^{+}_{ATP} y la liberación de H_2O_2 por la mitocondria. Estos fenómenos ocurren previo a la isquemia miocárdica, actuando como "estímulos" del PCr.

173 (191) ¿LOS FÁRMACOS ANTIOSTEOPORÓTICOS AFECTAN LA SALUD VASCULAR?: EFECTOS DEL RANELATO DE ESTRONCIO SOBRE EL ENDOTELIO

Pablo H Cutini¹; María B Rauschemberger¹; Adrián E Campelo¹; Sabrina B Cepeda¹; Marisa J Sandoval¹; Virginia L Masheimer¹
 INBIOSUR

El ranelato de estroncio (RSr) es un fármaco empleado para reducir el riesgo de fracturas en individuos con osteoporosis. Resultados recientes muestran que pacientes bajo tratamiento con este compuesto presentan mayor riesgo de sufrir enfermedad cardiovascular. Por tal motivo, evaluamos los efectos del RSr sobre eventos moleculares y celulares que participan en el inicio y progresión de la lesión vascular. Como sistema experimental empleamos anillos de aorta de ratas Wistar jóvenes (RASj) y seniles (RASs) y cultivos primarios de células endoteliales (CE) y células musculares lisas vasculares (CMLV). Se evaluó el efecto de RSr sobre la producción de óxido nítrico (NO) por el método de Griess. En RASj y RASs, el compuesto antiosteoporótico inhibió la síntesis del vasoactivo a 20 min de tratamiento (0.620±0.04 vs 0.310±0.08; 0.339±0.02 vs 0.220±0.06; control vs RSr 1mM; RASj vs RASs, p<0.01). Se observó un comportamiento similar en cultivos de CEj y CEs (↓40% y ↓32% s/c; 20 min trat., p<0.05). Resultados semejantes se obtuvieron luego de 30 min de tratamiento. La síntesis de NO es un evento importante en la regulación de la agregación plaquetaria (AP). Mediante método turbidimétrico evaluamos, en primera instancia, los efectos del RSr sobre la AP dependiente de endotelio, en RASj y RASs. El fármaco estimula la agregación de plaquetas a diferentes tiempos (RASj: 45% y 90%; RASs: 40% y 70% s/c, 20 y 30 min trat., p<0.05). CEj y CEs mostraron el mismo patrón de comportamiento en cuanto a los porcentajes de AP (46%, 72% s/c CEj; 42%, 61% s/c CEs; 20 y 30 min trat. resp., p<0.02). En tanto, el RSr no evidenció cambios significativos en otros eventos moleculares y celulares relevantes en regulación de la función vascular como producción de VEGF y migración de CE y CMLV. En conclusión, los resultados sugieren que, en nuestro sistema experimental, independientemente de la edad de los animales estudiados, el RSr parece no ejercer efectos beneficiosos para la salud vascular.

174 (432) IMPLICANCIA DE LAS CADENAS DE GLICOSAMINOGLICANOS DE LA MATRIZ EXTRACELULAR EN LA "ATERO-RESISTENCIA" VASCULAR

Roxana Elena Oberkersch¹; Rita Yanina Rasente¹; Benjamin Barakian¹; Florencia Funez¹; Sonia Yuschak²; Nicola Volpi³; Graciela C Calabrese¹
 Facultad de Farmacia y Bioquímica¹ Servicio de Obstetricia del Complejo Médico Churrucá-Visca² Universidad de Modena-Reggio Emilia, Italia³

Hemos reportado cambios en la producción de los proteoglicanos (PGs) de la matriz extracelular vascular frente a las lipoproteínas de muy baja densidad (VLDL), relacionados con la atero-susceptibilidad y atero-resistencia endotelial. El desafío del presente trabajo fue evaluar la secreción de estos PGs y las características estructurales de sus cadenas de glicosaminoglicanos (GAGs), en un endotelio "atero-resistente"; y la expresión de las enzimas asociada con su síntesis: N-acetilgalactosaminatransferasa-2 (ChGn-2) y condroitín-4-O-sulfotransferasa-1 (C4ST-1). Las células HUVEC fueron tratadas con VLDL-típicas (0, 75 y 100µg/mL); los PGs aislados del medio de cultivo fueron estudiados por: (1) Western blot y (2) HPLC. La expresión de las enzimas fue estudiada por RT-PCR. El tratamiento con 75µg/mL de lipoproteína produjo un aumento significativo en

la secreción de versicano y decorina ($P<0,05$; $n=3$); mientras que frente a $100\mu\text{g/mL}$ se observó un descenso de decorina y biglicano ($P<0,05$; $n=3$). Este patrón fue acompañado por cambios en la relación de sus cadenas de GAGs: condroitín sulfato/dermatán sulfato (CS/DS) ($38,5\pm 15,0$; $388,0\pm 20,0$; $86,5\pm 20\text{ ng/mL}$; $0,75$ y $100\mu\text{g/mL}$ de VLDL, $P<0,05$; $n=3$). Paralelamente, se detectó un aumento en la densidad de carga negativa de las cadenas de GAGs ($P<0,05$; $n=3$); con un cambio en el patrón de sulfatación expresado por un incremento en la relación 4S/0S ($4,88\pm 0,13$; $13,97\pm 1,8$; $14,53\pm 11,46$; $0,75$ y $100\mu\text{g/mL}$ de VLDL, respectivamente, $n=3$). Sin embargo, no se detectaron cambios en los niveles de mRNA de las enzimas. Los resultados obtenidos sugieren que el endotelio de características "atero-resistentes" es capaz de reaccionar frente a la injuria por VLDL modificando no sólo los patrones de expresión sino además las características de sulfatación de los CS-DS PGs. El estudio de las enzimas involucradas abre el camino para nuevas estrategias de diagnóstico y tratamiento de la aterosclerosis.

175 (435) LA PERDIDA DE DITROFINA INTERVIENE EN LA REGULACIÓN DE LA RIGIDEZ MIOCÁRDICA EN UN MODELO DE SOBRECARGA DE PRESIÓN

Diamela T Paez²; Martin Donato²; Bruno Buchholz²; Eliana Cicalè³; Laura Valdez¹; Tamara Zabornyj¹; Alberto Boveris¹; Ricardo J. Gelpi²

IBIMOL¹ Instituto de Fisiopatología Cardiovascular, Dpto. Patología, Facultad de Medicina, UBA² Bioterio, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Buenos Aires³

En corazones con hipertrofia ventricular izquierda (HVI), dilatación e insuficiencia cardiaca existe degradación de proteínas del citoesqueleto y asociadas al sarcolema, como la distrofina. Objetivo: Evaluar la expresión de distrofina y su relación con la función diastólica en un modelo de HVI por sobrecarga de presión sin dilatación. Ratones FBV fueron sometidos a una cirugía simulada en la que no se realizó constricción de la arteria aorta (G1, $n=11$). En el grupo 2 (G2, $n=14$) se realizó una constricción aórtica supravalvular para inducir HVI; y en el grupo 3 (G3, $n=15$) se repitió G2 pero los animales fueron tratados con doxiciclina (inhibidor de las metaloproteasas por 3 semanas). Luego de 3 semanas post-cirugía se realizó ecocardiograma, cateterismo cardiaco, se determinó expresión de distrofina y consumo de oxígeno mitocondrial en estado 3 y 4 (mitoMVO₂). No existieron diferencias significativas en el diámetro de fin de diástole, ni en la fracción de eyección. En G2 ($4,03\pm 0,07$) y en G3 ($4,50\pm 0,12$) hubo un aumento significativo del cociente peso ventrículo izquierdo/ peso del corazón, respecto de G1 ($3,29\pm 0,01$). Se observó una alteración en la relajación ventricular en G2 que no fue modificada por la doxiciclina. La rigidez miocárdica (estrés de fin de diástole/ diámetro de fin de diástole) aumentó en G2 a $3,2\pm 0,6$ ($p<0,05$), respecto de G1 ($1,3\pm 0,2$). El tratamiento con doxiciclina atenuó este incremento ($1,72\pm 0,28$). El mitoMVO₂ tanto en estado 3 como en 4 se redujo significativamente en G2. El tratamiento con doxiciclina previno este efecto deletéreo. La HVI indujo una degradación significativa de la distrofina respecto de G1 y este efecto fue prevenido con doxiciclina. Existió una correlación lineal entre los niveles de distrofina y el valor de rigidez miocárdica ($y=-4,6x+5,6$; $R^2=0,54$; $p<0,05$). En conclusión la inhibición de las metaloproteasas, mejora el mitoMVO₂, previene la degradación de distrofina y por lo tanto no se incrementa la rigidez miocárdica.

176 (440) LA SOBREEXPRESIÓN DE TIOREDOXINA-1 MODULA LA ACTIVIDAD DE LOS COMPLEJOS MITOCONDRIALES Y LAS PROTEÍNAS INVOLUCRADAS EN LA RELAJACIÓN DEL MIOCARDIO ATONTADO

Virginia Perez¹; Tamara Mazo¹; Laura Valdez²; Tamara Zaobornyj²; Anabella Gómez¹; Alberto Boveris²; Verónica D'annunzio¹; Ricardo J. Gelpi¹

INFICA, Dpto. Patología, Fac. Medicina, Univ. Buenos Aires¹ IbimoF²

La tioredoxina-1 (Trx-1) es un antioxidante que protege frente a la injuria por isquemia/reperfusión (I/R) disminuyendo el tamaño de infarto, y hemos demostrado que atenúa las alteraciones

sistólicas y diastólicas de la disfunción ventricular postisquémica (miocardio atontado). El objetivo fue evaluar la actividad de los complejos mitocondriales y la expresión de fosfolamban (PLB) y calcio-ATPasa (SERCa2A) en el miocardio atontado en ratones transgénicos que sobreexpresan Trx-1 y en ratones que sobreexpresan Trx-1 mutada en su sitio activo (DN), comparados con ratones no transgénicos (NTG), ($n=5$ por grupo). Los corazones fueron aislados, perfundidos (técnica de Langendorff) y sometidos a 15min de isquemia global y 30min de reperfusión. Se midió la actividad del complejo I y IV y la expresión de PLB total, fosforilada (f-PLB) y SERCa2A. Previamente mostramos que la sobreexpresión de Trx-1 mejora la recuperación del consumo de oxígeno mitocondrial, el estado contráctil y la disfunción diastólica del miocardio atontado comparado con los NTG, y que en los DN se exagera la disfunción diastólica. Actualmente, observamos un aumento de la actividad del complejo I (basal) en el grupo Trx-1 (724 ± 55 vs NTG: 585 ± 24 y DN: 493 ± 44 , nmol.min⁻¹.mg proteína⁻¹, $p<0,05$), mientras que el complejo IV sólo disminuyó durante la reperfusión en los ratones DN ($48,0\pm 1,9$ vs DN basal: $60,0\pm 4,7$, min⁻¹.mg proteína⁻¹, $p<0,05$). De manera basal se observó un aumento significativo de la f-PLB en el grupo Trx-1 ($1,38\pm 0,17$ UADO, $p<0,05$), sin cambios en la reperfusión ($1,35\pm 0,13$ UADO). En los grupos NTG y DN se observó un aumento de la f-PLB en la reperfusión (NTG: $1,76\pm 0,22$ vs basal: $1,01\pm 0,10$; DN: $1,35\pm 0,17$ vs basal: $0,80\pm 0,10$, $p<0,05$), sin cambios en la PLB total y la SERCa2A entre los grupos. Nuestros datos sugieren que la protección de Trx-1 frente al miocardio atontado puede relacionarse con una mejoría en la función mitocondrial y un aumento de f-PLB.

NEFROLOGÍA 2

177 (59) EVALUATION OF THE EXPRESSION AND FUNCTION OF MEGALIN AND CUBILIN DURING TUBULO-INTERSTITIAL INJURY INDUCED BY EARLY DIABETIC NEPHROPATHY IN MURINE MODELS OF TYPE 1 (T1DM) AND TYPE 2 (T2DM) DIABETES MELLITUS

Maximiliano Germán Giraud-Billoud^{1,2}; Fernando Ezquer²; Javiera Bahamonde²; Marcelo Ezquer²

IHEM¹ CMR, Facultad de Medicina-UDD-Clinica Alemana²

Diabetic nephropathy (DN) is the leading cause of end-stage renal disease. Changes in albuminuria are considered a hallmark of the onset or progression of DN. A decrease in the expression of tubular albumin endocytic transporter megalin/cubilin has been associated to DN, but to date there is not a comprehensive study relating early tubulointerstitial injury (TI) and megalin/cubilin albumin transporters. We evaluated the expression and function of both transporters during TI induced by early DN murine models of T1DM and T2DM. T1DM induction: 8-week-old C57BL/6 mice received 200mg/kg of streptozotocin, and sacrificed 10 weeks later. T2DM induction: male C57BKSdb/db were euthanized at 28 weeks of age. We observed a significant increase of interstitial collagen deposits (T1DM vs normal), accompanied by an increase of α -SMA (T1DM vs normal) and Col IV tissue expression (T1DM/T2DM vs normal). T1DM animals showed a significant decrease in body weight during the experiments, while T2DM was increased. Kidney size of T1DM/T2DM was also significantly increased. Albumin and VDBP urinary excretion (ELISA) were significantly increased in both diabetic models. Also, we observed in T1DM a significant decrease in surface expression (IFI), mRNA expression and total amount of protein (WB) of megalin. Only a significant decrease in total cubilin (WB) was observed in T1DM. In T2DM we found only a significant decrease in total megalin (WB). Our results demonstrate that albumin and VDBP urinary excretion are probably associated to a diminished expression of megalin and cubilin in T1DM. In T2DM the malfunction of both transporters apparently are not only associated to a decrease in their expression, therefore other possible mechanisms need to be explored. Future efforts should be directed to enlighten the intracellular mechanisms of endocytic transcytosis of megalin/cubilin receptors and the possible protein shedding from the epithelial surface in DN. Supported by FONDECYT PD#3140024.

178 (237) EL EFECTO DE LA VÍA DE SEÑALIZACIÓN HEDGEHOG EN LA PROGRESIÓN DE POLIQUISTOSIS RENAL AUTOSÓMICA DOMINANTE

Elisabet M Oddo²; María F Martínez²; Luis D Mazzuocolo⁴; Carolina Muchnik²; Rodolfo S Martín²; Adriana R Fraga³; Pablo J Azurmendi²

Lab de Nefrología Experimental y Bioquímica Molecular. Inst de Invest. Médicas A Lanari, UBA² Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)³ Dto de Dermatología, Hospital Eva Perón, Gral. San Martín.⁴

En el cilio primario - organela presente en casi todas las células de mamíferos - funcionan, entre otras, las vías de señalización de Ca⁺⁺ intracelular y de Hedgehog (HH), las cuales se encuentran alteradas en la poliquistosis renal autosómica dominante (ADPKD) y el síndrome del carcinoma basocelular noivoide (SCBN), respectivamente. En trabajos anteriores hemos mostrado la progresión de la ADPKD en el tiempo y la hiperactivación de la vía HH en tumores basocelulares y en piel sana de individuos SCBN. Estudios experimentales en animales sugieren que la hiperactivación de la vía HH afecta el normal desarrollo renal, pudiendo agravar el fenotipo quístico en modelos de ciliopatías/poliquistosis. Al no existir estudios en humanos decidimos evaluar el efecto de la activación de la vía HH en la evolución por 10 años de un caso de co-herencia de ADPKD y SCBN - por rama materna y paterna, respectivamente - comparándolo con los valores de 17 pacientes ADPKD estudiados en el mismo rango etario (desde 27±1 hasta 37±1 años). Se analizaron presión arterial (PA), volumen renal total (VRT), filtrado glomerular estimado (FGe), excreción urinaria de albúmina (UACR), proteínas totales (PT) y proteína quimioatrayente de monocitos-1 (MCP-1). En el paciente ADPKD+SCBN, el VRT se encontró por debajo de los percentiles (P) 10 y 15 al inicio y final del estudio, respectivamente, con un crecimiento del volumen comparable al grupo ADPKD. MCP-1 presentó al inicio niveles inferiores (P1), que aumentaron al P75, siendo éste el cambio más pronunciado respecto del grupo ADPKD. PA, FGe, UACR y PT no fueron diferentes vs. ADPKD. La combinación de ambos desórdenes autosómicos dominantes es un evento muy poco frecuente (prevalencia 1 en 46 a 205 millones) que no muestra un agravamiento del fenotipo quístico durante el seguimiento realizado, como los modelos experimentales proponen. Esto indicaría que la progresión de ADPKD no está afectada por la alteración de la vía HH.

179 (243) LAS HORMONAS SEXUALES MODULAN LA TRANSCRIPCIÓN Y TRADUCCIÓN DEL CANAL RECTIFICADOR DE POTASIO DE MÉDULA EXTERNA (ROMK) LUEGO DE SU INHIBICIÓN CON GLIBENCLAMIDA: EFECTO SOBRE EL SISTEMA KALLIKREINA-KININA

Alejandro Fabián Celía²; Luis Alberto Di Ciano²; Darío Guevara²; Fernando Raúl Ibarra^{2,3}; Elvira Emilia Arrizurieta²; Pablo Javier Azurmendi²; Elisabet Mónica Oddo²

Lab. de Nefrología Experimental y Bioquímica Molecular, IDIM A. Lanari, UBA² Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, UBA³

En resultados previos mostramos que el bloqueo del canal rectificador de potasio de medula externa (ROMK) por Glibenclamida (Gli) disminuye la reabsorción de Na⁺ y la excreción de K⁺, los niveles de K⁺ y aldosterona en plasma y de ARNm de Kcjn1 (ROMK-1) en médula renal de ratas espontáneamente hipertensas (SHR) de ambos sexos. También observamos una menor respuesta de estos parámetros con la gonadectomía (Gx). Además, la Gx y la alta ingesta de K⁺ aumentan la actividad de kallikreina urinaria (KU), por lo cual es de interés estudiar la relación entre el sistema kallikreina-kinina (SKK) y el manejo del K⁺ en el riñón. En el presente trabajo evaluamos el efecto de Gli sobre KU, mRNAs de Kik1, Kcjn1 y expresión proteica de ROMK-1 en homogenatos de corteza renal, así como el posible rol de las hormonas sexuales en esta respuesta. Se estudiaron ratas SHR de ambos sexos a las 12 semanas de vida, la mitad con Gx al destete. En los 3 días previos al estudio se les administró solución glucosada al 4% con ó sin Gli (10 mg/kgPC) vía oral.

Los ARNm de Kcjn1 y Kik1 se determinaron por PCR en tiempo real mediante cuantificación relativa, la abundancia proteica relativa de ROMK-1 por western-blot y la KU en orina de 24 hs por método enzimático. El tratamiento con Gli disminuyó la abundancia proteica de ROMK-1 en hembras intactas y con Gx (p<0.05), disminuyendo su ARNm solo en machos enteros (de 0.3±0.06 a 0.1±0.04, p<0.05). La KU aumentó en el grupo orquidectomizado (de 15.9±0.7 a 35.4±8.0 nKat/día/100gPC, p<0.05), mientras que el ARNm de Kik1 aumentó en machos enteros (de 0.8±0.34 a 2.3±0.53, p<0.05). Estos resultados sugieren que la inhibición de ROMK modula su transcripción y traducción en corteza renal según género y presencia ó ausencia de hormonas sexuales, que podría explicar las diferencias en la excreción urinaria de iones encontrada entre los grupos. A su vez, el SKK renal sería sensible a Gli en machos enteros o Gx, sin afectar las hembras.

180 (284) DIFERENTES RESPUESTAS A LA INHIBICIÓN DE DOPAMINA Y BRADIKININA EN RATAS WISTAR ADULTAS OVARIECTOMIZADAS CON INGESTA ELEVADA DE SODIO

Luis A Di Ciano¹; Sandra Vlachovsky¹; Gisele Moirón¹; Pablo Azurmendi¹; Elisabet Oddo¹; Elvira Arrizurieta¹; Susana Nowicki²; Fernando R Ibarra^{1,3}

Lab. Nefrología Exp. y Bioq. Molecular. Inst. de Invest. Médicas A. Lanari, UBA¹ CEDIE, CONICET Hospital De Niños Ricardo Gutiérrez, CABA, Argentina² Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, UBA³

En trabajos anteriores mostramos que ratas Wistar adultas ovariectomizadas (OVX) tienen una mayor expresión renal de Na⁺, K⁺-ATPasa (NKA) total y defosforilada, menor expresión del receptor de dopamina D1 (D1R) y mayor excreción urinaria de kallikreina. Cuando las ratas OVX reciben dieta hipersódica (HS) excretan menos sodio que las intactas (IF) y desarrollan hipertensión sal sensible. El objetivo del presente trabajo es comparar la contribución del D1R y del receptor B2 de bradikina (B2R) en la regulación del balance hidrosalino en ratas IF y OVX con dieta HS (NaCl 1% en agua de bebida durante 5 días). La OVX fue realizada a los 60 días de vida y fueron estudiadas 90 días post OVX. Las ratas fueron tratadas con un antagonista D1R (SCH 23390, 1mg/kg/día, sc) o con un antagonista B2R (HOE 140, 7µg/100gPC/día, sc) o vehículo, los dos últimos días del experimento. El bloqueo D1R en IF disminuyó la natriuresis (mmol/día/100gPC) de 3.14±0.03 a 1.65±0.09; p<0.01, diuresis (ml/día/100gPC) de 11.52±0.6 a 6.13±0.19; p<0.01, incrementó la presión arterial de 112±2 a 140±2 mmHg; p<0.05 y aumentó la defosforilación de NKA (p<0.05). Contrariamente el bloqueo D1R no produjo cambios en OVX. El bloqueo B2R en OVX disminuyó la natriuresis de 2.13±0.24 a 1.48±0.33; p<0.05 y diuresis de 8.50±1.66 a 6.22±1.67; p<0.05, sin modificar la fosforilación de NKA y no causó cambios en IF. No se observaron cambios en el filtrado glomerular en ninguno de los grupos. Las ratas intactas con dieta HS incrementan la respuesta natriurética del D1R a través de la fosforilación de NKA, mientras que en las OVX el sistema de dopamina renal no responde. Aunque el B2R contribuye a mantener la natriuresis y diuresis en las ratas OVX con dieta HS, no logran mantener el balance, reteniendo sodio. Estos resultados sugieren que las hormonas ováricas modulan la función del receptor D1 de la dopamina y del receptor B2 de bradikina.

181 (389) REGULACIÓN DE LA PERFUSIÓN RENAL POR DOPAMINA RENAL Y NOS I DURANTE UNA INGESTA ALTA EN SODIO. IMPORTANCIA DEL RECEPTOR D1R

Mariano Esteban Ibarra¹; M Florencia Albertoni Borghese³; Mónica P Majowicz²; María C Ortiz³; C Fabián Loidl¹; Manuel Rey Funes¹; Luis A Di Ciano²; Fernando R Ibarra^{2,4} IBCN¹ Fac. de Medicina¹Inst. De Invest. Médicas² "Dr. Alfredo Lanari"² Fac. de Farmacia y Bioquímica³Cátedra de Biología Celular y Molecular³ Fac. de Medicina⁴Departamento de Ciencias Fisiológicas⁴

En trabajos propios y de otros investigadores se observó que durante una ingesta hipersódica (HS) la producción de

pamina renal (DA) aumenta y la expresión de NOS I en mácula densa (MD) disminuye. La DA y NOS I están relacionadas con el balance de sodio y la regulación del flujo plasmático renal (FPR) a través de la retroalimentación tubuloglomerular. En este trabajo se evaluó la conexión entre ambos factores para regular el FPR y el filtrado glomerular (FG). Se estudiaron ratas Wistar macho de 250 a 350 g peso corporal. Recibieron por 5 días dieta normosódica (NS, NaCl 0.24%) o HS (NaCl 1%) en agua de bebida. Los dos últimos días fueron tratadas o no con SCH 23390 (SCH) un antagonista específico del receptor D1R de DA (1mg/kg/día, sc). Con la ingesta HS se observó un aumento de la diuresis y natriuresis (ambas $p < 0.001$ vs NS), de la DA urinaria (NS 679 ± 24 vs HS 1504 ± 94 ng/100g pc/d, $p < 0.001$), una disminución del FG (NS 0.61 ± 0.02 vs HS 0.46 ± 0.02 ml/min/100g pc $p < 0.05$), con un descenso de la expresión de NOS I ($p < 0.05$ vs NS), de la actividad de NADPH-diaforasa (NS 46.10 ± 1.80 vs HS 25.10 ± 1.4 DO $p < 0.001$) y de la producción de nitros + nitritos (NOx, NS 2.04 ± 0.22 vs HS 1.28 ± 0.10 nmol/mg prot, $p < 0.01$). El tratamiento con SCH no cambió estos parámetros en las ratas NS. Sin embargo, en las ratas HS+SCH 23390 disminuyó un 60% la excreción hidroelectrolítica ($p < 0.001$ ambas vs HS), aumentó significativamente FG y FPR (ambos $p < 0.001$, HS+SCH vs HS), mientras que también se incrementaron la expresión de NOS I (HS 0.70 ± 0.03 vs HS+SCH 0.99 ± 0.06 DO, $p < 0.05$), la actividad de NADPH-diaforasa (HS+SCH 49.27 ± 1.92 DO, $p < 0.001$ vs HS) y NOx (HS+SCH 2.27 ± 0.02 nmol/mg prot, $p < 0.001$ vs HS). De acuerdo a los resultados la DA sintetizada en el túbulo proximal y la mayor actividad de NOS I en MD podrían modificar la retroalimentación tubuloglomerular en forma crónica durante una ingesta hipersódica prolongada, interactuando en la regulación del FPR y del FG mediante estimulación del D1R.

182 (525) ALTERACIONES DE SISTEMAS NATRIURÉTICOS RENALES EN LA HIPERTENSIÓN ARTERIAL INDUCIDA POR SOBRECARGA DE FRACTOSA EN LA DIETA

Nicolás Martín Kouyoumdzian¹²⁵⁶; Natalia Lucia Rukavina Mikusic¹²⁵; María Cecilia Kravetz²³; Julieta Sofia Del Mauro³; Rouvier. Edgardo⁴; Silvana María Cantu⁴⁵; Hyun Jin Lee⁴⁵; Ana María Puyo⁴⁵⁶; Jorge Eduardo Toblli¹⁶; Fernandez Belisario Enrique¹²⁵⁶; Choi Marcelo Roberto¹²⁴⁵⁶
 ININCA -CONICET¹ Cátedra de Fisiopatología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA² Cátedra de Farmacología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA³ Cátedra de Anatomía e Histología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA⁴ INFIBIOC⁵ CONICET⁶

Introducción: existe poca evidencia acerca de la interacción entre la dopamina renal (DA) y el péptido natriurético atrial (ANP) en la fisiopatología de la hipertensión arterial (HTA) inducida por sobrecarga de fructosa (SF) en la dieta. Objetivo: determinar alteraciones en ambos sistemas natriuréticos en este modelo de HTA. Metodología: ratas macho Sprague-Dawley fueron divididas en grupos control (C) y SF (con solución de fructosa 10%P/V para beber), durante 4, 8 y 12 semanas (n=8/grupo/período). En orina de 24 h se midió L-dopa y DA (HPLC), diuresis, sodio y creatinina, y en plasma ANP, triglicéridos, glucemia, colesterol, insulinemia, sodio y creatinina. La presión arterial sistólica (PAS) fue medida por método indirecto. En tejido renal fue medida por Western Blot la expresión del transportador de L-dopa (LAT-2) y de los receptores D1R y NPR-A. Resultados: un incremento de PAS (mmHg, C4:121±8 vs F4:145±1*; C8:130±4 vs F8:161±10*; C12:133±5 vs F12:163±4*) correlacionó positivamente ($R^2=0.78$; $p=0.002$) con el cociente urinario L-dopa/DA (C4:0,49±0,05 vs F4:1,90±0,09*; C8:0,53±0,06 vs F8:2,35±0,10*; C12:0,54±0,07 vs F12:2,57±0,20*), lo cual fue acompañado por un incremento en la expresión (unidades arbitrarias) de LAT-2 en corteza (C4:1,00±0,02 vs F4:1,30±0,04*; C8:1,00±0,05 vs F8:1,23±0,09*; C12:1,00±0,06 vs F12:1,40±0,01*) y médula (C8:1,00±0,01 vs F8:1,42±0,02*; C12:1,00±0,01 vs F12:1,46±0,04*) y disminución de la expresión de D1R en corteza (C4:1,00±0,05 vs F4:0,72±0,08*; C8:1,00±0,05 vs F8:0,75±0,07*). Un descenso del ANP plasmático (C8:1,61±0,10 vs F8:1,30±0,08*; C12:1,65±0,32 vs F12:1,04±0,16*) fue acompañado de una caída en la expresión de NPR-A en médula (C4:1,00±0,05

vs F4:0,81±0,02*; C8:1,00±0,04 vs F8:0,80±0,03*; C12:1,00±0,03 vs F12:0,81±0,01*). * $p < 0,05$; # $p < 0,01$ vs C. Conclusión: la SF en la dieta provocó una depresión en ambos sistemas natriuréticos, lo cual constituye un factor esencial en la fisiopatología de HTA en este modelo.

ONCOLOGÍA 3

183 (17) ESTUDIO DE LAS PROTEÍNAS MYST Y KANSL2 EN GLIOBLASTOMA

Nazarena Eugenia Ferreyra Solari¹; Fiorella Belforte¹; Lucia Canedo¹; Joaquin Espinosa²; Mario Rossi¹; Horacio Martinetto³; Gustavo Sevlever³; Carolina Perez Castro¹
 Instituto de Investigación en Biomedicina de Buenos Aires (IBiBA) - CONICET - Partner Institute of the Max Planck Society.¹ Howard Hughes Medical Institute and University of Colorado.² Fundación para la Lucha contra las Enfermedades Neurológicas de la Infancia (FLENI).³

Cáncer es una enfermedad que predomina en anomalías genéticas, aunque las modificaciones epigenéticas cumplen un papel protagónico en la adquisición de un fenotipo celular maligno. En glioblastoma (GBM), se han observado distintas alteraciones epigenéticas como son las modificaciones de histonas. Sin embargo, se desconocen desregulaciones en la expresión del complejo MYST (acetiltransferasa de histonas) así como en la composición de sus subunidades proteicas. Nuestro objetivo fue evaluar la expresión de MYST y KANSL2 (una de las subunidades del complejo) en el modelo de GBM humano. Además, se investigó el efecto del silenciamiento de KANSL2 sobre el comportamiento tumoral, in vitro e in vivo. Se analizó la expresión de MYST y KANSL2, en 8 muestras de GBM humano y tejido normal, por qPCR. Determinamos un aumento de la expresión de KANSL2 en las muestras de tumores humanos con respecto al tejido normal ($p=0.02$), mientras que para la expresión de MYST no se detectaron diferencias. Se generaron líneas de GBM, U87MG y T98G, estables para el silenciamiento de KANSL2, utilizando 2 shRNA específicos. Se evaluó su efecto in vitro sobre la expresión de MYST mediante qPCR, y sobre la proliferación mediante conteo celular y ensayo de MTT. Asimismo, se evaluó, en las líneas U87MG silenciadas, su efecto in vivo sobre el crecimiento tumoral en ratones NOD/SCID. Los experimentos de silenciamiento mostraron que KANSL2 inhibe la expresión de MYST (U87MG, $p=0.008$; T98G, $p=0.0001$) y la proliferación celular (U87MG, $p=0.0006$; T98G, $p=0.009$). Además, los ensayos in vivo demostraron que los dos shRNA específicos inhiben el crecimiento tumoral con respecto al shRNA control (shRNA1, $p=0.0001$; shRNA2, $p=0.005$). Estos resultados, en conjunto sitúan a KANSL2 como una proteína pro-tumoral necesaria para el crecimiento tumoral del glioblastoma. Apoyado por ANPCyT y FOCEM (COF 03/11).

184 (28) ESTUDIO PRECLÍNICO SOBRE LA ACTIVIDAD RADIOSENSIBILIZANTE DE BCG Y ÓXIDO NÍTRICO EMPLEANDO UN MODELO MURINO DE CÁNCER DE VEJIGA INVASOR

Barbara Patricia Prack Mc Cormick; Denise Belgorosky; Yanina Veronica Langle; Natalia Patricia Balarino; Ana María Eiján; Eduardo Omar Sandes
 Instituto de Oncología Angel H. Roffo

La radioterapia (RT) constituye junto a la quimioterapia la opción terapéutica conservadora en múltiples tumores entre ellos el cáncer de vejiga (CaV). La radiosensibilización y el daño sobre el tejido sano, justifican la búsqueda de adyuvantes que optimicen el efecto de la RT. Una característica colectiva del microambiente tumoral asociada a radiosensibilización es la hipoxia. El óxido nítrico (NO) posee capacidad radiosensibilizante en hipoxia. El Bacilo Calmette Guerin (BCG) induce producción de NO y genera respuesta inmune innata y adaptativa. Por esto, estudiamos a BCG como posible adyuvante del efecto de la RT en un modelo de CaV murino invasor (MB49-I). In vitro en modelos de monocapa en normoxia y de esferoides con centro hipóxico, se ensayó

producción de NO por ensayo de Griess, y radiosensibilización-ensayo clonogénico (RT 8Gy +/- BCG 1mg/ml +/- L-NAME 2mM). *In vivo*, en ratones C57BL/6J con tumor subcutáneo, tratados con BCG (0,2mg intratumoral) y/ó RT (3Gy/día, 3v/sem, dosis total=18Gy), se evaluó: crecimiento tumoral, caspasa-3 (wester blot), radiosensibilización, metástasis pulmonares, sobrevida, e incidencia tumoral al inocular en el flanco contra-lateral al tumor tratado. *In vitro*, BCG aumentó el NO en cultivos en monocapa (Crl vs BCG $p<0.01$) y en esferoides (Crl vs BCG $p<0.05$) y en estos últimos mostró radiosensibilización (RT=4Gy, Crl vs BCG $p<0.05$). *In vivo*, BCG mejoró la respuesta a la RT, aumentó caspasa-3 y radiosensibilizó las células tumorales (Crl vs BCG+RT, $p<0.01$). A su vez, BCG+RT mejoró la respuesta sistémica, a nivel de la presencia de metástasis (Crl 100%, BCG 75%, RT 83%, BCG+RT 50%), el volumen metastásico (Crl vs BCG+RT, $p<0.05$) y la incidencia tumoral del segundo inoculo (Crl 100%, BCG 60%, RT 100%, BCG+RT 44%). Concluimos que BCG, a través de la producción de NO, presenta efectos radiosensibilizantes en condiciones de hipoxia y aumenta el efecto antitumoral de la RT a nivel de tumores primarios y secundarios de CaV MB49-I.

185 (101) LA ACTIVACIÓN DE HEMOXIGENASA-1 (HO-1) SE ASOCIA CON UN FENOTIPO MENOS INVASIVO EN CÁNCER DE MAMA

Norberto Ariel Gandini; Eliana Noelia Alonso; María Julia Ferronato; María Eugenia Fermento; Diego Javier Obiol; María Marta Facchinetti; Alejandro Carlos Curino
CONICET -INIBIBB- Lab de Biología del Cáncer

Resultados previos de nuestro laboratorio demuestran que HO-1 reduce el crecimiento de los tumores primarios a través de modulación de la apoptosis en el carcinoma mamario (CM). En este trabajo nos propusimos estudiar los efectos de la enzima sobre el proceso metastásico tanto en muestras humanas como en líneas celulares y modelos animales. En biopsias humanas de CM demostramos mediante inmunohistoquímica que existe una correlación positiva entre la expresión de HO-1 y de E-caderina ($p=0,0144$; test de Spearman) y β -catenina ($p=0,0479$; test de Spearman). Además evaluamos por RT-qPCR los niveles del ARNm del factor de transcripción Snail y de VEGFA en biopsias humanas de CM. En la línea celular de CM murino LM3 observamos disminución de la expresión de MMP9, NF κ B (p65) y vimentina y aumento de la expresión de E-caderina y β -catenina ($p<0,05$; Chi cuadrado) luego del tratamiento con hemina (activador farmacológico de HO-1). Se estudió además la actividad de MMP9 por zimografía. Comprobamos que la activación de HO-1 en células LM3 provoca disminución en la migración celular (ensayos de herida; $p=0,003$, ANOVA) y la invasión celular (ensayos en matrigel; $p=0,0001$; test de Student). Además observamos reorganización de los filamentos de actina, obteniéndose menos cantidad de células conteniendo fibras de stress luego del tratamiento con hemina ($p=0,0436$; Chi cuadrado). En un modelo murino de trasplante singenico de células LM3 demostramos que la activación de HO-1 se correlaciona con disminución del conteo de nuevos vasos sanguíneos ($p<0,001$; test de Student) y del número de metástasis pulmonares ($p<0,0199$; test de Student). En conclusión, estos resultados indicarían que HO-1 disminuye los niveles de proteínas relacionadas a la transición epiteliomesenquimática, frenando así la migración e invasión celular e influyendo en el proceso de metástasis. La activación de HO-1 podría contrarrestar el fenotipo invasivo del CM.

186 (110) EFECTO PREVENTIVO DEL AYUNO INTERMITENTE (AI) EN MODELOS DE HEPATOCARCINOGENESIS QUÍMICA EN RATA

Juan Pablo Parody¹; María Paula Ceballos¹; Ariel Darío Quiroga¹; Gerardo Bruno Pisani²; María De Luján Alvarez¹; María Cristina Carrillo¹
¹IFISE¹ Univ. Nac. de Rosario Fac. de Ciencias Bioquímicas y Farmacéuticas²

La detección temprana del hepatocarcinoma celular (HCC) permitiría, mediante diferentes tratamientos, mejorar la sobrevida

de los pacientes afectados. La dieta tiene un rol en la carcinogénesis y la restricción calórica en diversos modelos previene su evolución. Objetivos: Evaluar un nuevo modelo extendido de hepatocarcinogénesis experimental y analizar los efectos del AI en el desarrollo tumoral. Metodología: Ratas Wistar macho adultas fueron sometidas a un modelo de iniciación-promoción de 6 (IP) o 9 (IPex) semanas para el desarrollo de preneoplasia hepática. Algunos animales recibieron AI durante las 6 semanas (IPA) o en las últimas 3 semanas del tratamiento extendido (IPexA). El grupo control (C) recibió los vehículos de las drogas. Resultados: El AI no afectó significativamente el peso de los animales. Observamos aumentos en los niveles plasmáticos de β -catenina (C:1,33 \pm 0,33; IP:7,35 \pm 1,18*; IPA:1,53 \pm 0,16; IPex:6,12 \pm 1,18*; IPexA:8,20 \pm 0,14*) y α GPC3 (C:1,32 \pm 0,32; IP:4,76 \pm 1,90*; IPA:3,78 \pm 0,67*; IPex:4,44 \pm 1,16*; IPexA:4,09 \pm 0,26*). Los hígados IPex presentan diferencias macroscópicas (superficie multinodular de nódulos pequeños) y microscópicas (histoarquitectura alterada por múltiples nódulos con compresión del parénquima normal vecino, pérdida de estructura laminar, fibrosis moderada portal y periportal, ligero infiltrado linfohistiocitario, moderado aumento de conductos biliares. Tinciones con hematoxilina-eosina y Direct Red 80) comparado con los otros grupos experimentales. El porcentaje del tejido ocupado por los focos preneoplásicos (tinción con rGSTP) aumentó en IPex y en menor medida en IPexA (IP:6,16 \pm 0,19; IPA:7,44 \pm 1,03; IPex:54,64 \pm 8,09*; IPexA:28,45 \pm 1,13*) (* $p<0,05$ vs. C; # $p<0,05$ vs. IP). Conclusión: El modelo IPex representa una etapa temprana del HCC que favorecería su detección por marcadores tumorales séricos así como también su diagnóstico por imágenes. El AI aplicado en este modelo previene el daño hepático y el avance del proceso carcinogénico.

187 (112) PRESENTE Y FUTURO DE ENSAYOS CLÍNICOS ASOCIADOS AL DESARROLLO DE TERAPIAS CONTRA EL CÁNCER COLORRECTAL

Sabina Palma; Ariel O. Zwenger; Mara V Croce; Martn C Abba; Ezequiel Lacunza
CINIBA (Centro de Investigaciones Inmunológicas Básicas y Aplicadas)

El cáncer colorrectal (CCR) es una enfermedad heterogénea a nivel molecular, lo cual explicaría por qué algunos pacientes responden y otros no a un mismo tratamiento. Mediante el análisis integrado de perfiles de expresión génica y alteraciones genómicas se han reportado recientemente subtipos moleculares de CCR. Estos son considerados en ensayos clínicos (EC) para estratificar subgrupos homogéneos de pacientes que se beneficien ante una terapia en particular, evitando el sobretratamiento y reduciendo los efectos adversos. Debido a que los EC constituyen la antesala a las terapias estandarizadas, el objetivo del presente trabajo fue establecer el estado actual de los mismos a partir de su revisión y clasificación por un método no supervisado, a fin de predecir las estrategias terapéuticas futuras en el CCR. Se seleccionaron 352 EC asociados a CCR provenientes de la base de datos Clinicaltrials.gov. Involucraron un total de 110 drogas. Se construyó una matriz binaria de estudios vs drogas. Se empleó la suite MeV para su análisis. Para el agrupamiento jerárquico (HCl) se empleó la distancia euclídeana como métrica y el enlace completo como método. Siguiendo una estrategia divisiva de arriba hacia abajo, el HCl clasificó a los EC en 3 clusters principales. El cluster I (n=100) agrupó ensayos cuya terapia principal fue la sistémica, basada en los regímenes FOLFOX y FOLFIRI en pacientes con CCR metastásico. El cluster II (n=100) reunió estudios preclínicos focalizados en terapias dirigidas anti-VEGF, con Bevacizumab como principal agente. El cluster III (n=152) agrupó ensayos anti-EGFR y fue el grupo con el mayor número de estudios que emplearon una única droga (monoterapia) y pacientes estratificados. La clasificación obtenida recapitula la evolución de las terapias en el CCR, y predice un horizonte en el que la correcta estratificación de pacientes y la elección del agente terapéutico adecuado, conducirá al avance en el tratamiento personalizado de la enfermedad.

188 (115) EL SISTEMA INMUNE COMO POSIBLE NUEVO BLANCO CELULAR DE LA AMINOFLOAVONA EN UN MODELO DE CÁNCER DE MAMA MURINO

Mariana Callero; Cristina Rodríguez; Aldana Slimo; Elisa Bal De Kier Joff; Andrea Loaiza Perez
Instituto de Oncología Angel H Roffo

La Aminoflavona (AFP464, NSC 710464), un agente con acción antitumoral en tumores de mama positivos para el receptor de estrógenos (ER+), presenta un mecanismo de acción único activando la vía de señalización del receptor de hidrocarburos arílicos (AhR). Considerando que AhR ha surgido recientemente como un regulador fisiológico de las respuestas inmune innata y adaptativa, nos proponemos investigar si AFP464 modula la respuesta inmune en el modelo murino M05, un adenocarcinoma de mama semi-diferenciado dependiente de estrógeno. Hembras BALB/c fueron inoculadas con el tumor M05. Luego de que el tumor alcanzara un tamaño medio de 30 mm², los ratones recibieron AFP464 (12 mg/kg, i.p) por 5 días. A diferentes tiempos de finalizado el tratamiento (13, 21 y 41ds) se identificaron y cuantificaron por citometría de flujo las diferentes poblaciones esplénicas (LTc, LTh, MQ, NK y MDSC), así como las células inflamatorias infiltrantes del tumor. A nivel esplénico pudo observarse que la AFP464 aumentó el número de LTc y de NK, pero disminuyó el número de MDSC respecto del grupo control no tratado. A nivel tumoral, la AFP464 indujo aumentos significativos en el número de LTc, LTh, MQ y NK mientras que redujo el número de MDSC respecto de los controles. Se observó que los esplenocitos aislados de ratones tratados con AFP464 mostraron mayor citotoxicidad específica que el grupo control, en todos los tiempos (1,501 ± 0,072 vs 0,742 ± 0,068; 2,395 ± 0,298 vs 1,155 ± 0,239; 2,97 ± 0,192. vs 1,07 ± 0,185 p ≤ 0,05). Finalmente, se determinó, mediante la cuantificación de arginasa, MMP y nitritos, que AFP464 favorece el desarrollo del fenotipo M1 en los macrófagos peritoneales luego de 13 días de tratamiento, efecto que revierte progresivamente, observándose un fenotipo M2 a los 41 días. Estos datos sugerirían que la AFP464 posee además de efectos citotóxicos un efecto inmunomodulador que inhibiría la progresión tumoral.

189 (117) MODULACIÓN MUSCARÍNICA DEL EFECTO CITO-TÓXICO DEL PACLITAXEL EN CÉLULAS MDA-MB231

Alejandro J Español¹; María Di Bari²; Agustina R Salem¹; Ilaria Cristofaro²; Ada M Tata²; María E Sales¹
CEFYO¹ Universidad La Sapienza, Roma, Italia²

La modulación colinérgica de la progresión tumoral ha sido descrita en diversos tipos de tumores. En nuestro laboratorio demostramos que el tratamiento de tumores mamarios murinos con el agonista colinérgico sintético carbacol promueve la muerte celular. En este trabajo estudiamos el efecto de la combinación de agonistas muscarínicos con el citostático paclitaxel (PX) de uso frecuente en el tratamiento del cáncer de mama, en bajas concentraciones, sobre la viabilidad de células MDA-MB231 derivadas de un tumor mamario humano triple negativo. Utilizando el reactivo MTT observamos que la combinación de carbacol (Carb) (10⁻¹²M) con PX (10⁻⁶M) produjo una citotoxicidad del 27±3% (p<0,01 vs. control) efecto que no se observó al utilizar cada droga por separado. Además demostramos que una combinación del agonista M₂ selectivo arecaidina (Are) (12,5 μM) que se sabe favorece la muerte celular en glioblastomas, con PX (10⁻⁶M) produjo una reducción semejante al Carb en la viabilidad celular (23,46±7,1%; p<0,05) efecto que no se observó con las drogas agregadas por separado. Por Western blot (Wb) confirmamos la expresión de los subtipos M₅>M₄=M₂ de receptores muscarínicos. El silenciamiento con siARN del receptor M₂ revirtió el efecto observado a los valores del control, confirmando la participación de este subtipo de receptor en el efecto citotóxico. Esta combinación también redujo en un 98±6% los niveles de ARNm del transportador de fármacos ABCG2 y en un 97±11% los del receptor del factor de crecimiento epidérmico (EGFR) así como su expresión proteica determinada por Wb (p<0,001 vs. control). La combinación de Carb o Are con PX no modificó la viabilidad de las células mamarias no tumorigénicas MCF-10A que no expresan receptores muscarínicos. Estos resultados sugieren que el tratamiento de Carb o Are combinados con PX

podría representar una nueva herramienta terapéutica para el tratamiento del cáncer de mama.

190 (121) EFECTO DE COMPUESTOS AMARGOS SOBRE LA ANGIOGÉNESIS Y LA CAPACIDAD INVASIVA DEL TUMOR SCA-9

Ganna Dmytrenko; María Ester Castro; María Elena Sales
CEFYO

Previamente demostramos que las células SCA-9, derivadas de un tumor de glándula submaxilar murina, expresan T2R para compuestos amargos (CA). La estimulación de estas células con denatonio (D) (10⁻⁶M) o naringenina (N) (10⁻⁷M) incrementó la proliferación celular y el crecimiento tridimensional del tumor, efecto que fue revertido por la inhibición de la enzima arginasa con NOHA (10⁻⁴M). La invasión local del tumor implica la degradación de la matriz extracelular (MEC) y la formación de vasos sanguíneos, por eso estudiamos la participación de la metaloproteasa-9 (MMP-9) y del factor de crecimiento del endotelio vascular (VEGF-A) en la invasión y la angiogénesis inducida por el tumor SCA-9 tratado con CA. Para esto utilizamos esferoides SCA-9 incluidos en una matriz de colágeno y evaluamos el área cubierta por las células periféricas que migran. Observamos que el D induce un aumento del 35,1±9,8% (p<0,001 vs. control) efecto potenciado por el pretratamiento con NOHA (p<0,01 vs. D). La estimulación con N aumentó un 58,8±10,4% el área con respecto al control (p<0,001). Este efecto se inhibió totalmente con NOHA y con aminoguanidina, inhibidor de la óxido nítrico sintasa (NOS) 2 (p<0,001 vs. N). Ambos CA estimularon la expresión medida por Western blot (Wb) (O.D.r): D: 2,28±0,38; N: 2,00±0,23; p<0,001 vs. control: 1±0,01) y la actividad por zimografía de MMP-9 (D: 1,51±0,07; N: 1,7± 0,2; p<0,05 vs. control: 1±0,06). Además, el agregado de D o N produjo un aumento de VEGF-A medido por Wb (1,79± 0,25 y 3,01±0,02 respectivamente vs. control 1,00±0,17; p<0,001). El NOHA redujo este efecto (p<0,001 vs. CA), mientras que la inhibición de la NOS con L-NMMA potenció el efecto de ambos CA sobre la expresión de VEGF-A (D: 2,87±0,36; N: 3,61±0,10, p<0,05 vs. CA). CONCLUSIÓN: Los CA modulan positivamente la invasión y la angiogénesis en el tumor SCA-9 con la participación de la vía NOS/arginasa.

191 (157) UTILIDAD CLINICA DE LA SECUENCIACION DE NUEVA GENERACION (NGS) PARA LA IDENTIFICACION DE BIOMARCADORES EN PACIENTES CON CANCER DE COLON

Guillermo Federico Bramuglia^{1,2}; Celeste Mosqueira²; Belén Zaffanella²; Victoria Cólica^{1,3}; Silvia Otero³; Carolina Sanchez²; Patricia Saldías³; Gustavo Jankilevich³
Facultad de Farmacia y BioQuímica, UBA¹ Fundación Investigar² Hospital Durand-Servicio de Oncología³

Introducción El análisis de mutaciones adquiridas en cáncer colorectal (CCR) avanzado es una práctica habitual para la indicación de terapias "blanco" dirigidas. La tecnología de Next Generation Sequencing (NGS) permite la secuenciación masiva de cientos de genes considerados potenciales blancos terapéuticos. Estos análisis proveen información relacionada al desarrollo y progresión tumoral y permiten seleccionar pacientes para el ensayo de nuevas drogas. Objetivo Analizar mediante NGS un panel de 50 genes en pacientes con CCR que tenían indicado la determinación de variantes de KRAS y NRAS mediante PCR-secuenciación. Materiales y métodos Se analizaron muestras de 15 pacientes con CCR que dieron su consentimiento informado. Se extrajo ADN de cortes de biopsias del tumor primario y se analizaron las variantes genéticas de KRAS (exones 2 y 3), y NRAS (exones 2, 3 y 4) mediante PCR-secuenciación. Para el análisis de las variantes mediante NGS se utilizó el Ion Torrent Ion AmpliSeq™ Colon and Lung Cancer Research Panel v.2 Resultados Seis pacientes mostraron mutaciones en el gen KRAS. No se encontraron mutaciones de relevancia clínica en el gen NRAS. El análisis mediante NGS mostró que el porcentaje de ADN clonal y policlonal fue de 71 y 29% respectivamente. El tamaño promedio de los fragmentos analizados fue de 114 pb. El análisis permitió caracterizar variantes mutadas o wildtype en otros genes como

BRAF, PIK3C, y EGFR. Discusión La presencia de mutaciones en el gen KRAS/NRAS en pacientes con CCR metastásico se asocia a resistencia a las terapias con anticuerpos anti-HER1. Sin embargo otras alteraciones en las vías de señalización pueden ser responsables de la aparición de resistencia a los anti-HER1 en pacientes KRAS/NRAS wild-type. La caracterización simultánea de mutaciones en múltiples genes como BRAF, o PI3K permitiría estudiar la respuesta clínica a otros inhibidores en ensayos clínicos de fase temprana.

192 (161) ERBB-2: UNA NUEVA DIANA TERAPÉUTICA Y PRONÓSTICA PARA EL CÁNCER RENAL

María A. Cortes¹²; Rosalía Cordo Russo³; Leandro Venturutti³; Tania Romina Stoyanoff⁴; Rosana Gerometta¹; Patricia Virginia Elizalde³
Univ. Nac. del Nordeste- Fac. De Medicina- CONICET¹ Univ. de La Cuenca Del Plata- Fac. De Ingeniería Y Tecnología² Instituto De Biología Y Medicina Experimental (IBYME)-CONICET³ UNIV. Nac. del Nordeste- Fac. de Medicina- Cátedra Bioquímica⁴

La presencia del oncogen HER2/erbB-2 en tumores está asociada con la resistencia a la terapia, la formación de metástasis y, en cáncer de mama, se observó su relación con el factor inducible por hipoxia (HIF α). La implicación de ErbB-2 en el cáncer renal aún no es clara y no hay resultados concluyentes. El carcinoma de células renales (CCR) tiene el gen Von Hippel Lindau (VHL) mutado y HIF α activo en la mayoría de los casos, es refractario a la quimioterapia y cerca del 40% presenta metástasis. Por ello nos planteamos estudiar la presencia de ErbB-2 en pacientes con CCR, su relación con HIF1 α y con el estadio tumoral, con el fin de dar luz a nuevas dianas terapéuticas y pronósticas. Se estudió la expresión de ErbB-2 por Inmunoquímica (IHQ) y western blot (WB) y HIF1 α (IHQ) en 30 muestras de pacientes con CCR, provenientes del Servicio de Anatomopatología del Hospital Escuela y Hospital Vidal de Corrientes. Observamos que 19 de las 30 muestras expresan ErbB-2 (63%). La expresión de HIF1 α se observó en un 90% de los pacientes (27/30) y parecería no estar correlacionada con la expresión de ErbB-2. Hipotetizamos que, ErbB-2 podría estar relacionado con HIF2 α en este tumor. Existe una tendencia positiva entre ErbB-2 y el estadio tumoral, en pacientes con CCR de células claras de estadio T1 (6 de 11); de estadio T2 (5 de 6) y de estadio T3 (6 de 7). Asimismo, hemos observado, que en los casos ErbB-2 positivos hay relación entre su localización subcelular y el estadio tumoral. Observamos que: en pacientes con estadio T1 y oncocitoma, es más frecuente la localización de ErbB-2 en el citoplasma, con estadio T2, ErbB-2 se localiza en el citoplasma y en el núcleo/membrana, sin embargo en pacientes con estadio T3 es más frecuente encontrar ErbB-2 en el núcleo/membrana. Los hallazgos del presente trabajo indican que ErbB-2 estaría implicado en el avance del cáncer renal y podría ser una diana terapéutica y pronóstica.

193 (162) MODULACIÓN DE LA NEOVASCULARIZACIÓN EN EL MICROAMBIENTE TUMORAL DE RATONES TNFR1 KNOCK OUT

Yamila Rodríguez¹²; Ludmila Campos¹²; Melina Castro¹²; Ada Blidner⁴; Diego Croci Russo⁴; Gabriel Rabinovich⁴; Verónica Filippa³; Sergio Alvarez¹²
IMIBIO SL¹ Laboratorio de Biología Molecular. UNSL² Laboratorio de Histología. UNSL-CONICET³ IBYME⁴

El melanoma es un cáncer de piel asociado a una elevada mortalidad debido a su capacidad metastásica y resistencia a diversas quimioterapias. En tal sentido, el factor de necrosis tumoral (TNF) alfa es una citoquina clave en el desarrollo tumoral con efectos opuestos dependiendo del contexto y tipo celular donde actúe. Previamente, en un modelo de melanoma murino (B16F1) en ratones C57BL/6 wild type (WT) y C57BL/6 TNFR1 knock out (TNFR1^{-/-}), demostramos que la ausencia funcional de este receptor se asocia a una disminución del volumen tumoral ($p < 0,05$). Nuevos datos de inmunohistoquímica indican que la tasa de proliferación es significativamente mayor en tumores

provenientes de ratones WT. Considerando estos hallazgos, planteamos la hipótesis de que el microambiente tumoral (MT) de ratones TNFR1^{-/-} es menos permisivo para la progresión del melanoma que el MT de ratones WT. Para corroborar esto, utilizamos técnicas de qPCR, ELISA e Inmunofluorescencia. Los resultados muestran que el MT de ratones TNFR1^{-/-} expresa mayores niveles de mRNA de MCP-1, lo cual sugeriría un mayor infiltrado de macrófagos. Por otro lado, si bien los niveles de VEGF a partir de medio condicionado tumoral no fueron significativamente diferentes, observamos un marcado incremento en la microvasculatura tumoral en ratones WT vs. TNFR1^{-/-} ($p < 0,05$). Estos resultados sugieren que la ausencia de TNFR1 en el microambiente tumoral afecta la capacidad pro-angiogénica de los tumores implantados lo cual actúa en detrimento del ingreso de factores nutricionales e intercambio de gases dentro del tejido maligno, desfavoreciendo así el crecimiento tumoral. Consecuentemente, la presencia de TNFR1 en el MT cumpliría un rol importante en la progresión del melanoma indicando que estrategias para modular ese microambiente constituyen una alternativa terapéutica racional para el manejo clínico de esta enfermedad.

194 (171) TERAPIA FOTODINÁMICA INDUCIDA POR ÁCIDO5-AMINOLEVULÍNICO EN CÉLULAS DE ADENOCARCINOMA MAMARIO MURINO. EFECTO DEL SULFURO DE HIDRÓGENO

Gustavo Calvo; Gabriela Di Venosa; Pablo Vallecorsa; Leandro Mamone; Alcira Battle; Adriana Casas; Daniel Saenz
Centro de Investigaciones sobre Porfirinas y Porfirias (CIPYP), U.B.A.-CONICET

La terapia fotodinámica (TFD) es un tratamiento para inducir daño en un tejido después de la administración de un fármaco fotosensibilizante activado (FS). Luego de su irradiación con luz visible en presencia de oxígeno se generan especies citotóxicas. El ácido 5-aminolevulínico (ALA) es el precursor del FS protoporfirina IX, y la ALA-TFD es una de las técnicas de TFD más ampliamente empleadas. El sulfuro de hidrógeno (H₂S) ha sido reconocido como un gas biológicamente activo, contribuyendo a muchos procesos fisiológicos y patológicos. Junto con el óxido nítrico (NO) y el monóxido de carbono son denominados transmisores gaseosos. Estos transmisores gaseosos atraviesan libremente las membranas, se generan de forma endógena enzimáticamente y tienen funciones definidas a concentraciones fisiológicas. El objetivo de este trabajo fue estudiar el impacto de H₂S en la respuesta del ALA-TFD. Empleamos dos líneas celulares de adenocarcinoma mamario murino, LM3 y LM2. La línea LM3 produce NO mientras que la LM2 no produce NO. Ambas líneas producen H₂S endógenamente. La incubación de las células con NaHS, dador de H₂S, no es tóxico en el intervalo de concentración empleado (0,05-10 mM). Las condiciones de la ALA-TFD fueron: 3 h exposición a ALA 1 mM e iluminación con diferentes dosis de luz. La exposición de las células LM2 a concentraciones crecientes de NaHS superiores a 0,5 mM, inhibió gradualmente la muerte celular inducida por la ALA-TFD y suprimió completamente el efecto de la TFD a partir de 1 mM de NaHS. En las células LM3, la exposición previa a NaHS no modificó el resultado de la TFD. Utilizando una sonda específica, se demostró que el NaHS inhibe la producción de oxígeno singulete *in vitro* producidos después de la iluminación de un FS, sugiriendo que el H₂S podría modular la respuesta celular a la ALA-TFD mediante la inhibición de la producción de especies reactivas del oxígeno.

195 (178) CARACTERIZACIÓN DE UNA LÍNEA CELULAR DE CÁNCER DE MAMA HER2 POSITIVO RESISTENTE AL TRASTUZUMAB

Maira Pissinis; Candelaria O Farrell; María Florencia Mercogliano; Leandro Venturutti; Patricia V Elizalde; Mara De Martino; Roxana Schillaci
IBYME

El trastuzumab (T) es un anticuerpo monoclonal anti-HER2 utilizado en el tratamiento del cáncer de mama HER2 positivo.

Sin embargo, sólo 40-50% de los pacientes que reciben este tratamiento responden. Este fracaso se atribuye a diversos mecanismos de resistencia que se activan en las células tumorales. Aquí caracterizamos una línea celular de cáncer de mama HER2 positiva con resistencia adquirida *in vivo* al T. Usamos las líneas celulares BT-474.m1 (m1) (sensible al T) y BT-474.m1 HR (HR) (resistentes, aisladas en nuestro laboratorio a partir de un tumor no respondedor *in vivo*). Evaluamos la respuesta al T mediante proliferación por incorporación de timidina- H^3 . La proliferación de m1 disminuyó con concentraciones crecientes de T pero no se modificó significativamente en las HR, aún a una concentración de 200 $\mu\text{g}/\text{ml}$. También evaluamos otras terapias anti-HER2. El tratamiento con T+pertuzumab (10 $\mu\text{g}/\text{ml}$ de cada anticuerpo) inhibió la proliferación de m1 ($p < 0.001$) pero no se modificó en las HR. El lapatinib disminuyó la proliferación de ambas líneas celulares de manera similar, a concentraciones entre 0,5 y 5 $\mu\text{g}/\text{ml}$ ($p < 0.001$). Además evaluamos la citotoxicidad celular mediada por T mediante un ensayo de liberación de Cr^{51} y observamos que las m1 presentaron una citotoxicidad del 47% mientras que las HR del 18% ($p < 0,001$). Por otro lado, comparamos las vías de señalización activadas en las m1 y las HR tratadas con IgG vs T mediante Western Blot. Observamos un aumento de fosfo Src en las HR tratadas con T, con respecto a las m1. En base a estos resultados, podemos concluir que tenemos un modelo de resistencia adquirida *in vivo* al T cuyas características se asemejan a los tumores descritos en pacientes. Por lo tanto, seguiremos caracterizando esta línea celular en busca de posibles blancos terapéuticos.

196 (199) EFECTO RADIOSENSIBILIZADOR DE LA HISTAMINA EN UN MODELO DE MELANOMA HUMANO. ESTUDIOS IN VITRO E IN VIVO

Melisa B Nicoud¹; Diego J Martinel Lamas^{1,2}; Noelia Masarí²; Horacio Blanco³; Elena Rivera²; Vanina A Medina^{1,2} Instituto de Investigaciones Biomédicas (BIOMED), Facultad de Ciencias Médicas, Pontificia Universidad Católica Argentina (UCA), y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET), Buenos Aires¹ Laboratorio de Radioisótopos, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires² Hospital Municipal de Oncología "María Curie", Buenos Aires, Argentina.³

La incidencia global del melanoma continúa en aumento. Se ha reportado la expresión de los receptores a histamina (HA) RH1, RH2, RH3 y RH4 en varias líneas celulares de melanoma, a través de los cuales la HA modula la proliferación. El objetivo fue investigar el efecto combinado de la HA y la radiación ionizante (RI) *gamma* sobre la radiosensibilidad de las células de melanoma humano 1205Lu *in vitro* e *in vivo*. Para ello, las células fueron tratadas con HA (10 μM) 24 h antes de la irradiación y se evaluaron los parámetros radiobiológicos, incluyendo la fracción de supervivencia a una dosis (D) de 2 Gy (FS2Gy), obtenidos de las curvas de supervivencia ajustados al modelo lineal cuadrático [$\text{FS} = e^{-(\alpha D + \beta D^2)}$]. La apoptosis celular se determinó mediante el ensayo de TUNEL y de Anexina-V, mientras que el daño del ADN se evaluó por detección de los niveles de 8-hidroxi-2-desoxiguanosina y la histona fosforilada H2AX después de D de 2 Gy. La actividad de enzimas antioxidantes y los niveles de especies reactivas del oxígeno (ROS) se midieron por espectrofotometría y por citometría de flujo, respectivamente. Los resultados indican que la HA disminuyó la proliferación, aumentó la senescencia y la diferenciación celular e incrementó la radiosensibilidad de las células 1205Lu (FS2Gy: 0.14 \pm 0.03 vs. 0.34 \pm 0.02 en células no tratadas, $P < 0.05$; α : 1.06 \pm 0.01 vs. 0.42 \pm 0.07 en células no tratadas, $P < 0.05$), produciendo el arresto del ciclo celular en la fase G2/M, aumentando la apoptosis y modulando ROS. Además, el tratamiento *in vivo* con HA (1 mg/kg.día, s.c.) de tumores inducidos en ratones *nude* por inyección de células 1205Lu, potenció el efecto antitumoral de la RI (5 D de 2 Gy) reduciendo el tamaño, la celularidad y el índice mitótico, y aumentando el tiempo de duplicación del tumor (21.6 \pm 5.7 vs. 10.9 \pm 2.3 días en tumores no tratados, $P < 0.05$). Podemos concluir que la HA aumenta la radiosensibilidad de las células de melanoma, sugiriendo que podría optimizar la eficacia de la radioterapia. Agradecimientos: Instituto Nacional del Cáncer, CONICET, UBA.

197 (212) LOS INHIBIDORES DE HISTONAS DEACETILASAS, BUTIRATO DE SODIO Y ÁCIDO VALPROICO, AUMENTAN LA SENSIBILIDAD A LA RADIACIÓN IONIZANTE EN CÉLULAS DE CÁNCER FOLICULAR DE TIROIDES

Marina Perona¹; Lisa Thomasz^{1,2}; Luciano Rossich¹; Mario Pisarev^{1,2,3}; Guillermo Juvenal^{1,2} Departamento de Radiobiología (CAC), Comisión Nacional de Energía Atómica (CNEA)¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)² Departamento de Bioquímica Humana, Facultad de Medicina (UBA), Buenos Aires, Argentina³

Introducción: El cáncer de tiroides es una de las formas más comunes de tumores endocrinos. El tratamiento convencional consiste en tiroidectomía total y posterior administración de 131I. El uso de los HDACI podría ser de utilidad para aumentar la respuesta a la radiación externa de cánceres de tiroides recurrentes que no responden a los tratamientos terapéuticos convencionales. Objetivos: Estudiar el efecto y los mecanismos de acción de los HDACI butirato de sodio (NaB) y ácido valproico (AV) en el tratamiento del cáncer pobremente diferenciado de tiroides. Materiales y Métodos: Células de la línea de cáncer humano tiroideo folicular (WRO) fueron incubadas con NaB y AV e irradiadas con una fuente de 137Cs (1 Gy/min). Se midió la sobrevida celular (ensayo clonogénico), la muerte celular, la distribución en el ciclo celular y el daño al ADN mediante la técnica de inmunofluorescencia de la histona H2AX fosforilada a distintos tiempos post irradiación. También se estudió la capacidad de rediferenciar las células a través de la captación de 125I, el análisis de la expresión del transportador de yodo NIS y ensayo de transfección transiente. Resultados: La fracción de sobrevida a 2 Gy disminuyó de 68,8 \pm 0,8 del control a 42,7 \pm 2,7 ($p < 0,001$) y a 56,3 \pm 1,6 ($p < 0,01$) en células tratadas con NaB y AV, respectivamente. A los tiempos largos post irradiación aumentó la muerte celular en las células tratadas ($p < 0,01$), siendo la necrosis predominante. Se observó un arresto en la fase G2/M del ciclo celular en las células tratadas (6 h) que fue disminuyendo en el tiempo. El análisis del daño radioinducido al ADN mostró un mayor número de focos/célula y diámetro de los focos de daño en las células irradiadas con los HDACI ($p < 0,05$). No se observó a la dosis y tiempo utilizados un efecto rediferenciador de los compuestos. Conclusiones: El butirato de sodio y el ácido valproico, ambos HDACI, funcionarían como radiosensibilizadores en células de cáncer pobremente diferenciado de tiroides.

198 (215) FOTOSENSIBILIZACIÓN DE CÉLULAS TUMORALES EMPLEANDO NUEVOS DERIVADOS MESOSUSTITUIDOS DE PORFIRINAS

Pablo Vallecorsa¹; Darío Ferreyra²; Gabriela Di Venosa¹; Leandro Mamone¹; Gustavo Calvo¹; Daniel Sáenz¹; Alcira Battle¹; Edgardo Duranti²; Adriana Casas¹ CIPYP¹ FCEFQYN²

La Terapia Fotodinámica (TFD) involucra la administración de un fotosensibilizante (FS) y la subsiguiente irradiación con luz visible, la cual promueve la generación de especies altamente reactivas del oxígeno, que atacan distintas biomoléculas produciendo la muerte celular. En el presente trabajo, se testearon 4 nuevos derivados de porfirinas meso-sustituidas como potenciales FS en la línea tumoral LM3 de adenocarcinoma mamario murino. Se usaron la 5,10,15,20-tetrakis[4-(3-N,N-dimetilaminopropoxi)fenil] porfirina (TAPP), la 5,15-di(4-[3-N,N-dimetilaminopropoxi] fenil)-10,20-di(4-trifluorometilfenil) porfirina (A2B2), la 5,10,15,20-tetrakis[3-(N-etil-N-metilcarbazoil)] clorina (TEMCC) y su porfirina análoga TEMCP. Los FS mostraron la típica banda de Soret a ~420 nm y las cuatro bandas Q entre 515 y 650 nm. Estos FS producen oxígeno singulete con rendimientos cuánticos de 0,40-0,53. A partir de la toxicidad celular en oscuridad se determinaron las concentraciones máximas de trabajo: 2,5 mM para TAPP y A2B2; y 5 mM para TEMCC y TEMCP (3 h incubación). Para testear su eficacia como FS, las células LM3 se expusieron a los FS a las concentraciones mencionadas, durante 3 h y luego se irradiaron con un banco de tubos fluorescentes (potencia: 0,5 mW/cm²). Las

dosis lumínicas letales 50, definidas como las dosis de luz que inducen el 50% de muerte celular (DL50) fueron: TAPP: 135 mJ/cm², TEMCC: 360 mJ/cm², TEMCP: 420 mJ/cm², A2B2: 600 mJ/cm², demostrando que TAPP es el derivado más fotoactivo. Por ello, se escogió esta porfirina para continuar su caracterización. Estudios de incorporación sugieren que TAPP es principalmente transportado por difusión pasiva. La colocalización de TAPP con sondas fluorescentes específicas para organelas sugieren que TAPP se localiza principalmente en mitocondria. La administración i.p. de TAPP en ratones portadores de tumor LM3 inyectado s.c. indican que existe localización de la porfirina en el tumor.

199 (217) CÉLULAS ESTROMALES MESENQUIMALES DE MÉDULA ÓSEA DE PACIENTES CON CÁNCER DE MAMA PROVEEN UN NICHOS PRE-METASTÁTICO QUE PROMUEVE LA EXPANSIÓN DE CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS CON CARACTERÍSTICAS MOLECULARES DE CÉLULAS MADRE

María Paula Marks²; Leandro Marcelo Martínez²; Vivian Lavovsky³; Sabrina Fletcher⁴; Choi Hosoon⁵; Calvo Juan Carlos^{2,4}; Norma Alejandra Chasseing^{2,3}; Luciano Vellón² Laboratorio de Células Madre, IBYME² Laboratorio de Inmunohematología, IBYME³ Laboratorio de Química de Proteoglicanos y Matriz Extracelular, IBYME⁴ Texas A&M Health Science Center, College of Medicine⁵

La adquisición y pérdida del estado de célula madre tumoral (CMT) podría estar regulado por señales del microambiente tumoral, induciendo o inhibiendo la reprogramación de células tumorales con fenotipos preexistentes más susceptibles de adquirir características de CMT. La médula ósea de pacientes con cáncer de mama (PCMa) en estadios avanzados está enriquecida en factores solubles y componentes de matriz extracelular que facilitan el establecimiento y crecimiento de células tumorales, constituyendo un nicho pre-metastático. Para determinar si dicho microambiente promueve la expansión de células con características CMT, se evaluó el efecto de medios condicionados (MC) de células estromales mesenquimales de médula ósea de PCMa en estadio IIIB y de donantes sanas sobre la frecuencia de células madre en células MCF-7 infectadas con un vector lentiviral bicistrónico que co-expresa el factor de pluripotencia Sox2 y una proteína fluorescente (MCF-7/Sox2). La frecuencia de células madre se determinó por el ensayo de formación de mamoesferas por dilución límite y el análisis estadístico se realizó con la herramienta online disponible en el Walter and Eliza Hall Institute of Medical Research Bioinformatics Division. (<http://bioinf.wehi.edu.au/software/elda>). Sox2 aumentó la frecuencia de unidades formadoras de mamoesferas en células MCF-7/Sox2 (1/5,4; intervalo de confianza IC=95% 1/2,1-1/13,5), respecto de la línea parental MCF-7 (1/54,3; IC=95% 1/40-1/88,4). Interesantemente, se observó por ELISA un aumento significativo de los niveles de CCL2, quimocina relacionada con la expansión de CMTs, en los MC de PCMa respecto de las donantes sanas (1302, 2±762,1 pg/ml vs. 182,3±71,8 pg/ml; p<0,05; normalizado por 5x10E5 células). Los MC de PCMa utilizados en cultivo al 20% aumentaron la frecuencia de mamoesferas (p<0,05) en células MCF-7/Sox2, indicando que un nicho pre-metastático promueve la expansión remota de células tumorales de mama con características CMT a priori.

200 (219) ESTUDIO DE LA PARTICIPACIÓN DE LA SENESCENCIA CELULAR INDUCIDA POR EL BLOQUEO DE STAT3 EN UNA INMUNOTERAPIA CONTRA EL CÁNCER DE MAMA

Mara De Martino; María Florencia Mercogliano; Leandro Venturutti; Mercedes Tkach; Patricia Virginia Elizalde; Roxana Schillaci
IBYME

Previamente demostramos que la inmunización con células de cáncer de mama (CM) con Stat3 bloqueado induce una respuesta antitumoral dependiente de linfocitos T CD4+ y células natural killer (NK). Asimismo, comprobamos que el bloqueo de Stat3

genera senescencia celular por inactivación de oncogen e induce un secretoma asociado a senescencia (SAS). Aquí investigamos el mecanismo de senescencia inducido por el bloqueo de Stat3 y utilizamos los sobrenadantes (SN) de células con Stat3 bloqueado para promover una respuesta inmune antitumoral. Para ello, utilizamos líneas celulares de CM ErbB2 positivo y triple negativo, de cáncer de colon y melanoma. Observamos que el bloqueo de Stat3 está asociado con un aumento en la expresión de los marcadores de senescencia p16INK4a o p21Cip1, disminución de Rb (por Western blot), incremento de la actividad de β-galactosidasa ácida y formación de heterocromatina (inmunofluorescencia de trimetilación de lisina 9 de la histona 3). La senescencia se revertió silenciando p16INK4a o p21Cip1, según corresponda. Luego realizamos un ensayo preclínico utilizando el modelo murino de CM ErbB2 positivo C4HD. Inmunizamos 3 veces ratones con pellets preparados a partir del SN de células C4HD transfectadas con ARNi contra Stat3 (senescentes), Stat3 y p16INK4a (no senescentes) o un ARNi Control junto con células C4HD irradiadas, y luego desafiamos con el tumor C4HD. La inmunización con SN de células con ARNi contra Stat3 o Stat3 y p16INK4a disminuyó el crecimiento tumoral un 84% y 74% vs. ARNi Control, respectivamente (P<0.01). En aquellos dos grupos se observó un incremento de citotoxicidad de células NK y de linfocitos T CD4+ de memoria vs. control, (P<0,05 y P<0,05, respectivamente). Estos resultados sugieren que la inhibición de Stat3 induce un programa de senescencia en diversos tipos de tumores. El secretoma de células de CM con Stat3 bloqueado actúa como adyuvante antitumoral efectivo independientemente del SAS.

201 (236) INTERACCIÓN ENTRE KLF4 Y LA VÍA DE SEÑALIZACIÓN CELULAR DE TGFβ EN LÍNEAS CELULARES DE CÁNCER DE CABEZA Y CUELLO

María Eugenia Cozzarin; Micaela Stedile; Natalia Rubinstein; Omar A. Coso; Ana R. Raimondi
Instituto de Fisiología, Biología Molecular y Neurociencias, IFIBYNE, UBA-CONICET, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales.

El cáncer de cabeza y cuello (CCC) es el sexto cáncer más frecuente a nivel mundial y su tasa de supervivencia luego del diagnóstico es menor al 50%. El factor de transcripción Klf4 participa en el control de la proliferación y diferenciación celular, está ausente en neoplasias de la mucosa gastrointestinal en contraposición a cáncer de mama donde actuaría como un oncogén. La vía de señalización celular de TGFβ mantiene la homeostasia tisular regulando la proliferación y diferenciación celular. KLF4 puede actuar como un activador transcripcional de diversos genes ante el estímulo de TGFβ. Previamente hemos descrito en líneas celulares de CCC la expresión proteica de KLF4. Objetivo: estudiar una posible interacción entre KLF4 y la vía de TGFβ analizando la respuesta de células de CCC al estímulo con TGFβ1 y los niveles de expresión de KLF4 ante el mismo tratamiento. Se determinó la proliferación celular por recuento celular luego del tratamiento con TGFβ1 (2ng/ml) por 2, 4, 24 y 48 hs. Las células HN12 disminuyeron su proliferación celular luego del tratamiento con TGFβ1 por 48hs (p<0.05) no así las células HN30. Se comparó el efecto del tratamiento con TGFβ1 sobre las células HN12 y 30 encontrando que las HN12 presentaban una tasa de proliferación significativamente mayor que las 30 (t-test p<0.05). Determinamos la expresión de KLF4 en 3 líneas celulares de CCC por qRT-PCR y se normalizo a GAPDH. Los niveles de KLF4 comparados con queratinocitos normales (HaCaT) fue menor para dos de las tres líneas celulares analizadas (HN13 y 30). Las células HN12 presentaron valores 4 veces mayores a los de las células HaCaT. El efecto del tratamiento con TGFβ1 sobre los niveles de expresión de KLF4 en las células HN30 y 12 demostró una tendencia al aumento de su expresión en las células HN30 luego de 48hs de tratamiento. Al silenciar Klf4 en las células 12 y 30 ambas líneas disminuyeron la proliferación celular pero solo las HN12 silenciadas recuperaron los niveles de proliferación luego del tratamiento con TGFβ1. Las líneas celulares HN12 y 30 difirieron en los niveles de expresión de KLF4, las células HN12 respondieron al efecto inhibitorio de TGFβ1 y aumentaron la proliferación celular luego del silenciamiento de Klf4. La línea celular HN12 presentó una modulación de la expresión de KLF4 ante el tratamiento con TGFβ1.

203 (265) GALECTINA-1 MODULA LA EXPRESIÓN DE INTEGRINA β 1 Y CONTRIBUYE A LA RESISTENCIA A LA APOPTOSIS INDUCIDA POR DROGAS EN CÉLULAS DE CARCINOMA HEPATOCELULAR (CHC)

Pablo Carabias¹; María Lorena Bacigalupo¹; Malena Manzi¹; Silvina Otero¹; María Teresa Elola¹; Carlota Wolfenstein De Todel¹; Gabriel Adrian Rabinovich²; María Victoria Espelt¹; María Fernanda Troncoso¹
 IQUIFIB (UBA-CONICET), Dpto. Química biológica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ IByME-CONICET²

Galectina-1 (Gal1), proteína que une β -galactósidos, está aumentada en el CHC y se relaciona a una mayor agresividad. El factor de crecimiento transformante β 1 (TGF β 1) induce la transición epitelio-mesénquima (TEM), clave en el desarrollo de metástasis. Además, promueve la capacidad invasiva de células de CHC induciendo la expresión de integrina β 1, un receptor de adhesión celular que protege a las células tumorales de la apoptosis inducida por quimioterapia. Previamente mostramos que TGF β 1 aumenta la expresión de Gal1 en células de CHC y que Gal1 favorece la adhesión mediante integrinas α 1, α 2, α 3, α V y β 1. También, que en células de CHC que sobreexpresan Gal-1 (HepG2Gal1) se induce TEM y una mayor expresión de MDR1/glicoproteína P, involucrada en el efujo de drogas. El objetivo fue determinar si la expresión de Gal1 en células de CHC modula los niveles de integrina β 1 y afecta la resistencia a drogas. Mediante Western blot observamos un incremento de integrina β 1 en células HepG2Gal1 (145,5 \pm 12,4% 24h; 127,0 \pm 9,4% 48h) vs controles (100%). TGF β 1 (5ng/ml 24h) también aumentó los niveles de integrina β 1 (142,5 \pm 5,9% vs 100% control). Las células HepG2Gal1 presentaron mayor viabilidad (MTT) respecto a los controles al ser incubadas con las drogas quimioterapéuticas camptotecina (CPT, 1 μ M, 58,5% vs 49,9% 24h; 46,7% vs 39,5% 48h) y doxorubicina (DOX, 5 μ M 68,9% vs 57,4% 24h; 36,9% vs 31,8% 48h). La resistencia a la muerte se confirmó mediante tinción con Hoechst y evaluando la morfología nuclear por microscopía. Se obtuvo un menor porcentaje de núcleos apoptóticos en células HepG2Gal1 respecto a los controles al ser incubadas con CPT (1 μ M, 5,1 \pm 1,8% vs 14,7 \pm 5,3% 24h; 17,4 \pm 7,1% vs 53,2 \pm 21,9% 48h) y DOX (5 μ M, 10,1 \pm 1,7% vs 13,9 \pm 1,5% 24 h; 28,5 \pm 5,6% vs 45,1 \pm 5,4% 48h). La sobreexpresión de Gal1 en células HepG2 aumentó el nivel de integrina β 1 y redujo la apoptosis inducida por CPT y DOX, lo que sugiere su contribución a la invasión y quimiorresistencia de células de CHC.

205 (279) ACCIÓN ANTITUMORAL IN VITRO E IN VIVO DE UN NUEVO DERIVADO SINTÉTICO DE PENICILINA

Viviana Blank¹; Yanina Bellizzi¹; Patricia Cornier²; Carina Delpiccolo²; Dora Boggian²; Ernesto Mata²; Leonor Roguin¹
 IQUIFIB. Facultad de Farmacia y Bioquímica. UBA.¹ IQUIR. Facultad de Ciencias Bioquímicas y Farmacéuticas, Universidad Nacional de Rosario²

Las triazolil aminoacil penicilinas (TAP) son nuevos compuestos híbridos formados por una porción penicilánica unida a una porción peptídica a través de un grupo triazol. En particular, el derivado que contiene el dipéptido fenilalanina-leucina (TAP6) presenta una acción antiproliferativa 30 veces más potente en una línea de melanoma murino B16F0 (IC₅₀ 3 \pm 1 μ M) que en células no neoplásicas derivadas de epitelio mamario murino. Con el propósito de explorar el mecanismo de acción antitumoral de este derivado en células B16F0, evaluamos su efecto sobre el ciclo celular y su capacidad de inducir apoptosis. Además, investigamos si el compuesto afecta la migración celular y exploramos su acción *in vivo* en un modelo murino de melanoma. Por ensayos de citometría de flujo demostramos que TAP6 induce arresto celular en la fase S luego de 18 h (control 32 \pm 5%, TAP6 48 \pm 4%, p<0,001). También se observó un aumento del porcentaje de células hipodiploides en función del tiempo de incubación (14 \pm 6%, 42 \pm 3%, 60 \pm 8% y 88 \pm 4%, luego de 6h, 18h, 24h y 48h, respectivamente), un incremento del porcentaje de células apoptóticas tempranas (10 \pm 3%) y tardías (45 \pm 4%) y un aumento en la actividad de caspasa 3 luego de 18h. Además, se detectaron células apoptóticas por tinción con naranja de acridina y bromuro de etidio. Mediante el ensayo de la herida, demostramos que TAP6 inhibe la migra-

ción de células B16F0 (43 \pm 6 vs 68 \pm 6% control p< 0,001). Con el fin de evaluar su acción *in vivo*, se inocularon ratones C57BL/6 con células B16F0. A partir del día 10, se administraron 5 dosis de 20 mg/kg de TAP6 durante 15 días. Al finalizar el tratamiento, se observó una disminución del 52% (p<0.01) del volumen tumoral. En conclusión, los resultados obtenidos sugieren que TAP6 es un agente selectivo que induce arresto del ciclo celular y apoptosis, e inhibe la migración de células B16F0. Asimismo, la eficacia antitumoral de TAP6 fue demostrada en un modelo murino de melanoma.

206 (316) HEMO OXIGENASA-1 ENDOTELIAL REGULA LA INTERACCIÓN DEL COMPARTIMENTO VASCULAR CON CÉLULAS TUMORALES DE PRÓSTATA

Felipe Martin Jaworski; Geraldine Gueron; Daniel Georges Compagno; Diego Jose Laderach; Elba Susana Vazquez
 Departamento de Química Biológica, FCEYN, UBA / IQUIBICEN - CONICET

La inflamación es un factor de riesgo en cáncer de próstata (CaP), la afección neoplásica más frecuente y una de las más letales en hombres. Nuestros trabajos previos demostraron que Hemo Oxigenasa-1 (HO-1) emerge como un mecanismo homeostático en la célula tumoral ante procesos inflamatorios. En este trabajo analizamos el rol que HO-1 juega en células del estroma tumoral. El pre-acondicionamiento del estroma por tratamiento s.c. con hemina en animales C57BL/6 produce un aumento significativo en el tiempo de latencia tumoral (P<0,01) y disminución de la tasa inicial de crecimiento tumoral (P<0,05). Para estudiar el rol de HO-1 en el compartimento vascular, se indujo HO-1 farmacológica y genéticamente en células endoteliales de cordón umbilical (HUVECs), por tratamiento con hemina y por infección con adenovirus conteniendo la secuencia codificante de HO-1, respectivamente. Mediante ensayos *in vitro* de formación de tubulos demostramos que dicho proceso está impedido al inducir HO-1 en HUVECs sólo en presencia de medio condicionado de células de CaP TRAMP-C1 (TC1) (P<0,01). Esto sugiere que HO-1 endotelial es capaz de atenuar la neovascularización en un microambiente tumoral. Una monocapa de HUVECs con sobreexpresión de HO-1 resultó menos permisiva a la unión de células TC1 (P<0,01), demostrando que HO-1 modula la interacción entre ambos tipos celulares. Para determinar si HO-1 endotelial afecta propiedades de la célula tumoral, efectuamos ensayos con medios condicionados (MC) de células HUVECs con expresión diferencial de HO-1. La adhesión de TC1 al endotelio no mostró diferencias significativas por pre-tratamiento con MC (P>0,05). En cambio, la presencia de MC de HUVECs con inducción de HO-1 disminuyó la migración (ensayo de cierre de herida; P<0,001) e invasión (usando cámaras de Matrigel; P<0,05) de células tumorales. En su conjunto, estos resultados sugieren que HO-1 endotelial juega un papel preponderante en la interacción con el compartimento tumoral.

207 (318) RELEVANCIA DE LA INHIBICIÓN DE QUINASAS DEPENDIENTES DE CICLINAS EN LA PROLIFERACIÓN DE CÉLULAS MADRE DERIVADAS DE GLIOMAS DE ALTO GRADO

Guillermo Agustín Videla Richardson; Carolina Paola Garcia; Olivia Morris Hanon; Verónica Alejandra Furmento; Damián Darío Fernandez Espinosa; Horacio Martinetto; María Élica Scassa; Gustavo Emilio Sevlever
 Laboratorio de Investigación Aplicada a Neurociencias (LIAN). FLENI

Los gliomas de alto grado exhiben una organización jerárquica y se ha postulado que su generación ocurre a partir de células madre tumorales (CMT), las cuales corresponderían a una subpoblación minoritaria capaz de generar y propagar tumores al ser inyectadas en ratones inmunodeficientes. Las CMT se definen por su tumorigenicidad, su capacidad de autorrenovación y su potencial de diferenciación. La obtención de CMT derivadas de pacientes resulta de gran utilidad para comprender la biología de los gliomas y ofrece la posibilidad de realizar investigaciones

traslacionales que contribuyan al desarrollo de terapias personalizadas. Los gliomas exhiben alteraciones genéticas que incluyen la amplificación de los genes que codifican a las quinasas dependientes de ciclinas (CDKs) CDK4 y CDK6. En los últimos años se han reportado resultados muy alentadores en ensayos clínicos de distintos tipos de cáncer basados en el uso de Palbociclib, un inhibidor específico de CDK4/6. El objetivo de este trabajo consiste en evaluar el rol de distintas CDKs en líneas de CMT, las cuales han sido establecidas y caracterizadas en nuestro laboratorio. Para este fin, se inhibió farmacológicamente a CDK4 y CDK6 mediante el uso de Palbociclib y a CDK2 mediante el uso de Roscovitina. Mediante ensayos de incorporación de BrdU, determinamos que la inhibición de CDK4/6 produjo una considerable inhibición de la proliferación celular, mientras que la de CDK2 sólo redujo parcialmente la capacidad proliferativa de estas células. Además, luego del tratamiento prolongado con Palbociclib se observó la aparición de un fenotipo senescente dada la elevada actividad β -galactosidasa. Notablemente, en ciertas líneas celulares la inhibición sostenida de CDKs conllevó cambios fenotípicos compatibles con la diferenciación celular. Estos resultados sugieren que la inhibición de CDK4/6 en gliomas de alto grado podría ser un posible blanco terapéutico destinado a reducir la proliferación de estos tumores cerebrales.

208 (319) LA ASOCIACIÓN ENTRE HEMO OXIGENASA 1 Y PROTEÍNAS REGULADORAS DEL CITOESQUELETO INDUCE UN CAMBIO MORFOLÓGICO EN CÉLULAS DE CÁNCER DE PRÓSTATA

Alejandra Paez¹; Carla Pallavicini²; Giudice Jimena³; Emiliano Ortiz¹; Federico Schuster¹; Nicolas Anselmino¹; Luciana Bruno²; Valeria Levi²; Elba Vazquez¹; Geraldine Gueron¹
Departamento de química biológica, FCEyN-UBA/ IQUI-BICEN-CONICET¹ Departamento de física, FCEyN-UBA/ CONICET² Department of Pathology and Immunology, Baylor College of Medicine, USA³

La motilidad celular involucra variaciones en el citoesqueleto. Los rearrreglos de actina en la periferia de una célula permiten su motilidad y la pérdida del contacto célula-célula aumenta su capacidad migratoria. Hemo oxigenasa 1 (HO-1), involucrada en la degradación del hemo, tiene un rol crítico en cáncer de próstata (PCa) disminuyendo la migración e invasión y aumentando la adhesión. En este trabajo se analizó la dinámica del citoesqueleto en la periferia celular. Para cuantificar los contactos celulares, dos líneas celulares de PCa fueron tratadas con hemina y teñidas con faloidina-rodamina. Se analizaron regiones en las cuales se observaba contacto de filopodios entre células vecinas a distancias celulares constantes. Se determinó un perfil de intensidades en estas regiones, con un algoritmo diseñado para contar contactos. Los microtúbulos se analizaron en células PC3 por microscopía confocal y microscopía de reconstrucción óptica estocástica (STORM). Aunque no varió la longitud de persistencia de los microtúbulos de células que sobre-expresan HO-1, se observaron variaciones significativas en el número de filopodios y contactos celulares. Para identificar proteínas asociadas a HO-1 e involucradas en la regulación del citoesqueleto, se inmunoprecipitaron lisados de células PC3 que expresaban FLAGHO-1. El producto se sometió a LC/ESI-MSMS y el análisis por ontología génica mostró un enriquecimiento de proteínas asociadas a la organización del citoesqueleto. Entre las proteínas identificadas se encontraron, Gelsolina y Tropomodulina, involucradas en la regulación de las fibras de estrés. El análisis de genes modulados por HO-1 (RT-qPCR Oligo GEArray) reveló que HO-1 regula genes como Actina alfa-3 y MMP14, relacionados con la motilidad celular. Estos resultados muestran que HO-1 induce la remodelación de los filamentos de actina, alterando la morfología celular en PCa.

209 (321) ESTUDIO DE LA EXPRESIÓN DE LA PROTEÍNA BAALC EN LEUCEMIAS AGUDAS

María Mercedes Abbate; Daiana Beatriz Leonardi; Geraldine Gueron; Elba Vazquez; Javier Cotignola
Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA/IQUI-BICEN, CONICET

Las leucemias agudas (LA) se caracterizan por una alta frecuencia de alteraciones cromosómicas. Sin embargo, un gran número de pacientes presenta un cariotipo normal o rearrreglos poco frecuentes, y la biología de estos tumores en su mayoría es desconocida. Dentro de este subgrupo, 28% de los pacientes con Leucemia Mieloide Aguda (LMA) y 65% con Leucemia Linfoblástica Aguda (LLA) sobre-expresan el gen BAALC (brain and acute leukemia, cytoplasmic). En LMA la sobre expresión de este gen es considerada un marcador de mal pronóstico ya que se asocia con una menor sobrevida global. Sin embargo, la función de BAALC en el desarrollo hematopoyético y su participación en las leucemias todavía no está dilucidada. El objetivo de este trabajo es estudiar la expresión de BAALC en muestras de pacientes con LA provenientes de bases de datos públicas de microarrays de expresión (GSE48558, GSE9476 y GSE12417) utilizando el programa estadístico GEO2R del NCBI basado en Bioconductor; y estudiar la función de BAALC en las líneas celulares: HL-60 (LMA promielocítica), Jurkat (LLA-T), KG-1 (LMA promieloblástica) y U-937 (derivadas de linfoma). Observamos un aumento en los niveles de BAALC de 4,45 veces en pacientes con LLA con respecto a células hematopoyéticas normales ($p=3,14 \times 10^{-6}$), y de 1,27 veces en LMA ($p=ns$). Además, en LMA se vio que los pacientes con una sobrevida global menor a 1 año tienen un aumento de 1,22 veces de la expresión de BAALC ($p<0.05$). Con el objetivo de caracterizar las líneas celulares, se analizó la expresión de las distintas variantes de splicing del gen por RT-qPCR y se confirmó su identidad mediante secuenciación directa. La variante que incluye los exones 1-8 se expresa en la línea KG-1a y la variante 1-2-6-8 en HL-60 y U-937. También se analizó la expresión de las variantes 1-6-8 y 1-5-6-8. En resumen, utilizando datos de microarrays de expresión corroboramos que la expresión de BAALC es un marcador de mal pronóstico en LA.

210 (323) CÉLULAS DE CÁNCER DE MAMA HUMANO BASALES EXPRESAN Y SECRETAN RSP03

Carla M Felcher¹; Johanna M Tocci¹; Martin Abba³; A Gabriela Acosta²; M Victoria Goddio¹; Olga A Castro²; Edith C Kordon¹
IFIBYNE - UBA - CONICET¹ IQUIBICEN - UBA - CONICET² UNLP - CONICET³

R-spondin 3 (Rspo3) es parte de una familia de proteínas secretoras involucradas en desarrollo embrionario, diferenciación celular y enfermedades humanas. Previamente, hallamos que Rspo3 está frecuentemente sobre-expresado en tumores mamarios murinos inducidos por el virus MMTV y detectamos su presencia en líneas celulares tumorales de ratón que no expresan receptores de estrógenos ni progesterona (ER-PR-). Su silenciamiento en las mismas redujo su capacidad migratoria y tumorigénica in vivo, y su agregado al medio de cultivo de células no tumorales indujo la transición epitelio-mesenquimal de éstas. Por lo tanto, postulamos que Rspo3 es un potente oncogén en células mamarias murinas. El objetivo de este trabajo fue analizar la expresión y secreción de Rspo3 en líneas tumorales mamarias humanas. Por análisis de Western Blot (WB), detectamos que las líneas basales (ER-PR-) MDA-MB 231 y Hs578T expresan mayores niveles de Rspo3 en comparación con las células ER+PR+, MCF7 y T47D. Resultados similares fueron obtenidos por análisis de bases de datos a nivel de mRNA. Por otro lado, mediante las técnicas de inmunofluorescencia e inmunohistoquímica en MDA-MB 231, detectamos la presencia de Rspo3 en el citoplasma y en el medio extracelular. Dado que Rspo3 posee regiones de alta afinidad por glicosaminoglicanos de la membrana y/o matriz extracelular, analizamos la presencia de esta proteína en medios condicionados de células MDA-MB 231 en cultivo, tratadas o no con heparina para verificar tal asociación. Los datos obtenidos por WB confirman el enriquecimiento del medio de cultivo luego del mencionado tratamiento. Además, determinamos por estudios bio-informáticos y tratamiento con la enzima PNGasa, que el Rspo3 secretado estaría glicosilado. Estos resultados indican que las células mamarias humanas expresan niveles detectables de Rspo3 glicosilado, el cual permanecería asociado al microambiente tumoral ejerciendo, posiblemente, un efecto autocrino sobre las mismas.

211 (326) RELEVANCIA CLÍNICA DEL INTERACTOMA DE HEMO-OXIGENASA 1 (HMOX1) EN EL CÁNCER DE PRÓSTATA

Emiliano Germán Ortiz; Alejandra Páez; Federico Schuster; Nicolás Anselmino; Sofía Lage Vickers; Javier Cotignola; Elba Vazquez; Geraldine Gueron
Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA/IQUIBICEN-CONICET

El desafío actual en la lucha contra el cáncer de próstata (PCa) es la incapacidad de distinguir la enfermedad agresiva de la indolente. Considerando la heterogeneidad del PCa, un único biomarcador no es suficiente para predecir el destino de la enfermedad. Las plataformas proteómicas de alto rendimiento se usan con el objetivo de identificar y cuantificar biomarcadores específicos y sensibles para la detección, y estratificación del PCa. Para identificar las proteínas que interactúan con HO-1, se construyeron proteínas recombinantes HO-1FLAG y FLAGHO-1. Con estas construcciones, transfectamos la línea celular PC3 y se utilizaron beads magnéticas anti-FLAG para capturar las proteínas de fusión mediante inmunoprecipitación. Luego se procedió al estudio por MALDI-TOF/TOF y posterior análisis bioinformático de los genes asociadas a HO-1, utilizando las bases de datos OncoPrint y cBioPortal. Estas herramientas nos permitieron a través de análisis pre computarizados, identificar si estos genes tienen una alta significancia estadística para sobre expresión o sub expresión comparando la próstata normal vs. adenocarcinoma de próstata y también a través de los diferentes grados de Gleason. A cada gen se le asignó un "gene Rank" (un valor para su expresión dentro de dicho array) y se estableció un "median rank", que es la mediana de dicho ranking génico para el gen de interés comparando los distintos microarrays. Además, se analizó la expresión proteica de dichos genes, en tejido a través de la plataforma Human Protein Atlas. El análisis reveló que entre los genes interactores de HO-1, MMP9 y ZNF589 están sobre expresados en adenocarcinoma de próstata vs. Próstata normal y que ANXA2 y AHSG están sub-expresados. Tanto los genes sobre o sub expresados están en el 10% o menos, de los genes más alterados en los tumores próstáticos, reflejando su relevancia como potenciales blancos terapéuticos en la carcinogénesis de próstata.

517 (3) TERAPIA GÉNICA EN MELANOMA: 2D, 3D E IN VIVO

Chiara Fondello; Gerardo C. Glikin; Liliana M. E. Finochiaro
Instituto de Oncología Angel H Roffo

El melanoma maligno es un tumor altamente agresivo y heterogéneo, debido principalmente a su plasticidad fenotípica. Buscando reflejar la heterogeneidad observada en pacientes de melanoma, trabajamos con líneas celulares humanas (Mh1, Mh2 y Mh4) y caninas (Ak, Ov, Bk, Rk, Br y Ll) establecidas en el laboratorio, a partir de cultivos primarios de tumores de pacientes del Instituto "Angel H. Roffo" y pacientes veterinarios caninos. En todas las líneas, evaluamos los efectos de la terapia génica mediante la lipofección del sistema de gen suicida de la timidina quinasa del virus herpes simplex (HSVtk/GCV) (GS) o del gen Interferón beta (IFN- β), y de su combinación con bleomicina (BLM) en Mh1, Mh2, Ak y Ov. Obtuvimos una citotoxicidad diferencial entre las líneas: sensibles al IFN- β (Mh2, Mh4, Ll), al GS (Mh1, Ov, Bk), y a ambos tratamientos génicos (Ak, Rk, Br). La BLM potenció el efecto citotóxico de la lipofección con el gen del IFN- β , en monocapas de todas las líneas evaluadas, y en esferoides de Mh1. Esto no ocurrió con el GS. En todas las líneas caninas, encontramos una alta correlación (R2: 0,84, p: 0,0073) en la respuesta al GS de los tumores in vivo y los correspondientes esferoides. El ajuste fue menor cuando las mismas células fueron cultivadas como monocapas subconfluentes (R2: 0,49). También encontramos una correlación significativa (p) entre el índice de proliferación (IP) (células en s+G2/M+hiperdiploide), y la respuesta a los tratamientos genéticos y siendo ésta mayor en esferoides (p: 0,0046) que en monocapas (p: 0,0257). Esto no ocurrió cuando los tratamientos genéticos se combinaron con BLM. Conclusiones: La citotoxicidad diferencial en las líneas evaluadas, refleja su heterogeneidad. El esferoide correlaciona significativamente

con los resultados in vivo, siendo un mejor modelo para predecir la respuesta clínica de los tumores. La sensibilidad a los tratamientos génicos se correlaciona con el porcentaje de células proliferantes.

NEUROCIENCIAS 3

212 (38) VARIACIONES DE LA RELACIÓN ENTRE LA SUPERFICIE DEL LÓBULO PREFRONTAL Y LA SUPERFICIE DEL CUERPO CALLOSO EN IMÁGENES PARASAGITALES DE RESONANCIA MAGNÉTICA DE AMBOS SEXOS CON EL AVANCE DE LA EDAD

Alicia Beatriz Merlo; Alfonso Albanese; Jorge Miño; Elena Gómez; Eduardo Albanese
Univ. del Salvador Fac. de Medicina

En reuniones de SAIC mostramos en imágenes parasagitales de resonancia magnética (IPRM) que con el avance de la edad se reduce la superficie del lóbulo prefrontal (SLPF); la superficie del cuerpo calloso (SCC) también se reduce (Merlo et al Rev Chil Anat 2002, 20:131-138). OBJETIVO Cuantificar en ambos sexos en IPRM la variación de la relación SLPF/SCC con el avance de la edad. MATERIALES Y METODOS En IPRM equidistantes 4 mm del plano sagital medio de 64 sujetos femeninos y 65 masculinos sin diagnóstico de enfermedad mental ni neurológica, se midieron con el programa Scion Image for Windows la SCC y, en la misma imagen, la SLPF comprendida entre el borde anterior del cerebro y la perpendicular a la línea que pasa por los puntos más distantes del borde ventral del cuerpo calloso en su intersección con el borde dorsal del genu. Para cada caso y hemisferio se calculó la relación SLPF/SCC. Las relaciones se agruparon por sexo, rangos de edad (21-40; 41-60 y 61-84 años) y hemisferio y se calcularon las medias +/- ES. Para el estudio estadístico se usó ANOVA. Se determinó para cada sexo el coeficiente de correlación de Pearson (r) entre edad (21-84 años) y valores de SLPF/SCC de cada hemisferio. RESULTADOS Las relaciones SLPF/SCC (media +/- ES) derecha e izquierda en el grupo femenino y masculino son significativamente menores (p<0.01 ANOVA) al incrementarse los rangos de edad. Las r de Pearson (p<0.01) entre edad (21-84 años) y SLPF/SCC derecha e izquierda son en el grupo femenino -0.65 y -0.62 y el masculino -0.61 y -0.60, indicando correlación inversa entre las variables. CONCLUSION La significativa disminución con el incremento de la edad en ambos sexos de la relación entre la superficie correspondiente al lóbulo prefrontal (medida entre reparos anatómicos confiables) y la superficie del cuerpo calloso en la misma imagen de cada hemisferio es indicativa de que la superficie del lóbulo prefrontal es la que sufre mayor deterioro relativo.

213 (46) EVALUACIÓN DEL EFECTO FOTOTÓXICO INDUCIDO POR LUZ AZUL EN CÉLULAS HUMANAS DEL EPITELIO PIGMENTARIO DE LA RETINA

Agustina Alaimo¹; Roxana Mayra Gorjod¹; Soledad Porte Alcon¹; Jimena Hebe Martínez²; Mónica Lidia Kotler¹
Laboratorio de Apoptosis en el Sistema Nervioso y Nano-Oncología. Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires. IQUIBICEN-CONICET¹ Departamento de Química Biológica. FCEN-UBA. IQUIBICEN-CONICET²

La degeneración macular asociada con la edad es la principal causa de ceguera en personas de +60 años. Su etiología es multifactorial, interviniendo tanto factores genéticos como ambientales. Entre los últimos, se halla la exposición prolongada a la alta energía de la luz azul, un componente de la luz solar y de fuentes de nuestro entorno (ej. dispositivos electrónicos). En la DMAE seca, se observan áreas del ojo con pérdida del epitelio pigmentario de la retina (EPR) y deterioro de los fotorreceptores. Si bien esto último causa la pérdida de la visión, la patogénesis inicial involucra la degeneración del EPR. Objetivo: estudiar la fototoxicidad de la luz azul en la retina in vitro. Resultados: Células humanas del EPR (ARPE-19) se iluminaron con una fuente de diodos emisores de luz (LED) azul ($\lambda=450\text{nm}$; $1,5\text{mW}/\text{cm}^2$)

durante períodos de tiempo cortos. La citotoxicidad se evaluó por ensayo de MTT, obteniéndose los siguientes valores de viabilidad celular: $98\pm 4\%$ (30 seg), $86\pm 1\%$ (60 seg) ($p < 0.01$) y $94\pm 1\%$ (5 min) vs control sin irradiar. Empleando Lysotracker Red (LR) (100nM), se detectó un aumento en la densidad y tamaño de las vacuolas ácidas en las células iluminadas. Además, se observaron eventos indicativos de daño en la membrana lisosomal (marca difusa del LR). Las mitocondrias se visualizaron mediante tinción con Mitotracker Red (150nM). Las imágenes confocales reconstruidas en 3D (Huygens SW) permitieron visualizar en detalle cambios morfológicos en estas organelas. La luz azul produjo disrupción de la red mitocondrial tubular, favoreciendo el aumento de células con mitocondrias en forma de corpúsculos esféricos ($p < 0.05$). Aún más, se constataron signos indicativos de disipación del $\Delta\psi_m$. Conclusiones: Los resultados obtenidos constituyen el punto de partida en el estudio de los mecanismos de control de calidad mitocondrial y su conexión con la vía autofágica-lisosomal a fin de identificar posibles blancos terapéuticos involucrados en la supervivencia del EPR.

214 (52) POSIBLE RESTABLECIMIENTO POR ÁCIDO FÓLICO DE LAS ALTERACIONES COMPORTAMENTALES INDUCIDAS POR DOSIS NO TÓXICAS DE TE EN LA RATA

Silvia G. Ratti¹; Edgardo O. Alvarez²
Lab Neuropsicof Exp'tl, IMBECU¹

Anteriormente se encontró que ZnTe administrado crónicamente en dosis bajas a ratas madre, modifica la exploración lateralizada y las interacciones sociales de sus hijos en la etapa prepuberal. Estos cambios se asociaron a pérdida de la metilación del ADN hipocámpal. Dado que el ácido fólico (AcFol) es un dador de grupos metilo, el objetivo del presente trabajo fue evaluar si este podría restaurar las alteraciones conductuales inducidas por el Te. Para ello, se trabajó con ratas prepuberales provenientes de: ratas-madre sin tratamiento (Control, $n=11$); ratas madres expuestas a $0.3 \mu\text{g/L}$ de ZnTe disueltos en el agua de beber después de la fecundación durante la preñez, lactancia y período prepuberal (ZnTe, $n=12$) y ratas madre expuestas a $0.3 \mu\text{g/L}$ de ZnTe y 2.3 mg/L de AcFol (AcFol+ZnTe, $n=10$). Al día 30, los hijos de los tres grupos se sometieron individualmente a la Prueba de Exploración lateralizada (LDHB, 3 min) y la de Interacción Social Intruso-Residente (IS, 5 min). Toda la actividad conductual se midió por un contador digital de eventos (2 Cuentas/seg). Los resultados en el LDHB mostraron que el 90% de los controles presentaron exploración preferencial a la izquierda (71 ± 8 Vs 41 ± 4 C/3min, $p < 0.01$, Izq Vs Der). En el grupo tratado con ZnTe, esta lateralización desapareció (38 ± 5 Vs 33 ± 7 C/3min, Izq Vs Der, n.s.) y solo el 40% de los animales conservaron exploración lateralizada ($p < 0.01$, Vs control). En los animales tratados con AcFol y ZnTe, se observó lateralización exploratoria (63 ± 6.3 Vs 28.5 ± 6.7 C/3min, $p < 0.01$, Izq Vs Der) y el 100% presentó lateralización izquierda. En la prueba de IS, la latencia de interacción aumentó significativamente en el grupo ZnTe, comparado con el Control (42.5 ± 26 Vs 13 ± 3 C/3min, $p < 0.01$) y fue normal en el grupo AcFol+ZnTe (12.5 ± 3.8 C/3min). En conclusión: los resultados respaldan la idea que el AcFol restaura las alteraciones conductuales inducidas por el Te.

215 (67) EL TRATAMIENTO CON PROGESTERONA MODULA LA EXPRESIÓN ESPINAL DE PROTEÍNAS DE FUSIÓN Y FISIÓN MITOCONDRIAL EN UN MODELO DE DOLOR NEUROPÁTICO CENTRAL

María Celeste Raggio; Natalia Sol Adler; María Florencia Coronel; Susana Laura González
Instituto de Biología y Medicina Experimental

El desbalance entre los procesos de fusión y fisión mitocondrial y el estrés oxidativo son eventos que podrían estar implicados en el desarrollo de dolor neuropático. En este trabajo utilizamos un modelo animal que desarrolla dolor crónico central para estudiar los cambios temporales en la expresión de las isoformas de la mitofusina (Mfn1 y Mfn2) y de la proteína asociada a dinamina (Drp1), moléculas que regulan los procesos de fusión

y fisión mitocondrial respectivamente, y su modulación por progesterona (PG), como potencial estrategia para prevenir el dolor neuropático. Ratas macho Sprague-Dawley controles (C) o con hemisección espinal se inyectaron diariamente con PG (16 mg/kg sc; HX+PG) o vehículo (HX). La conducta neuropática (alodinia) se evaluó utilizando los tests de von Frey y Choi. Los animales se sacrificaron a diferentes momentos post lesión (6h, 1d o 28d) y los niveles de ARNm de Mfn1, Mfn2 y Drp1 se determinaron por RT-PCR en tiempo real en el asta dorsal espinal. La producción de especies reactivas de oxígeno (ROS) se evaluó *in vivo* por inyección intratecal del marcador Mitotracker Red CM-H₂ROS, que fluoresce al ser oxidado. En los animales HX se observó una disminución del 50% en la expresión espinal de Mfn2 ($p < 0.05$ vs C) y aumentos significativos en la expresión de Drp1 ($p < 0.01$ vs C) y de Mfn1 ($p < 0.05$ vs C) 6h post lesión, y la presencia de marca fluorescente en neuronas del asta dorsal, indicativo de la presencia de ROS, 1d luego de la injuria. Los animales HX+PG presentaron niveles de Mfn2 significativamente elevados con respecto al grupo HX ($p < 0.01$) a las 6h, una disminución de Drp1 a 1d ($p < 0.05$ vs HX) y no desarrollaron conductas alodínicas a 28d. Estos resultados sugieren que PG, modulando mecanismos espinales asociados a la disfunción de la dinámica mitocondrial y a la producción de ROS, puede ofrecer una promisoría alternativa terapéutica para prevenir el dolor crónico post lesión espinal (PIP CONICET 576, Fundación René Barón).

216 (108) ESTUDIO DE LOS EFECTOS INDUCIDOS POR EL FRAGMENTO DEL PÉPTIDO β -AMILOIDE 25-35 EN PROGENITORES NEURONALES DERIVADOS DE CÉLULAS MADRE EMBRIONARIAS HUMANAS

Verónica A Furmento; M. Soledad Rodríguez Varela; Guillermo Videla Richardson; Nicolas Dimopoulos; Leonardo Romorini; M. Elida Scassa; Gustavo Sevlever
Laboratorio de Biología del Desarrollo Celular - FLENI

La enfermedad de Alzheimer es un proceso neurodegenerativo del sistema nervioso central que provoca deterioro de las funciones cognitivas. Su base patogénica se asocia a la formación masiva de agregados proteicos como las placas seniles cuyo principal componente es un péptido hidrofóbico de 39-43 aminoácidos (β -amiloide, βA), y los ovillos neurofibrilares. El cerebro adulto conserva la capacidad de generar nuevas neuronas a partir de células madre/progenitores neuronales (PN) que se integran a las redes preexistentes en un proceso conocido como "neurogénesis". Sin embargo, estos PN no constituyen una fuente de fácil accesibilidad. Por esto, la generación de PN a partir de células madre embrionarias humanas (CMEh) permite contar con una valiosa herramienta para dilucidar los mecanismos que conllevan a la neurodegeneración. Con el objetivo de estudiar los efectos desencadenados por el fragmento del péptido β -amiloide 25-35 (βA_{25-35}), generamos PN a partir de la diferenciación dirigida de la línea de CMEh, WA-09. Los PN se caracterizaron fenotípicamente mediante FACS e inmunofluorescencia (CD133⁺, Nestina⁺, Neurofilamento liviano⁺ y Doblecortina⁺) y además, se diferenciaron a neuronas Tuj1⁺, Neurofilamento liviano⁺, MAP2⁺ y MAP5⁺. Mediante ensayos de XTT/PMS encontramos que $40 \mu\text{M}$ de βA_{25-35} produjo una disminución del 20% ($p < 0.05$, $n=3$) en la viabilidad de los PN luego de 6 días de tratamiento. Asimismo, los PN incubados en las mismas condiciones experimentales mostraron un mayor porcentaje de núcleos picnóticos y un aumento del 30% ($p < 0.001$, $n=3$) de oligonucleosomas citoplasmáticos resultantes de la fragmentación del ADN. Análisis preliminares de RT-qPCR no revelaron diferencias significativas entre los niveles de expresión de los transcritos de los reguladores de apoptosis Bcl-2, Bcl-xL, Bcl-w, Mcl-1, Puma, Bax y Bim luego de 6 días de incubación con βA_{25-35} . Estos resultados sugieren que el péptido βA_{25-35} ejercería un potencial efecto neurotóxico en los PN.

217 (109) LA CERAMIDA-1-FOSFATO ESTIMULA LA MIGRACIÓN DE LAS CÉLULAS GLIALES DE LA RETINA

Marcela Vera¹; Facundo H. Prado Spalm²; M. Victoria Simon²; Nora P. Rotstein¹
INIBIBB-CONICET¹ UNS-INIBIBB²

Las enfermedades proliferativas de la retina son causas principales de disfunción visual. Las células gliales de Müller (CGM), principal tipo glial en la retina, se activan ante cualquier daño a la retina y originan la gliosis reactiva, con una proliferación y migración anómalas que contribuyen a la disfunción visual. Esclarecer los mecanismos y moléculas que regulan la migración glial es de vital importancia. Nuestro laboratorio investiga el rol de un nuevo grupo de moléculas señal, los esfingolípidos, en estos procesos. Recientemente establecimos que la esfingosina-1-fosfato (S1P) estimula la migración glial. Otro esfingolípido, la ceramida-1-fosfato (C1P), regula la diferenciación, proliferación y migración en múltiples tipos celulares, y demostramos que promueve la supervivencia, proliferación y diferenciación de los fotorreceptores en la retina. Investigamos ahora si la C1P también regula la migración glial. Utilizando cultivos gliales puros de retina de rata, mediante la "técnica de la herida", determinamos que el agregado exógeno de C1P (5 μ M) promueve la formación de lamelipodios en las CGM y aumenta de manera significativa su migración respecto a los controles. Como las CGM también migran en los controles al inducir la herida, evaluamos si esta migración involucra la síntesis endógena de C1P. El análisis por PCR demostró que tanto las CGM como las neuronas de retina expresan ceramida quinasa (CerK), enzima que sintetiza C1P. El agregado de NVP231, un inhibidor de la CerK, disminuye la migración glial en los cultivos controles, lo que sugiere que las CGM producen C1P para estimular su migración. Indagamos las vías involucradas en dicha migración. La inhibición de las vías de PI3K y ERK/MAPK (con LY294002 y U0126, respectivamente), disminuye la migración glial, en cultivos controles y tratados con C1P. Estos resultados sugieren que la C1P es una de las señales involucradas en la migración de las CGM, a través de la activación de las vías de PI3K y ERK/MAPK.

- 218 (128) CARACTERIZACIÓN DE LOS AFERENTES GLOsofaríngeos COMO RUTA DE LA COMUNICACIÓN NEUROINMUNE ENTRE LA CAVIDAD ORAL Y EL CEREBRO**
 Lucas Marafetti¹; Virginia Garcia Ceriani¹; Pablo Antonio Scacchi Bernasconi²; Horacio Romeo¹
 Pontificia Universidad Católica Argentina Facultad de Ciencias Médicas¹ Universidad de Buenos Aires. Facultad de Medicina²

Las infecciones en el tracto respiratorio superior así como las correspondientes a las de cavidad oral constituyen un problema común en práctica médica. En el transcurso de infecciones locales que tienen lugar en la cavidad oral, dicha información inmune llega al cerebro donde se generaran las respuestas homeostáticas agudas para enfrentarla. Datos experimentales han sugerido que son precisamente los aferentes glossofaríngeos quienes desempeñan un rol importante como ruta de comunicación neuroinmune entre un foco de infección periférica y cerebro. Por ejemplo, la sección quirúrgica bilateral de los nervios glossofaríngeos suprime marcadamente la respuesta febril ante una infección local de la cavidad oral. En este trabajo nos propusimos investigar si inmunoestimulaciones experimentales locales en la cavidad oral provocan la activación de las neuronas sensoriales alojadas en el ganglio glossofaríngeo. Se empleó la técnica de hibridación in situ radiactiva utilizando como marcador de activación neuronal una ribosonda para c-fos mRNA. Bajo leve anestesia, las ratas fueron inyectadas en el paladar blando con compuestos inmunoestimuladores, los animales se sacrificaron 40 min después, se disecó el complejo ganglio nodoso-glossofaríngeo-yugular y procesó histológicamente. Tanto la inyección de lipopolisacárido (LPS) como de interleuquina 1 α (IL-1 α) provocan un marcado incremento de la expresión de mRNA para c-fos en las neuronas de los ganglios glossofaríngeos. Inyecciones de solución salina estéril apenas modifican la expresión basal de mRNA para c-fos mientras que la sección microquirúrgica de los nervios suprime toda expresión ante cualquier inmunoestimulación en la cavidad oral. Los componentes eferentes (parasimpáticos) no están involucrados en esta comunicación neuroinmune. Los datos aportados por estos estudios moleculares confirman la caracterización de los aferentes glossofaríngeos como una ruta de comunicación neuroinmune.

- 219 (140) LA PROGESTERONA BLOQUEA LA APOPTOSIS DE PRECURSORES DE OLIGODENDROCITOS EN LA MÉDULA ESPINAL LESIONADA**
 Ignacio Jure¹²; Florencia Labombarda¹²³; Susana Gonzalez¹²³; Alejandro Federico De Nicola¹²³
 IByME¹ Laboratorio de bioquímica neuroendócrina. IByME. CONICET² Departamento de bioquímica humana. FMED. UBA³

Una de las consecuencias de las lesiones en la médula espinal (SCI) es la desmielinización, producida por la apoptosis de oligodendrocitos y por el fracaso posterior del proceso de remielinización. En los últimos años la progesterona (PG) ha surgido en varios trabajos como un promisorio agente neuroprotector y remielinizante. En este sentido, hemos demostrado previamente que la PG es capaz de aumentar el número de precursores de oligodendrocitos (OPC) luego de 3 días de lesión completa de la médula espinal. En este trabajo nos propusimos estudiar el mecanismo por el cual la PG aumenta el número de OPC luego de SCI en ratones. Mediante inmunohistoquímica observamos que la densidad de OPC aumenta luego de 24 y 48 h post-injuria con respecto a los animales controles (CTL) ($p < 0.001$ CTL vs SCI, ANOVA dos vías). En los animales tratados con PG (16mg/kg/día) el número de OPC aumentó un 50% más que el obtenido en los animales SCI ($p < 0.001$ SCI vs SCI+PG ANOVA dos vías). En los animales knock out para el receptor clásico de PG (PRKO), la PG no modificó la densidad de los OPC. Luego estudiamos si la PG podría estar aumentando el número de OPC mediante la inhibición de la apoptosis de estas células. Para tal fin realizamos un ensayo de Tunel y un estudio de colocalización mediante microscopía confocal utilizando un anticuerpo anti-Ng2 (marcador de OPC). Los resultados mostraron que luego de 48 h post-injuria un 40% de las células Ng2 totales fueron apoptóticas (tunel+/Ng2+). Cuando los ratones recibieron PG se observó que sólo el 20% de los OPC sufrieron apoptosis ($p < 0.05$ SCI vs SCI+PG, ANOVA una vía). En los animales PRKO, la PG no disminuyó el porcentaje de OPC apoptóticos. Estos datos nos permiten concluir que la PG vía su receptor clásico podría estar favoreciendo el programa de remielinización mediante la inhibición de la apoptosis de los OPC.

- 220 (165) DISTRIBUCIÓN CORTICAL DE INTERNEURONAS GABAÉRGICAS CALBINDINA POSITIVAS EN PACIENTES CON EPILEPSIA DEL LÓBULO TEMPORAL TRATADOS CON CIRUGÍA DE LA EPILEPSIA**
 Andres Acuña¹; Konopka Hector²; Escobar Erica³; Seoane Eduardo²; Kochen Silvia²; Loild Fabin¹; D'alessio Luciana¹
 IBCN¹ Centro de Epilepsia, Hospital Ramos Mejía y Hospital el Cruce, Buenos Aires, Argentina² Hospital Moyano, Servicio de Patología, Buenos Aires, Argentina³

Introducción y objetivos: La calbindina es una proteína ligadora de calcio que en la corteza cerebral se expresa principalmente en una subpoblación de interneuronas gabaérgicas localizadas en la capa II y III. Se postula que en la epilepsia del lóbulo temporal (ELT) existen alteraciones en circuitos sinápticos que involucran al sistema inhibitorio gabaérgico. El objetivo del presente trabajo fue determinar la inmunoreactividad para calbindina en la corteza temporal de pacientes con ELT resistente que fueron operados (lobectomía temporal anterior). Materiales y métodos: Secciones histológicas de cortezas temporales de pacientes con ELT resistente y esclerosis del hipocampo (EH) operados fueron fijadas y procesadas mediante inmunoperoxidasa para calbindina. Material de archivo de cortezas temporales post mortem normales fueron procesados simultáneamente. Se realizó un análisis cuantitativo de la inmunoreactividad para calbindina mediante el programa de imagen computarizado (imagen J). Se utilizaron el test de Student y el coeficiente de correlación de Pearson como pruebas estadísticas. Resultados: Se incluyeron 14 pacientes con ELT resistente y 5 controles postmortem. Los pacientes con ELT presentaron un área reactiva de menor tamaño con una menor intensidad de reacción para calbindina en la capa II ($p < 0,05$). Encontramos una correlación negativa ($r = -0,72/p < 0,001$) entre el número total de neuronas CB-IR y el tiempo de evolución de la epilepsia.

Conclusiones: Una menor expresión cortical de calbindina en los pacientes con ELT se correlacionó con un mayor tiempo exposición a las crisis. Estos cambios podrían estar relacionados con la hiperexcitabilidad cortical. Futuros estudios con técnicas de doble marcación permitirán confirmar estos hallazgos preliminares.

221 (190) FACTORES EPIGENÉTICOS Y DE TRANSCRIPCIÓN INVOLUCRADOS EN LA ABSTINENCIA A LA NICOTINA

*Antonella Pisera Fuster; Ramon Bernabeu
IFIBIO HOUSSAY*

Ha sido sugerido que los efectos reforzantes de la nicotina son potenciados por periodos cortos de abstinencia. Generalmente, la abstinencia se estudia mediante la administración continua durante varios días, quitando luego la droga y evaluando sus efectos. Considerando que el síndrome de abstinencia puede prolongarse por largos periodos de tiempo, siendo una de las principales causas de la reincidencia al consumo, y existiendo evidencias de que en los procesos de largo plazo, como la adicción y las memorias, parecen participar mecanismos que alteran la estructura de la cromatina, decidimos estudiar ciertos factores epigenéticos en animales abstinentes luego de ser expuestos durante el día a la nicotina y sin ninguna droga durante la noche. Para esto se implementó, en un modelo de pez cebra, una exposición crónica continua y otra intermitente, durante 14 días seguida por un periodo de abstinencia de 5 días, antes y después del cual se analizó la expresión de factores epigenéticos y de transcripción por la técnica de PCR semicuantitativa. La exposición intermitente en comparación con la exposición crónica presento una expresión diferencial en el caso de DNMT1, TET1, Gadd45, HDAC1 y SIRT1, no presentando cambios en Pitx3 y Egr1. Dichos factores han sido involucrados en procesos de plasticidad sináptica de larga duración, lo que sugiere que el tratamiento intermitente provoca un efecto más duradero y estable que la administración crónica. Esto sugiere que este modelo permitiría alcanzar una mayor similitud fisiológica con lo que ocurre en humanos. Estos resultados demuestran la teoría de que los periodos breves de no consumo de las drogas de abuso son un factor facilitador de la transición de un uso casual al consumo compulsivo.

222 (405) EFECTO DEL ÁCIDO LIPOICO EN EL NÚCLEO GENICULADO EN UN MODELO EXPERIMENTAL DE GLAUCOMA

*Agustina Peverini; Claudia G Reides; Romina M Lasagni Vitar; Fabián S Lerner; Sandra M Ferreira; Susana F Llesuy
Cátedra de Química General e Inorgánica. IBIMOL, UBA-
CONICET. Facultad de Farmacia y Bioquímica. UBA*

El ácido lipoico (AL) es uno de los más eficaces atrapadores de especies activas del oxígeno capaz de atravesar la barrera hematoencefálica. Regenera las vitaminas C y E, aumenta las concentraciones intracelulares de glutatión y provee regulación redox de proteínas y factores de transcripción. El objetivo de este trabajo fue evaluar el rol protector del AL frente al daño oxidativo en el núcleo geniculado en un modelo de glaucoma experimental. Se trabajó con 4 grupos de ratas Wistar (3 meses): control, glaucoma, glaucoma tratado con 50 mg/kg y otro con 100 mg/kg de peso de AL. El AL fue administrado por vía i.p. durante 7 días postquirúrgicos. En el día 7 los animales fueron sacrificados y se les extrajo el núcleo geniculado. Se realizó un homogeneizado y se determinaron los siguientes parámetros: lipoperoxidación (TBARS), capacidad antioxidante total (TRAP), las actividades de tioredoxina reductasa (TR) y glutatión peroxidasa (GPx). Los resultados muestran un aumento del 27% en los TBARS ($p < 0,05$), y del 70% en la GPx ($p < 0,05$), mientras que una disminución del 49% en el TRAP ($p < 0,05$) y un 46% la TR ($p < 0,01$) en el grupo glaucoma comparado con el grupo control. La administración de 50 mg/kg de AL produce una disminución significativa de los TBARS (31%, $p < 0,05$), no generando cambios en los otros parámetros evaluados comparado con los animales glaucomatosos. La dosis de 100 mg/kg de peso produjo un aumento del 517% en el TRAP ($p < 0,001$) y un aumento del 52% ($p < 0,01$) de la TR. Los TBARS no se mo-

dificaron significativamente como tampoco la GPx, comparados con los animales glaucomatosos. En conclusión: la dosis de 100 mg/kg de peso pareciera ser más eficaz para proteger del daño oxidativo generado por el glaucoma en el núcleo geniculado. La terapéutica del glaucoma podría contemplar el uso de AL como una posible estrategia para la neuroprotección, considerando que el daño glaucomatoso se extiende a nivel cerebral más allá de la retina y del nervio óptico.

570 (480) EFECTO DE LA SEPARACIÓN MATERNA TEMPRANA SOBRE LA ACTIVACIÓN DE ESTRUCTURAS NERVIOSAS QUE REGULAN LA RESPUESTA DE ESTRÉS CRÓNICO EN RATAS TRATADAS CON TIANEPTINA

*Verónica Trujillo; Patricia E. Durando; Marta M. Suárez
Univ. Nac. de Cordoba - Fac. de Cs. Exactas Físicas y
Naturales - Lab. De Fisiología Animal*

El estrés crónico puede producir la desregulación del eje hipotálamo-hipofiso-adrenal (HHA) y del sistema de recompensa que controla la conducta hedónica. Además, eventos de la vida temprana pueden generar alteraciones persistentes en circuitos neuronales que controlan la respuesta de estrés y la conducta emocional en el adulto. Nuestro objetivo fue estudiar si la separación materna temprana (SMT), el estrés crónico variable (ECV), o la combinación de ambos, producen cambios en la actividad neuronal de estructuras que participan en la regulación de la respuesta de estrés y del circuito de recompensa mesocortico-límbico. Además, se evaluó si el antidepressivo tianeptina (10 mg/Kg) revierte los efectos de la SMT y del ECV. Se utilizaron ratas Wistar machos, separadas de la madre diariamente 4,5 hs durante 3 semanas y sometidas a 24 días de ECV en la adultez. La expresión de Fos (marcador de actividad neuronal) fue determinada por inmunohistoquímica en corteza prefrontal medial (CPFm), núcleo accumbens (NAc), núcleo paraventricular hipotalámico (NPV), hipocampo dorsal, amígdala y área tegmental ventral (ATV). El ECV aumentó la ir-Fos en el NPV, pero la disminuyó en CA1 y CA2 del hipocampo (inhibidor del NPV) y en la CPFm (perteneciente al circuito de recompensa) ($p < 0,05$). Además, la SMT aumentó la ir-Fos del NPV y de la amígdala (activadora del NPV) ($p < 0,05$). Mientras que, en CA3, tanto el ECV como la SMT aumentaron la ir-Fos ($p < 0,05$) pero la aplicación de ambos tratamientos produjo niveles de ir-Fos similares a los controles. Tianeptina disminuyó, en el ATV, la ir-Fos en los controles ($p < 0,05$). Nuestros resultados indican que el ECV y la SMT aumentan la activación del eje HHA. Mientras que en CA3, el efecto del estrés fue dependiente de la condición de crianza. Además, la menor activación de la CPFm de ratas con ECV podría relacionarse con una desregulación de las conductas emocionales. Por último, tianeptina no afectó la actividad neuronal de estas estructuras.

ENDOCRINOLOGÍA 1

223 (23) LA SOBRE-EXPRESIÓN DEL RE β INHIBE LA EXPRESIÓN DEL RE α ENDÓGENO MODULANDO LA PROLIFERACIÓN DE CÉLULAS TUMORALES ADENOHIPOFISARIAS GH3

*Pérez, Pablo Aníbal; Petiti, Juan Pablo; Sabatino, María Eugenia; Picech, Florencia; Guido, Carolina Beatriz; De Paul, Ana Lucía; Torres, Alicia Inés; Gutierrez, Silvina
INICSA-CONICET*

En estudios previos mostramos que el RE β inhibe la proliferación celular adenohipofisaria mediante la modulación de reguladores del ciclo celular como ciclina D1 y p21. A continuación y considerando estos antecedentes nos propusimos dilucidar si el RE β modula la expresión del RE α contribuyendo así al mantenimiento del balance proliferativo adenohipofisario. Se utilizaron cultivos de células adenohipofisarias normales y tumorales GH3 (GH3 β^-). Esta línea celular fue transfectada para la sobre-expresión del RE β (GH3 β^+). Se realizaron estímulos con 10 nM de E2, PPT (agonista del RE α) y DPN (agonista del RE β) por 72h. Se determinó la proliferación celular (con BrdU), el contenido de ADN

(con yoduro de propidio) y la expresión de RE α y β por western blot (WB), inmunofluorescencia (IF) y citometría de flujo. Análisis estadístico: Anova-Dunnett. La sobre-expresión del RE β en células GH3 en condiciones basales inhibió la proliferación celular alrededor del 40% y disminuyó significativamente la población en fases S+G₂/M del ciclo celular. Este efecto inhibitorio no mostró cambios luego del tratamiento con E2, PPT o DPN. En GH3 β + se observó una reducción significativa de la expresión del RE α endógeno, la cual se mantuvo en niveles similares luego de la estimulación con E2, PPT o DPN. La expresión del RE β en GH3 β + no varió con ninguno de los tratamientos aplicados. En células adenohipofisarias normales se observó por IF una inmunomarcación difusa citoplasmática del RE β en el 16,97 \pm 2,3% de las células, de las cuales el 91,48 \pm 2,64% expresaron además el RE α (15,61 \pm 2,42% del total de células). Nuestros resultados muestran que el RE β inhibe la expresión del RE α modulando así la proliferación celular adenohipofisaria de manera ligando independiente. Además, la elevada co-expresión de los RE α y β sugiere un mecanismo de acción integrado de ambos subtipos de RE en sus efectos biológicos sobre las células adenohipofisarias.

224 (39) EFECTO MODULADOR DE LOS ANDRÓGENOS SOBRE LA FUNCIÓN ENDÓCRINO-METABÓLICA Y LA CAPACIDAD ADIPOSITIVA DEL TEJIDO ADIPOSITIVO RETROPERITONEAL

María G Zubiría¹; Ana Alzamendi¹; Andrea Portales¹; Amanda Rey¹; Eduardo Spinedi²; Andrés Giovambattista¹
 Instituto Multidisciplinario de Biología Celular-IMBICE¹ Centro de Endocrinología Experimental y Aplicada-CENEXA²

Los andrógenos actúan regulando diversas funciones del tejido adiposo (TA). En el presente trabajo evaluamos los efectos de la ausencia de testosterona (T) desde edad prepuberal en ratas macho sobre la función del TA. Para ello se utilizaron dos grupos: control (CTR) y orquidectomizados a los 27 días de vida (ODX). Al registrarse el peso y consumo de alimento diarios el grupo ODX resultó hipofágico y con menor peso corporal (P<0,05 vs. CTR), por lo incluimos el grupo CTR "pair fed" (CTR-PF). A la edad de 60 días se diseccionaron y pesaron los TA inguinal (TAI) y retroperitoneal (TARP), para cuantificar (qPCR) los niveles de ARNm de adiponectina (Adipoq) y lipoproteína lipasa (LPL). Se determinaron las concentraciones circulantes de glucosa (Glu), insulina (Ins), triglicéridos (TG) y leptina (Lep). Luego estudiamos el efecto directo del exceso de T *in vitro* sobre el potencial adipogénico de las células precursoras adipocitarias (CPAs) normales. Para ello aislamos células de la fracción estroma vascular (FEV) de ratas macho adultas y se cultivaron en ausencia o presencia de T (0,01-0,1 μ M, 48 horas); en ellas cuantificamos los ARNm de marcadores del potencial adipogénico: PPAR γ 2, Zfp423, CD34 y Pref-1. Los resultados mostraron que los niveles de TG fueron menores y los de Ins mayores en ODX (P<0,05 vs. CTR y CTR-PF), sin modificarse Glu y Lep. No hubo diferencias en el porcentaje de TAI y TARP, sin embargo, los ODX mostraron niveles de ARNm menores de Adipoq (P<0,05 vs. CTR) y de LPL (P<0,05 vs. CTR y CTR-PF) en TARP. Finalmente, las células FEV cultivadas con T arrojaron niveles mayores de ARNm de CD34, PPAR α 2 y Zfp423, y menores de Pref-1 (P<0,05 vs. sin T). Estos resultados sugieren que ambas condiciones, la falta *in vivo* (ODX) y el exceso *in vitro* de T, modifican significativamente la función del TARP; induciendo, respectivamente, una clara disfunción endocrino-metabólica y un aumento en la competencia adipogénica de CPAs (PIP 0198; PICT 2013-0930; FPREDM062013).

225 (147) EFECTOS DE LA HEMOOXIGENASA-1 SOBRE LA PROLIFERACIÓN DE CÉLULAS DE LEYDIG Y SU INTERACCIÓN CON HISTAMINA

Trinidad Raices¹; Casandra Monzon¹; Marcos Besio Moreno¹; Omar Pedro Pignataro^{1,2}; Elba Nora Pereyra¹
 Lab Endoc Molec y Transducción de Señales IBYME-CONICET¹ Depto de Qca Biológica, FCEN-UBA²

Previamente hemos demostrado que la inducción de hemooxigenasa-1 (HO-1) por hemina inhibe la esteroidogénesis basal

y estimulada por hCG y dbAMPC. También, hemos reportado que HO-1 inducida por hemina inhibe el efecto estimulador de histamina sobre la esteroidogénesis mediado por los receptores H2 (RH2). Objetivos: Investigar el efecto de HO-1 sobre la proliferación de células de Leydig (CL) y su modulación por histamina. Métodos: Se utilizó la línea celular MA-10 de CL como modelo experimental. Se estudió la proliferación celular analizando la incorporación de ³H-timidina y por el método de MTT. El ciclo celular se estudió utilizando citometría de flujo. Resultados: Se observó que HO-1 inducida por hemina inhibe la proliferación de CL de un modo concentración-dependiente, entre 10 y 50mM. Este efecto se ejerce a través de un arresto del ciclo celular en la fase G2/M. La incubación simultánea de CL con hemina y amthamine (agonista del RH2) 1 μ M revirtió el efecto estimulador observado con amthamine. Conclusiones: Los resultados sugieren que HO-1 inhibe la proliferación celular de CL y que este efecto no es revertido por histamina.

226 (56) EFECTIVIDAD DE UN ANTICUERPO MONOCLONAL ANTI-HORMONA GONADOTROFINA CORIÓNICA HUMANA (HCG) EN PREVENIR DISFUNCIONES REPRODUCTIVAS Y METABÓLICAS EN HEMBRAS TRANSGÉNICAS

Agustina Marcial Lopez¹; Laura Daniela Ratner¹; Guillermina Stevens¹; Jagdish Gupta²; Kripa Nand²; Ricardo Saul Calandra¹; Gursaran P Talwar²; Susana Beatriz Rulli¹
 IBYME-CONICET, Buenos Aires¹ The Talwar Research Foundation, N. Delhi, India²

La hormona gonadotrofina coriónica (hCG) es clave en la reproducción humana. Su receptor se encuentra en una amplia variedad de tejidos. Sus niveles se encuentran aumentados en situaciones patológicas, tales como tumores trofoblásticos y no trofoblásticos. Los ratones transgénicos portadores de la subunidad β de hCG (hCG β +) producen niveles elevados de hCG en forma crónica. Las hembras son infértiles, obesas, presentan niveles elevados de insulina, prolactina, andrógenos, progesterona, desarrollan prolactinomas y tumores mamararios. El objetivo del trabajo fue determinar la efectividad bionutralizante de un anticuerpo monoclonal contra hCG (Pipp) en prevenir estas alteraciones fenotípicas. Hembras hCG β + fueron inyectadas i.p. con Pipp (300 μ g/ratón/dosis) a las 5 semanas (hCG β +Mab5s: día por medio durante una semana, seguido por una dosis semanal) y a las 16 semanas de edad (hCG β +Mab16s: una dosis semanal). Se compararon con hembras hCG β + inyectadas con vehículo. Se realizaron estudios de fertilidad, peso corporal, ingesta, metabolismo glucídico y presencia de tumores a los 3-6 meses de edad. Las hembras hCG β +Mab5s normalizaron el ciclo estral y recuperaron la fertilidad, no así las hCG β +Mab16s. No se observaron diferencias en el peso corporal entre los grupos, pero sí mayor ingesta diaria en hCG β +Mab5s (p<0.05). La curva de tolerancia a glucosa se normalizó en los grupos tratados (p<0.05). Todos los grupos mantuvieron aumentados los niveles de glucosa durante la curva de resistencia a insulina (p<0.05). Se previno el desarrollo de tumor hipofisario únicamente en el grupo hCG β +Mab5s. En conclusión, el tratamiento aplicado con el anticuerpo monoclonal anti hCG fue más efectivo en revertir el fenotipo al ser administrado en hembras transgénicas jóvenes que adultas.

227 (177) COMPROMISO DEL EJE HIPÓFISO-OVÁRICO DE RATAS ADULTAS EXPUESTAS A DOS DOSIS DE BISFENOL A DURANTE ETAPAS TEMPRANAS DEL DESARROLLO

Nicolas Contrera Rolon¹; G Busch¹; Y Braunsteni¹; E Gonzalez Sampaio⁴; MS Bianchi²; O Pozzo¹; P Scacchi Bernasconi¹; E Zotta³; R Reynoso¹
 Laboratorio de Endocrinología, Facultad de Medicina, UBA¹ Laboratorio de Neuroendocrinología, IBYME² Laboratorio de Fisiopatología.Fac. de Medicina UBA³ Laboratorio Htal. Británico⁴

El bisfenol A (BPA) es uno de los disruptores endocrinos de mayor producción en la industria, utilizado en la fabricación de plásticos policarbonato, presentes en la mayoría de los envases

plásticos, resinas epoxi y selladores dentales. En trabajos previos hemos demostrado que la exposición a BPA en estadios tempranos del desarrollo afectan el eje hipofiso-ovárico (EHO) de ratas prepúberes. El objetivo del presente trabajo fue estudiar el efecto del BPA sobre el EHO de ratas adultas expuestas al mismo durante la gestación y la lactancia. Se administró BPA en el agua de bebida en una dosis aproximada de exposición de 0.025 y 2.5 mg/kg/día a ratas madre y etanol 0.1% al grupo control. Las crías hembra fueron separadas de la madre a los 21 días de vida y sacrificadas a los 60 días de vida en diestro. Se evaluó peso corporal y el peso de ovarios. Se determinó: LH, (RIA mUI/ml), estradiol, testosterona (QLIA, pg/ml, nmol/l). Se realizó estudio histológico de cortes de tejido ovárico. El estudio del ciclo estral mostró que los animales tratados con la dosis baja y alta presentaban periodos prolongados en Diestro, y ciclos regulares en el 25% y 20% de los casos, respectivamente. El peso corporal se incrementó con la dosis baja, (C:293±4.4vs377±12, ***p<0.001), a dosis alta no se observaron cambios. Los pesos de los ovarios no mostraron cambios significativos. Los niveles de LH, estradiol y testosterona se incrementaron significativamente en animales expuestos a la dosis alta (0.6±0.07vs2.1±0.7, ***p<0.001, 6.7±0.8 vs 15±1.5, *p<0.05, 0.8±0.02vs1.3±0.13, p<0.05), mientras que a la dosis baja estradiol se incrementó significativamente (6.7±0.8 vs15±4.0, *p<0.05), LH mostró tendencia a disminuir y testosterona no mostró cambios. La histología mostró alteraciones en la foliulogénesis en los animales expuestos a la dosis alta. Los resultados sugieren que la exposición a dos dosis de BPA en estadios tempranos del desarrollo afectan de manera diferente el EHO en la adultez.

228 (74) ACCIÓN DE LOS ESTRÓGENOS SOBRE LA EXPRESIÓN HIPOFISARIA DE LH Y FSH, Y SU RELACIÓN CON LA OVULACIÓN DURANTE LA GESTACIÓN EN LA VIZCACHA DE LAS LLANURAS DE SUDAMÉRICA (LAGOSTOMUS MAXIMUS)

Lorena Yankelovich²; Santiago Elias Charif²⁴; Pablo Ignacio Felipe Inserra²⁴; Sofía Proietto²; Noelia Paula Di Giorgio³⁴; María Clara Corso²; Dalila Yael Ochman²; Victoria Lux-Lantos³⁴; Julia Halperin²⁴; Alfredo Daniel Vitullo²⁴; Verónica Berta Dorfman²⁴
CEBBAD, Universidad Maimónides² IBYME³ CONICET⁴

La vizcacha de las llanuras de Sudamérica (*Lagostomus maximus*) presenta poliovlulación natural y ovulación en la mitad de la gestación. Previamente describimos aumento de la hormona liberadora de gonadotropinas (GnRH) durante la preñez con cambios en su pulsatilidad. Objetivo: investigar la acción del estradiol (E2) sobre la expresión hipofisaria de LH y FSH, y su relación con la ovulación durante la gestación en la vizcacha. Utilizamos vizcachas no preñadas (NP) y NP ovulando (NPO), y gestantes con preñez temprana (PTem), media (PMed) y a término (PTer), (n=5/grupo). En animales NPO se estudió la pulsatilidad de LH durante 6 horas en medio con estradiol (E2), con el antagonista tamoxifeno (Tam) o con ambos, (n=5/grupo). Se realizó dosaje de LH por RIA y de E2 por ELISA, se estudió la expresión hipofisaria de los receptores de estrógenos alfa (REa) y beta (REb) por Western-blot y su localización por inmunohistoquímica. Los datos fueron analizados mediante test de T o ANOVA seguida del test de Newman-Keuls para determinar diferencias significativas (p<0,05). Se observó aumento significativo (S) en la expresión hipofisaria de REa y REb en NPO vs NP, mientras que durante la gestación, REa presentó aumento S en la PMed con respecto a PTemp y disminución S en PTer; mientras que REb mostró aumento S con el progreso de la preñez. Este perfil de expresión de los RE coincidió con los niveles séricos de estradiol y LH, mientras que el contenido hipofisario de FSH resultó nulo tanto en NPO como en PMed. La pulsatilidad de LH resultó alterada por efecto de Tam con disminución S en el número de pulsos y en la liberación total, mientras que el E2 no produjo diferencias S. Conclusión: los RE estarían directamente involucrados en la expresión de LH. La inhibición de la pulsatilidad por Tam reforzaría la idea de una dependencia directa por E2. El patrón de expresión de LH y FSH en la preñez media se correspondería con el observado en la ovulación (PIP-CONICET 0225/2011).

229 (93) AUTOINMUNIDAD TIROIDEA Y NIVELES DE TIROTROFINA ASOCIADOS A COMPLICACIONES DEL EMBARAZO EN LA MUJER EUTIROIDEA

Claudia Marisa Melillo¹²; Paola Claudia Prener¹³; María Olga Suescun¹⁴
Cátedra de Endocrinología-Facultad de Ciencias Exactas-UNLP¹ Instituto Médico Mater Dei La Plata² Hospital Especializado de Agudos y Crónicos San Juan de Dios La Plata³ Instituto Multidisciplinario de Biología Celular IMBICE La Plata⁴

Los desórdenes de la función tiroidea son prevalentes en la mujer en edad reproductiva. En gestantes se asocian con riesgo de abortos espontáneos, parto pretérmino y menor crecimiento fetal. Además la autoinmunidad tiroidea se vincula a efectos adversos en el embarazo. El objetivo de este trabajo fue determinar el porcentaje de gestantes eutiroideas con Tirotrófina (TSH), en dos niveles del rango de referencia, con complicaciones en la gestación, evolución a patología tiroidea y títulos de autoanticuerpos. Se realizó un estudio transversal y retrospectivo en el primer trimestre de embarazadas eutiroideas con Tirotrófina (TSH), en dos niveles del rango de referencia, con complicaciones en la gestación, evolución a patología tiroidea y títulos de autoanticuerpos. Se realizó un estudio transversal y retrospectivo en el primer trimestre de embarazadas eutiroideas, entre 2004 y 2014 en un área iodo suficiente, con edades entre 18 y 32 años. Se seleccionaron 580 gestantes con autoanticuerpos tiroideos (aa) positivos (EP) y 533 con anticuerpos negativos (EN). Se subdividieron en 2 grupos de acuerdo a los niveles de TSH (mUI/L) ≤ a 1.20 EP1 y EN1 y > a 1.20 EP2 y EN2. Las hormonas y aa se midieron por Fluorescencia y Quimioluminiscencia. Durante el embarazo el 7% de EP y el 4% de EN desarrollaron hipotiroidismo subclínico y clínico. El 5% de EP y 2% de EN evolucionó a Tiroiditis pos parto. En EP, el 63% mostró TSH entre 0.40 y 1.20 mUI/L y el 37% entre 1.20 y 2.50 mUI/L. En EN, el 80% corresponde a EN1 y el 20% a EN2. Los niveles medios de TSH no mostraron diferencias significativas entre EP1 vs EN1 y EP2 vs EN2. En cuanto a las complicaciones del embarazo, se constataron, abortos espontáneos: 13% en EP1, 20% en EP2, 6% en EN1 y 12% en EN2; y partos prematuros en el 5% de EP1, 8% de EP2, 2% de EN1 y 5% de EN2. En EP1 y EP2 los títulos de anticuerpos correlacionaron directamente con los niveles de TSH (Spearman, p<0.05). Nuestros resultados evidencian una marcada asociación entre los niveles de TSH, presencia de autoanticuerpos y complicaciones en mujeres embarazadas eutiroideas e indican la importancia de contar con valores de referencia trimestre específico y screening de la función tiroidea en el curso de la gestación.

230 (123) EXPRESIÓN DE RECEPTORES A HISTAMINA H4 EN CÉLULAS DE LEYDIG TUMORALES R2C Y TUMORES DE CÉLULAS DE LEYDIG HUMANOS

Alejandra Lucía Marcos¹; Adriana María Belén Abiuso¹; Alicia Belgorosky²; Marco Aurelio Rivarola²; Marcos Besio Moreno¹; Omar Pedro Pignataro¹; Esperanza Berensztein²; Carolina Mondillo¹
Lab de Endocrinología Molecular y Transducción de Señales - IBYME- CONICET¹ Servicio de Endocrinología - Hospital de Pediatría Juan P. Garrahan²

Los tumores de células de Leydig (TCL) son los más frecuentes de los tumores que se originan en las células somáticas del testículo. Aunque la etiología de los TCL es desconocida, diversos estudios apuntan a la sobreexpresión de CYP19 en las células de Leydig tumorales (CLT) y el aumento en la síntesis de estradiol (E2), que a su vez estimula la proliferación celular (PC). Si bien los TCL son normalmente benignos, en niños puede presentarse pubertad precoz, y cuando malignizan en el adulto no responden a la quimioterapia ni a la radioterapia. El receptor a histamina H4 (H4R) es considerado un blanco prometedor para el tratamiento de patologías autoinmunes, alergia, inflamación, y cáncer. Previamente reportamos la expresión de H4R en CLT MA-10 y demostramos que su activación conduce a una inhibición de la esteroidogénesis (ST) inducida por LH/hCG y de la PC. Dado que en las CLT MA-10 la ST se interrumpe a nivel de progesterona (P), en este trabajo extendimos nuestro estudio a las CLT R2C, que expresan CYP19 y sintetizan E2. También evaluamos la expresión de H4R en TCL vs testículos humanos

normales (THN). Metodología: Se estudió la expresión de H4R en las CLT R2C por Western blot y PCR en Tiempo Real. Los niveles de P y E2 se determinaron por RIA, y la PC se evaluó mediante incorporación de ³H-timidina. Se estudió la expresión de H4R por inmunohistoquímica en 11 THN de cuatro grupos etarios (G): G1 (neonatal, n=2), G2 (infantil, n=4), G3 (juvenil, ausencia de CL, n=3) y G4 (puberal, n=2), y en 2 TCL (3,92 y 6,0 años de edad). Resultados: Se observó alta expresión de H4R en las CLT R2C y en los TCL, pero sólo en las CL de 3 THN, de G1, G2, y G4. No se detectó H4R fuera del intersticio. El tratamiento de las CLT R2C con el agonista H4R VUF8430 (V 1nM-10µM) inhibió de manera concentración dependiente la producción de P y E2, y la PC (V 10nM, p<0,05 vs C). Conclusión: Los resultados sugieren que H4R constituye un potencial blanco terapéutico para el tratamiento de TCL.

231 (207) EFECTO DE LA HORMONA DE CRECIMIENTO SOBRE LA EXPRESIÓN DE LA ENZIMA CICLOOXIGENASA 1 (COX1) EN HÍGADO Y SU POSIBLE IMPLICANCIA EN EL DESARROLLO DE TUMORES HEPÁTICOS

Gregorio Juan Mc Callum; Giannina P. Micucci; Nadia V. Muia; Verónica G. Piazza; Daniel Turyn; Lorena González; Ana I. Sotelo; Johanna G. Miquet
IQUIFIB (UBA-CONICET) Fac. de Farmacia y BioQuímica, Depto. de Química Biológica

Estudios realizados en modelos animales y en humanos indican que la predisposición al desarrollo de tumores aumenta ante la exposición prolongada a la hormona de crecimiento (GH). En particular, ratones que sobreexpresan GH poseen mayor incidencia de tumores hepáticos. En este modelo encontramos exacerbadas vías de señalización que participan en la activación y expresión de las ciclooxigenasas (COX). Considerando que se han descrito niveles elevados de dichas enzimas en lesiones pretumorales y malignas, el objetivo del presente trabajo fue determinar el impacto que ejerce la exposición a niveles elevados de GH sobre la expresión de COX1 en hígado y su posible implicancia con el desarrollo de tumores hepáticos. Se determinó su contenido proteico en hígado por técnicas de inmunoblotting e inmunohistoquímica. Se trabajó con ratones transgénicos que sobreexpresan GH de dos edades: adultos jóvenes, que presentan alteraciones preneoplásicas, y de edad avanzada, que desarrollan tumores hepáticos. Los niveles de la enzima fueron significativamente mayores en el hígado de los ratones transgénicos que en los normales, tanto en animales jóvenes como de edad avanzada en ambos sexos (P<0,05; n=8-10). Sin embargo, al comparar la expresión de COX1 entre las zonas tumoral y no tumoral no se detectaron diferencias. Para evaluar si el aumento de COX1 en hígado se observa también si la exposición a la GH es de menor duración, se trataron ratones normales con la hormona mediante la implantación de bombas osmóticas durante 4 días. El tratamiento produjo un aumento significativo de COX1 (P<0,05; n=6) en ratones macho. Se puede concluir que la exposición a concentraciones elevadas de GH en ratones se asocia con un aumento en el contenido proteico de COX1 en hígado, que se puede detectar incluso ante un tratamiento corto con GH. Esto sugiere que podría tratarse de un evento temprano en el desarrollo de las alteraciones hepáticas que se asocian a la sobreexpresión de GH en roedores.

232 (407) LAS HORMONAS OVÁRICAS JUGARÍAN UN ROL FUNDAMENTAL EN LA REGULACIÓN DE LAS CÉLULAS STEM DE LA GLÁNDULA MAMARIA. RESPUESTA DIFERENCIAL SEGÚN EL BALANCE DE LAS ISOFORMAS DEL RECEPTOR DE PROGESTERONA

María Sol Recouvreur¹; Laura Todaro¹; Marina Simian²
Instituto de Oncología Angel H Roffo¹ Universidad Nacional de San Martín²

Tanto la progesterona (P) como el estrógeno (E) juegan un rol preponderante en el desarrollo normal de la glándula mamaria. El receptor de P (PR) presenta dos isoformas, PRA y PRB y el balance adecuado entre ambas es necesario para una correcta

respuesta hormonal. Con el objetivo de estudiar el rol de las isoformas del PR en la homeostasis de la población de células stem de la glándula mamaria, utilizamos un modelo de ratones transgénicos que sobreexpresan PRA o PRB. Hipotetizamos que la alteración en el balance PRA/PRB afectaría la expansión y autorenovación de las células stem mamarias. Demostramos previamente que los ratones PRB presentan un mayor porcentaje de células positivas para marcadores stem (CD24⁺/CD29⁺) y una mayor capacidad de formar mamoesferas comparado con PRA y WT. En este trabajo nos interesó estudiar el efecto de E, P y sus antagonistas sobre la población de células con características stem en los ratones PRA, PRB y WT. Con este fin planteamos 3 estrategias: 1. Depletar de E y P a los ratones mediante ovariectomía (OVX); 2. Tratar ratones intactos con el anti estrógeno ICI 182,780 (I); 3. Tratar con I o Tamoxifeno (T) cultivos en suspensión de células provenientes de animales intactos. La OVX llevó a un aumento significativo en el porcentaje de células CD24⁺/CD29⁺ tanto en WT como PRA (N=3; p=0,02), a pesar de este aumento se vio disminuida la capacidad de formación de mamoesferas. En cambio en ratones PRB estos parámetros no se vieron alterados. Al tratar las células en suspensión con T o I se observó una disminución significativa en el número de mamoesferas en PRA (N=3; p=0,001), no así en PRB. Por otra parte al tratar ratones PRA y WT con I se observó una disminución en el fenotipo hiperplásico de PRA (descrito previamente), que fue acompañado por una disminución en la formación de mamoesferas. Estos resultados indicarían que E y P tienen un rol fundamental en la regulación de la población stem de la glándula mamaria.

233 (504) ESTUDIO MOLECULAR EN PACIENTES 46,XX CON DESÓRDENES DE LA DIFERENCIACIÓN SEXUAL

María S Touzon; Roxana Marino; Pablo Ramirez; Natalia Perez Garrido; Matías Juanes; Nora Saraco; Mariana Costanzo; Gabriela Guercio; Esperanza Berensztein; Marco A Rivarola; Alicia Belgorosky
Hospital de Pediatría Dr Juan P Garrahan SAMIC

Los desórdenes de diferenciación sexual (DSD) son condiciones congénitas en las cuales existe una discrepancia entre el sexo cromosómico y el fenotípico (genital o gonadal). Generalmente, los pacientes se presentan en el período neonatal con ambigüedad genital, dificultando la asignación inmediata de sexo, o durante la adolescencia cuando se evidencia el desarrollo sexual atípico. El análisis molecular es una herramienta clave para establecer el diagnóstico, permitiendo un manejo personalizado del paciente y pudiendo reducir significativamente el período de incertidumbre para las familias con respecto a la asignación del sexo de crianza de su niño. De todas formas, el mismo posibilita el diagnóstico sólo en el 20% de los casos. Objetivo: La caracterización molecular de pacientes con diagnóstico de DSD 46,XX mediante el análisis de un grupo de genes relacionados con la diferenciación sexual. Método: Se analizaron 14 pacientes con diagnóstico de DSD 46,XX, clasificados como DSD testicular (n:6) y DSD ovotesticular (n:8). La caracterización molecular se realizó a partir del estudio en ADN proveniente de sangre periférica: para los genes NROB1, FOXL2, RSPO1 y WNT4 mediante secuenciación automática de la región codificante y regiones intrónicas flanqueantes, y el número de copias de los genes SRY, SOX9, NROB1, NR5A1 y WNT4 se analizó por la técnica de MLPA. Resultados: No se detectaron mutaciones ni variaciones en el número de copias en los genes estudiados. Conclusión: Estos resultados indican que otros factores genéticos o ambientales estarían involucrados en el desarrollo de la patología. A fin de realizar el diagnóstico etiológico de los pacientes con DSD, se sugiere la implementación de técnicas de secuenciación de nueva generación (NGS) junto con la técnica de hibridación genómica comparada (CGH) permitiendo el análisis simultáneo de una mayor cantidad de genes y disminuyendo el costo y tiempo.

234 (533) REGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN GÉNICA DE LOS RECEPTORES CLÁSICOS Y NO CLÁSICOS DE ESTRÓGENOS Y PROGESTERONA, EN HIPÓFISIS DE RATA, POR ESTRÓGENOS Y PROGESTERONA

María Andrea Camilletti; Erika Faraoni; Alejandra Abeledo; Graciela Diaz-Torga; María Cecilia Bottino
IBYME

Previamente demostramos que la ovariectomía (OVX) altera profundamente la expresión hipofisaria de los receptores clásicos y no clásicos de estrógenos y progesterona. Esto es seguramente provocado por la caída en los niveles de estradiol (E2) y progesterona (P4) que induce la OVX. Para profundizar este efecto, estudiamos la regulación que ejercen el E2 y la P4, a corto y largo plazo sobre la expresión de sus receptores. Se realizaron tratamientos agudos (1h, 2hs y 24hs) y crónicos (4 semanas), con E2 (valerato de E2, 0,2mg/kg, sc) o P4 (20mg/kg, sc) en ratas hembra Sprague Dawley adultas intactas. Se evaluó la expresión hipofisaria de los receptores clásicos y no clásicos de E2 y P4 por qRT-PCR. **TRATAMIENTOS CON ESTRADIOL:** el E2 regula **NEGATIVAMENTE**, tanto la expresión hipofisaria de sus propios receptores ER α , ER β y GPR30 a todos los tiempos estudiados, como también de los receptores de membrana de P4: PGRMC1 y mPR α . Esto explica el marcado aumento que provoca la OVX en la expresión de los mismos. En cuanto a los PRs, el E2 indujo un significativo aumento en la expresión de PRB sólo a tiempos largos. **TRATAMIENTOS CON P4:** provocaron un aumento transitorio, significativo en la expresión del PRB a tiempo corto, seguido por una caída en la expresión de los mismos a partir de las 24hs. Los tratamientos largos alteraron la expresión de los ER (aumento en la expresión del ER α , inhibición de la expresión de ER β). Concluimos que E2 y P4 regulan en la hipófisis la expresión génica de sus receptores. La disminución drástica de los niveles séricos de E2 y P4 inducidos por una OVX provocan un aumento en la expresión de los receptores de membrana, asociados a los efectos proliferativos y/o anti-apoptóticos de E2 y P4. Es así como un tratamiento crónico con E2 induce prolactinomas de mayor tamaño en hembras si las mismas son previamente OVX. Esto debe ser tenido en cuenta en aquellos tratamientos de reemplazo hormonal en mujeres que han sido sometidas a una OVX.

235 (566) EFECTOS DIFERENCIALES DE TESTOSTERONA Y TESTOSTERONA-BSA SOBRE CÉLULAS MUSCULARES LISAS PROSTATICAS

Nahuel Peinetti; Carolina Leimgruber; María Victoria Scalerandi; Amado Alfredo Quintar; Cristina Alicia Maldonado
Centro de Microscopía Electrónica. Facultad de Cs. Médicas, UNC. INICSA-CONICET

Las células musculares lisas de la próstata (CMLp) cumplen un papel primordial en el mantenimiento de la homeostasis glandular; estudios previos de nuestro laboratorio han demostrado que estas células son capaces de responder a estímulos inflamatorios diferenciándose a miofibroblastos y secretando citoquinas, respuesta que es modulada por testosterona (T). La T puede interactuar tanto con receptores citosólicos como a través de receptores ubicados en la membrana celular. En este trabajo nos propusimos determinar la participación de receptores de andrógeno de membrana (RAM) en la modulación de la respuesta a LPS en CMLp. En primera instancia se evaluó la presencia de RAM mediante citometría de flujo y microscopía confocal, encontrando marcación positiva para el RAM en la superficie celular por ambas técnicas. A continuación analizamos la activación de ERK1/2 y Akt mediante western blot, luego de estímulos de 10-30 min con T o T-BSA (conjugado de T impermeable a la membrana plasmática). El aumento en la fosforilación de ERK1/2 y de Akt ($p < 0,05$) demostró la funcionalidad de la señalización iniciada por T a nivel de membrana. Finalmente evaluamos el efecto de T o T-BSA sobre la secreción de IL-6 (ELISA). Para ello, CMLp en cultivo fueron estimuladas con LPS, LPS+T, LPS+T-BSA o sus vehículos durante 24 hs. El estímulo con T moduló negativamente los efectos de LPS, confirmando resultados previos. En contraste, T-BSA no moduló negativamente dicho efecto sino que por el contrario aumentó la liberación de IL-6 respecto a LPS ($p < 0,05$). En conclusión, se demostró que las CMLp responden a estímulos de T iniciados a nivel de membrana; por otra parte se observó un efecto diferencial en el que T modula la respuesta inflamatoria mientras que T-BSA, actuando solamente a

nivel de receptores de membrana, tiene un efecto contrario frente a un estímulo inflamatorio.

236 (651) EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE COMPONENTES DE LA VÍA DE SEÑALIZACIÓN NOTCH EN MODELOS MURINOS DE TUMORES HIPOFISARIOS

Sofía Perrone¹; Elías Gazza¹; Lautaro Zubeldía Brenner²; Nadia Bonadeo¹; Leticia Baccarini¹; Damasia Becú Villalobos²; Carolina Cristina¹
Centro de Investigaciones Básicas y Aplicadas CIBA CIT-NOBA CONICET-UNNOBA¹ IBYME²

La vía de señalización Notch participa en procesos de proliferación, apoptosis, angiogénesis y mantenimiento de células madre. Se ha vinculado a diversos tipos de cáncer pero se desconoce su rol en los adenomas hipofisarios. El objetivo del trabajo fue determinar comparativamente la expresión de los receptores Notch y otros componentes de la vía en diferentes modelos de tumores de hipófisis. Evaluamos la expresión de los receptores Notch1-4 por qRT-PCR en la línea celular tumoral de corticotropos murinos AtT20 en comparación con hipófisis de ratón. Los niveles de expresión de Notch3 resultaron menores en AtT20 respecto a la hipófisis normal. Notch4 mostró bajos niveles mientras que Notch1 y 2 fueron los más expresados con valores similares en ambos grupos. De manera interesante, el ligando Jagged1 mostró alta expresión en la línea respecto a las hipófisis murinas ($p < 0,05$) y el gen blanco de la vía Hes-5 no mostró diferencias significativas. A su vez los niveles de NOTCH1, 2 y 3, determinados por WesternBlot (WB), resultaron disminuidos en la línea celular. En modelos de prolactinomas de ratas (líneas GH3, MMQ y tumores xenograft de GH3 en ratones nude) comparando con hipófisis normales los perfiles de expresión de los receptores a nivel del ARNm resultaron también menores en las líneas tumorales respecto a la glándula normal. Notch2 fue el más expresado en todos los casos. Por WB se corroboró la menor expresión de NOTCH1 en los modelos tumorales mencionados y en prolactinomas generados con estrógenos. En este último se halló disminuida la expresión de NOTCH1 y 3 ($p = 0,053$ y $0,047$ $N = 3,3$ tumor vs control) por IHQ respecto a la hipófisis normal predominando la marca de NOTCH3, pero no de NOTCH1, en la proximidad de la zona marginal de la glándula. Estos resultados muestran un patrón diferencial de los receptores Notch en los tumores hipofisarios respecto a la glándula normal contribuyendo a la comprensión del rol de la vía de señalización en el desarrollo de estos adenomas

543 (414) EFECTO MODULADOR DE OCTREOTIDA SOBRE LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES DE SOMATOSTATINA Y TGF β 1 Y LA PROGRESIÓN DEL CICLO DE CÉLULAS TUMORALES ADENOHIPOFISARIAS

Florencia Picech; Liliána Sosa; María Eugenia Sabatino; Carolina Guido; Pablo Prez; Silvina Gutierrez; Ana De Paul; Alicia Torres; Juan Pablo Petiti
INICSA

Los tumores hipofisarios expresan bajos niveles de receptores de señales inhibitorias como los de somatostatina (SST) y TGF β 1. Se ha asociado la baja expresión de los receptores de SST con la resistencia al tratamiento con octreotida (OCT), análogo de SST, demostrando la relevancia de la regulación de la expresión de receptores anti-proliferativos. El objetivo fue analizar el efecto de OCT sobre la expresión de receptores de somatostatina (SSTR2 y SSTR5) y TGF β 1 (T β RI y T β RII), como así también sobre la proliferación en células tumorales adenohipofisarias. Cultivos de células GH3 fueron incubados con OCT (10 y 100nM) a diferentes tiempos (8-48hs). Se analizaron los niveles de ARNm de SSTR2/5, T β RI/II y β -actina por PCR y la expresión de proteínas reguladoras del ciclo celular (CiclinaD1 y Cdk4) por WB. Se cuantificó la proliferación celular mediante marcación de Ki67 y la progresión del ciclo celular por citometría de flujo. Estadística: Test-t. Se comprobó que las células GH3 expresan los receptores SSTR2 y SSTR5. Además, se observó que el tratamiento con OCT (10 y 100nM) aumentó la expresión de ARNm del receptor SSTR2,

sin cambios en los niveles de SSTR5. Respecto del efecto del análogo de SST sobre la expresión de los receptores de TGF β se visualizó un incremento en los niveles de T β RI y T β RII luego de la incubación con OCT. La exposición de las células a OCT (100nM) disminuyó significativamente la proliferación celular y la expresión de CiclinaD1 y Cdk4. El análisis de la progresión del ciclo celular mostró un aumento significativo de células en la fase G2/M, de manera dosis y tiempo dependiente. Los resultados demuestran que OCT modula la expresión de receptores de somatostatina y TGF β , sugiriendo una posible interacción entre ambas señales anti-mitogénicas en células GH3. Además, OCT ejerce efectos anti-proliferativos a través de la disminución de proteínas que regulan el ciclo celular, posiblemente a través de la inducción de arresto celular en la fase G2/M

INFECTOLOGÍA, INFLAMACIÓN E INMUNOLOGÍA 2

237 (181) CARVEDILOL MODIFICA LA VÍA AUTOFÁGICA DE TRYPANOSOMA CRUZI AFECTANDO LA SUPERVIVENCIA PARASITARIA

Cynthia Vanesa Rivero¹; María Cristina Vanrell¹; Juan Agustín Cueto²; Sara Trosin²; Paul Novick²; Patricia Silvia Romano¹ IHEM- UNCUYO¹ Stanford University CA-USA²

La Enfermedad de Chagas, causada por el protozoario *T. cruzi* posee una elevada incidencia en Argentina y en toda Latinoamérica. En su etapa crónica, esta patología cursa con inflamación y fibrosis miocárdica con la consecuente disfunción del sistema nervioso autónomo. Estudios recientes muestran que carvedilol, un antagonista de receptores beta adrenérgicos, es efectivo para reducir el daño oxidativo presente en la cardiomiopatía chagásica (Budni et al, 2012). Carvedilol también fue seleccionado como candidato en un tamizaje virtual de compuestos con estructura similar a K777, un inhibidor de cruzipaina, con acción antiproliferativa directa sobre *T. cruzi* (Novick P, datos no publicados), pero, a pesar de esta semejanza estructural, este compuesto no produjo inhibición de cruzipaina *in vitro*. En este trabajo nos propusimos estudiar el mecanismo de acción de carvedilol en *T. cruzi* a nivel celular. Nuestros resultados mostraron que en dosis de 10 μ M, este compuesto tiene un significativo efecto inhibitorio de la proliferación de epimastigotes ($p < 0.001$) y de amastigotes ($p < 0.001$). Estudios morfológicos de los parásitos tratados por microscopía electrónica de transmisión mostraron que los mismos contenían una gran cantidad de vacuolas de doble membrana y vesículas con membranas yuxtapuestas en su interior, similares a compartimientos autofágicos. Este aumento de compartimientos autofágicos fue confirmado por medio de la detección de TcAtg8, una proteína específica de autofagosomas. Llamativamente, el porcentaje de compartimientos ácidos y degradativos detectados con marcadores específicos se redujo considerablemente en presencia de carvedilol, aún en condiciones de inducción de autofagia. Estos resultados indican que carvedilol actúa sobre la vía autofágica parasitaria produciendo una acumulación de compartimientos autofágicos no degradativos que afectan el crecimiento y la vitalidad de *T. cruzi*. Los hallazgos del presente estudio documentan que carvedilol tiene un efecto directo sobre *T. cruzi*, pudiendo ser utilizado en un futuro como un nuevo tratamiento para la Enfermedad de Chagas.

238 (421) EVOLUCIÓN DE CITOQUINAS TH1/TH2 EN LA INFECCIÓN CON TRICHINELLA SPIRALIS (TS) EN CINCO LÍNEAS DE RATONES DE LA COLONIA CBI-IGE CON DISTINTA SUSCEPTIBILIDAD AL PARÁSITO

María D Vasconi^{1,2}; Ana V Codina¹; Paula Indelman²; Ricardo Di Masso^{1,3}; Lucila Hinrichsen^{1,3} Instituto de Genética Experimental, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Rosario¹ Área Parasitología, Facultad de Ciencias Bioquímicas y Farmacéuticas UNR² CIC-UNR Universidad Nacional de Rosario³

Ts es un nematode de complejo ciclo evolutivo en el que se alternan distintas formas morfológicas extra e intracelulares en el mismo huésped. La infección con este parásito genera una

variada respuesta inmune. El genotipo del hospedero cumple un rol importante en esta respuesta. El estudio de la carga parasitaria muscular (CPr) en líneas de ratones de la colonia CBI-IGE, 40 días después de la infección con dosis crecientes y comparables de *Ts*, mostró una muy resistente (CBI/L), una muy susceptible (CBI+) y tres de susceptibilidad intermedia (CBI-, CBI/C y CBI). El objetivo de este trabajo fue analizar el comportamiento de las citoquinas (CQ) IL-2, IL-4, IL-10 e IFN- γ en las 5 líneas durante el curso de la infección con *Ts*. Los animales ($n=14$ por genotipo, sexo y fecha de sacrificio), infectados con 2 larvas de *Ts* por g de peso, se sacrificaron a los 3, 6, 13 y 30 días post-infección (p-i). Los niveles séricos (pg/ml) de las CQ en las distintas fechas se midieron con un ELISA y se estimó CPr (número larvas L1/g tejido) en lengua a los 30 días p-i. En las fechas analizadas, todos los genotipos produjeron citoquinas del tipo Th1 y Th2, es decir una respuesta mixta. La relación Th1/Th2 medida por el cociente IFN- γ /IL-4 varió en función del tiempo p-i para cada genotipo. Los genotipos susceptibles CBI+, CBI-, CBI y CBI/C mostraron en todas las fechas estudiadas los valores de IFN- γ superiores a los de IL-4. La línea resistente CBI/L mostró esa relación IFN- γ /IL-4 a los 3 días post-infección. A partir del día 6 p-i este genotipo disminuyó IFN- γ a valores similares a los de IL-4. Esto indicaría una inclinación de la respuesta inmune hacia Th2. Las CPr (media \pm EE) fueron: CBI/L (77 \pm 8,5), CBI+ (911 \pm 163,5), CBI- (296 \pm 75,4), CBI (598 \pm 71,5) y CBI/C (662 \pm 102,2). La interacción entre la respuesta inmune y los agentes infecciosos es una relación dinámica. La inclinación de la respuesta del hospedero hacia Th2 en la fase aguda ayudó en la resistencia del genotipo CBI/L.

239 (426) VARIACIÓN EN LA RESPUESTA DE CITOQUINAS EN DOS LÍNEAS DE RATONES CON DISTINTA SUSCEPTIBILIDAD/RESISTENCIA A TRICHINELLA SPIRALIS (TS) Y EN SUS HÍBRIDOS RECÍPROCOS F1, EN LA REINFECCIÓN CON EL PARÁSITO

Ana V Codina^{1,4}; Paula Indelman^{2,4}; Ricardo Di Masso^{1,3}; María Delia Vasconi^{1,2}; Lucila Hinrichsen^{1,3} Instituto de Genética Experimental, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Rosario¹ Área Parasitología, Fac. de Ciencias Bioquímicas y Farmacéuticas, Universidad Nacional de Rosario² CIC-UNR, Universidad Nacional de Rosario³ contribuyeron igualmente⁴

El genotipo del hospedero es, sin duda, importante en el control de las infecciones parasitarias y en el establecimiento de una infección. Anteriormente se demostró que las líneas de ratones CBI-IGE difieren en su respuesta al desafío con *Trichinella spiralis* (*Ts*), CBI+ es susceptible, CBI/L resistente y sus cruces recíprocas (F1) intermedias. En la primoinfección estos animales mostraron, independientemente de su genotipo, un patrón combinado de citoquinas séricas Th1/Th2. Con el objetivo de develar los mecanismos inmunológicos involucrados en la defensa de estos hospederos frente a una segunda infección con *Ts*, se estudió el comportamiento de IL-2, IL-4, IFN γ e IL-10 en ratones de los grupos genéticos mencionados. Los animales ($n=8$ por grupo y fecha de sacrificio) se infectaron (i) con 2 larvas de *Ts* por g de peso y se re infectaron (ri) con la misma dosis 30 días después. Los niveles séricos (pg/ml) de las IL en las distintas fechas se midieron con un ELISA y se estimó la CPr (número larvas L1/g tejido) en lengua a los 30 días p-ri. La CPr-ri fue alta en CBI+, intermedia en las F1 y baja en CBI/L ($P < 0,001$). La diferencia entre CPr-i y CPr-ri sólo fue significativa en machos CBI+ (media \pm EE, CPr-i=910 \pm 163,5, CPr-ri=1685 \pm 130,2; $P=0,0012$) y CBI/L (CPr-i=128 \pm 15,7, CPr p-ri=241 \pm 17,1; $P < 0,001$). Estos resultados indican que los grupos genéticos mantienen su carácter de resistencia /susceptibilidad frente a una ri. CBI+ (susceptible) disminuyó IFN γ e IL-4 entre los días 30 p-i y 3 p-ri ($P < 0,01$). Por el contrario, CBI/L (resistente) aumentó IFN γ al comienzo de la ri ($P < 0,01$); la respuesta de las F1 fue similar a la de CBI/L. Los mecanismos inmunológicos activados después de una infección secundaría por *Ts* no se conocen completamente: en la primoinfección el momento en que se producen las IL y la rapidez con que actúan marcan la respuesta frente al parásito y, muy probablemente, afectan el grado de protección frente a una reinfección.

240 (428) ROL DE LOS RECEPTORES TIROSINA QUINASA TAM EN LA FISIOPATOLOGÍA DE LA HISTIOCITOSIS DE CÉLULAS DE LANGERHANS PEDIÁTRICA

Eugenio Antonio Carrera Silva¹; Licina Tessone²; Diego A Rosso³; Andrea E. Errasti²
 IMEX¹ Instituto de Farmacología, Facultad de Medicina, UBA² Hospital P de Elizalde³

La Histiocitosis de células de Langerhans (HCL) es una enfermedad de baja prevalencia pero con significativo impacto sobre la población pediátrica por el elevado riesgo de mortalidad en menores de 2 años. Se caracteriza por lesiones con presencia de células de Langerhans CD1a/CD207, células T, eosinófilos y macrófagos. Pueden afectar un solo órgano, como piel, hueso o pulmón o varios tejidos a la vez con riesgo de falla orgánica. Su etiopatología es desconocida y se especula sería el resultado de un desbalance inflamatorio, transformación neoplásica de precursores tisulares o consecuencia de ambos procesos. Los receptores tirosina quinasa TYRO3, AXL y MERTK (TAM) y sus ligandos Proteína S (PROS1) y GAS6 tienen un rol preponderante en la homeostasis inmune controlando la magnitud de la respuesta inflamatoria. Sin embargo, la sobreexpresión de estos receptores y sus ligandos son frecuentemente asociados también a proliferación e invasión tumoral. Nuestro objetivo es evaluar el rol de los receptores TAM en la patogénesis de la HCL teniendo en cuenta las dos aristas de la activación de los receptores TAM, como moduladores de la respuesta inmune y por su potencial rol neoplásico. Hemos analizado 4 pacientes HCL activos, 2 de ellos con compromiso multisistémico y, 7 en remisión. Los HCL activos muestran gran incremento de la fracción monocítica (CD11b^{high}CD11c⁺) e interesadamente, TYRO3 y PROS1 se encuentran incrementados en el compartimento mieloide y T de pacientes pediátricos en actividad. Los 2 pacientes con compromiso multisistémico presentaban células circulantes CD1a/CD207. El tratamiento durante 6 semanas con meprednisona y vinblastina se correlacionó positivamente con una reducción de la fracción monocítica y de los niveles de PROS1 y TYRO3. Discernir el rol de la vía de señalización TAM en la inducción y expansión de células HCL patogénicas permitirá contar no solo con nuevas herramientas diagnósticas, sino también proponer a la vía TAM como blancos terapéuticos.

241 (445) LA TOXINA SHIGA TIPO 2 (STX2) PRODUCE ABORTO EN RATAS EN ETAPA TEMPRANA DE GESTACIÓN. PROTECCIÓN POR INMUNIZACIÓN CON LA QUIMERA FORMADA POR LA SUBUNIDAD B DE STX2 Y LA LUMAZINA SINTETASA DE BRUCELLA SPP

Flavia Sacerdoti¹; María Pilar Mejías²; Andrea Cecilia Burballa²; Julieta Aisemberg³; María Marta Amaral¹; Ana María Franchi³; Marina Sandra Palermo²; Cristina Ibarra¹
 Lab. Fisiopatología, IFIBIO-Houssay, Dpto. Fisiología, Facultad de Medicina, UBA¹ Lab. Patogénesis e Inmunología de procesos infecciosos, IMEX-CONICET, Academia Nacional de Medicina² CEFYBO-CONICET, Buenos Aires, Argentina³

Las infecciones por *E. coli* productor de toxina Shiga (STEC) durante el embarazo podrían causar daños maternos y fetales mediados por la toxina Shiga tipo 2 (Stx2). Previamente demostramos que Stx2 produce alteraciones en la unidad útero-feto-placentaria que desencadenan el aborto en ratas en etapa temprana de gestación. En el presente trabajo realizamos una inmunización con la quimera formada por la subunidad B de Stx2 y la lumazina sintetasa de *Brucella spp.* (BLS-Stx2B) con el objetivo de prevenir el aborto inducido por la toxina. Se inyectaron 3 dosis subcutáneas de BLS-Stx2B (200 µg/dosis), una cada 15 días. Los niveles séricos de anticuerpos anti-Stx2B se analizaron por ELISA, y la capacidad neutralizante por ensayo de viabilidad en células Vero. La leche materna obtenida a los 21 días después del parto, se analizó por la técnica de dot blot. Las ratas inmunizadas y no inmunizadas, se preñaron y se desafiaron a los 8 días de gestación con 0,5 ng de Stx2/g ó PBS. Se evaluó el peso materno durante la preñez y el número de nacimientos a término. Las crías de madres inmunizadas,

amamantadas hasta el destete, se desafiaron con una dosis letal (DL) de Stx2 (100 ng; DL100). La inmunización produjo altos niveles de anticuerpos neutralizantes anti-Stx2. Las madres del grupo inmunizado ganaron peso progresivamente y tuvieron crías de peso normal. El número de crías fue similar al de las ratas controles. Las ratas no inmunizadas y desafiadas con Stx2 perdieron peso y tuvieron 100% de aborto. En la leche de las madres inmunizadas se detectaron anticuerpos anti-Stx2. Todas las crías de las madres inmunizadas, sobrevivieron a la dosis letal de Stx2. Si bien aún no se ha estudiado la posibilidad de que STEC pueda provocar daños en la gestación en humanos, estos resultados indican que podría ser un factor de riesgo para el embarazo y que la inmunidad contra Stx2 sería un factor preventivo de los efectos citotóxicos de la toxina.

242 (598) ROL DE PROTEÍNA S Y LOS RECEPTORES TIROSINA QUINASA TAM EN LA INMUNOREGULACIÓN DE LAS ENFERMEDADES INFLAMATORIAS INTESTINALES

Licina Tessone¹; Paula Chavero²; Alicia Sambuelli²; Gabriela De Larraaga⁴; Facundo G. Pelorosso¹; Arnaldo R. Armesto¹; E. Antonio Carrera Silva³; Andrea E. Errasti¹
 Instituto de Farmacología, Facultad de Medicina, UBA.¹ Hospital de Gastroenterología B. Udaondo² IMEX³ Hospital de Enfermedades Infecciosas F. Muñiz⁴

Las Enfermedades Inflamatorias Intestinales (EII) son desórdenes recurrentes del tracto gastrointestinal caracterizados por inflamación crónica de la mucosa y daño tisular. La farmacoterapia actual se focaliza en la reducción de la respuesta inflamatoria. Sin embargo, la EII se asocia frecuentemente a una reparación tisular deficiente o patológica que se manifiesta por la formación de úlceras o fístulas así como de fibrosis o estenosis intestinal.

Los receptores TAM (TYRO3, AXL y MER) pertenecen a una subfamilia de receptores tirosina quinasa recientemente descritos como potentes moduladores de la respuesta inmune cuando son activados por sus ligandos, Proteína S (PROS1) o GAS6. Interesadamente, PROS1 es expresado luego de la activación de los linfocitos T reduciendo la magnitud de la respuesta inmune innata, y podría ser un mecanismo clave para el control de los procesos inflamatorios crónicos. Por otro lado, se ha observado que la pérdida de AXL y MER está ligado no solo a un incremento de la inflamación sino también a un deterioro en la polarización de macrófagos M2 involucrados en la reparación tisular.

En el presente trabajo observamos que pacientes con Chron activa exhiben niveles plasmáticos de PROS1 significativamente disminuidos con respecto a los voluntarios sanos y pacientes en remisión analizando 54 individuos que incluyen, Colitis ulcerosa, Chron, activos y en remisión y sanos. Por otro lado, se observó un incremento significativo de la fracción CD11b+CD11c+CD64+ en sangre periférica de pacientes con Chron activa. Remarcablemente, células T activadas in vitro también mostraron una expresión significativamente menor con respecto a los voluntarios sanos indicando probablemente una falla en la activación de la vía antiinflamatoria TAM en esta patología.

Identificar los mecanismos que promueven no solo el control de la inflamación sino también la reparación tisular por inducción de macrófagos M2 sería clave para el desarrollo de mejores terapias en EII.

ENDOCRINOLOGÍA 2

243 (58) PAPEL DE LOS MICROARNs 92A Y 93EN LA AUTORREGULACIÓN DE LA TIROIDES

Leonardo Salvarredi¹; Lisa Thomasz¹³; Luciano Rossich¹; Mario Pisarev¹³; Alfredo Fusco²; Guillermo Juvenal¹³
 Comisión Nacional de Energía Atómica¹ IEOS-CNR, Nápoles, Italia² CONICET³

Introducción: El yodo es utilizado por la tiroides para sintetizar hormonas tiroideas pero cumple además un papel regulatorio a través de la síntesis de iodolípidos como el 2-iodohexadecanal (2-IHDA). Los microARNs (miRs) son una clase de ARNs no codificantes asociados a procesos celulares como la proliferación celular, el desarrollo y la apoptosis. Estudios previos de nuestro laboratorio demuestran que el

microARN let-7f media parte de los efectos inhibitorios del 2-IHDA. Objetivo: Estudiar el papel de otros miRs como intermediarios del efecto del 2-IHDA sobre el crecimiento tiroideo *in vitro*. Metodología y Resultados: Líneas celulares FRTL-5 fueron tratadas con concentraciones crecientes de 2-IHDA o KI en presencia de TSH durante 24h. Se realizó un análisis de expresión de miRs por medio de un microarray. La incubación de 2-IHDA 10uM resultó en la expresión diferencial de 20 miRs respecto al control ($p < 0.05$). A partir de un análisis bioinformático fueron seleccionados los miRs 92a y 93, cuya expresión se vio que estaba disminuida por el 2-IHDA. Esta disminución se validó por qPCR (miR 92a 3.15 veces; miR93; 2,64 veces). Para estudiar la función de estos miRs las células fueron transfectadas con precursores sintéticos (pre-miR) y posteriormente tratadas con concentraciones crecientes del iodolípido (10uM y 30uM). Se observó un incremento de la proliferación celular ($p < 0.05$) por el miR 92a y una reversión parcial del efecto inhibitorio del 2-IHDA por el miR 93 ($p < 0.05$). Conclusiones: Los miRs 92a y 93 constituyen posibles mediadores del 2-IHDA sobre el crecimiento celular. Estudios complementarios sobre los genes target de estos miRs deben ser realizados para conocer los mecanismos involucrados.

244 (308) ESTUDIO DE LA EXPRESIÓN *IN VITRO* DE VARIANTES DEL GEN IGFALS HALLADAS EN NIÑOS CON DEFICIENCIA DE ALS (ALS-D) O CON TALLA BAJA IDIOPÁTICA (TBI)

Lucía Camila Martucci; Paula Alejandra Scaglia; Mariana Liliana Gutiérrez; Liliana Margarita Karabatas; Rodolfo Alberto Rey; Horacio Mario Domené; Sabina Domené; Héctor Guillermo Jasper
CEDIE, CONICET-FEI-División de Endocrinología, Hospital de Niños Ricardo Gutiérrez, Buenos Aires

Introducción: La subunidad ácido-lábil (ALS) forma junto a IGF-I e IGFBP-3 complejos ternarios (CT), prolongando la vida media del IGF-I circulante. Niños con ALS-D, con ambos alelos mutados, presentan reducción severa de los niveles séricos de IGF-I e IGFBP-3 y retraso leve a moderado del crecimiento. Familiares portadores heterocigotos de estas mutaciones, poseen valores de IGFs intermedios entre ALS-D y no portadores, sugiriendo un efecto de dosis génica. Objetivo: Para caracterizar el efecto de variantes del gen *IGFALS* sobre la síntesis, secreción y función de la ALS, se expresaron *in vitro* 13 variantes (p.E35Kfs*87, p.E35Gfs*17, p.L213F, p.N276S, p.R277H, p.P287L, p.A330D, p.L409F, p.A475V, p.R493H, p.C540R, p.S490W y p.R548W) halladas en niños ALS-D y/o TBI (heterocigotos) y se evaluó su capacidad de ser secretadas y de formar CT *in vitro*. Métodos: Las variantes del gen *IGFALS* se obtuvieron por mutagénesis dirigida. Se transfectaron células CHO con *IGFALS* salvaje (WT) o con las variantes. Se detectó ALS en los lisados celulares (LC) y medios condicionados (MC) por Western immunoblot (WIB) y en MC por ELISA. La formación de CT de las variantes se evaluó incubando MC con ¹²⁵I-IGF-I e IGFBP-3 y posterior cromatografía de exclusión molecular. Resultados: WIB muestran que: a) p.R277H, p.P287L, p.A330D, p.A475V, p.R493H y p.R548W se detectan en LC y MC; b) p.E35Kfs*87, p.E35Gfs*17, p.N276S, p.L409F, p.S490W y p.C540R no se observan en LC ni MC y c) p.L213F se visualiza sólo en LC. Al determinar ALS por ELISA en CM los niveles de p.A330D secretada fueron significativamente menores que WT-ALS ($p < 0.05$). La capacidad de formar CT *in vitro* de p.P287L, p.A330D, p.A475V y p.R548W fue similar a la de WT-ALS. Conclusiones: Todas las variantes presentes en ALS-D afectaron la síntesis y/o secreción de ALS. Las variantes presentes en TBI en heterocigosis presentaron síntesis normal, reducida o ausente. Las variantes secretadas mantuvieron su capacidad de formar CT *in vitro*.

245 (251) VIAS DE SEÑALIZACIÓN INVOLUCRADAS EN EL EFECTO ANTIAPOPTÓTICO DE LA HUMANINA EN CÉLULAS PITUITARIAS

María Florencia Gottardo; Mariela A. Moreno Ayala; Sandra Zárate; Jimena Ferraris; Gabriela Jaita; Marianela Candolfi; Adriana Seillicovich
INBIOMED (UBA-CONICET)

La Humanina (HN) es un péptido aislado originalmente de un ADNc de neuronas de pacientes con enfermedad de Alzheimer con acción citoprotectora en varios tipos celulares. La Ratina (HNR), péptido homólogo de HN en rata, también tiene una acción citoprotectora. Previamente, hemos demostrado que la HNR se expresa en células adenohipofisarias normales y tumorales, en las cuales la HN inhibe la apoptosis inducida por TNF- α . Nuestro objetivo fue identificar las vías de señalización que median el efecto antiapoptótico de la HN en la línea tumoral de somatotropos GH3. La expresión de HNR (por citometría de flujo) es mayor que en células adenohipofisarias no tumorales ($p < 0.05$, χ^2). Con el objetivo de estudiar los mecanismos involucrados en la acción de HN, células GH3 fueron incubadas con HN y TNF- α en presencia de inhibidores de las vías de señalización de STAT3, AKT, MEK, JNK y p38 y la apoptosis fue determinada por TUNEL. La inhibición de STAT3 con JSI-124 bloqueó el efecto antiapoptótico de HN (TNF- α : 9.5%; TNF- α -HN: 4.3%; TNF- α -JSI-124: 10.2%; TNF- α -HN-JSI-124: 8.7, $p < 0.05$, χ^2). Los inhibidores de las otras vías no modificaron la acción de HN. Además, analizamos el rol del NFkB en el efecto de la HN utilizando un inhibidor de esta vía, BAY 11-7082 (BAY). BAY inhibió el efecto antiapoptótico de la HN en presencia de TNF- α (TNF- α : 8.3%; TNF- α -HN: 3.6%; TNF- α -BAY: 8.1%; TNF- α -HN-BAY: 7.9, $p < 0.05$, χ^2). Además, la HN (por WB) disminuyó la expresión de la proteína proapoptótica Bax y aumentó la de la antiapoptótica Bcl2. Nuestros resultados sugieren que tanto STAT3 como NFkB así como las proteínas de la familia Bcl2 median la acción antiapoptótica de la HN. El mecanismo de acción de la HN en células tumorales adenohipofisarias sería complejo y estarían involucradas múltiples vías. Estos resultados pueden contribuir al diseño de una terapia utilizando la HN como un potencial blanco terapéutico para el tratamiento alternativo de tumores hipofisarios.

246 (425) CÉLULAS STEM/PROGENITORAS AISLADAS DE HIPÓFISIS ADULTAS SON CAPACES DE FORMAR ESFEROIDES Y DIFERENCIARSE A DISTINTOS LINAJES

Alicia Vaca; Liliana Sosa; Carolina Guido; Jp. Petiti; Alicia Torres
Centro de Microscopía Electrónica, Fac. de Cs. Médicas, UNC, INICSA-Conicet

La presencia de células stem/progenitoras (CS/P) ha sido previamente demostrada en la zona marginal de hipófisis de ratas adultas. Para completar la caracterización morfológica y funcional de las CS/P nos propusimos obtener estructuras esféricas, denominadas "pituesferas", a partir de cultivos hipofisarios de ratas adultas. Suspensiones celulares de hipófisis de rata hembras Wistar de 3 meses de edad fueron cultivadas por 48h en medio adecuado para favorecer la adherencia de células epiteliales. Luego, el sobrenadante fue cultivado en placas no adherentes con medio suplementado con B27, para mantener el estado indiferenciado de CS/P y con FGF-2 y EGF. Se realizaron 5 pasajes para enriquecer el cultivo con esferoides y disminuir la formación de agregados celulares. La expresión de marcadores de fenotipo stem: GFRa2, Oct-4 y Sox2 y progenitor: Sox9 fue determinada por inmunofluorescencia en cortes de ultracromiocrótomo. Además, se realizaron ensayos de autorenovación y diferenciación de pituesferas en medios específicos para distintos linajes. Una población heterogénea de esferoides en tamaño y celularidad fue observada por microscopía de contraste de fase. A nivel ultraestructural, se identificaron células con escaso citoplasma y núcleos de gran tamaño en zona central de la pituesfera, mientras que algunas con morfología compatible a células mesenquimales se distribuyeron en la periferia. Las células de los esferoides fueron positivas para GFRa2, Oct-4, Sox2 y Sox9 y negativas para PRL. El ensayo de autorenovación reveló que una única célula es capaz de originar un esferoide completo. Las pituesferas, mantenidas en medios específicos, se diferenciaron a células que expresaron PRL y GH y fenotipos similares a neuronas Tuj-1+ y GFAP+. Estos resultados demuestran la capacidad de las CS/P de formar esferoides en cultivo y de diferenciarse a distintos linajes celulares, lo cual indica el grado de pluripotencialidad de esta población de células hipofisarias.

- 247 (437) EFECTOS IN VIVO DEL ALENDRONATO SOBRE EL HUESO DIABÉTICO: ESTUDIO DE DIFERENCIACIÓN DE CPMO E HISTOMORFOMETRÍA EN UN MODELO MURINO DE DIABETES CON DÉFICIT PARCIAL DE INSULINA**
 Sara Chuguransky; Antonio Mccarthy; Ana Mara Cortizo
 Univ. Nac. de La Plata Fac. de Cs. Exactas

La Diabetes mellitus se asocia con alteraciones óseas. El Alendronato(Ale) interviene en la osteogénesis, condrogénesis y adipogénesis. Se estudió el efecto del tratamiento con Ale sobre la microarquitectura ósea y la capacidad osteogénica, adipogénica y condrogénica de CPMO que se obtuvieron por lavado del canal diafisario femoral de ratas Wistar, sometidas a un tratamiento oral con Ale (1mg/kg/día) en el agua de bebida durante 15 días. Se les indujo Diabetes por inyecciones de estreptozotocina (60mg/kg/día) y nicotinamida (75mg/kg/día). Los grupos experimentales fueron: Control (C), Control+Ale (CA), Diabéticas (D) y Diabéticas+Ale (DA). Las CPMO se incubaron 7-21 días en medios de diferenciación específico. Se evaluó la diferenciación osteoblástica por FAL,Col-1 y Min. La diferenciación condrogénica se evaluó por producción de GAG y la adipogénica por acumulación intracelular de triglicéridos. Para evaluar los efectos en la microarquitectura y celularidad ósea se diseccionaron fémures de ratas de los 4 grupos. Los cortes histológicos se tiñieron con Hematoxilina-eosina y TRAP. Las CPMO de ratas D mostraron una menor capacidad osteogénica y condrogénica que las del grupo C, observándose una disminución significativa ($p < 0,05$ de C) de Col-1 (51%), FAL (10%), Min (20%) y GAG (40%); en tanto que las CPMO de DA mostraron una prevención total o parcial de estos efectos (Col-1 y FAL-C, Min 40% y GAG 82%). En la diferenciación adipogénica se observó un aumento en la producción de triglicéridos intracelulares en el grupo D (166%) y una prevención de este efecto en el grupo DA (80%). El área trabecular relativa disminuyó en el grupo D (78%), efecto que fue prevenido por el tratamiento con Ale(DA). La densidad de osteocitos en los grupos D y DA no mostró variaciones respecto a C, aunque sí hubo un aumento en el grupo CA (170%). El área TRAP aumentó en el grupo D (171%) mientras que en los grupos CA y DA disminuyó respecto de C. En conclusión el Ale previno los efectos deletéreos inducidos por la Diabetes.

- 248 (501) LA OVARIECTOMÍA (OVX) INDUCE PROFUNDAS ALTERACIONES EN EL SISTEMA TGF- β 1 HIPOFISARIO PREDISPONIDO A LA GLÁNDULA A UN FENOTIPO PROLIFERATIVO**
 María Andrea Camilletti; Alejandra Abeledo; Erika Faraoni; María Cecilia Bottino; Graciela Diaz-Torga
 IBYME

Previamente demostramos que un tratamiento crónico con estrógenos (pellet sc de 20mg de dietilestilbestrol, 4 sem) en ratas hembra adultas Sprague Dawley, genera prolactinomas de mayor tamaño si las hembras son previamente OVX. En el presente trabajo estudiamos las alteraciones hipofisarias que provoca la OVX sobre uno de los principales sistemas inhibitorios de la función del lactotrofo: el sistema TGF β 1. Observamos que la OVX provoca una drástica disminución de la actividad biológica de TGF β 1 en la hipófisis (pSMAD2/3 medido por western, genes blanco medidos por qRT-PCR), hecho que favorecería al desarrollo del prolactinoma. Sin embargo, llamativamente, no encontramos alterados los niveles de TGF β 1 activo y total (ELISA). Por el contrario, al evaluar la expresión de otros componentes del sistema por qRT-PCR observamos que tanto sus receptores (TBR1, ALK1, ALK5), sus correceptores (endoglin, LRG1) y hasta la misma citoquina (mRNA) se encontraban aumentados en hipófisis OVX. ¿Por qué el aumento en la expresión de todo el sistema TGF β 1 no se ve reflejado en un aumento de la actividad biológica de la citoquina? Decorina y biglican (pequeños proteoglicanos) son capaces de secuestrar TGF β 1 dentro de la matriz extracelular, impidiendo así su efecto. Evaluamos la expresión de estos compuestos y observamos un significativo aumento de Decorina y Biglican en hipófisis de hembras OVX. Corroboramos que ambos proteoglicanos son regulados NEGATIVAMENTE por estradiol (valerato de E2, 0,2mg/kg, sc), en tratamientos agudos (1, 2 y 24hs) y

crónicos (DES, 4 semanas). Concluimos que la OVX provoca una drástica disminución en la actividad biológica de TGF β 1 en hipófisis, favoreciendo el desarrollo de un prolactinoma de mayor tamaño (respecto a hembras enteras). Esto NO se debería a una baja expresión del sistema TGF β 1 local, sino principalmente al secuestro de la citoquina en la matriz extracelular por Decorina y Biglican en hipófisis de hembras OVX.

- 422 (436) EFECTO REGULADOR DEL ESTRADIOL SOBRE LA PALMITOILACIÓN DEL RE α Y LA PROLIFERACIÓN DE CÉLULAS ADENOHIPOFISARIAS NORMALES Y TUMORALES**
 Liliana Del Valle Sosa¹; Alicia M. Vaca¹; Florencia Picech¹; Carolina B. Guido¹; Juan Pablo Nicola²; Juan Pablo Petiti¹; Ana De Paul¹; Silvina Gutierrez¹; Alicia I. Torres¹
 Centro de Microscopia Electrica-INICSA-CONICET¹ CI-BICI-CONICET, Fac de Ciencias Químicas, Univ. Nac. de Córdoba²

En trabajos previos hemos demostrado la palmitoilación del RE α en células adenohipofisarias normales y tumorales. La regulación de esta modificación postraduccional del RE α mediada por estradiol (E2) podría modificar la movilización del pool de RE intracelulares a la membrana plasmática. El objetivo fue determinar si E2 es capaz de modular la expresión de las palmitoilasas DHHC-7 y DHHC-21 y la actividad proliferativa de células adenohipofisarias normales y tumorales. Cultivos primarios adenohipofisarios de ratas Wistar hembra y de la línea GH3 fueron tratados con E2 (10nM) por 30 min. La expresión de RE α de membrana (RE α m) fue evaluada por biotilación de proteínas de membrana y la asociación del RE α m y caveolina-1(cav-1) por inmunoprecipitación. La proliferación celular fue analizada luego de 24h de incorporación de BrdU por inmunocitoquímica. La expresión del RE α , cav-1 y ERK total y fosforilada fue analizada por WB. La participación de las palmitoilasas fue evaluada utilizando el inhibidor, 2bromo palmitato (2BP, 10 μ M). Los niveles de ARNm de DHHC-7 y DHHC-21 se determinaron por qPCR luego de 3, 6, 9 h de estímulo con E2. Estadística: Test-t. La inhibición de la palmitoilación del RE α indujo pérdida de su localización en membrana e inhibición de la asociación de RE α y cav-1 en cultivos primarios y GH3. En ambos tipos celulares, los niveles de ARNm de DHHC-7 y DHHC-21 disminuyeron luego de 3h de incubación con E2, alcanzando niveles similares al control luego de 6h de estímulo. En cultivos primarios, E2 no produjo cambios en la actividad mitogénica, observándose la inhibición de la fosforilación de ERK1/2 con 2BP. Sin embargo, E2 aumentó la proliferación de células GH3 en forma coincidente con la fosforilación de ERK1/2, efectos que fueron inhibidos por 2BP. En resumen, el E2 podría modular las palmitoilasas DHHC-7 y DHHC-21 regulando así, la expresión del RE α de membrana y finalmente la proliferación de células adenohipofisarias normales y tumorales

ONCOLOGÍA 4

- 249 (8) ESTUDIO DE CRECIMIENTO DE CÉLULAS DE CÁNCER DE VEJIGA SILENCIADAS PARA INOS MEDIANTE ENSAYOS DE BIOLUMINISCENCIA IN VIVO**
 Denise Belgorosky¹; Julie Girouard²; Jovane Hamelin-Morissette²; Carlos Reyes-Moreno²; Ana María Eijan¹
 Inst. de Oncología Dr. Angel Roffo¹ Universidad de Quebec en Trois Rivières (UQTR)²

Introducción: La expresión de iNOS, enzima productora de altos niveles de óxido nítrico (NO), en los tumores de vejiga humana es un factor de mal pronóstico, asociado a invasión y recurrencias tumorales. La utilización de inhibidores farmacológicos de la producción de NO reducen la proliferación y el crecimiento in vivo de células de CaV murinas, indicando que el NO es un factor de supervivencia para estos tumores. Para establecer la importancia de iNOS en CaV planteamos como objetivo silenciar genéticamente iNOS y estudiar el crecimiento tumoral mediante ensayos de bioluminiscencia in vivo. Metodología: **Invitro**: Las células MB49-I, expresando consti-

tivamente la enzima luciferasa se silenciaron para iNOS, utilizando un shRNA (MB49-I-shiNOS-Luc). Como control se generó la línea MB49-I-scr-Luc. Se evaluó el silenciamiento por western blot y actividad enzimática a través del reactivo de Griess. **In vivo:** Ratones C57BL/6J fueron inoculados en subcutáneo ($2,5 \times 10^5$ cel/ratón) o en la vejiga ($2,5 \times 10^4$ cel/ratón) para analizar: a) crecimiento tumoral y b) diseminación metastásica usando un equipo Sistema Xenogen IVIS Spectrum, que permite visualización y cuantificación de células dentro de un organismo vivo a tiempo real. Resultados: La línea MB49-I-shiNOS-Luc, presentó un silenciamiento mayor al 50%, observado tanto en la expresión de la enzima, como en su actividad ($p < 0.01$ vs. MB49-I-scr-Luc). Dicho silenciamiento inhibió el crecimiento de tumores subcutáneos y ortotópicos ($p < 0.05$; $p < 0.01$ respectivamente vs. MB49-I-scr-Luc), cuantificado como niveles de luminiscencia. No fue posible identificar presencia de metástasis. Conclusión: Silenciando el gen que codifica para iNOS, confirmamos los resultados previamente reportados utilizando inhibidores farmacológicos, donde el NO es un factor de sobrevida para los tumores MB49-I. Las células generadas, son una herramienta útil para evaluar el crecimiento en tiempo real, y para posibles estudios preclínicos.

250 (47) ROL DE LA METALOPROTEINASA ASOCIADA A MEMBRANA DE TIPO I (MT1-MMP) DURANTE LA TRANSICIÓN DE TUMORES DE UN ESTADIO IN SITU A UNO INVASOR EN EL CARCINOMA DE MAMA

Catalina Lodillinsky¹; Elvira Infante²; Alan Guichard²; Laetitia Fuhrmann²; Marie Irondelle²; Anne Vincent-Salomon²; Ana María Eijan¹; Philippe Chavrier²
Inst de Oncología AH Roffo¹ Membrane and Cytoskeleton Dynamics, Institut Curie, Research Center, 75005 Paris, France²

Comprender el proceso de progresión tumoral requiere un análisis tanto a nivel molecular, como celular. En particular, la transición del carcinoma ductal *in situ* a un estadio invasor es un proceso aun no conocido. MT1-MMP es esencial para la remodelación del colágeno intersticial durante la invasión. La función de MT1-MMP durante la transición de tumores *in situ* a invasor fue investigada usando un modelo xerográfico donde células tumorales humanas (MCF10.DCIS.com) son inyectadas dentro del conducto galactofórico mamario de ratones SCID. Estas células, MT1-MMP positivas, generan luego de 5 semanas tumores *in situ*, los cuales progresan espontáneamente a invasores luego de 10 semanas, pasando por un estadio microinfiltrante. La expresión de MT1-MMP es homogénea en los tumores *in situ* y se incrementa en la región microinvasiva. En el estadio invasor, el frente de invasión también muestra una sobreexpresión de la enzima, en paralelo con un incremento del depósito de colágeno. Para estudiar la funcionalidad de MT1-MMP en el proceso de transición, células silenciadas para esta proteína fueron inyectadas usando la misma técnica. Hemos observado que los tumores *in situ* se generan normalmente, pero que solo un 20% de ellos desarrolla tumores invasores (100% en el grupo CRL) (X^2 test $p = 0,001$). El hecho de que el aumento en la expresión de MT1-MMP se de en paralelo con una fuerte deposición de colágeno, sugiere que la activación estromal, puede modular la expresión de esta enzima. Para evaluar esta hipótesis, y basándonos en estudios previos que describen al tratamiento con ribosa como tratamiento modulador de la activación estromal, se generaron tumores en el "fat-pad" luego de la inyección de células tumorales de mama humano, MDA-MB-231. Los ratones tratados o no con ribosa intraperitoneal fueron analizados por microscopia intravital, utilizando la técnica SHG (Second Harmonic Generation) específica para la visualización de colágeno *in vivo*. Nuestros resultados indican que tanto el nivel de expresión de MT1-MMP como la cantidad de colágeno están incrementado en los tumores que recibieron ribosa (Mann Whitney test $p < 0,05$) indicando que existe una asociación entre la expresión de MT1-MMP y la remodelación estromal. En conjunto, nuestros resultados demuestran que MT1-MMP es un factor clave para la progresión de tumores de mama.

251 (125) ISOFORMAS DEL FACTOR DE CRECIMIENTO DE FIBROBLASTOS 2 (FGF2) Y RESISTENCIA HORMONAL EN MODELOS DE CÁNCER DE MAMA

Ana Sahores; Cynthia Fuentes; María May; Marina Riggio; Claudia Lanari; Caroline A. Lamb
 IBYME

El 75% de los carcinomas mamaros expresan receptores de estrógenos y progesterona (PR) y son susceptibles a una terapia endocrina. Sin embargo, algunos pacientes no responden o desarrollan resistencia a la terapia hormonal. La vía del FGF2/FGFR se encuentra desregulada en diversos tipos de cáncer. En humanos, existen cinco isoformas de FGF2 con distinto peso molecular: la isoforma 18 kDa (LMW-FGF2) y las de alto peso (HMW-FGF2) de 22, 22.5, 24 y 34 kDa. En nuestro laboratorio, usando modelos de carcinomas mamaros murinos y humanos, demostramos que las variantes tumorales resistentes a la terapia con el antiprogéstano mifepristona (MFP) expresan una mayor proporción de isoforma B que A del PR en comparación con los tumores sensibles, que expresan la relación inversa. Recientemente, observamos que variantes resistentes del modelo murino expresan mayores niveles de HMW-FGF2. Nuestro objetivo es estudiar el rol de las isoformas de FGF2 en la resistencia endocrina en modelos de cáncer de mama humano. Utilizamos las líneas celulares IBH-6-PRA y T47D-YA, con alta expresión de PRA y sensibles a MFP, y la línea T47D-YB, con alta expresión de PRB y resistente a MFP. Observamos que las T47D-YB expresan mayores niveles de HMW-FGF2 que las T47D-YA y que 100 ng/ml de LMW-FGF2 indujo la proliferación celular sólo en las T47D-YA ($p < 0,001$). Por recuento celular observamos que la sobreexpresión de la isoforma 22.5 kDa en las variantes sensibles indujo un aumento en la tasa de proliferación celular ($p < 0,001$) y resistencia al tratamiento con MFP en comparación con las líneas control (IBH-6-PRA-Vac y T47D-YA-Vac). La resistencia a MFP se mantuvo aún en ensayos *in vivo* (MFP pellet 6 mg). Estos resultados serían la primera evidencia de una asociación entre la expresión de HMW-FGF2 y la resistencia hormonal en modelos de cáncer de mama. Los niveles de HMW-FGF2 y PRB podrían servir como marcadores predictivos de aquellos pacientes que no se beneficiarían de la terapia hormonal.

252 (145) CADHERINA EPITELIAL EN EL PROCESO DE DISEMINACIÓN DEL CÁNCER DE OVARIO

Marina Rosso¹; Blanca Majem²; María Florencia Abascal¹; Lara Lapyckyj¹; Marta Llaurodo²; María Laura Matos¹; Laura Devis²; María Jose Besso¹; Antonio Gil Moreno²; Jaume Reventos²; Marina Rigau²; Monica Vazquez-Levin¹
 IBYME¹ Vall Hebron Research Institute University Hospital²

Introducción: El cáncer de ovario (CO) es la 5ta causa de muerte por cáncer en mujeres en el mundo. Las células de CO pueden liberarse del tumor primario, agregarse/sobrevivir en suspensión (ascitis) e implantarse dentro de la cavidad peritoneal dando metástasis. Si bien hay reportes sobre alteraciones en cadherina epitelial (cadE) en CO, los resultados disponibles sobre su impacto en la diseminación de esta enfermedad no son concluyentes. Objetivo: Caracterizar la expresión de cadE y moléculas relacionadas en modelos/muestras de CO. Materiales/ Métodos: Evaluar 1) expresión de cadE en un microarreglo de 98 tejidos de CO; 2) mecanismos regulatorios de la expresión de cadE (mutaciones, represores transcripcionales) en CO por bioinformática; 3) expresión de cadE, cadN y marcadores de la transición epitelio-mesenquimal (TEM) en las líneas celulares de CO TOV112, SKOV3, OAW42 y OV90 creciendo en monocapa y en suspensión; 4) características funcionales de las 4 líneas creciendo en monocapa (migración) y en suspensión (agregación, muerte, adhesión e invasión); 5) expresión de cadE, cadN y marcadores de la TEM en muestras humanas de CO. Resultados: Se observó 1) disminución de cadE con la progresión del CO (alta expresión en estadios I-II (no invasivos) y baja en III-IV (invasivos)); 2) 4 mutaciones para cadE en 988 tumores de CO (COSMIC) y sobre-expresión de represores de cadE en tumores comparado con tejido normal (Babelomics); 3) fenotipos epitelial (OV90), intermedio (OAW42 y SKOV3) y mesenquimal (TOV112) en función de los niveles de cadE, cadN y marcadores de la TEM; 4) mayor migración para TOV112 y SKOV3 en monocapa, y menor muerte,

mayor adhesión a matrices extracelulares y mayor invasión en matrigel para los agregados de estas líneas; 5) aumento de expresión de cadE y disminución de cadN en cultivos primarios de ascitis comparado con los de tumor primario de CO. Conclusión: Se identificó una asociación entre la agresividad de las células de CO y un perfil molecular mesenquimal, que depende de los niveles de expresión de cadE y cadN.

253 (196) REGULACION DE ZEB1 POR IGF1R EN LA TRANSICIÓN EPITELIO MESENQUIMATOSA DE CELULAS NMUMG DE EPITELIO MAMARIO MURINO

*María Candelaria Llorens¹²; María Victoria Vaglianti²; Ana María Cabanillas¹²
CIBICI¹ Fac. de Cs. Químicas, UNIV. NAC. Córdoba²*

ZEB1 (Zinc Finger E-box Binding Homeobox) es un factor de transcripción de la transición epitelio mesenquimatoso (EMT). Previamente identificamos un fragmento aminoterminal de ZEB1 capaz de inducir EMT por sí solo cuando es sobreexpresado en células epiteliales normales de mama de ratón NMuMG (NMuMG-NZEB1). En el presente trabajo nuestro Objetivo es evaluar las vías de señalización capaces de regular la función de NZEB1 en el EMT. Células NMuMG-NZEB1 se trataron con activadores e inhibidores específicos de vías por 48hs: DMSO, IGF1 10nM, EGF 50nM/mL, TGFβ 5ng/mL, PMA 10ng/ml IONO 10ng/ml, Calphostin C 50 nM, LY294002 20 μM, PD98059 20 μM, UO126 20 μM, UO124 20 μM, NVP-AEW541 5μM y LiCl 50 mM. Los resultados de WB revelaron que ninguno de los tratamientos revierten la disminuida expresión de E-Cadherina inducida por NZEB1 lo que sugiere que el estado de fosforilación de este fragmento no es crítico para el rol de ZEB1 sobre EMT. Sin embargo, sólo NVP-AEW541 (inhibidor de IGF1R) disminuyó significativamente la expresión de N-ZEB1 (P<0.05). Esta última condición (NVP 5μM por 48 hs) se ensayo sobre otros marcadores de EMT como expresión y distribución de F-actina (Microscopía confocal e IF) y capacidad migratoria (Wound Healing) e invasiva (invasión en Matrigel) de las NMuMG-NZEB1. Los resultados revelaron que estas células tratadas con NVP, presentan tendencia a reorganizar los filamentos de actina de manera cortical, tipo epitelial-like, con una marcada disminución en la migración e invasión respecto del control (P<0.001). A fin de evaluar la participación del proteasoma en el efecto de NVP, las NMuMG-NZEB1 fueron tratadas con NVP-AEW541 5μM y/o MG132 5μM durante 48 hs. La presencia de MG132 revirtió el efecto de NVP con aumento de la expresión de N-ZEB1. Los resultados sugieren que la vía de IGF1R podría ser capaz de regular la expresión de NZEB1 y consecuentemente el proceso de EMT, mediante la regulación de la estabilidad proteica de dicho factor vía proteasoma.

254 (250) BLOQUEO TERAPÉUTICO DE FOXP3EN CARCINOMAS MAMARIOS EXPERIMENTALES

*Mariela Alejandra Moreno Ayala¹; María Florencia Gottardo²; Antonela Asad¹; Mariana Puntel²; María Graciela Castro³; Elisa Bal De Kier Joffé⁴; Noelia Casares⁵; Juan José Lasarte⁵; Adriana Seilicovich¹; Maríanela Candolfi¹
INBIOMED (UBA-CONICET)¹ Centro de Investigación en Ciencias Veterinarias y Agronómicas (CICVYA, INTA-Castelar)² University of Michigan School of Medicine, Ann Arbor, MI, USA³ Instituto de Oncología Angel H. Roffo⁴ Universidad de Pamplona, Navarra, España⁵*

Las células T regulatorias (Tregs) han sido involucradas en la baja eficacia de vacunas en pacientes con cáncer. De hecho, cuando inyectamos vacunas antitumorales de células dendríticas estimuladas con CpG a ratones portadores de carcinomas mamarios LM3 observamos una expansión rápida de Tregs (CD4+/Foxp3+) en bazo (día 0=2.4%±0.3; día 3=3.3%±0.2; p<0.05) y tumor (d0=4±2x10⁴; d3=16±2x10⁴Tregs/tumor, p<0.05). Nuestro objetivo fue evaluar el efecto del bloqueo de Foxp3 en este modelo. La administración ip de P60, un péptido penetrante de membranas que inhibe la translocación nuclear de Foxp3 (Casares et al 2010), redujo la expansión de Tregs esplénicas [Vac+péptido control (PC)=5.8±0.8x10⁶; Vac+P60=2.3±0.7x10⁶T

regs/bazo, p<0.05] e intratumorales (Vac+PC=18±5x10⁴; Vac+P60=4±1x10⁴Treg/tumor, p<0.05) inducida por la vacuna. Dado que ha sido reportado que Foxp3 podría expresarse en células tumorales, evaluamos su presencia y función en células LM3 y 4T1. Detectamos Foxp3 sólo en células LM3. Asimismo, P60 inhibió la incorporación de BrDU en células LM3 (PC=2.1±0.03 UA; P60=1.7±0.14, p<0.05), y redujo su viabilidad en un 20% (MTT, p<0.05), sugiriendo que Foxp3 favorece la supervivencia de estas células. Luego, desarrollamos un plásmido que codifica para P60 y un plásmido control. Transfectamos células 4T1 y utilizamos su medio condicionado (MC) o P60 para incubar células LM3. Luego de 24 hs medimos IL-10, que ha sido involucrada en la patogenia del cáncer de mama. Tanto el MC como P60 redujeron la capacidad de células LM3 de secretar IL-10 (C=433±70; MC=190±14pg/ml; p<0.05; PC=416±27; P60=83±32pg/ml; p<0.05). Nuestros resultados sugieren que el bloqueo de Foxp3 podría tener un beneficio dual al utilizarse en combinación con vacunas, tanto por inhibición de Tregs, como ejerciendo una acción directa sobre la célula tumoral. Además, dado que pudimos bloquear Foxp3 utilizando un plásmido, es posible construir vectores de terapia génica para producir P60 localmente.

255 (269) ASOCIACIÓN ENTRE HEMO OXIGENASA1 Y EL RECEPTOR DE GLUCOCORTICOIDES EN CÁNCER DE PRÓSTATA

*Daiana Beatriz Leonardi; Nicolas Anselmino; Alejandra Veronica Paez; Federico Schuster; Geraldine Gueron; Javier Hernan Cotignola; Elba Susana Vazquez
Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA/IQUI-BICEN- CONICET*

En pacientes con cáncer de próstata (CaP) refractario a hormonas se comprobó que la terapia con glucocorticoides (GC) disminuye tanto la producción de andrógenos como la inflamación. Sin embargo, recientemente se ha reportado que el receptor de glucocorticoides (GR) puede sustituir al receptor de andrógenos (AR) y activar un subgrupo similar aunque distinguible de genes. El objetivo del presente trabajo es estudiar la función de GR en distintas líneas celulares de CaP al sobre-expresar la proteína antioxidante y anti-inflamatoria hemo oxigenasa 1 (HO-1). Inicialmente se analizó el efecto del GC sintético dexametasona (Dex) sobre la viabilidad de las líneas celulares de próstata PC3 (AR-/GR+) y C4-2B (AR+/GR+). Para estudiar la actividad transcripcional de GR las células fueron transfectadas con un plásmido que tiene elementos de respuesta a GC río arriba del gen de la luciferasa (MMTV-luc). Se realizaron tratamientos con hemina (inductor de HO-1, 80μM, 24h), Dex (10⁻⁸ M, 6h) o ambas drogas. El tratamiento combinado redujo significativamente (p<0,05) la actividad de luciferasa respecto al tratamiento con Dex. Por microscopía confocal se observó menor translocación nuclear de GR en células tratadas con hemina+Dex vs Dex. Además, por co-inmunoprecipitación se demostró la interacción física entre GR y HO-1 tanto en núcleo como en citoplasma. Dado que el CaP presenta generalmente metástasis osteoblásticas, se estudió la expresión de GR en células MC3T3 (preosteoblastos murinos) en las condiciones ensayadas en las líneas de próstata, obteniéndose el mismo efecto del tratamiento combinado respecto a Dex. Finalmente, se midió por Western blot y RT-qPCR la expresión de GR al co-cultivar PC3 con precursores de osteoblastos y osteoclastos. En conclusión, nuestros resultados demuestran la asociación entre HO-1 y GR, siendo el receptor modulado por HO-1 tanto en células de CaP como en las líneas óseas.

256 (324) LA FOTOACTIVACIÓN DE TETRAACE- TATO DE RIBOFLAVINA GENERA ESPECIES REACTIVAS INDUCIENDO APOPTOSIS EN CÉLULAS TUMORALES CON PARTICIPACIÓN DE LA VÍA MAPK-ERK1/2

*Andrea Virginia Juarez¹; Liliana Del Valle Sosa¹; Ana Paula Costa²; Rodrigo Bainsy Leal²; Alicia Torres¹; Patricia Pons¹
Centro de Microscopía Electrónica, INICSA-CONICET, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba¹ Dpto. de Bioquímica, Centro de Ciências Biológicas, Universidade Federal de Santa Catarina²*

La terapia fotodinámica (TFD) es un tratamiento contra el cáncer cutáneo no melanoma, basado en la combinación de un fotosensibilizador (FS), oxígeno y luz. Sin embargo, el desarrollo de efectivos FS es un tema de gran interés en la actualidad. Nos propusimos estudiar la efectividad de tetraacetato de riboflavina (RTA) en TFD en células humanas de carcinoma escamoso (SCC-13), evaluando el efecto de especies reactivas (ER) generadas por su fotoactivación y las vías de señalización involucradas en el mecanismo de muerte celular. Células SCC-13 fueron incubadas con RTA (50µM/3h) e irradiadas (9J/cm², 446nm). Para analizar el mecanismo de muerte desencadenado por TFD se determinaron diferentes parámetros tales como: expresión de diferentes proteínas por inmunofluorescencia y WB; generación de ER con 2,7-dihidrodicloro fluoresceína por citometría de flujo; análisis de la respiración mitocondrial en oxígrafo de alta resolución; contenido de glutatión reducido por tioles totales no proteicos (NPSH); producción de O₂⁻ con dihidroetidio y potencial de membrana mitocondrial con JC-1 por espectrofluorometría. Estadística: ANOVA de dos vías. Luego de la TFD-RTA, se observó expresión de citocromo c en citoplasma, disminución en la expresión de pro-caspasa 3 y Bcl2 y aumento de ERK1/2 fosforilada. Sin embargo, la terapia no indujo cambios de expresión de la proteína pro-apoptótica Bax ni de p-p38. La TFD-RTA generó altos niveles de ER, aumento de O₂⁻, sin variación en el potencial de membrana mitocondrial. Además, se detectó un incremento en los niveles de NPSH, lo que podría ser un mecanismo de defensa antioxidante generado por las células para contrarrestar el daño oxidativo. En conjunto, estos resultados permiten inferir que la generación de ER por la aplicación de RTA-TFD, serían activadores de la vía intrínseca de muerte apoptótica con participación de MAPK/ERK1/2 en células SCC-13, indicando que el RTA sería un efectivo fotosensibilizador en la aplicación de TFD.

NEUROCIENCIAS 4

257 (16) EFECTO TERAPÉUTICO DE LA MELATONINA EN LA NEURITIS ÓPTICA EXPERIMENTAL

Marcos L. Aranda; Damián Dorfman; Pablo H. Sande; Ruth E. Rosenstein

Laboratorio de Neuroquímica Retiniana y Oftalmología Experimental, Facultad de Medicina, CEFyBO, UBA/CO-NICET.

En trabajos previos desarrollamos un nuevo modelo de neuritis óptica (NEO) experimental través de la microinyección de lipopolisacárido bacteriano (LPS) directamente en el nervio óptico, que reproduce características centrales de la NEO humana. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto del tratamiento con melatonina (MEL) sobre las alteraciones axogliales del nervio óptico y de la retina inducidas por NEO experimental. Para ello, se inyectaron 4,5 µg de LPS en un nervio óptico y vehículo en el nervio contralateral de ratas *Wistar* macho adultas. Un grupo de animales recibió el implante de un *pellet* subcutáneo de MEL (20 mg) 1 día antes ó 4 días después de la inyección de LPS o vehículo. El efecto de la MEL se analizó a los 21 días post-inyección de LPS en términos de: i) función de la vía visual (potenciales visuales evocados (VEPs)), ii) transporte anterógrado desde la retina a sus áreas de proyección central, iii) reflejo pupilar consensual (RPC), iv) microglía/macrófagos (por inmunoreactividad para Iba-1 y ED1), v) reactividad astrocitaria (por inmunoreactividad para la proteína glial fibrilar ácida, vi) número de axones (azul de toluidina), vii) desmielinización (*luxol fast blue*), y viii) número de células ganglionares retinianas (CGRs) (por inmunoreactividad para Brn3a). El LPS indujo una disminución significativa en la amplitud de los VEPs y el RPC, un déficit en el transporte anterógrado, un aumento en la inmunoreactividad para Iba-1 y ED1 en el nervio óptico, astrocitosis, desmielinización y pérdida de CGRs y de axones del nervio óptico. El pre-tratamiento con MEL previno significativamente todos estos parámetros ($P \leq 0.01$ vs. LPS). El post-tratamiento con MEL evitó significativamente ($P \leq 0.01$ vs. LPS) la disminución de las amplitudes de los VEPs y el RPC inducida por la inyección de LPS. En suma, estos resultados sugieren que la melatonina podría constituir una nueva estrategia terapéutica en el tratamiento de la neuritis óptica.

258 (75) EFECTO NEUROPROTECTOR DE LA N-CICLOPENTIL ADENOSINA EN LA DEGENERACIÓN RETINIANA INDUCIDA POR ILUMINACIÓN CONTINUA

Manuel Soliño; Ester María López; Noelí Martignone; Leonardo Juarez; Elena Girardi; Juan José López-Costa
IBCN

La iluminación continua (IC) produce la degeneración de los fotorreceptores generando un modelo que remeda muchas características de enfermedades degenerativas de la misma (Degeneración macular senil y retinitis pigmentosa). La adenosina funciona como molécula señal en numerosos tipos celulares. Es producido esencialmente por ectonucleotidasas en el espacio extracelular. Se han visto numerosas estrategias neuroprotectoras exitosas modulando este sistema. El objetivo de este trabajo es estudiar si el agonista del receptor A1, N-cicloptil adenosina (CPA) tiene un efecto protector de la retina en la IC. Para esto se empleó la técnica inmunocitoquímica (ICQ) usando como marcador de apoptosis a la caspasa-3 activada (C3a) y como marcador de activación glial a la proteína GFAP. Se emplearon ratas Sprague Dawley (n=5), que fueron inyectadas en forma intravítrea en un ojo con CPA y en el otro con solución vehículo. Luego, fueron sometidas a IC (12000 lux) durante 1 día. Los ojos fueron procesados mediante ICQ empleando anticuerpos policlonales de conejo anti-GFAP (Dako) o anti-C3a (Sigma). Las imágenes fueron cuantificadas utilizando el analizador de imágenes Fiji y los datos fueron analizados estadísticamente con el programa GraphPad. Se midieron la fracción del área no teñida por GFAP y la densidad óptica (DO) de la capa nuclear externa (CNE) en las secciones marcadas con C3a. Los resultados preliminares muestran diferencias en la media del área GFAP negativa siendo significativamente mayor en ojos tratados con CPA (72,36% vs 48,83%; Test de Student a una cola, $< 0,0001$). Por otra parte, la DO media de C3a en la CNE de las secciones tratadas con CPA es menor en comparación con la observada en los CTL (0,19652 vs 0,289585, Test de Student, $P < 0,001$). Estos resultados señalan que agonistas del receptor A1, como CPA, ejercen un efecto neuroprotector de la retina en el modelo, y que A1 podría ser un potencial blanco terapéutico de enfermedades degenerativas.

259 (220) EVIDENCIAS DE LA TEMPRANA INVASIÓN DE MACRÓFAGOS DE SANGRE PERIFÉRICA, CÉLULAS NG2 Y EXPRESIÓN DE TROMBOSPONDINA 1 EN UN MODELO DE EPILEPSIA DEL LÓBULO TEMPORAL

Alicia R Rossi; Veronica Murta; Alberto J Ramos
Laboratorio de Neuropatología Molecular.IBCN. Facultad de Medicina. UBA

Evidencia clínica y experimental ha mostrado que la inducción del status epilepticus (SE), da lugar al comienzo de un periodo de latencia (PL) donde ocurre gliosis reactiva y neurodegeneración. Se especula que durante el PL ocurre sinaptogénesis reactiva con aparición de conexiones espúreas que son la base de la epileptogénesis. Trombospondina1 (TSP1) es una proteína con múltiples funciones que interviene en la sinaptogénesis inducida por los astrocitos, pero también es expresada por células endoteliales y macrófagos. El objetivo del presente trabajo fue investigar la participación de macrófagos infiltrantes de sangre periférica (BIC), células NG2+ y expresión de TSP1 durante el PL. Ratas *Wistar* fueron sometidas al modelo de epilepsia del lóbulo temporal por litio-pilocarpina (Rossi y col., 2013, PLOS One e78516). Un grupo de animales recibió 400mg/Kg del antagonista del receptor de TSP Gabapentina (Gp) durante 4 días y los animales se estudiaron a 3, 7 o 15 DPSE (días post-SE). A 3DPSE se observó una acumulación de células con fenotipo macrófago en estriado, hipocampo y corteza piriforme (CP) que precede a la gliosis reactiva y se detectó inmunomarcación para TSP1 en el endotelio y BIC en CP. A 7DPSE aparecieron células NG2+ en CP en zonas llamativamente libres de astrocitos reactivos. En esas zonas se observaron somas neuronales y células infiltrantes TSP1+ en hipocampo, estriado y CP. A 15DPSE la población de células NG2+ disminuyó y los astrocitos repoblaron la zona. En el grupo tratado con Gp la población de células NG2+ es menor.

Estos acontecimientos iniciales del PL muestran que luego del SE se produce una temprana invasión de BIC, probablemente por aumento en la permeabilidad vascular, donde TSP1 podría tener un papel importante. El aumento de NG2+ en zonas de exclusión de astrocitos junto con la presencia de células TSP1+ podría relacionarse con los fenómenos reconexión sináptica, aún antes de que la gliosis reactiva sea evidente.

Subsidios UBACYT /PICT 2012-1424 / CONICET PIP 387

260 (252) RETINOPATÍA INDUCIDA POR OXÍGENO (OIR): EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE PROTEÍNAS PRO-ANGIOGÉNICAS Y DE DAÑO RETINAL COMO POSIBLES BLANCOS MOLECULARES PARA EL DESARROLLO DE ESTRATEGIAS TERAPÉUTICAS COMBINADAS

Magali Evelin Ridano¹; Paula Virginia Subirada¹; María Constanza Paz¹; Diego Omar Croci¹; José Domingo Luna²; Gabriel Adrián Rabinovich³; María Cecilia Sánchez¹
Dpto. de Bioquímica Clínica - CIBICI-CONICET, Fac. de Ciencias Químicas, UNC, Córdoba, Argentina¹. Centro Privado de Ojos Romagosa - Fundación VER, Córdoba, Argentina². Lab. de Inmunopatología - IBYME-CONICET, Buenos Aires, Argentina³.

La retinopatía proliferativa es uno de los desordenes neovasculares más severos asociado a ceguera. La hipoxia generada induce la expresión de VEGF y posterior neovascularización (NV). Interesantemente otras alteraciones, como la muerte neuronal, contribuyen a su progreso. Actualmente los tratamientos son poco exitosos, lo que ha incrementado la búsqueda de nuevas estrategias terapéuticas. Con este objetivo, utilizamos un modelo de OIR donde ratones C57BL6 de 7 días postnatales (P7) fueron expuestos a una etapa de hiperoxia (75% de O₂) y luego de hipoxia relativa (21% de O₂). Otro grupo de ratones de la misma edad fueron mantenidos en oxígeno ambiental (controles). Además, ratones OIR recibieron inyecciones intraoculares de anti-VEGF a P12, en dosis equivalente a la empleada en humanos o con solución salina como control. Los animales se sacrificaron a P17 (máxima NV) y P26 (regresión de la misma) evaluándose en retina la expresión de diferentes proteínas por ensayos de Western blot. La funcionalidad retinal fue analizada por electroretinogramas (ERG). Se observó un pico en la expresión de proteínas pro-angiogénicas (VEGF y Gal-1) en P17 y P26. Ambas proteínas incrementaron significativamente su expresión en ratones OIR, revelando Gal-1 un pico adicional a P17. Proteínas involucradas en reactividad glial y detoxificación neuronal (GFAP y GS) incrementaron su expresión con los días de desarrollo en controles y en OIR. Sin embargo, el aumento de GFAP fue mayor en ratones OIR mientras que el de GS fue menor respecto a sus controles. El ERG mostró una disminución de amplitud y aumento de T. de latencia de la onda b en ratones OIR. Finalmente, el bloqueo de VEGF logró reducir el pico de expresión de esta citoquina a niveles del control pero no revirtió las alteraciones en la expresión de las otras proteínas evaluadas ni los cambios del ERG. Estos hallazgos demuestran la necesidad de estrategias terapéuticas combinadas para el tratamiento de enfermedades asociadas a NV.

261 (430) ESTRÉS OXIDATIVO EN SINAPTOSOMAS DE CORTEZA CEREBRAL Y ALTERACIONES CONDUCTUALES ASOCIADAS AL PROCESO DE ENVEJECIMIENTO

Paulina Lombardi¹; Analía G. Karadayian¹; Lucas G. Asorey²; Rodolfo A. Cutrera²; Juanita Bustamante³; Silvia Lores-Arnaiz¹
Instituto de Bioquímica y Medicina Molecular¹ Instituto de Bioquímica y Medicina Molecular² Centro de Altos Estudios de Ciencias Humanas y de Salud, Universidad Abierta Interamericana³

Durante el proceso de envejecimiento ocurren cambios en las mitocondrias que incluyen una reducción en la capacidad bioenergética y un aumento en la generación de radicales libres del oxígeno. Los objetivos de este estudio consistieron en evaluar parámetros de estrés oxidativo en sinaptosomas de corteza

cerebral y caracterizar las alteraciones conductuales en el envejecimiento. Se utilizaron ratones macho Swiss de 3 y 20 meses de edad. Se evaluó la función motora y afectiva (*tightrope test* y *open field*). Posteriormente los animales fueron sacrificados y se aisló la fracción sinaptosomal de corteza cerebral mediante un gradiente de Ficoll. Los resultados mostraron una disminución del 40% en el rendimiento motor de los ratones de 20 meses. Además, se observó la manifestación de signos de símil-ansiedad como la disminución en la latencia de salida del centro y en el tiempo de permanencia en el cuadrante central ($p < 0,05$) en el *open-field test*. Los animales de 20 meses mostraron signos compatibles con miedo: incremento en los episodios de *freezing* y en el número de deposiciones fecales ($p < 0,01$). Los parámetros de estrés oxidativo evaluados mostraron un aumento del 24% en la producción de anión superóxido junto con un incremento del 21% de la oxidación de cardiolipina en sinaptosomas de corteza cerebral de ratones de 20 meses. Paralelamente se observó un aumento del 14% en la expresión de la proteína desacoplante UCP-2. Por último, el envejecimiento se asoció con un incremento de 40% en la actividad de acetilcolinesterasa. En base a los resultados obtenidos se concluye que en el envejecimiento se produce aumento de las especies reactivas del oxígeno e inducción de proteínas desacoplantes en sinaptosomas de corteza cerebral, de acuerdo con observaciones previas del laboratorio para ratones de 17 meses. La inducción de estrés oxidativo mitocondrial conduciría a una disfunción sináptica que se podría ver reflejada en las alteraciones motoras y afectivas descriptas.

262 (500) ESTUDIO IN VITRO E IN VIVO DE LA EXPRESIÓN DE LAS PROTEÍNAS INDUCIBLES POR FRÍO, CIRP RBM3, EN LA RETINA EXPUESTA A HIPOTERMIA

Manuel Rey Funes¹; Ignacio Larrayoz²; Daniela S. Contartese¹; Federico Rolon¹; Anibal Sarotto¹; Dorfman Veronica B.³; Alfredo Martínez²; Cesar Fabian Loidl^{1,4}
IBCN, Facultad de Medicina, UBA¹ Área Oncología, CIBIR, Logroño, España² Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico (CEBAD), Univ. Maimónides³ Facultad de Medicina, Universidad Católica de Cuyo, San Juan⁴

La hipotermia es una terapia eficaz para prevenir o evitar el daño en el SNC. En general, ante la exposición al frío se reduce la expresión proteica, pero existen 2 proteínas cuya expresión aumenta, CIRP (Cold-inducible RNA binding protein) y RBM3 (RNA binding motif protein 3). Éstas se unen al ARNm estabilizándolo, lo cual impediría la traducción de proteínas de acción neurotóxica. El objetivo de este trabajo ha sido establecer su comportamiento tanto in vitro como in vivo por primera vez en la retina. Líneas de células de la retina R28 (retina neural de rata) y mRPE (epitelio pigmentario de la retina de mono) se expusieron a diferentes temperaturas y tiempos, para medir la expresión de RBM3 y CIRP mediante PCR cuantitativa en tiempo real (QRT-PCR) y Western Blot. Además, para el estudio in vivo se utilizaron ratas albinas Sprague-Dawley expuestas a un ambiente frío a 7-8°C, durante 15 min en ratas neonatas y durante 3 hs en ratas adultas (40 días PN). Las retinas fueron procesadas para el análisis molecular (QRT-PCR y Western Blot) o fijadas en paraformaldehído al 4% para análisis morfológico por inmunofluorescencia múltiple (IFM) con anticuerpos contra CIRP, RBM3 y marcadores específicos de los diferentes tipos celulares de la retina. Las colocalizaciones se observaron con microscopía confocal. En ambas líneas celulares, aumentó significativamente la expresión de RBM3 y CIRP después de la exposición a un ambiente frío, siendo su pico a las 6 horas a 32 °C. En el estudio in vivo, las retinas de neonatos y adultos expuestos a hipotermia presentaron inmunoreactividad significativa para ambas proteínas con diferentes patrones de localización. Las IMF permitieron evidenciar la expresión tanto en neuronas como en glía de Müller y epitelio pigmentario así como establecer la colocalización de CIRP y RBM3. En condiciones de hipotermia, estas proteínas podrían ser las responsables de los efectos beneficiosos del frío a través de su unión específica al ARNm.

REPRODUCCIÓN 3

263 (2) LA CAFÉINA POTENCIA LA TOXICIDAD TESTICULAR INDUCIDA POR LA COCAÍNA EN RATONES: EVIDENCIAS DE LA ACCIÓN DE PSICOESTIMULANTES SOBRE EL SISTEMA DOPAMINÉRGICO LOCAL

Candela Rocío González¹; Betina Gonzalez²; Mara Eugenia Matzkin³; Javier Andrs Muiz²; Jean Luc Cadet⁴; Edgar García-Rill⁵; Francisco Jos Urbano⁶; Alfredo Daniel Vitullo¹; Verónica Bisagno²

Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico, Universidad Maimónides¹ Instituto de Investigaciones Farmacológicas, Universidad de Buenos Aires, CONICET² Instituto de Biología y Medicina Experimental, CONICET³ Molecular Neuropsychiatry Research Branch, USA⁴ Department of Neurobiology and Developmental Sciences, University of Arkansas, USA⁵ Laboratorio de Fisiología y Biología Molecular, Universidad de Buenos Aires, CONICET⁶

Existen pocas evidencias del efecto que el consumo de psicoestimulantes tiene sobre la fisiopatología testicular y, particularmente, sobre el sistema catecolaminérgico local. El objetivo de este trabajo fue explorar posibles consecuencias tóxicas de la exposición crónica a cocaína, cafeína y su administración combinada, sobre la fisiología testicular en ratones adultos (C57BL/6) inyectados durante 13 días con cafeína (3x5 mg/kg), cocaína (3x10 mg/kg) y su administración combinada. Los ratones tratados solamente con cocaína o la combinación mostraron una reducción del volumen de los túbulos seminíferos junto con una reducción de espermatogonias DAZL-positivas ($p < 0,05$), un aumento de la peroxidación lipídica y una disminución del ARNm de la enzima glutatión peroxidasa y del receptor de adenosina 1 (A1) ($p < 0,05$). La combinación de cafeína y cocaína potenció la disminución de espermatogonias DAZL-positivas, de los niveles de ARNm de A1 y aumentó la expresión de la proteína pro-apoptótica BAX ($p < 0,05$). Se inmunolocalizó la enzima tirosina hidroxilasa (TH) en células de Leydig y células germinales meióticas. Por otro lado, utilizando ratones transgénicos BAC-Drd1a-tdTomato y D2R-EGFP se detectó por primera vez la presencia de receptores de dopamina (DR) D1 y D2 en células de Leydig y DRD1 en las espermatogonias que no mostraron tinción para TH. Los tratamientos con cafeína, cocaína y/o su combinación aumentaron la expresión proteica de TH y disminuyeron los niveles de ARNm de DR en el testículo ($p < 0,05$). En conclusión, estos resultados indican la existencia de toxicidad mediada por la administración de cocaína, cafeína o su combinación, sugiriendo un posible rol del sistema dopaminérgico local en patologías testiculares inducidas por psicoestimulantes. Estas alteraciones en el sistema dopaminérgico testicular podrían influenciar mecanismos epigenéticos conduciendo a la transmisión paterna de vulnerabilidad al abuso de sustancias.

264 (5) ALTERACIONES EN EL NIVEL INFLAMATORIO, ESTADO OXIDATIVO Y EVENTOS APOPTÓTICOS EN EL TESTÍCULO DE RATONES CON LONGEVIDAD ALTERADA

María Eugenia Matzkin^{1,2}; Johanna Miquet³; Daniel Turyn³; Ricardo Saúl Calandra¹; Andrzej Bartke⁴; Mónica Beatriz Frungieri^{1,2}

IBYME¹ Cat. de Bioquímica Humana, Fac. de Medicina, Univ. de Buenos Aires² IQUIFIB³ Univ. de Southern Illinois, USA⁴

Previamente hemos descripto la expresión diferencial de ciclooxigenasa 2, enzima clave en la síntesis de prostaglandinas, en células de Leydig y macrófagos (MAC) del testículo de ratones con envejecimiento acelerado/retardado. El objetivo de este trabajo fue estudiar el impacto de alteraciones en la longevidad sobre el desarrollo de procesos inflamatorios, el estado oxidativo y la ocurrencia de eventos apoptóticos en el testículo, parámetros que representan mecanismos fundamentales en el envejecimiento. Siendo que la hormona de crecimiento (GH) juega un rol clave en el balance envejecimiento/longevidad, se utilizaron ratones adultos

normales (N) y modelos murinos de envejecimiento acelerado [por sobre-expresión de GH (GH-Tg)] o retardado [deficientes en la hormona liberadora de GH (GHRH-KO) y ratones enanos Ames Dwarf Prop1^{-/-}]. Se observó en el testículo de ratones con longevidad disminuida (GH-Tg vs. GH-N) un incremento significativo ($P < 0,05$; $n = 5-7$) en el número total de MAC testiculares Iba1-inmunopositivos, la producción de PGD2 (evaluado por enzimoanálisis), el nivel de estrés oxidativo (determinado por la producción de TBARS), la expresión de las enzimas antioxidantes catalasa, peroxirredoxina 1 y superóxido dismutasa 1 (analizada por PCR en tiempo real), el número de células germinales apoptóticas (evaluado por TUNEL) y la expresión de caspasa 3 clivada (determinada por inmunoblot). En el testículo de ratones con longevidad incrementada (GHRH-KO vs. GHRH-N y/o Ames-Dwarf vs. Ames-N) la expresión de las enzimas antioxidantes se mantuvo inalterada, mientras que los parámetros restantes se vieron significativamente disminuidos ($P < 0,05$; $n = 5-7$). En resumen, nuestros resultados destacan la relevancia del nivel inflamatorio, estado oxidativo y ocurrencia de eventos apoptóticos en el envejecimiento testicular. Así, procesos inflamatorios y el estrés oxidativo gatillarían mecanismos apoptóticos en el epitelio germinal de ratones con menor expectativa de vida.

265 (14) EFECTOS DE IDEBENONA, UN ANTIOXIDANTE MITOCONDRIAL, EN EL HÍGADO FETAL DE RATAS CON DIABETES GESTACIONAL INDUCIDA POR ANÓMALA PROGRAMACIÓN INTRAUTERINA

Daiana Fornes; Ivana Linenberg; M. Belen Mazzucco; Evangelina Capobianco; Alicia Jawerbaum
CEFVBO

La diabetes gestacional (GDM) es una enfermedad prevalente con consecuencias adversas en la madre y la descendencia. Nuestros estudios previos evidencian como la diabetes materna afecta los niveles de PPAR γ (receptor activado por proliferadores peroxisomales gamma) y su coactivador PGC-1, y la consecuente transcripción de genes vinculados con el metabolismo y entorno proinflamatorio. El factor de crecimiento de tejido conectivo (CTGF) cobra relevancia por su vinculación con el entorno proinflamatorio y potente efecto fibrogénico. La Idebena (IDB) es un análogo artificial de la coenzima Q10. Objetivo: Evaluar el efecto de la administración de IDB materna sobre los niveles de PPAR γ , PGC-1 y CTGF en el hígado fetal de ratas con GDM. Metodología: Ratas sanas (control) y diabéticas (F0, obtenidas por administración de estreptozotocina) se aparearon con machos sanos. Las hembras se trataron con idebenona (100 mg/kg) o vehículo durante la gestación. Las crías en etapa adulta (F1) se cruzaron con machos sanos. Previo a la gestación de la F1 y en el día 21 de preñez se evaluaron parámetros metabólicos y en el hígado fetal se determinó la concentración lipídica por TLC y los niveles de PPAR γ , PGC-1, y CTGF por inmunohistoquímica. Resultados: Las crías de ratas diabéticas presentaron GDM (hiperglucemia solo en la gestación, $p < 0,05$). En el hígado fetal de ratas con GDM fueron mayores los niveles de triglicéridos (33%) y colesterol (30%) en relación al control ($p < 0,05$). También fue mayor la expresión proteica de PPAR γ ($p < 0,001$), la cual se redujo en el grupo GDM tratado con IDB ($p < 0,001$). Los niveles de PGC-1, menores en el grupo GDM ($p < 0,001$), no variaron con el tratamiento con IDB. Los niveles de CTGF fueron mayores en el hígado fetal de ratas GDM ($p < 0,001$) y disminuyeron en el grupo IDB ($p < 0,05$). Conclusión: El modelo de GDM inducido por alterada programación intrauterina presenta alteraciones en reguladores de procesos metabólicos y profibróticos en el hígado fetal, que en parte fueron regulados por el tratamiento con idebenona.

266 (27) ANEUPLOIDIAS EN ABORTOS ESPONTÁNEOS POST PROCEDIMIENTOS FIV/ICSI POR QF-PCR

Addressa Grazziotin Mondadori
Fecunditas

Son variadas las causas de interrupción del embarazo, adquiriendo mayor relevancia las anomalías cromosómicas en los del primer trimestre de la gestación. El estudio cromosómico

del producto de aborto considerado como el *gold standard* es el cariotipado de las metafases obtenidas por cultivo o por método directo de las vellosidades coriales, pero está reconocido un 40% de fallas en la obtención de resultados por la calidad del material remitido y además porque 60-80% dan cariotipos femeninos normales 46,XX, sin saber si corresponden al material embrionario fetal o a la madre. Presentamos los resultados del *screening* de aneuploidías con PCR fluorescente cuantitativa (QF-PCR) en 131 muestras de producto de aborto espontáneo del primer trimestre post tratamiento FIV/ICSI. Para el estudio se realizó una multiplex con el ADN extraído del producto abortado y de sangre periférica de los progenitores. Los STRs usados correspondieron a los cromosomas 2, 3, 4, 5, 7, 11, 12, 13, 15, 16, 18, 21, 22, X e Y. El material amplificado fue analizado por electroforesis capilar fluorescente ABI prism 310 con Genescan software. De las 131 muestras, 55 de ellas evidenciaron los dos alelos maternos y ausencia del paterno, mientras que 86 evidenciaron corresponder al embrio-feto por presentar los alelos de los STRs de ambos progenitores. Se encontraron 19 trisomías autosómicas, 7 triploidías y una monosomía sexual. La mayoría (50-60%) de los abortos espontáneos del primer trimestre es debido a aneuploidías cromosómicas. En el presente estudio la tasa aneuploidía fue 31.4%. Estos resultados nos obliga a no descuidar las otras causales de aborto.

267 (45) PARTICIPACIÓN DEL PPAR γ EN LA REGULACIÓN DEL METABOLISMO LIPÍDICO DE LA CÉLULA DE SERTOLI (CS)

Agostina Gorga; Gustavo Rindone; Mariana Regueira; Eliana Pellizzari; María Fernanda Riera; María Noel Galardo; Silvina Meroni
CEDIE - CONICET - FEI - Hospital R. Gutiérrez

La CS provee el soporte estructural y nutricional para las células germinales en desarrollo. Su metabolismo tiene características particulares. Convierte glucosa a lactato, principal sustrato energético para las células germinales, y utiliza ácidos grasos (AG) como fuente energética propia. Además, es capaz de sintetizar triglicéridos (TAGs) y almacenarlos en gotas lipídicas (GL). Diversos genes participan en dicho proceso: el transportador de AG FAT/CD36, las enzimas de síntesis de TAGs glicerol-fosfatil-transferasas (GPATs 1 a 4) y diacilglicerol-acil-transferasas (DGATs 1 y 2) y las proteínas involucradas en la formación de GL (PLINs 1 a 5). Recientemente demostramos que la activación de PPAR α y β/δ (PPARs relacionados con el catabolismo lipídico) regula la expresión de genes involucrados en la oxidación de AG en la CS. Sin embargo no se conoce la participación del PPAR γ (PPAR relacionado con el anabolismo de lípidos) en la regulación del metabolismo energético de la CS. El objetivo del trabajo fue analizar si la activación de PPAR γ regula la expresión de genes relacionados con el metabolismo lipídico y la formación de GL en CS. Cultivos de CS de ratas de 20 días de edad fueron incubados en condiciones basales o estimulados por 48 hs con Rosiglitazona (R, 10 μ M), activador farmacológico de PPAR γ . Se determinaron los niveles de ARNm por RT-qPCR. Se observó que R estimula la expresión de FAT/CD36: 1.6 \pm 0.2*; GPAT1: 1.4 \pm 0.1* y PLIN1 2.3 \pm 0.3*; veces con respecto al basal (X \pm DS,*p<0.05, n=3). Coincidentemente con sus efectos anabólicos, se observó que R incrementa las GL. En su conjunto los resultados sugieren que la activación de PPAR γ participa en la regulación de la expresión de genes vinculados con la síntesis de TAGs y formación de GL en la CS. Considerando que los AG son la principal fuente energética de la CS, el PPAR γ jugaría un rol fundamental en la homeostasis lipídica de esta célula (PIP2011-187; PICT2012-666).

268 (73) EFECTOS DE METFORMINA SOBRE LA PROLIFERACIÓN DE LA CÉLULA DE SERTOLI

Gustavo Rindone; Agostina Gorga; Mariana Regueira; María Noel Galardo; María Del Carmen Camberos; Silvina Beatriz Meroni; María Fernanda Riera
CEDIE-CONICET-FEI-Htal R. Gutiérrez

Se conoce que las células de Sertoli (SC) proliferan durante el período fetal y neonatal en la rata, luego dejan de proliferar

y comienzan el proceso de diferenciación terminal. El número de CS alcanzado en los períodos proliferativos es crítico ya que determinará la capacidad espermatogénica de los animales adultos. Estudios previos del laboratorio muestran que un activador farmacológico de la kinasa activada por AMP (AMPK), A769662, lleva a una inhibición de la proliferación de la CS y que dicha inhibición es mediada por un aumento en la expresión de inhibidores del ciclo celular. Por otro lado, ha sido reportado que Metformina (Met), droga utilizada para el tratamiento de la diabetes tipo II, presenta efectos mediados y no mediados por AMPK y que es capaz de detener la proliferación de varios tipos celulares. Teniendo en cuenta dichos antecedentes, nos propusimos evaluar si Met es capaz de activar AMPK y de regular la proliferación de las CS. Se utilizaron cultivos de CS de ratas de 8 días de edad. Se incubaron las células en condiciones basales o con Met (10mM) por 24 hs. Finalizado el tratamiento se determinaron los niveles de AcetilCoa Carboxilasa fosforilada (ACC-P) como parámetro de activación de AMPK. Para evaluar los efectos sobre la proliferación se realizó un recuento celular y se determinaron los niveles de ARNm de los inhibidores del ciclo p21 y p27 (familia CIP/KIP) por RT-qPCR. Se observó que Met incrementa los niveles de ACC-P. Además, observamos que el tratamiento con Met disminuye el número de CS sin modificar el número de células no viables y que incrementa los niveles de ARNm de p21 mientras que no modifica los de p27 (p21:3.6 \pm 1.5*; p27: 0.9 \pm 0.15 ns). Los resultados se expresan como veces de variación respecto al basal (X \pm DS,*p<0.05 vs basal, n=3). En conjunto los resultados sugieren que Met en CS activa a AMPK e inhibe la proliferación de la CS a través, al menos de parte, de la regulación de la expresión del inhibidor p21.

269 (111) EXPRESIÓN DE COMPONENTES DE LA SUPERFAMILIA TGF- β EN OVARIOS BOVINOS EN UN MODELO DE PERSISTENCIA FOLICULAR INDUCIDA CON PROGESTERONA

Valentina Matiller; Pablo Uriel Daz; Fernanda Mariel Rodriguez; Florencia Rey; Hugo Hector Ortega; Natalia Raquel Salvetti
Laboratorio de Biología Celular y Molecular Aplicada Icvit Litoral UNL CONICET

Resultados obtenidos con anterioridad nos han permitido observar que existen cambios importantes en la expresión de componentes de la familia del TGF- β : TGF- β 1 y sistema inhibina/activina/foliculostatina, en folículos en crecimiento y en quistes en ovarios de bovinos lecheros con Enfermedad Quística Ovárica (COD). En consecuencia, y ante su importante participación autócrina y parácrina en la reproducción, el objetivo de este trabajo fue evaluar la expresión de los citados ligandos, en ovarios de animales con persistencia folicular inducida mediante un modelo experimental basado en dosis subluteales de progesterona para determinar si esos cambios se presentan desde el inicio del desarrollo de la enfermedad. Se obtuvieron los ovarios mediante ovariectomía a los 5 (P5, n=5), 10 (P10, n=5) y 15 (P15, n=5) días de persistencia desde el momento esperado de la ovulación. El grupo control fue ovariectomizado en proestro (C, n=5). Sobre secciones de 4um de espesor se determinó la presencia de las proteínas citadas mediante inmunohistoquímica indirecta. Mediante análisis digital de imágenes se cuantificó la inmunoexpresión en relación al tiempo de persistencia y a folículos de animales controles. Se evidenció una disminución en la expresión de TGF- β 1 en los folículos de P15 en relación a los de P5 (p<0,05). Los folículos persistentes del grupo P15 mostraron una mayor expresión de activina en la granulosa que los folículos antrales controles (p<0,05). Se observaron diferencias en la expresión de foliculostatina en granulosa dentro del grupo P10 entre folículos antrales y persistentes (p<0,05). El desbalance hallado entre los componentes del sistema inhibina-activina-foliculostatina así como en TGF- β 1 contribuirían en el desarrollo de la enfermedad desde momentos muy tempranos avalando los resultados encontrados en los casos de COD.

270 (116) EFECTOS DE LA VÍA DEL AMPK SOBRE LA ACCIÓN DEL ESTRADIOL EN LA EXPRESIÓN DE LEPTINA PLACENTARIA

Malena Schanton¹; Antonio Perez-Perez²; Yesica Gambino¹; Bernardo Maskin³; Victor Sanchez Margalet²; Cecilia Varone¹

*Departamento de Química Biológica, FCEN-UBA. IQUIBICEN, CONICET.*¹ *Departamento de Bioquímica Médica y Biología Molecular, Universidad de Sevilla, Sevilla, España*² *Hospital Nacional Profesor Alejandro Posadas, Buenos Aires, Argentina.*³

La leptina es una proteína expresada en placenta que durante la gestación regula la implantación y el desarrollo embrionario. Resultados previos de nuestro laboratorio han demostrado que el estradiol (E_2) regula la expresión de leptina placentaria a nivel transcripcional involucrando efectos genómicos y no genómicos. Previamente demostramos que CREB regularía la expresión basal de leptina. El objetivo del presente trabajo es estudiar el efecto de vía AMPc sobre la acción del E_2 en la expresión de la leptina placentaria. Se utilizaron células BeWo y explantos de placenta humana a término como modelos experimentales. Al utilizar los inhibidores de la vía de PKA, H89 y SQ22536, se observó por Western blot y por ensayos de genes reporteros, una disminución de la expresión de leptina mediada por E_2 , lo cual sugiere que el cAMP ejerce un efecto sobre la inducción de leptina por E_2 . Por otro lado se demostró que la sobreexpresión de CBP (proteína de unión a CREB con función de acetiltransferasa) produce un aumento en el efecto de E_2 sobre la expresión de leptina. También se observó, en transfecciones transitorias, que la sobreexpresión de HDAC-1, una histona deacetilasa, disminuyó la inducción de E_2 sobre leptina sugiriendo que las modificaciones en acetilaciones de histonas podrían estar involucradas en su acción. Estos resultados proveen nuevas evidencias acerca de los mecanismos por los cuales el E_2 regula la expresión de la leptina placentaria. Futuros ensayos permitirán estudiar en detalle los complejos proteicos formados entre en el promotor de leptina en respuesta a E_2 .

271 (124) EVALUACIÓN DE IL-1 β , IL-4 E IL-6 EN SUERO Y LÍQUIDO FOLICULAR EN LA ENFERMEDAD QUÍSTICA OVÁRICA BOVINA Y DURANTE LA PERSISTENCIA FOLICULAR INDUCIDA

Antonela Florencia Stassi; Eduardo Matías Belotti; María Eugenia Baravalle; Natalia Raquel Salvetti; Florencia Rey; Hugo Héctor Ortega
Laboratorio de Biología Celular y Molecular Aplicada ICI-VET LITORAL UNL CONICET

La ovulación posee diversas características similares a una reacción inflamatoria siendo las citoquinas determinantes en este proceso. En el ovario, las citoquinas son secretadas por células del sistema inmune y por células de la granulosa y de la teca. La enfermedad quística ovárica (COD) constituye una de las causas más comunes de infertilidad en bovinos lecheros y la persistencia folicular asociada es una de sus principales características. Considerando que la ovulación es un proceso inflamatorio localizado, una alteración en estos mediadores podría contribuir a la patogenia de la COD. El objetivo fue evaluar la concentración de las citoquinas IL6, IL4 e IL1 β en líquido folicular (LF) y suero de vacas con COD espontánea y con persistencia folicular inducida mediante progesterona (P4). Se realizó la toma de muestras de sangre y ovariectomía para la obtención de ovarios con quistes foliculares espontáneos. Se generó un modelo experimental de persistencia folicular, aplicando dispositivos de liberación lenta de P4 para lograr concentraciones subluteales de P4 en sangre, obteniéndose folículos dominantes cercanos a la ovulación (n=5; P0) y folículos que persistieron por 5 (n=5; P5), 10 (n=5; P10) o 15 días (n=5; P15) luego del momento esperado para la ovulación. Los controles fueron ovariectomizados en proestro (n=5; C). Se obtuvo LF y suero, sobre los que determinó mediante ELISA, la concentración de las citoquinas IL6, IL4 e IL1 β . Las muestras de suero del grupo P10 mostraron mayores concentraciones de IL6 con respecto a los grupos P0, COD y C ($p < 0.05$), mientras que en LF los niveles de las citoquinas fueron similares en todos los grupos ($p > 0.05$). Esto junto a resultados previos acerca de la expresión de citoquinas en las células de folículos persistentes

y quistes, nos permiten sugerir que existe una alteración en los mecanismos inflamatorios asociados a la ovulación y que las interleuquinas podrían contribuir a la persistencia folicular asociada con la COD.

272 (152) ESPECIES REACTIVAS DEL OXÍGENO (ROS) COMO INTERMEDIARIAS EN EL MECANISMO DE ACCIÓN DE PROSTAGLANDINA D2 (PGD2) EN CÉLULAS DE SERTOLI MURINAS TM4

Soledad Paola Rossi^{1,2}; Stefanie Windschuettl³; Verónica Rey Ares³; Ricardo Saúl Calandra¹; Artur Mayerhofer³; Mónica Beatriz Frungieri^{1,2}
*IBYME*¹ *Cat. Bioquímica Humana, Fac. de Medicina, Univ. de Buenos Aires*² *Institute Of Anatomy and Cell Biology, Munich, Alemania*³

Las células de Sertoli (CS) brindan soporte estructural y metabólico a las células germinales durante la espermatogénesis siendo el lactato el principal sustrato energético producido. Previamente, hemos descrito un efecto estimulador sobre la producción de ROS ejercido por PGD2 en CS murinas TM4 y la consecuente activación del sistema anti-oxidante en respuesta al estrés oxidativo generado. En este trabajo hemos detectado que PGD2 estimula la producción de H_2O_2 en CS. Es sabido que las ROS no solo generan peroxidación lipídica y daño tisular, sino también participarían como segundos mensajeros intracelulares regulando la expresión de ciertos genes. El objetivo de este trabajo fue investigar si las ROS producidas en respuesta a PGD2 en CS murinas TM4, actúan como segundos mensajeros modulando la transducción de señales y la expresión génica. PGD2 (1 μ M) aumentó el grado de fosforilación (Western blot, 15 min de incubación) de p-Akt y p-CREB, efecto que fue revertido en presencia del agente anti-oxidante N-acetil-L-cisteína (NAC; 5mM) en CS TM4 [unidades arbitrarias (UA), p-Akt/Akt = control: $1 \pm 0,09^a$; PGD2: $1,57 \pm 0,10^b$; PGD2 + NAC: $0,73 \pm 0,06^c$; NAC: $0,64 \pm 0,05^c$; p-CREB/actina = control: $1 \pm 0,09^a$; PGD2: $1,59 \pm 0,12^b$; PGD2 + NAC: $0,62 \pm 0,05^c$; NAC: $0,79 \pm 0,09^{a,b}$; X \pm SEM; diferentes letras: $P < 0,05$]. PGD2 también estimuló la expresión [PCR en tiempo real (qPCR), 30 min de incubación] de lactato deshidrogenasa A (LDH-A) en CS TM4. Este efecto fue revertido en presencia de NAC (UA, control: $1 \pm 0,09^a$; PGD2: $3,04 \pm 0,20^b$; PGD2 + NAC: $1,85 \pm 0,18^c$; NAC: $1,11 \pm 0,10^c$; X \pm SEM; diferentes letras: $P < 0,05$). La incubación de CS TM4 en presencia de LY 294002 (LY; 10 μ M), inhibidor de la quinasa PI3 asociada a la fosforilación de Akt, revertió la inducción por PGD2 de la expresión de LDH-A ($P < 0,05$). En resumen, estos resultados sugieren que las ROS generadas por PGD2 en CS murinas TM4 actuarían como segundos mensajeros regulando la expresión de LDH-A a través de la vía de Akt/CREB.

273 (164) TRATAMIENTOS MATERNOS CON ANTIOXIDANTES MITOCONDRIALES EN RATAS DIABÉTICAS PREVIENEN ALTERACIONES PRO-INFLAMATORIAS EN LA PLACENTA DE SU DESCENDENCIA QUE DESARROLLA DIABETES GESTACIONAL

Javana Linenberg; Daiana Fornes; Verónica White; Alicia Javerbaum; Evangelina Capobianco
CEFYO

La diabetes materna conduce a una anómala programación intrauterina de diabetes gestacional en su descendencia. La diabetes induce un entorno pro-oxidante intrauterino y anomalías en las vías de los Receptores Activados por Proliferadores Peroxisomales (PPAR), que regulan procesos anti-oxidantes y anti-inflamatorios. El factor de crecimiento de tejido conectivo (CTGF) se vincula con eventos pro-inflamatorios. Objetivos: Realizar tratamientos maternos con antioxidantes mitocondriales en ratas con diabetes pre-gestacional, a fin de estudiar su efecto sobre la placenta de su descendencia hembra que desarrollará diabetes gestacional. Métodos: Ratas Wistar sanas (C) y diabéticas (D, glucemias 180-220 mg/dl) fueron tratadas con vehículo o antioxidantes mitocondriales: Idebenona (IDE, 100 mg/kg/día) o MitoQ (MQ, 17mg/kg/día) desde el día 1 de gestación hasta el parto. La descendencia hembra de ratas C y D se apareó con

machos sanos. La descendencia de ratas D desarrolló diabetes gestacional (ratas GDM). Se realizó la eutanasia en el día 21 de gestación y en las placentas se determinó: la producción de óxido nítrico (NO, dosaje de nitratos/nitritos, sus metabolitos estables); y los niveles de CTGF, PPAR α y nitrotirosina (NT, índice de daño por peroxinitritos), mediante inmunohistoquímica. Resultados: Los niveles de PPAR α fueron menores en placentas de ratas GDM al comparar con C (66%, $p < 0,05$) y los tratamientos con IDE y MQ no modificaron dichos niveles. Los niveles de CTGF fueron mayores en placentas de ratas GDM (58%, $p < 0,05$) al comparar con C, y se redujeron con los tratamientos IDE y MQ (80%, $p < 0,01$). Los elevados niveles de NO ($p < 0,01$) y NT ($p < 0,001$) en placentas de ratas GDM, fueron reducidos mediante los tratamientos con IDE y MQ ($p < 0,05$). Conclusiones: El tratamiento materno con antioxidantes mitocondriales en ratas con diabetes pre-gestacional, regula parámetros pro-oxidantes y pro-inflamatorios en la placenta de su descendencia que desarrolla diabetes gestacional.

274 (167) APOPTOSIS Y CUERPO DE BALBIANI EN LA GÓNADA FEMENINA HUMANA EN DESARROLLO: ANÁLISIS INMUNOHISTOQUÍMICO

Analia Meilerman Abuelafia^{1,2}; Nicolas Fraunhofer^{1,2}; Ines Stella²; Silvia Galliano^{2,3}; Veronica Dorfman¹; Marcela Barrios²; Alfredo Vitullo¹

Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico¹ Carrera de Medicina-Universidad Maimónides² Servicio de Anatomía Patológica-Hospital de Eva Perón de Merlo³

A partir de 7 millones de oogonias originadas durante el periodo fetal, al inicio de la pubertad quedarán 300.000 oocitos viables de los cuales sólo alrededor de 400 sobrevivirán para ser liberados para su potencial fertilización. Por lo tanto, más del 99,9% de la masa germinal habrá sido eliminada al final del periodo reproductivo por APOPTOSIS. El balance entre las proteínas pro y antiapoptóticas de la familia BCL2 es responsable de la supervivencia o la muerte de la célula germinal. El cuerpo vitelino de Balbiani es una colección de organelas localizadas de forma adyacente al núcleo en oocitos muy jóvenes. Se sospecha que la localización diferencial de las proteínas de esta familia en relación al cuerpo de Balbiani determinaría el destino de la célula germinal. El objetivo del presente trabajo fue analizar la inmunolocalización de la proteína antiapoptótica BCL-2 y proapoptóticas BAX y BID clivado en relación al cuerpo de Balbiani en 27 ovarios fetales humanos con diagnóstico histológico normal de la masa germinal, entre la semana 8 y 39 de gestación mediante inmunohistoquímica e inmunofluorescencia. BCL-2, BAX y BID clivado se detectan en el cuerpo de Balbiani en estadios de oogonia, oocitos desnudos y contenidos en folículos primordiales, mientras que en oocitos contenidos dentro de folículos primarios y secundarios, se detectan de manera homogénea. En conclusión, estos resultados sugieren que estas proteínas están secuestradas de Balbiani en tanto y en cuanto el oocito permanece en el pool quiescente y se distribuyen en el citoplasma al ingresar en el pool folicular en crecimiento.

275 (192) RELEVANCIA DEL FENÓMENO DE ANGIOGÉNESIS EN EL DESARROLLO DE UN CUADRO DE ORQUITIS AUTOINMUNE EXPERIMENTAL ASOCIADO A INFERTILIDAD

Gisela S. Gualdoni; Patricia Jacobo; Cristian M. Sobarzo; Livia Lustig; M. Susana Theas; Vanesa A. Guazzone
INBIOMED. UBA-CONICET. Facultad de Medicina.

La orquitis autoinmune experimental (OAE) es un cuadro caracterizado por un infiltrado linfomonocitario intersticial y daño de los túbulos seminíferos (TS) que sufren apoptosis y descamación de las células germinales resultando en aspermatogénesis e infertilidad. Dicho cuadro se acompaña de un aumento del número de vasos que componen la red microvascular del testículo. El objetivo de este trabajo fue evaluar la relevancia del proceso de angiogénesis mediado por VEGF en el desarrollo de la OAE. Ratas Wistar macho adultas fueron inmunizadas con antígenos

espermáticos y adyuvantes durante los días 0, 14 y 28 y posteriormente sacrificadas a los 60 días de la primera inmunización. Por inmunohistoquímica, se observó en el testículo de ratas con OAE la expresión del VEGF en las células germinales, endoteliales y macrófagos. Y la expresión de su receptor-1 (Flt-1) en células endoteliales, macrófagos y de Leydig. Por otra parte, ratas con OAE fueron inyectadas semanalmente con bevacizumab (Avastin, Roche) o solución fisiológica (vehículo) luego del periodo de inmunización. Bevacizumab es un anticuerpo monoclonal con capacidad de neutralizar la actividad del VEGF. En las ratas inyectadas con bevacizumab se observó una disminución significativa de la incidencia y severidad del cuadro de OAE (índice de OAE: vehículo: $5,36 \pm 1,41$ vs bevacizumab: $0,82 \pm 0,63$ $p = 0,01$) así como una disminución del grado de inflamación testicular (vehículo: $2,57 \pm 0,75$ vs bevacizumab: $0,1 \pm 0,1$ $p = 0,001$). Por morfometría, se cuantificó el número de vasos testiculares, detectándose una disminución significativa en las ratas que recibieron bevacizumab (Nro. vasos/100 TS: vehículo: $137,9 \pm 4,1$ vs bevacizumab: $121,1 \pm 4,5$ $p = 0,04$). Los resultados obtenidos hasta el momento demuestran la relevancia del sistema VEGF-VEGFR en el desarrollo de un cuadro de inflamación testicular y el potencial uso del bevacizumab como herramienta terapéutica en el tratamiento de la infertilidad asociada a mecanismos inmunológicos.

276 (200) HEPARÁN SULFATO Y SU PAPEL EN EL RECONOCIMIENTO ESPERMATOZOIDE-OVIDUCTO EN HUMANOS

Yamila Raquel Juárez¹; Camila Galotto¹; Santiago Gil²; Vanina Julianelli³; Sebastián Gogorza²; Lucrecia Pieiro De Calvo¹; Juan Carlos Calvo^{1,4}; Marina Romanato¹

IBYME¹ Servicio de Ginecología y Obstetricia, Hospital Italiano de Buenos Aires.² PROCREARTE³ Departamento de Química Biológica, FCEyN-UBA⁴

Describimos previamente que el heparán sulfato (HS) es fundamental en la descondensación cromatínica espermática durante la fecundación y que se encuentra en el ooplasma y espacio perivitelino de los oocitos. Objetivo: Estudiar la presencia de HS en el espermatozoide lavado, capacitado y reaccionado y su posible rol en la interacción con células oviductales en cultivo. El protocolo y los Consentimientos Informados han sido aprobados por los Comités de Ética del HIBA y del IBYME. Metodología: Los espermatozoides se obtuvieron de individuos normozoospermicos (OMS) y se procesaron para obtener la fracción móvil por swim-up. Se capacitaron y se indujo la reacción acrosomal con ionóforo de calcio. La presencia de HS se analizó por citometría de flujo, con anticuerpo anti-HS y segundo anticuerpo marcado con FITC. Las muestras de oviducto se obtuvieron de pacientes premenopáusicas, sin infecciones o enfermedades neoplásicas, por laparoscopia o histerectomía y se procesaron dentro de las 2 h. Luego de separar el tejido conectivo, se cortaron longitudinalmente para exponer el interior y, por raspado, obtener las células. Para la interacción, se preincubaron las células confluentes con heparina $46 \mu\text{M}$ o medio y, luego de lavar, se agregaron los espermatozoides. Se fijaron las células con glutaraldehído, fotografiaron 20 campos y contaron los espermatozoides unidos. Resultados: El HS permanece unido al espermatozoide, incluso aumenta luego de la reacción acrosomal (lavados vs capacitados, NS; lavados vs reaccionados, $p < 0,0035$ y capacitados vs reaccionados $p < 0,025$; ANOVA-Tukey, $n = 5$). El agregado de heparina disminuyó el número de espermatozoides asociados a las células oviductales ($p < 0,0001$, t apareado). Conclusión: la permanencia del HS sobre la superficie del espermatozoide, asociada al bloqueo de la interacción con las células oviductales por heparina, indicaría un posible rol del HS en la interacción con el oviducto, además del ya descrito en la descondensación cromatínica. SUBSIDIOS: CONICET-ANPCYT-Fundación René Barón

277 (216) EVIDENCIAS DE LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES DE FACTORES DE CRECIMIENTO FIBROBLÁSTICO (FGFRS) FUNCIONALES EN ESPERMATOZOIDES MURINOS

Lucía Saucedo¹; Adrian Gongora¹; Cristian Sobarzo²; Mónica Vazquez-Levin¹; Clara Marin Briggiler¹

IBYME¹ INBIOMED²

Es ampliamente conocido que los receptores de factores de crecimiento fibroblástico (FGFRs) participan en la proliferación, diferenciación, motilidad y apoptosis de células somáticas. Sin embargo, existen escasas evidencias sobre su expresión y función en las gametas. En trabajos previos describimos la presencia de los FGFR1, 2, 3 y 4 en los espermatozoides humanos, que la exposición al ligando FGF2 desencadena su activación y la de vías de señalización relacionadas, y estimula la motilidad espermática. Dado que los estudios en el modelo humano presentan limitaciones éticas, es necesaria la utilización y validación del sistema en modelos animales. El objetivo del presente trabajo fue evaluar la presencia de los FGFRs en espermatozoides murinos y determinar su origen testicular y su funcionalidad. Se realizaron ensayos de Western immunoblotting e inmunocitoquímica sobre espermatozoides recuperados del epidídimo de ratones macho adultos, y ensayos de inmunohistoquímica sobre secciones de testículo, utilizando anticuerpos anti FGFRs. Los espermatozoides fueron expuestos a FGF2 recombinante y se evaluaron la activación de vías de señalización y la motilidad espermática. Los resultados mostraron que los FGFR1, 2, 3 y 4 están expresados en los espermatozoides murinos, localizados en el flagelo y en la región acrosomal. La localización flagelar se mantuvo en los espermatozoides luego de la incubación en condiciones capacitantes. Los FGFRs espermáticos son de origen testicular, ya que su presencia fue evidenciada en las células germinales del epitelio seminífero y en el flagelo de los espermatozoides testiculares. La incubación con FGF2 por 1 hora condujo a un aumento en la fosforilación de Akt espermática y del porcentaje de espermatozoides móviles. En conclusión, los espermatozoides murinos expresan FGFRs funcionales y este modelo podría ser utilizado para caracterizar la participación del sistema FGFs/FGFRs en la regulación de la fisiología espermática.

278 (249) ALTERACIONES EN EL DESARROLLO REPRODUCTIVO EN RATAS MACHOS Y HEMBRAS CAUSADAS POR SOBREPESO MATERNO

Rocío A Galarza; Eric A Rhon Calderón; Analía E Cortez; Alicia G Faletti
 CEFYBO-CONICET, Facultad de Medicina-UBA

La obesidad y el sobrepeso están asociados con alteraciones reproductivas incluyendo complicaciones durante el embarazo y el parto. Para permitir una programación fetal adecuada, se necesita un peso corporal materno apropiado. El objetivo de este trabajo fue estudiar las alteraciones reproductivas en ratas machos (M) y hembras (H) causadas por sobrepeso materno. Para ello, utilizamos ratas adultas alimentadas con dieta estándar (DE 18.4 kJ/g; 11.4% lípidos, 71.4% carbohidratos, 17.2% proteínas) o con dieta de cafetería con alto contenido lipídico (DC 24.1 kJ/g; 30% lípidos, 52.8% carbohidratos, 17.2% proteínas) ad libitum a partir de los 21 días hasta el destete de sus crías. Cuando estos animales alcanzaban sobrepeso entre 20 y 36% comparado con los controles, fueron apareadas con machos alimentados con DE. Las crías fueron alimentadas con DE y se registró la evolución de ambos grupos (C: crías de madres DE; D: crías de madres DC). Comparada con C, las crías D exhibían aumento de peso corporal (H 39%, M 29%, $p < 0.001$), apertura vaginal retrasada (1-3 ds, $p < 0.05$), mayor peso ovárico (28%, $p < 0.01$) y testicular (10%, $p < 0.01$) y aumento en la tasa ovulatoria (129%, $p < 0.05$), expresada como el número de oocitos ovulados por rata. Asimismo, los M presentaban menor recuento espermático (40 ± 4 y 37 ± 6 , $p < 0.01$) en función del sobrepeso materno (26%, 36%), expresado en millones de células/ml respecto a los controles (69 ± 7), y las hembras exhibían menor número de folículos primordiales (Po 2.5 ± 0.3), primarios (Pi 2.1 ± 0.3) y antrales (A 1.3 ± 0.1), determinado por histología ovárica, expresado por área y comparado con los controles (Po 5.7 ± 0.7 , Pi 4.1 ± 0.4 , A 2.0 ± 0.2 , $p < 0.01$). Estos resultados indican que el sobrepeso materno es capaz de alterar el desarrollo reproductivo en la rata ya que i) las hembras presentaban pubertad retrasada, reserva folicular disminuida y

mayor tasa ovulatoria; y ii) los machos exhibían menor número de espermatozoides en función del sobrepeso.

279 (259) LOS RATONES DOBLE KNOCKOUT PARA LA PROTEÍNAS EPIDIDIMARIAS CRISP1 Y CRISP4 PRESENTAN DEFICIENCIAS EN SU FERTILIDAD

Guillermo Carvajal¹; Nicolás Brukman¹; Pablo Torres²; Daniel Lombardo²; Mariana Weigel Muñoz²; Patricia Cuasnicú¹

¹IBYME¹ Instituto de Investigación y Tecnología en Reproducción Animal (FVet-UBA)²

CRISP1 y CRISP4 son proteínas de expresión epididimaria que se asocian a los espermatozoides durante la maduración y participan en las etapas de unión a la Zona Pellucida (CRISP1 y CRISP4) y de fusión de gametas (CRISP1). Sin embargo, los ratones knockout (KO) tanto para Crisp1 como para Crisp4 son fértiles en forma individual, sugiriendo la existencia de mecanismos compensatorios entre proteínas homólogas. En base a ello, el objetivo de este trabajo consistió en generar ratones deficientes en ambas proteínas simultáneamente y evaluar su fenotipo reproductivo. Los resultados indicaron que los animales doble KO (KO/KO) para CRISP1 y CRISP4, generados mediante cruza de los animales simples KO, eran subfértiles a juzgar por el menor número de crías por camada obtenidas para los mismos respecto a los animales control (WT/WT) (WT/WT 7.8 ± 0.5 vs KO/KO 5.0 ± 0.9 ; $n=9$ $p < 0.05$). Consistente con este resultado, se observó un menor número de ovocitos fertilizados en el oviducto de hembras apareadas con machos KO/KO respecto al control (WT/WT 70.5 ± 7.2 vs KO/KO 49.5 ± 8.7 ; $n=6$ $p < 0.01$) y un menor porcentaje de ovocitos fertilizados en ensayos in vitro (WT/WT 43.6 ± 11.8 vs KO/KO 2.2 ± 1.3 ; $n=5$ $p < 0.05$). Si bien los espermatozoides KO/KO mostraron un normal número y motilidad, exhibieron un mayor porcentaje de reacción acrosomal espontánea (WT/WT 29.1 ± 2.8 vs KO/KO 39.4 ± 5.3 ; $n=6$ $p < 0.05$) y no respondieron a la inducción de la reacción acrosomal por progesterona. En conjunto, estos resultados no sólo apoyan la existencia de una cooperación funcional entre CRISP1 y CRISP4 para garantizar la fertilización sino que muestran la relevancia de estas proteínas para la fertilidad de un individuo, con implicancias clínicas tanto para el tratamiento de la infertilidad como para el desarrollo de nuevos métodos anticonceptivos. CRISP1 y CRISP4 son proteínas de expresión epididimaria que se asocian a los espermatozoides durante la maduración y participan en las etapas de unión a la Zona Pellucida (CRISP1 y CRISP4) y de fusión de gametas (CRISP1). Sin embargo, los ratones knockout (KO) tanto para Crisp1 como para Crisp4 son fértiles en forma individual, sugiriendo la existencia de mecanismos compensatorios entre proteínas homólogas. En base a ello, el objetivo de este trabajo consistió en generar ratones deficientes en ambas proteínas simultáneamente y evaluar su fenotipo reproductivo. Los resultados indicaron que los animales doble KO (KO/KO) para CRISP1 y CRISP4, generados mediante cruza de los animales simples KO, eran subfértiles a juzgar por el menor número de crías por camada obtenidas para los mismos respecto a los animales control (WT/WT) (WT/WT 7.8 ± 0.5 vs KO/KO 5.0 ± 0.9 ; $n=9$ $p < 0.05$). Consistente con este resultado, se observó un menor número de ovocitos fertilizados en el oviducto de hembras apareadas con machos KO/KO respecto al control (WT/WT 70.5 ± 7.2 vs KO/KO 49.5 ± 8.7 ; $n=6$ $p < 0.01$) y un menor porcentaje de ovocitos fertilizados en ensayos in vitro (WT/WT 43.6 ± 11.8 vs KO/KO 2.2 ± 1.3 ; $n=5$ $p < 0.05$). Si bien los espermatozoides KO/KO mostraron un normal número y motilidad, exhibieron un mayor porcentaje de reacción acrosomal espontánea (WT/WT 29.1 ± 2.8 vs KO/KO 39.4 ± 5.3 ; $n=6$ $p < 0.05$) y no respondieron a la inducción de la reacción acrosomal por progesterona. En conjunto, estos resultados no sólo apoyan la existencia de una cooperación funcional entre CRISP1 y CRISP4 para garantizar la fertilización sino que muestran la relevancia de estas proteínas para la fertilidad de un individuo, con implicancias clínicas tanto para el tratamiento de la infertilidad como para el desarrollo de nuevos métodos anticonceptivos.

280 (268) LEPTINA DISMINUYE LOS VALORES DE VIDA MEDIA DE P53 EN CÉLULAS PLACENTARIAS DE PRIMER TRIMESTRE

Paula Balestrini¹; Ayelén Toro¹; Antonio Pérez-Pérez²; Mariana Jaime³; Bernardo Maskin³; Víctor Sánchez-Margalet²; Cecilia L. Varone¹

Dpto Química Biológica FCEN UBA - IQUIBICEN, Conicet¹ Dpto. de Bioquímica Médica y Biología Molecular, Universidad de Sevilla, Sevilla, España² Hospital Nacional Alejandro Posadas, Buenos Aires, Argentina³

Durante la implantación embrionaria se genera un diálogo materno-fetal que involucra la acción de diferentes reguladores, entre ellos la leptina. Esta proteína de 16 kDa fue descubierta en tejido adiposo con la función de regular el balance energético del organismo pero luego se encontró que se expresa en placenta humana teniendo funciones sobre el crecimiento y la inmunomodulación placentaria. Resultados previos de nuestro grupo demostraron que la leptina aumenta la sobrevivencia en células placentarias. Con el objetivo de profundizar el estudio de la acción antiapoptótica de leptina nos planteamos evaluar el efecto de dicha hormona sobre los niveles de expresión y vida media de p53, regulador clave del ciclo celular. Se utilizó como modelo experimental la línea celular Swan-71 y explantos de placenta humana a término incubados en medio 1% SFB. También se analizaron los niveles de p53 luego del tratamiento con 100 y 250 μ M cloruro de cobalto, droga que estabiliza la expresión de HIF-1. Mediante qRT-PCR y Western blot se determinó que la leptina disminuye significativamente los niveles de expresión de p53 de manera dosis dependiente, por otro lado se observó que genera un aumento de Mdm-2, regulador negativo de p53. Para evaluar el efecto de leptina sobre la vida media de p53 se realizaron similares experimentos en presencia de cicloheximida. Nuestros resultados demostraron que los valores de vida media de p53 (24.03 ± 0.39 h) disminuyen en presencia de leptina (15.85 ± 1.52 h). Por otro lado se sabe que existe un cross-talk entre los factores de transcripción p53 y HIF-1, ya que se ha evidenciado la acumulación de ambos factores en condiciones de hipoxia. En estas condiciones leptina disminuyó los niveles de p53 en células Swan-71. Estos resultados permiten profundizar en el estudio de la acción antiapoptótica de leptina, en particular sobre los niveles de p53, proteína involucrada en procesos críticos durante el desarrollo del embarazo.

281 (287) NEO-VASCULARIZACIÓN DECIDUAL DURANTE LA ORGANOGÉNESIS MURINA: EXPRESIÓN DE LOS RECEPTORES KDR Y FLT-1 Y EFECTO DEL CONSUMO MATERNO DE ALCOHOL

Martín R. Ventureira¹; Cristian Sobarzo²; Vanina Vachetta¹; Claudio Barbeito³; Elisa Cebal¹
IFIBYNE-UBA/CONICET, FCEN¹ INBIOMED-UBA/CONICET, FMED² Lab. de Histología y Embriología, Fac. de Cs. Veterinarias, Univ. Nac. de La Plata³

La vascularización de la decidua, dependiente de la expresión del factor de crecimiento VEGF y sus receptores Flt-1 (R1) y KDR (R2), es un requisito indispensable para el establecimiento de la circulación placentaria durante la organogénesis temprana. Previamente, observamos que el consumo perigestacional de alcohol hasta el día 10 de gestación, produce oclusión de la luz vascular y reduce la expresión del factor de crecimiento VEGF en el área vascular de la decidua próxima a la interfase con el trofoblasto. El objetivo fue analizar: 1) la población de sitios de implantación (SI) con disminución de luz vascular decidual (H-E); 2) la calidad y proliferación endotelial (PAS e inmunohistoquímica (IHQ) de PCNA); 3) la remodelación muscular microarteriolar (IHQ actina); 4) la población de células uNK, su morfología (PAS, histoquímica lectina-DBA); 5) la expresión de los receptores R1 y R2 en endotelio y en uNK decidual (IHQ, IHQ-PAS). Se administró etanol al 10% en el agua de bebida, a hembras CF-1, por 15 días antes y hasta el día 10 de gestación (hembras tratadas, HT, vs hembras controles, HC). Las HT presentaron aumento de SI con luz vascular reducida ($p < 0,05$, vs HC). Además de deficiente

remodelación de la pared vascular, el índice proliferativo del endotelio vascular se redujo vs el de HC ($0,24 \pm 0,05$ vs $0,48 \pm 0,08$, $n=5$, $p < 0,01$). En los sitios de las HT, se encontró disminución de la población uNK (KDR-negativa, Flt-1-positiva) ($p < 0,05$, vs HC), las que presentaron alteraciones morfológicas. En el tejido vascular y uNK de la decidua de las HT, la inmunoexpresión de KDR y Flt-1 fue menor, pero la activación de KDR (inmunopresión de la forma fosforilada), se incrementó en dichas áreas, vs. las HC ($p < 0,01$). Estos resultados sugieren que el consumo perigestacional de alcohol hasta la organogénesis, conduce a vascularización decidual deficiente por cambios en la población de células uNK y desregulación del sistema de receptores de VEGF en el endotelio vascular.

282 (289) AUMENTO DE ESTRADIOL Y ACTIVACIÓN DE METALOPROTEINASA-2 EN UN MODELO DE ENDOMETRIOSIS MURINA KNOCK-OUT PARA EL RECEPTOR P55 DE TNF α

Federica Ghersa^{1,2}; Sandra Vallcaneras^{1,2}; Juan Ignacio Bastón³; Gabriela Meresman³; Marilina Casais^{1,2}
Laboratorio de Biología de la Reproducción y Radioisotopos¹ IMIBIO-SL² IBYME³

Endometriosis (EDT) es una enfermedad que afecta a las mujeres en edad reproductiva causando dolor e infertilidad con un cuadro de inflamación crónica. El objetivo de este trabajo fue estudiar la influencia de la ausencia del receptor p55 para el factor de necrosis tumoral alfa (TNF α) en el desarrollo de las lesiones endometrióticas en un modelo experimental. Trabajando con ratones C57BL/6 knock-out (KO) para el receptor p55 y wild type (WT) como control, se indujo la EDT quirúrgicamente. Brevemente, el cuerno uterino derecho fue dividido longitudinalmente y cortado en tres piezas que se suturaron al mesenterio del intestino. A las 4 semanas, los ratones fueron sacrificados, se recolectó el fluido peritoneal (FP) para el dosaje de estradiol (E₂) por RIA y la determinación de la actividad enzimática de las metaloproteinasas-2 y -9 (MMP-2 y -9) mediante zimografía. Una lesión por animal fue preparada para la evaluación de la proliferación celular por inmunohistoquímica (IHQ) empleando un anticuerpo policlonal anti-PCNA (antígeno nuclear de proliferación celular). El resto de las lesiones se conservaron a -80°C hasta el análisis de la expresión de p450aromatasa (p450arom) mediante western blot (WB). En los animales KO se observó un aumento en los niveles de E₂ ($p < 0,001$) en FP, así como también un incremento significativo en la actividad de la enzima MMP-2 ($p < 0,001$), mientras que MMP-9 solo mostró una tendencia al aumento. En las lesiones endometrióticas, la IHQ de PCNA reveló un aumento significativo en la proliferación celular ($p < 0,01$) sin mostrar cambios en la expresión de p450arom en el grupo KO respecto del grupo WT. En conclusión, sugerimos que la ausencia del receptor p55 de TNF α favorecería el crecimiento de la lesión, causada por una mayor tasa de proliferación celular. Así como también el aumento en los niveles de E₂ y la activación de MMPs contribuirían en conjunto al remodelado y establecimiento de las lesiones.

283 (300) EXPRESIÓN DE BMP 2, 4 Y 6 EN FOLÍCULOS OVÁRICOS DE BOVINOS CON PERSISTENCIA FOLICULAR INDUCIDA

Pablo Uriel Díaz; Cristian Jesus Leiva; Gustavo Hein; Natalia Carolina Gareis; Melisa Velázquez; Fernanda Rodríguez; Florencia Rey; Nattalia Salvetti; Hugo Ortega
Lab de Biología Celular y Molecular Aplicada ICIVET Litoral UNL CONICET

La persistencia folicular es causa de numerosos trastornos reproductivos en bovinos. En los folículos ováricos, las proteínas morfogenéticas óseas (BMPs) 2, 4 y 6 son expresadas en células de la granulosa (CG) y de la teca (CT). El objetivo fue estudiar la expresión de estas BMPs en ovarios de vacas con persistencia folicular inducida. Se realizó la sincronización de celos en 20 vacas, a 15 de las mismas se les colocó un dispositivo de liberación lenta de progesterona (P4) para lograr concentraciones subleutales de P4 y se tomaron muestras ováricas a los 5 (P5, $n=5$), 10 (P10,

n=5) y 15 (P15, n=15) días de persistencia a partir del momento esperado de la ovulación. Cinco animales controles fueron ovariectomizados en proestro (C). Sobre secciones de ovarios se determinó la expresión de las BMPs por inmunohistoquímica indirecta. En CG, la expresión de BMP2 en folículos preantrales pequeños fue mayor en P5 en relación a los grupos restantes ($p < 0.05$). Los folículos persistentes de P5, P10 y P15 mostraron mayor expresión para BMP2 que los folículos antrales del grupo C. En CT los folículos preantrales y atrésicos de C mostraron mayor expresión que los del grupo P15 ($p < 0.05$). La expresión de BMP4 en CG fue mayor en las distintas categorías foliculares de P5 y P10 en relación a los grupos C y P15 ($p < 0.05$). La teca del grupo P10 presentó mayor expresión en todas las categorías foliculares con respecto a los grupos restantes ($p < 0.05$). Tanto CG como CT mostraron mayor marcación en los folículos persistentes de P10 que los antrales del grupo C ($p < 0.05$). La expresión de BMP6 en CG fue mayor en todas las categorías foliculares del grupo P15 en relación a los controles ($p < 0.05$). En CT los folículos antrales de los grupos tratados presentaron mayor expresión que los C ($p < 0.05$). Estos resultados sugieren un importante rol de las BMPs en los mecanismos que llevan a la persistencia de los folículos dominantes e intervienen desde el inicio en los cambios ováricos.

284 (309) CARACTERIZACIÓN DEL FENOTIPO REPRODUCTIVO DE RATONES DOBLE KNOCKOUT PARA CRISP2 Y CRISP4

Nicolás Gastón Brukman¹; Guillermo Carvajal¹; Pablo Torres²; Julio Javier Caramelo³; Daniel Lombardo²; Vanina Gabriela Da Ros¹; Patricia Sara Cuasnicu¹
IBYME-CONICET¹ INITRA-FVet-UBA² Fundación Instituto Leloir³

Los cuatro miembros de la familia CRISP (*Cysteine-Rich Secretary Proteins*) (CRISP1-4) se expresan mayoritariamente en el tracto reproductor masculino de mamíferos, se encuentran presentes en el espermatozoide y participan en el proceso de fertilización. A pesar de la relevancia funcional de las CRISP, los animales *knockout* (KO) para CRISP1, CRISP2 y CRISP4 resultaron fértiles, indicando la existencia de mecanismos compensatorios entre dichas proteínas. En base a ello, nos planteamos como objetivo estudiar el fenotipo reproductivo de animales deficientes en más de una proteína CRISP simultáneamente. En este trabajo, se generó una colonia doble KO (KO/KO) para los genes *crisp2* y *crisp4* por medio de cruces entre las colonias KO individuales. La fertilidad de los machos KO/KO fue evaluada por apareo natural y no fue significativamente diferente a la de los machos control (WT/WT). Sin embargo, en los ensayos de fertilización *in vitro*, los espermatozoides KO/KO lograron fertilizar un número significativamente menor de ovocitos que los WT/WT. Posteriormente, se estudiaron *in vitro* diferentes parámetros espermáticos asociados al proceso de capacitación, evidenciándose alteraciones en la fosforilación de proteínas en residuos de tirosina, las cuales no habían sido observadas en las colonias individuales, como así también en los porcentajes de reacción acrosomal inducida por progesterona e hiperactividad. Finalmente, se observó que la ausencia de CRISP2 en los espermatozoides KO para esta proteína produjo una desregulación en el calcio citosólico durante la capacitación, resultado consistente con las alteraciones antes mencionadas dada la calcio-dependencia de los eventos asociados al proceso de capacitación. En conjunto, nuestras observaciones apoyan la existencia de una cooperación entre las proteínas CRISP2 y CRISP4 en la regulación de la función espermática con el fin de asegurar el éxito de la fertilización.

285 (311) PROLACTINA CORRELACIONA NEGATIVAMENTE CON SU RECEPTOR OVÁRICO HACIA EL FINAL DE LA GESTACIÓN DE LAGOSTOMUS MAXIMUS (RODENTIA: CHINCHILLIDAE)

Sofía Proietto¹; Clara Corso¹; Alejandro Schmidt^{1,2}; Santiago Elias Charif^{1,2}; Pablo Ignacio Felipe Inserra^{1,2}; Alfredo Daniel Vitullo^{1,2}; Veronica Berta Dorfman^{1,2}; Julia Halperin^{1,2}
CEBAD, Universidad Maimónides¹ CONICET²

Prolactina (PRL) estimula la producción de progesterona (Pg) del cuerpo lúteo la cual tiene un efecto de feedback positivo sobre la expresión de hormona luteinizante (LH). Por otra parte, la Pg es esencial para sostener exitosamente la gestación y su caída abrupta hacia el final de la preñez gatilla el parto. Teniendo en cuenta que *Lagostomus maximus* presenta un evento ovulatorio a mitad de una larga preñez de 155 días, atípica para un roedor, se analizaron las expresiones, a nivel proteico y de ARNm, de PRL y LH hipofisarias, de los receptores ováricos de PRL, LH y Pg (PRL-R, LH-R, Pg-R) y los niveles séricos de Pg y LH por ELISA en hembras no preñadas (NP), NP ovulando (NPO), preñadas tempranas (PTemp), medias (Pmed), a término (PTer) y NP lactando (NPLact). Los niveles de Pg circulantes fueron significativamente más altos en los grupos que estaban ovulando (NPO y Pmed) y cayeron abruptamente al final de la preñez (PTer) (ANOVA, $n=6$ /grupo, $p < 0.05$). Como era de esperar, tanto los niveles séricos de LH como los niveles de expresión de LH-R ováricos se mostraron incrementados en estos mismos grupos, acompañando el perfil de Pg. En cuanto a la PRL, si bien el análisis del contenido hipofisario mostró un incremento significativo al final de la preñez y durante la lactancia (ANOVA, $n=6$ /grupo, $p < 0.05$), la expresión de PRL-R en ovario disminuyó significativamente tanto en hembras Pter como en NPLact ($IC_{PRLhipofis-PRLRovar} = -0.87$, $p < 0.05$). Altos niveles de PRL hipofisaria hacia el final de la gestación y durante la lactancia son condición necesaria para estimular la producción de leche en glándula maMária para el cuidado de las crías. No obstante, la inhibición del PRL-R ovárico hacia el final de la gestación obliteraría el efecto estimulador de PRL sobre la producción de Pg luteal favoreciendo su disminución al momento del parto. PIP0272 CONICET-Fundación Científica Felipe Fiorellino

286 (331) EXPRESIÓN DE LOS MARCADORES DE LÍNEA GERMINAL IFITM3 Y DDX4 EN CARCINOMA DE CÉLULAS CLARAS Y ENDOMETROIDE

Nicolas Fraunhoffer^{1,2,3}; Analia Meilerman Abuelafia^{1,3}; Ines Stella³; Silvia Galliano^{3,4}; Marcela Barrios³; Pablo Lopez Bergami^{1,2}; Alfredo Vitullo^{1,2}
Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas-CONICET² Carrera de Medicina-Universidad Maimónides³ Servicio de Anatomía Patológica-Hospital Eva Perón de Merlo⁴

El cáncer epitelial ovárico es la cuarta causa de muerte por cáncer en mujeres en el mundo. Análisis epidemiológicos demostraron la relación entre la endometriosis y carcinoma de células claras y endometroide, pero los mecanismos celulares asociados a la evolución de esta patología hacia la malignidad no fueron dilucidados. Estudios realizados por nuestro laboratorio demostraron, en la lesión endometrial ovárica, la existencia de células que expresan los marcadores IFITM3 y DDX4, característicos de células madre ováricas (CMO) que podrían provenir del epitelio de superficie o la túnica albugínea. En el presente trabajo se analizó la expresión de marcadores de línea germinal en carcinomas de células claras y endometroide y su relación con la célula madre tumoral (CMT). Se evaluaron un total de 10 carcinomas de ovario (6 de células claras y 4 endometroides) y 16 tumores benignos (8 teratomas, 4 mucinosos y 4 seroso-papilares). Las muestras incluidas en parafina fueron obtenidas del servicio de Anatomía Patológica del Hospital Eva Perón de Merlo. Mediante IHQ e IF se estudió el receptor corto de interferón, IFITM3; el marcador de línea germinal, DDX4 y los marcadores de CMT, OCT4 y CD133. Se detectó intensa inmunomarcación para IFITM3 en todas las muestras de tumores malignos en estudio a nivel de la membrana plasmática, siendo de localización apical en el carcinoma endometroide. DDX4 presentó intensa marca en el carcinoma de células claras, mientras que en el carcinoma endometroide se detectó en un número reducido de células. En ambos tipos de carcinoma, IFITM3 y DDX4 co-localizaron en células CD133 y OCT4 positivas. La identificación de CMT CD133⁺/OCT4⁺ que expresan DDX4 e IFITM3 sugiere la participación de CMO en el desarrollo de la patología tumoral maligna. En este contexto, la presencia de CMO DDX4/IFITM3 positivas previamente descripta

en la endometriosis ovárica podrían indicar su participación en la evolución de la endometriosis hacia la malignidad.

287 (334) IMPLICANCIAS DE LOS LIPIDS RAFTS EN LA PRODUCCIÓN DE ÓXIDO NÍTRICO EN PLACENTA HUMANA

Cyntia Aban¹; Nora Martínez⁴; Gustavo Leguizamón²; Denise Trigubo²; Vanesa Herlax³; Sabrina Maté³; Ana Franchi¹; Alicia Damiano⁴; Mariana Farina¹
*CEFYBO*¹ *CEMIC (CTRO. de Educación Médica E Inv. clínica)*² *INIBIOLP*³ *IFIBIO Houssay*⁴

El sincitiotrofoblasto constituye la principal barrera de intercambio materno-fetal. Esta membrana se polariza formando dos dominios: basal y apical. Ambas expresan lipid rafts (LR) microdominios de membrana que forman una matriz estable para la señalización mediada por receptor. La placenta produce anandamida (AEA), un mediador lipídico endógeno (endocannabinóide) que ejerce su acción a través de la unión a los receptores cannabinoides (CBs), o vanilloide tipo 1 TRPV-1. La AEA puede modular la síntesis de óxido nítrico (NO). Los LR pueden regular la unión y señalización del receptor CB1. Nuestro objetivo fue evaluar la participación de los LR en la regulación diferencial de AEA sobre la producción de NO en placenta humana. Utilizamos vellosidades placentarias de cesáreas electivas (STP) o partos vaginales (CTP) a término. No detectamos diferencias en la actividad basal de la óxido nítrico sintasa (NOS) en placentas STP y CTP (técnica de Brett & Snyder). La AEA causó un efecto dual sobre la actividad de la NOS, dado que estimuló ($p < 0,001$) en placentas STP mientras que inhibió la producción de NO en placentas CTP ($p < 0,01$). Este efecto fue revertido por la co-incubación con un antagonista del receptor CB1 (AM251), mientras que no se modificó con capsazepina, antagonista del receptor TRPV-1. Se analizó flotilina (marcador de LR) y caveolina1 (integrante de caveolas) en membranas resistentes a detergentes (DRMs) obtenidas por ultracentrifugación. Por western blot detectamos que CB1 transloca a la membrana basal en placentas CTP; mientras que eNOS se detecta en la membrana apical co-localizando con flotilina y caveolina1. Concluimos que, en placentas STP AEA ejerce un efecto estimulador sobre la actividad de la NOS vía CB1, mientras que cuando se desencadena el parto a término tendría un efecto inhibitorio sobre la producción de NO que involucra la participación de los LR.

288 (336) ALTERACIONES EN LA EXPRESIÓN DE ENZIMAS DE DETOXIFICACIÓN EN EL INTESTINO DE LA DESCENDENCIA DE RATA ALIMENTADA CON UNA SOBRECARGA DE GRASAS SATURADAS

María Belén Mazzucco; Sabrina Roberti; Romina Higa; Alicia Jawerbaum; Verónica White
CEFYBO

De manera previa evidenciamos alteraciones metabólicas plasmáticas y anomalías en la expresión de incretinas en el intestino de fetos y de la descendencia de rata alimentada con una sobrecarga de grasas saturadas en la dieta. Las MRP (proteína asociada a resistencia a multidrogonas) 2 y 3 son clave en la detoxificación intestinal y del organismo, estrechamente vinculada con la capacidad antioxidante. Objetivo: Investigar si la sobrecarga de grasas saturadas en la dieta materna de rata induce alteraciones en la peroxidación lipídica y producción de óxido nítrico (NO), parámetros vinculados al estrés oxidativo y nitrativo, y en la expresión de MRP2 y MRP3 en el intestino de fetos y crías de rata. Métodos: Ratas Wistar de 6 semanas se alimentaron con dieta estándar (grupo control) o con un 25% de incremento en grasas saturadas (grupo DGS). Todas las ratas se aparearon con machos sanos. Se obtuvo el intestino de fetos de 21 días de gestación y de la cría de 21 y 140 días de edad. Se dosó la concentración de nitratos y nitritos a través de la técnica de Griess como índice de la producción de NO y la peroxidación lipídica a través del dosaje de TBARS. La expresión génica de MRP 2 y 3 se analizó por RT-PCR. Resultados: Se encontró un incremento en la peroxidación lipídica en el intestino de la cría de 21 (44%) y 140 (70%) días ($p < 0,05$) del grupo DGS en relación al control. Más aún, la producción de NO

se encontró incrementada en fetos (45%) y crías de 21 (45%) y 140 días (60%) ($p < 0,05$) del grupo DGS. La expresión intestinal de MRP2 se encontró disminuida en los fetos (30%) y crías de 140 días (40%) y la expresión de MRP3 se encontró disminuida crías de 21 días (20%) ($p < 0,05$) de ratas DGS con respecto al control. Conclusión: El incremento de grasas saturadas en la dieta materna induce un entorno pro-oxidante y alteraciones en MRPs, lo que sugiere una programación de alteraciones en la función de detoxificación intestinal en la descendencia de rata.

289 (351) LA PROTEÍNA CRISP1 DEL CÚMULUS COMO MODULADORA DE LA ORIENTACIÓN DEL ESPERMATOZOIDE A TRAVÉS DE SU CAPACIDAD DE REGULAR CANALES DE CALCIO

Ludmila Curci¹; Mariana Weigel Muñoz¹; María A. Battistone¹; Gerardo Orta²; Dulce Figueiras-Fierro²; José L. De La Vega-Beltrán²; Alberto Darszon²; Débora J. Cohen¹; Patricia S. Cuasnicú¹
*IBYME*¹ *Universidad Nacional Autónoma de México, Cuernavaca, México.*²

Recientes estudios de nuestro grupo indican que la proteína CRISP1 (Cysteine Rich Secretary Protein 1) presente en el espermatozoide se expresa también en las células del cúmulus que rodean al ovocito y cumple un rol quimioattractante de espermatozoides inhibiendo la hiperactividad de los mismos durante la fertilización. Dado que la hiperactividad está regulada por CatSper, el principal canal de calcio del espermatozoide esencial para la fertilidad masculina, investigamos la capacidad de de CRISP1 de regular dicho canal. Mediante la técnica de medición del potencial de membrana en presencia de EGTA se observó que tanto los inhibidores específicos de CatSper (NNC, Ni²⁺ y HC) como CRISP1 nativa, pero no CRISP1 desnaturalizada, inhibieron la depolarización de la membrana indicando una disminución en las corrientes que pasan a través del canal. Con el fin de investigar si la actividad quimioattractante de CRISP1 esta mediada por su capacidad de inhibir CatSper, se evaluó la capacidad quimioattractante de un antagonista (NNC) y de un agonista (4-AP) del canal. Mientras que el NNC fue capaz de quimioatraer a los espermatozoides al igual que CRISP1, el 4-AP no tuvo actividad, sugiriendo que la quimioatracción inducida por CRISP1 se encontraría mediada por la inhibición de CatSper. Finalmente, investigamos la participación de CRISP1 del cúmulus en el proceso de fertilización in vivo por apareo de machos control con hembras knockout para CRISP1 superovuladas, observando una bajada significativa en el porcentaje de ovocitos fertilizados en el oviducto respecto al control. En conjunto, estos resultados apoyan la existencia de un mecanismo de regulación fina de la orientación de los espermatozoides mediado por la capacidad de CRISP1 de regular CatSper durante la fertilización con importantes implicancias para la fertilidad y la anticoncepción.

FARMACOLOGÍA 2

290 (49) FÁRMACOS PARA EL SISTEMA CARDIOVASCULAR POTENCIALMENTE INAPROPIADOS PARA USO EN ADULTOS MAYORES

Marta M. Marzi; Miryam S Pires; Nora B Quaglia
Facultad de Ciencias BioQuímicas y Farmaceuticas. Universidad Nacional de Rosario

Como resultado de estudios previos se desarrolló una lista preliminar conteniendo medicamentos que se comercializan en Argentina y son considerados potencialmente inapropiados (PI) para uso en adultos mayores (lista PIM_a). En este trabajo se propuso someter a evaluación de un panel de expertos, fármacos para el Sistema Cardiovascular (SC) según relación seguridad/efectividad en el adulto mayor. Se aplicó el método Delphi constituyendo un panel de diez especialistas en el tema y se propusieron los fármacos para el SC de la lista PIM_a. La encuesta de la 1^o ronda consistió en valorar dichos fármacos según una escala Likert con 5 categorías de respuestas. Los ítems en los que no se logró el consenso de los panelistas fueron reevaluados en rondas su-

cesivas. Finalizadas dos rondas Delphi fueron valorados como PI: quinidina, propafenona, flecainida, amiodarona, metildopa, clonidina, rilmenidina, doxazosina, isoxsuprina, pentoxifilina, dihidroergotoxina, nicergolina, dihidroergocristina, sotalol, nifedipina, digoxina. Los principales efectos adversos mencionados fueron: prolongación del intervalo QT, fibrilación ventricular, muerte súbita (antiarrítmicos y sotalol); hipotensión, bradicardia, sedación, síncope (antiadrenérgicos de acción central); hipertensión, glaucoma, disfunción hepática y renal (vasodilatadores); infarto de miocardio (nifedipina de acción corta); riesgo de sobredosis en pacientes con insuficiencia renal (digoxina). Se propusieron alternativas terapéuticas más seguras para algunos y recomendaciones y precauciones de uso para otros. Logrado el consenso de los expertos en 16 fármacos PI para el SC, en próximos trabajos serán evaluados agentes que actúan sobre otros órganos y sistemas. Contar con una lista PIM definitiva consensuada por expertos de nuestro país es fundamental para optimizar la prescripción y mejorar la calidad de vida de los adultos mayores.

291 (83) PRODUCCIÓN DE UN NUEVO AGENTE TERAPÉUTICO BASADO EN LA HIPERGLICOSILACIÓN DE hIFN- α 2B EMPLEANDO HUÉSPEDES CELULARES DERIVADOS DE MAMÍFEROS

Agustina Gugliotta; Brenda Raud; Marcos Oggero Eberhardt; Marina Etcheverrigaray; Ricardo Kratje; Natalia Ceaglio

Laboratorio de Cultivos Celulares Facultad de Bioquímica y Ciencias Biológicas Universidad Nacional del Litoral

El interferón alfa humano recombinante (rhIFN- α) producido en bacterias es ampliamente utilizado como agente terapéutico para el tratamiento de diferentes enfermedades virales y tumorales. Sin embargo, sus características fisicoquímicas determinan la necesidad de su administración en dosis elevadas y frecuentes para alcanzar la ventana terapéutica. Para mejorar sus propiedades farmacocinéticas, se produjo una variante hiperglicosilada del hIFN- α 2b (IFN4N) que posee 4 sitios ocupados por N-glicanos y que se caracteriza por presentar una masa molecular y densidad de carga superiores al hIFN- α 2b no glicosilado. La abundante presencia de glúcidos unidos al IFN4N permitió mejorar notablemente sus propiedades farmacocinéticas, lo cual se tradujo en una mejora de su actividad antitumoral *in vivo* en ratones. Dado que el IFN4N producido en células de hámster (CHO-K1) exhibió estructuras glicosídicas antigénicas para humanos que pueden afectar su desempeño como agente terapéutico, se seleccionaron las células humanas HEK 293 para comparar la calidad de la glicoproteína producida. De este modo, el IFN4N_{CHO} presentó una masa molecular y contenido de ácido siálico superiores al IFN4N_{HEK}, confirmando además la presencia de estructuras antigénicas. El análisis de glicanos cargados evidenció mayor contenido de estructuras neutras para el IFN4N_{HEK} mientras que predominaron las estructuras cargadas para el IFN4N_{CHO}. Los ensayos de actividad biológica antiproliferativa *in vitro* demostraron mayor actividad biológica específica para la variante FN4N_{HEK}, mientras que estudios de farmacocinética revelaron mejores propiedades para la variante IFN4N_{CHO}. En conclusión, una misma modificación postraducciona como la glicosilación generó propiedades diferentes a pesar de expresar la misma molécula en huéspedes derivados de mamíferos. Finalmente, la selección del mejor candidato terapéutico requerirá de posteriores ensayos biológicos a realizarse *in vivo*.

292 (88) EFECTO COMBINADO DE UNA FITOLECTINA DE UNIÓN A MANOSA Y FLUCONAZOL SOBRE EL CRECIMIENTO DE CANDIDA

Mariánela Victoria Del Rio¹; Mariana Regente¹; Érica Mello²; Suzzana Ribeiro²; Marcela Pinedo¹; Gabriel Taveira²; Melanie Genoula¹; Valdirene Gomes²; Laura De La Canal¹ Instituto de Investigaciones Biológicas UNMdP-CONICET Centro de Biociencias e Biotecnología-Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro²

Las lectinas son proteínas con capacidad de unión selectiva a carbohidratos, lo que ha permitido el desarrollo de múltiples

aplicaciones en biomedicina, entre ellas, la detección específica de moléculas glicosiladas en la superficie de agentes patógenos. En nuestro laboratorio aislamos una lectina de girasol de unión a manosa (Helja) con actividad anti-*Candida* que modifica la permeabilidad de la membrana celular y estimula la producción de especies reactivas de oxígeno (ROS). El objetivo de este trabajo fue analizar el efecto de Helja en combinación con fluconazol (FLCZ) para evaluar su potencial aplicación en el diseño de alternativas farmacológicas de mayor eficiencia frente a *Candida*. Se realizaron ensayos de actividad antifúngica monitoreando el crecimiento de *C. albicans* y *C. parapsilosis* en presencia de Helja y FLCZ en dosis inferiores al IC50. Dado que FLCZ produce disrupción de la membrana plasmática, vía inhibición de la síntesis de ergosterol y Helja mostró previamente capacidad de permeabilización celular, se esperaba que la combinación de ambos potenciara la actividad antifúngica. Sin embargo, Helja en una dosis de 50 μ g/ml redujo la actividad de FLCZ en un 90,7% sobre *C. albicans* y 46% sobre *C. parapsilosis*. El tratamiento con Helja en ausencia y presencia de FLCZ indujo además modificaciones en la morfología celular para ambas especies, evidenciadas por la detección de abundantes pseudohifas. La combinación de Helja y FLCZ mostró un efecto atenuado de la actividad anti-*Candida*, mientras que la inducción de cambios morfológicos junto a la detección de ROS observada previamente sugiere que Helja sola o combinada con FLCZ desencadena mecanismos de respuesta por parte del microorganismo. Los resultados obtenidos estimulan a estudiar las bases moleculares del antagonismo entre Helja y FLCZ y su efecto en el mecanismo de infección de *Candida* sobre células hospedadoras.

293 (103) ARTÍCULOS DE REVISIÓN DE EFECTOS ADVERSOS EN LA PRÁCTICA CLÍNICA PUBLICADOS EN ESPAÑOL: IDENTIFICACIÓN Y CARACTERIZACIÓN

Marta M Marzi; Darío Weitz; Aylén Avila; Gabriel Molina; Laura Piskulic; María Belén Allasia; Lucía Caraballo; Fernando Díaz Pacifico; Nora B Quaglia

Facultad de Ciencias BioQuímicas y Farmaceuticas. Universidad Nacional de Rosario

La toma de decisiones en medicina requiere de un adecuado criterio clínico sustentado en experiencia personal y lectura metódica y crítica de bibliografía científica actualizada. Interesó indagar si un profesional de la salud puede recuperar de fuentes electrónicas, estudios de revisión que evalúen efectos adversos (EA) en la práctica clínica, publicados en español y realizados con metodología que minimice los sesgos. Se realizó una búsqueda en MEDLINE, BVS y DARE utilizando estrategias que incluyan términos afines a "efecto adverso" y "revisión", para el período 2010-2014 e idioma español. De los artículos recuperados se registraron características relevantes, se calcularon frecuencias y se analizó homogeneidad (prueba Chi-cuadrado). Resultaron identificadas 521 citas (MEDLINE:260, BVS:24, DARE:237) de las cuales 225 de DARE fueron inicialmente excluidas porque el artículo no estaba en español (DARE no permite filtrar por idioma). Finalizada la selección quedaron 62 revisiones narrativas (RN) y 29 revisiones sistémicas/metaanálisis (RN/MA). En el 76,9% de las revisiones, estudiar los EA no fue el principal objetivo y en el 68,1% la intervención fue farmacológica. El 53,8% de RN fue realizada por un máximo de tres autores mientras que el 65,5% de RS/MA requirieron cuatro o más ($p=0,0371$). La palabra "Revisión" en el título, que facilita la identificación en las bases de datos, fue empleada en 16,1% de RN y en 89,6% de RS/MA ($p<0,0001$). Se considera insuficiente el número de revisiones de EA recuperadas en español. Dado que las RS/MA, al estar elaboradas con rigor metodológico, aportan evidencia confiable para la toma de decisiones en la práctica clínica, su escaso número no favorece la actualización de los profesionales de habla hispana que quieren informarse en su lengua de origen. Hay una tendencia creciente en asociar excelencia con lengua inglesa, lo que resulta en una disminución de publicaciones en español. Desde las instituciones habría que impulsar la difusión de la ciencia en español.

294 (146) SURFACTANTE PULMONAR EXOGENO COMO CARRIER DE GLUCOCORTICOIDES: ANALISIS DE LA ESTRUCTURA Y LA ACTIVIDAD TENSOACTIVA

Alejandra Cimato¹; Andres Hoyos Obando¹; Jessica Martinelli¹; Graciela Facorro²; María Margarita Martínez Sarraque¹

Fac. de Farmacia y Bioquímica¹ Inst. Univ. Hosp. Italiano Bs.as.²

Introducción: El surfactante pulmonar (SP) puede usarse como *carrier* de glucocorticoides (GC) en terapias de patologías respiratorias. Los GC liberados en las vías aéreas no deben interferir con la actividad del surfactante. En trabajos previos hemos encontrado que el colesterol (Col) cambia la estructura del surfactante, alterando su capacidad tensioactiva. Se podría pensar que los GC, con estructura similar al Col podrían tener estos mismos efectos sobre el SP. Se analizó el efecto de Budesonide (Bude), Beclometasona (Becló) y Fluticasona (Fluti) sobre la estructura y la actividad de un SP exógeno (SPE) bovino. **Métodos:** SPE (PL=10mg/ml) solo o adicionado con cada GC (1 mg/ml) o Col, fue marcado con ácido 5 y 16 – DE, para su estudio por espectroscopía de resonancia paramagnética electrónica (ESR). El parámetro de orden (S), el tiempo de correlación (T_c) y la relación S/W se calcularon a partir de los espectros obtenidos, para evaluar los cambios conformacionales y de fluidez. Las fracciones pesada (activa) y liviana (inactiva) del SPE se obtuvieron por centrifugación (12000rpm) y la proporción entre ellas se evaluó mediante determinación de PL. Los GC incorporados en cada fracción se determinaron por absorción al UV. La capacidad tensioactiva se midió con un surfactómetro de burbuja pulsátil. **Resultados:** Becló y Fluti sólo se incorporaron a la fracción activa pesada del SPE, mientras que el Bude lo hizo en igual proporción en ambas fracciones. Bude y Becló aumentaron el S y la tensión superficial ($p < 0.05$) pero menos que el Col. Fluti y Becló aumentaron la relación S/W ($p < 0.01$). No se evidenciaron cambios significativos ni en el T_c ni en la proporción de las fracciones del SPE. Solo las muestras con Col no tuvieron apropiada tensioactividad. **Conclusiones:** Excepto la Fluti, los otros GC y el Col alteran la estructura del SPE en la región polar. La disminución de la fluidez de esta región correlaciona con el aumento de la tensión superficial.

295 (156) MONITOREO TERAPÉUTICO DE MIDAZOLAM DES- PUÉS DE SER ADMINISTRADA IV O INTRANASAL UTILIZANDO UN MODELO INFORMÁTICO SIMULADO E ÍNDICE BIESPECTRAL (BIS)

María Cecilia Kravetz¹; Esteban Otamendi²; Damián Cuadrado¹; Alberto Lazarowski¹; Fabian Buontempo¹; Diego A. Chiappetta¹; Juan José Capria²; Guillermo F. Bramuglia^{1,2}
Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ Fundación Investigar²

Introducción: El midazolam (MDZ) se utiliza en anestesia intravenosa para la inducción de la hipnosis. Sin embargo una gran variabilidad inter-individual se observa en la respuesta farmacológica. El índice biespectral (BIS) es un parámetro que deriva de cambios en el perfil electroencefalográfico y proporciona una medida más objetiva del nivel de sedación para el desarrollo de modelos PK/PD. **Objetivo:** Evaluar mediante un modelo farmacocinético poblacional la concentración de MDZ y su relación con la respuesta farmacológica mediante la determinación del BIS. **Materiales y Métodos:** Los voluntarios que previamente firmaron un consentimiento informado, recibieron 3 mg de MDZ IV. La concentración de MDZ fue simulada utilizando el modelo farmacocinético de Greenblatt. Se tomó una muestra de sangre cuando se alcanzó el equilibrio entre la sangre (C_p) y el compartimiento de efecto (C_e) en el modelo simulado. Una dosis intranasal (IN) de 3 mg fue administrada a los mismos voluntarios luego de una semana de wash-out. Se registró BIS, frecuencia cardíaca, y saturación de oxígeno. **Resultados:** Luego de la administración IV se observaron tres niveles de BIS: entre 100 a 80 ($n = 1$), 79-60 ($n = 3$), inferior a 59 ($n = 1$). El mismo patrón se observó en ambas administraciones, aunque luego de la administración

IN la disminución del BIS se verificó a tiempos más largos. Se observó una concordancia entre la C_p medido y simulado (mediana C_{pm} : 34,27ng / ml; C_{ps} : 36, 44ng / ml). **Conclusión:** Las variables demográficas utilizadas por el modelo farmacocinético poblacional (Greenblatt) no explicaron las diferencias en la respuesta farmacológica de MDZ. Otras variables farmacocinéticas (por ej diferencias inter-individuales en el metabolismo de MDZ), o farmacodinámicas (por ej interacción droga-receptor) deberían ser estudiadas para caracterizar su farmacocinética o farmacodinámica con el fin de individualizar regímenes de dosis en pacientes que reciben anestesia intravenosa.

296 (163) NUEVAS ESTRATEGIAS PARA EL TRATAMIENTO DEL DOLOR: POTENCIACIÓN DEL EFECTO ANALGÉSICO Y MODIFICACIÓN DE LA TOLERANCIA DE METADONA POR LOS ÁCIDOS GRASOS OMEGA-3 EN RATAS

Carlos Laino; María Eugenia Toledo; Nahuel Rafael Marasca

Instituto de Biotecnología- Univ.Nac. de la Rioja

El tratamiento del dolor severo agudo y crónico sigue siendo un importante desafío y frecuente en la clínica médica. La metadona constituye una excelente alternativa a la morfina, aunque sus efectos adversos y el desarrollo de la tolerancia al efecto analgésico son las mayores complicaciones durante el tratamiento crónico, limitando la utilidad de la metadona en el tratamiento del dolor. Recientes evidencias han asociado a los ácidos grasos omega-3 (AG ω -3) con la reducción del dolor. El objetivo del presente trabajo fue evaluar el efecto analgésico y la variación de peso que produce metadona por los tratamientos combinados con los AG ω -3 en ratas. Los animales fueron tratados por 16 días con AG ω -3 y con metadona en tratamiento agudo y también en tratamiento combinado por 16 días, utilizando el hot plate test para evaluar el efecto analgésico. Los resultados obtenidos mostraron que el tratamiento crónico con los AG-3, aumentó significativamente la latencia de la respuesta analgésica en comparación con el grupo control. Metadona agudo después del tratamiento con AG ω -3 produjo un efecto sinérgico analgésico, mayor que los tratamientos individuales. Además, el tratamiento crónico y combinado de metadona con AG ω -3, anuló la tolerancia del efecto analgésico, y también disminuyó la pérdida de peso que produce metadona. Nuestros resultados sugieren que el efecto analgésico aditivo, la anulación de la tolerancia y disminución de la pérdida de peso de este opioide por este cotratamiento de metadona y AG ω -3, podrían representar una nueva estrategia de tratamiento del dolor severo agudo y crónico para reducir la aparición de los efectos adversos que se desarrollan con el uso de metadona.

297 (182) ESTUDIOS DE TOXICIDAD ORAL AGUDA Y SUBCRÓNICA, EN ROEDORES, DE OVIDIA ANDINA (THYMELAEACEA), ESPECIE CON POTENCIAL EFECTO INSECTICIDA

Jorge H. Miño¹; Verónica P. Tarcaya²; Ingrid Cufre²; Adriana M. Broussalis²

Univ. del Salvador Fac. de Medicina¹ UBA-Facultad de Farmacia y Bioquímica²

Ovidia andina (Poepig) Meisner (Thymelaeaceae) es una especie nativa del sur de Argentina y Chile. En Argentina se encuentra en el bosque andino patagónico, desde el centro de Neuquén hasta el norte de Chubut. El extracto cloruro de metileno (CM) de *O. andina* presentó actividad insecticida en varios modelos experimentales. El presente estudio evaluó la toxicidad potencial de esta especie luego de la administración aguda y subcrónica en roedores. En estudios de toxicidad aguda, ratones Swiss fueron administrados por vía oral con el extracto CM de *O. andina* a la dosis de 5 g/kg (ensayo límite) y fueron observados durante 15 días para detectar posibles cambios conductuales y mortalidad. En estudios de toxicidad subcrónica, ratas Wistar fueron administrados a una dosis de 100 mg/kg p.o. durante 28 días y se observaron para evaluar cambios en el comportamiento mediante tests conductuales, peso corporal e ingesta diaria de alimento. Luego de 28 días, se practicaron estudios hematológicos

cos (Recuento de rojos, hemoglobina, hematocrito, recuento de plaquetas y de glóbulos blancos) y bioquímicos (Glucosa, colestero, triglicéridos, bilirrubina, ALT, AST, urea, creatinina). En los estudios de toxicidad aguda no se observó mortalidad o comportamiento anormal, con el extracto de *O. andina*. En el estudio de toxicidad sub-crónica no se observaron cambios significativos en el peso corporal e ingesta de alimento en comparación con los animales tratados con vehículo. Los parámetros hematológicos y bioquímicos medidos no mostraron diferencias significativas con los controles ($P > 0.05$ ANOVA). El extracto cloruro de metileno de *O. andina* no presenta toxicidad oral aguda o subcrónica en roedores. Estas características permitirían considerar el extracto para el desarrollo futuro de ingredientes de formulaciones insecticidas, seguros para la salud y el medio ambiente. Agradecimientos: Este trabajo fue financiado con fondos de los proyectos UBACYT 20020110200361 y 20020130100705BA

298 (201) DETERMINACIÓN DE LA CONCENTRACIÓN DE IMPENEM EN LAVADO BRONCOALVEOLAR EN PACIENTES CON ASISTENCIA RESPIRATORIA MECÁNICA
Ventura Simonovich; Mariana Mendez; Marcos Las Heras; María Laura Perez; Matías Soifer; Marisa Sanchez; Paula Scibona; María Isabel Gimenez; Waldo Bellosó
Hospital Italiano De Buenos Aires

Introducción: La biofase en las neumonías es el fluido del epitelio respiratorio. No hay evidencia acerca de la concentración que alcanza el imipenem en dicho compartimiento en pacientes críticos. El motivo por el cual creemos no se ha podido conseguir este dato, es por la inestabilidad del imipenem. Hemos diseñado un estudio piloto para evaluar la concentración en el líquido epitelial respiratorio de imipenem en pacientes bajo asistencia respiratoria mecánica en la unidad de cuidados intensivos, acelerando los procesos de toma de muestra y procesamiento de las mismas. Este estudio fue aprobado por el Comité de Ética de Protocolos de Investigación del Hospital Italiano de Buenos Aires. **Objetivo** En esta primera etapa el objetivo es dosar al imipenem en fluidos respiratorios y establecer la relación con la concentración plasmática. **Métodos:** Se realizaron dos lavados bronco alveolares (BAL) y dosajes sanguíneos en pacientes internados con sospecha de neumonía. Cuantificamos imipenem en las muestras de BAL y plasma por cromatografía líquida y espectrometría de masa (LC-MS/MS). Las muestras de BAL fueron tomadas utilizando una solución de dextrosa 5%. Para el método de masas se empleó MRM con 2 transiciones (300.1>142.0 y 300.1>126.0). El límite inferior de cuantificación en plasma fue 0.3 µg/mL y en BAL 0.3 ng/mL. **Resultados:** Fueron incluidos 4 pacientes de sexo masculino incluidos; edad media: 59,75. Todos habían recibido 500 miligramos cada 6 horas. La mediana de concentración en BAL fue de 1,7 ng, en sangre la mediana de la concentración fue de 5201,15 ng. **Conclusiones:** Las dificultades para dosar el imipenem tuvieron relación con la toma de muestra con solución fisiológica. Al cambiar el lavado por Dextrosa al 5% se logró dosar, sin embargo las dosis encontradas fueron muy bajas. Los valores hallados en plasma estuvieron todos por encima de la concentración inhibitoria mínima para el germen detectado.

299 (245) EL ZILEUTÓN (ZI), INHIBIDOR DE LA 5-LIPOOXIGENASA (5-LO), REDUCE LA REGENERACIÓN HEPÁTICA A LAS 24 HORAS POST-HEPATECTOMÍA PARCIAL (HP)
*Florencia Lorenzetti*¹; Alejo Matías Capiglioni¹; Juan Pablo Parody¹; María Paula Ceballos¹; Juan Alberto Monti¹; Gerardo Bruno Pisani²; María Teresa Ronco¹; Cristina Ester Carnovale¹; María Cristina Carrillo¹²; Ariel Darío Quiroga¹²; María De Luján Alvarez¹²
IFISE¹ Area Morfología (FBioyF, UNR)²

Los leucotrienos (LTs) son eicosanoides inflamatorios derivados del ácido araquidónico a través de la vía de la 5-LO. Los principales LTs son LTB₄ y LTC₄, que además participan en proliferación celular. El hígado juega un rol central en la producción y metabolismo de LTs y se publicó que la inhibición de 5-LO favorecería la proliferación post-HP. **Objetivo:** estudiar

el efecto de Zi, único inhibidor de 5-LO aprobado para su uso en humanos, en la regeneración hepática post-HP. **Métodos y Resultados:** ratas Wistar macho adultas fueron sometidas a cirugía simulada (Sham, Sh) o a HP (remoción del 70% del hígado). Animales de ambos grupos recibieron Zi 10 ó 40 mg/kg PC ó su vehículo (V) 2 hs antes de la cirugía y 2 hs antes del sacrificio. Las ratas se sacrificaron 24 hs post-HP (pico de síntesis de ADN). Las dosis de Zi usadas no produjeron toxicidad hepática (actividad sérica de las enzimas ALAT, ASAT, FAL y colinesterasa). El índice de proliferación (inmunohistoquímica de PCNA) mostró una disminución dosis dependiente en los animales HP tratados con Zi (Sh:1,5±0,2*; HPV:26,5±0,5; HPZi10:24,2±0,3*; HPZi40:15,8±0,4*). El análisis de células en G1 mostró una disminución en la entrada al ciclo celular de los hepatocitos en HPZi40 (Sh:1,1±0,1*; HPV:23,0±0,7; HPZi10:21,4±0,3; HPZi40:13,7±0,4*). La medición de los niveles de 5-LO (western blot) mostró una tendencia de cambio no significativa (Sh:121±19; HPV:100±8; HPZi10:146±8; HPZi40:138±20); sin embargo los niveles intrahepáticos de LTB₄ disminuyeron de forma dosis dependiente luego del tratamiento con Zi (Sh:4,38±0,17; HPV:3,70±0,10; HPZi10:3,19±0,07*; HPZi40:2,11±0,55* ng/mL). Los niveles proteicos de LTC₄ sintetasa no cambiaron entre los grupos HP (Sh:284±37*; HPV:100±11; HPZi10:102±13; HPZi40:107±11) (* $p < 0,05$ vs. HPV). **Conclusión:** El Zi disminuye la velocidad de regeneración hepática a las 24 hs post-HP probablemente por reducción de los niveles intrahepáticos de LTs; aunque mecanismos adicionales podrían estar involucrados.

300 (303) EFECTO DIFERENCIAL DE UNA LECTINA VEGETAL DE UNIÓN A MANOSA SOBRE LA HEMAGLUTINACIÓN MEDIADA POR EL VIRUS INFLUENZA A
*Ana Julia Ticchi*¹; Mariana Regente¹; Marcela Pinedo¹; Andrea Lerman²; Alejandra Figari²; Carlos Cimmino²; Osvaldo Uez²; Laura De La Canal¹
Instituto de Investigaciones Biológicas UNMdP-CONICET¹
Instituto Nacional de Epidemiología "Dr. Juan H. Jara"²

El virus influenza A (IAV) ocasiona gran parte de las infecciones respiratorias registradas, y la aparición recurrente de variantes resistentes a los fármacos disponibles refleja la necesidad de nuevos agentes antivirales. La hemaglutinina y la neuraminidasa son las principales glicoproteínas de la superficie viral, cuyas variaciones dan origen a las diferentes cepas de influenza. La especificidad de la unión del virus a las células diana está mediada por la hemaglutinina, que al modificar su sitio de unión al receptor cambia la especificidad de las células huésped de aviares a humanas. Las lectinas pueden mostrar propiedades antimicrobianas y antivirales a través de su interacción con glicoconjugados de la superficie de patógenos. En nuestro laboratorio aislamos una lectina de girasol de unión a manosa (Helja) que mostró capacidad antimicrobica frente a levaduras clínicamente relevantes del género *Candida*. El objetivo del presente estudio fue evaluar el potencial de Helja como agente antiviral a través de su capacidad para inhibir la hemaglutinación mediada por el virus influenza. Se determinó entonces el efecto de Helja sobre la hemaglutinación inducida por las variantes virales H1N1 y H3N2. Los resultados obtenidos mostraron que Helja en una dosis de 0,9 µg/ml inhibió la aglutinación de eritrocitos de cobayo mediada por H3N2. Sin embargo, fue incapaz de afectar la hemaglutinación causada por H1N1, incluso en concentraciones hasta 5 veces mayores. Así, Helja exhibe la capacidad de interferir diferencialmente la hemaglutinación dependiendo de la variante de IAV, lo que sugiere una unión selectiva de la lectina a la superficie viral. Por lo tanto, la naturaleza y extensión de la glicosilación de las diferentes cepas parecen ser esenciales en el reconocimiento / unión de Helja a la superficie viral.

GASTROENTEROLOGÍA 1

301 (106) LA TRANSFERENCIA GÉNICA HEPÁTICA DE AQUA- PORINA-1 HUMANA (HAQP1) A RATAS CON COLESTASISINDUCIDA POR ETINILESTRADIOL (EE)

MEJORA LA DISTRIBUCIÓN EN MICRODOMINIOS RAFTS DEL TRANSPORTADOR CANALICULAR DE SALES BILIARES (BSEP)

Julietta Marrone; Mauro Danielli; María Cecilia Larocca; Raul Alberto Marinelli
IFISE

La disminución de la excreción biliar (EB) de sales biliares (SB), mediada por la expresión disminuida del transportador canalicular Bsep, contribuye a los mecanismos de colestasis por EE. Previamente demostramos que la expresión canalicular de hAQP1, vía el adenovector AdhAQP1, atenúa la falla secretoria biliar inducida por EE, en parte, incrementando la EB de SB. Esto se debió a una mayor actividad Bsep sin cambios en su expresión. El objetivo del presente trabajo fue comenzar a dilucidar los mecanismos de activación de Bsep. Debido a que Bsep en membrana canalicular se localiza mayormente, pero no exclusivamente, en microdominios lipídicos ricos en colesterol (*rafts*) y que la actividad Bsep depende en forma directa del contenido de colesterol canalicular, obtuvimos *rafts* y *no-rafts* canaliculares basados en su solubilidad en Tritón X-100 y el enriquecimiento en los marcadores caveolina-1 (*rafts*) o clatrina (*no-rafts*). AdhAQP1 o vector control (VC) fue administrado a ratas EE y no colestásicas. La distribución de Bsep (%) en ratas no colestásicas +VC ó +AdhAQP1 fue: *rafts* 67±4; *no raft*s: 33±4, mientras que en EE fue: *rafts* 32±3; *no raft*s: 68±3. AdhAQP1 restauró la distribución de Bsep cerca de los valores normales (*rafts*: 55±4; *no raft*s: 45±4). La aquaporina endógena AQP8 distribuyó mayoritariamente en *rafts* en todos los grupos (~80%). hAQP1 se localizó exclusivamente en *rafts*. El aumento de la proporción de Bsep en *rafts* en ratas EE+AdhAQP1 explicaría, al menos en parte, el aumento de actividad debido al mayor contenido de colesterol y sugeriría una posible interacción molecular entre hAQP1 y Bsep que distribuya al transportador de SB preferentemente en *rafts*. En colestasis, la acumulación sistémica y hepática de SB tiene críticos efectos deletéreos sobre la función hepática. Como la transferencia génica de hAQP1 claramente mejoró la EB y el nivel sérico de SB, AdhAQP1 podría llegar a ser una efectiva herramienta terapéutica para ciertos desórdenes colestásicos.

302 (120) EL KNOCKDOWN DE LA EXPRESIÓN DE AQUAPORINA-8 MITOCONDRIAL (MTAQP8) DEPRIME LA BIOSÍNTESIS DE COLESTEROL EN CÉLULAS HEPÁTICAS HUMANAS HUH-7

Mauro Danielli; Julieta Marrone; Ariel Daro Quiroga; Raúl Alberto Marinelli
IFISE

Nuestros estudios previos sugieren que la expresión hepática de mtAQP8 es modulada por colesterol vía elementos de respuesta a factores de transcripción SREBP (*sterol regulatory element-binding protein*) presentes en el promotor del gen de AQP8. Considerando que la mtAQP8 hepática facilita la difusión del peróxido de hidrógeno mitocondrial y que el peróxido participa en la regulación de la colestero-genesis hepática, en este trabajo comenzamos a estudiar el papel de mtAQP8 en la biosíntesis del colesterol. Células Huh-7 fueron expuestas a dos siRNA específicos para AQP8 humana (siRNA 1 y 2) diseñados y sintetizados en nuestro laboratorio y a un siRNA control que posee la secuencia nucleotídica del siRNA 1, pero con una disposición al azar (SCR). El *knockdown* de la expresión de mtAQP8 proteína se observó a las 72 h y fue de aproximadamente 50% para ambos siRNA. La colestero-genesis se determinó incubando con [¹⁴C]acetato de sodio bajo condiciones basales de cultivo (medio suplementado con 10% suero fetal bovino, SFB) y bajo inducción de la maquinaria de biosíntesis lipídica (6 h de incubación en medio suplementado con 10% suero deficiente en lipoproteínas (SDLP)). Los lípidos recientemente formados fueron separados por cromatografía en capa delgada y posteriormente cuantificados. El grupo inducido, mostró un aumento de la biosíntesis de colesterol de 110% respecto del grupo basal. En ambas condiciones experimentales, los tratamientos con siRNA indujeron una disminución en la biosíntesis del colesterol libre (Basal, siRNA 1: -26,4±2.9%, siRNA 2: -23,5±6.6%. Inducido,

siRNA 1: -24,7±2.6%, siRNA 2: -27,1±3.4%; $P < 0,05$ respecto SCR). Resultados similares fueron obtenidos para la biosíntesis de los ésteres de colesterol. La viabilidad celular, determinada por el ensayo de liberación al medio de la enzima LDH, no fue afectada. Los resultados sugieren que la mtAQP8 está involucrada en los mecanismos regulatorios de la síntesis hepática del colesterol.

303 (158) EFECTOS DEL CONSUMO DE TABACO SOBRE LA CONCENTRACIÓN DE FOSFATASA ALCALINA SALIVAL

Rolando P. Juárez; Miguel Acuña; Facundo Ledesma
FAC. DE ODONTOLOGIA UNNE

La medición de fosfatasa alcalina salival (FAs) se utiliza como método auxiliar del diagnóstico convencional de la enfermedad periodontal (EP). El objetivo de este trabajo fue determinar la relación entre el consumo de tabaco sobre la concentración de FAs. Se incluyeron en el estudio 20 sujetos experimentales de sexo masculino, con un rango etario de 20 a 50 años de edad, que fueron divididos de forma aleatoria en dos grupos: Grupo 1 (G1), diez sujetos que afirmaron consumir tabaco y que presentaron un diagnóstico clínico y radiográfico negativo de EP; Grupo 2 (G2), diez sujetos no fumadores con diagnóstico negativo de EP. Se recolectaron muestras de saliva total, que se leyeron en un espectrofotómetro en un rango de absorbancia de 520 nm. Los valores fueron expresados en UI/l. Se obtuvieron los valores promedio y la desviación estándar. Se realizó la prueba de la t para comparar los grupos y se establecieron las correlaciones entre los parámetros bioquímicos y los indicadores del consumo de tabaco mediante el coeficiente de correlación de Spearman. Las muestras tomadas del G1, dieron una media de 122 DS 18 UI/l, mientras que el G2 mostró una media de 75 DS 6 UI/l, presentando diferencias estadísticamente significativas entre los grupos de consumidores y no consumidores de tabaco ($p = 0,0001$). La concentración de FAs se encontró estadísticamente correlacionada con el consumo de tabaco ($p = 0,008$). El consumo de tabaco genera una respuesta subclínica en la remodelación ósea, evidenciada en el aumento de marcadores específicos como la FAs. La medición de FAs debe descartarse como método auxiliar del diagnóstico convencional de la EP en pacientes fumadores.

304 (209) PROHIBITINA-1: UN NOVEDOSO LIGANDO DE GALECTINA-1

María Lorena Bacigalupo¹; Pablo Carabias¹; Malena Manzi¹; María Victoria Espelt¹; María Teresa Elola¹; Gabriel Adrian Rabinovich²; Carlota Wolfenstein-Todel¹; María Fernanda Troncoso¹
IQUIFIB (UBA-CONICET), Dpto. Química biológica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ IBYME (CONICET)²

Galectina-1 (Gal1) es una proteína capaz de unir glicanos a través de su dominio de reconocimiento a carbohidratos (CRD). Gal1 se encuentra sobre-expresada en el carcinoma hepatocelular (HCC) y sus niveles de expresión se asocian con una mayor invasión tumoral, metástasis, y menor supervivencia de los pacientes. Nuestro grupo describió que células de HCC humano que sobre-expresan Gal1 promueven el crecimiento tumoral y metástasis en ratones *nude*. Además el incremento de Gal1 en células de HCC induce la transición epitelio-mesénquima, evento clave en la diseminación de las células tumorales. Si bien se han descrito varios ligandos de Gal1 en diversos tejidos, no se ha descrito ninguno en el tejido hepático. El objetivo de este trabajo fue identificar los ligandos de Gal1 a partir de hepatocitos tumorales, utilizando herramientas de proteómica. Primero, expresamos Gal1 recombinante de origen humano (rGal1) en un sistema heterólogo y la purificamos mediante cromatografía de afinidad en una columna de lactosa-agarosa, aprovechando la adsorción de rGal1 a través de su CRD. Luego, obtuvimos lisados de células de HCC humano HepG2 y HuH-7 los cuales se sometieron a una cromatografía de afinidad en una columna de rGal1 acoplada a una matriz Affi-gel 15. Las proteínas adsorbidas se eluyeron con lactosa y se sometieron a SDS-PAGE y digestión proteolítica con tripsina *in gel*. Los péptidos resultantes se analizaron por espectrometría de masa. El estudio de los espectros de fragmentación permitió identificar

a prohibitina-1 (PHB1) como un novedoso ligando de Gal1, con un porcentaje de cobertura del 12%. Confirmamos la expresión de PHB1 en las células de HCC HepG2 y HuH-7 mediante Western blot e inmunofluorescencia. PHB1 es una proteína que modula el crecimiento tumoral, la resistencia a la quimioterapia y la metástasis, a través de diversos mecanismos. Hasta el momento, esta proteína no había sido descrita como ligando de ningún miembro de la familia de las galectinas.

305 (232) DIFERENTES EFECTOS DEL DEOXCICOLATO DE SODIO Y DEL ÁCIDO URSODEOIXICÓLICO SOBRE LA CAPTACIÓN INTESTINAL DE CALCIO, LA APOPTOSIS Y LA AUTOFAGIA

Valeria A Rodríguez; María A Rivoira; Adriana Pérez; Ana M Marchionatti; Nori G Tolosa De Talamoni
Cátedra de Bioquímica y Biología Molecular, FCM, INICSA-CONICET, UNC

Previamente demostramos que el deoxicolato de sodio (NaDOC) tiene efecto inhibitorio mientras que el ácido ursodeoxicólico (UDCA) es estimulador de la absorción intestinal de calcio (Ca^{+2}). El objetivo de este trabajo fue determinar si UDCA tendría capacidad de bloquear la respuesta inhibitoria del NaDOC sobre la captación intestinal de Ca^{+2} y los mecanismos subyacentes tales como la apoptosis y la autofagia. Se utilizaron ratas Wistar machos, controles y tratadas con los ácidos biliares por vía luminal, en forma individual y conjunta, por 30 minutos. La captación de Ca^{+2} se realizó con Cl_2Ca marcado con $^{45}Ca^{+2}$. En mucosa duodenal, se analizó la expresión génica por RT-qPCR y proteica por Western blot de Fas, FasL, pro-caspasa 8, caspasa 8 y LC3 II. La actividad de caspasa 3 se midió por ELISA. La formación de las organelas vesiculares ácidas (OVAs) se evaluó con naranja de acridina. Los datos se analizaron mediante ANOVA a una vía y test de Bonferroni. Los enterocitos maduros de ratas tratadas con NaDOC captaron menos Ca^{+2} que los enterocitos de ratas controles, mientras que los de ratas tratadas con UDCA captaron más que los controles. El tratamiento conjunto bloqueó el efecto inhibitorio de NaDOC. La expresión de Fas y FasL incrementó con NaDOC, mientras que UDCA disminuyó la expresión de estas proteínas. NaDOC produjo disminución de la expresión de pro-caspasa 8, aumento en la expresión de caspasa 8 activa y en la actividad de caspasa 3. La expresión génica de LC3 fue similar en todos los grupos, mientras que la expresión proteica de LC3 II fue mayor con NaDOC en comparación con la de los otros grupos. NaDOC aumentó la formación de OVAs. En conclusión, NaDOC inhibe la captación del catión en enterocitos maduros debido, al menos en parte, por estimulación de la vía extrínseca de la apoptosis y de la autofagia. UDCA bloquea la apoptosis y la autofagia y previene los efectos adversos del NaDOC impidiéndose así la inhibición de la absorción intestinal de Ca^{+2} .

306 (301) PARTICIPACIÓN DE LA VÍA ADENILATO CICLASA-PKA Y SU VINCULACIÓN CON PI3K EN LA ALTERACIÓN DEL TRANSPORTADOR MRP2 INDUCIDA POR TAUROLITOCOLATO

Romina Belén Andermatten; Nadia Ciriaci; Ma. Valeria Razori; Ismael R. Barosso; Enrique J. Sanchez Pozzi
Instituto de Fisiología Experimental CONICET UNR

En condiciones colestásicas, transportadores como Mrp2 abandonan la membrana canalicular sufriendo internalización endocítica. La sal biliar taurolitocolato (TLC) promueve esta desinserción por activación de proteínas de señalización intracelular como PI3K. Últimamente, se ha descrito que adenilato ciclasa (AC) y PKA están implicadas en el modelo de colestasis por estrógenos. Dado que TLC puede aumentar AMPc, planteamos evaluar la participación de la vía AC-PKA en la colestasis inducida por TLC y su relación con la proteína PI3K. METODOLOGÍA: Duplas aisladas de hepatocitos de rata (DAHR) fueron expuestas a TLC (2,5µM) durante 20 min, previa incubación con MDL12330 (MDL, 20µM), KT5720 (KT, 0,25µM) y Wortmanina (WM, 100nM), inhibidores de AC, PKA y PI3K respectivamente. Luego, se expusieron a clorometilfluoresceína

diacetato (2,5µM), convertido intracelularmente en glutatión metilfluoresceína (GMF), sustrato de Mrp2. Se analizó por microscopía de fluorescencia la proporción de DAHR capaces de acumular GMF en sus vesículas canaliculares (cVa). Se estudió la interacción entre las vías, evaluando sumación de las acciones protectoras de WM, MDL y KT. RESULTADOS: (% del control±EE;n:2-8) En DAHR tratadas con TLC el porcentaje de GMF acumulado en vesículas canaliculares disminuyó significativamente (57±5a). Al pre-incubar con los inhibidores se revirtió parcialmente la acción de TLC: TLC+WM (77±7a,b), TLC+MDL (80±9a,b) y TLC+KT (74±10a,b). No se observó su-
ma-
ción de efectos de los inhibidores evaluados TLC+KT+WM (79±12a,b) y TLC+MDL+WM (85±4a,b). a diferente de control, b diferente de TLC. P<0.05. CONCLUSIONES: La vía AC-PKA cumple un rol en la disminución de la actividad del transportador Mrp2 inducida por TLC. La falta de su-
ma-
ción de los efectos protectores de WM y los inhibidores MDL y KT sugieren que las proteínas AC y PKA están ubicadas en la misma vía de señalización que PI3K.

307 (302) MODULACIÓN DE LA ACTIVIDAD DEL TRANSPORTADOR MRP2 POR TNF-α: ROL DE LAS PROTEÍNAS PI3K Y ERK1/2

Nadia Ciriaci; Ismael R Barosso; Romina B Andermatten; Paula M Maidágan; M. Laura Ruiz; Enrique J Sánchez Pozzi
INSTITUTO DE FISIOLÓGIA EXPERIMENTAL CONICET UNR

TNF-α junto con IL-1β e IL-6 media la disminución de la actividad del transportador canalicular Mrp2 producida por lipopolisacárido. Se desconocen las vías de señalización por las que TNF-α altera la función del transportador, pero se sabe que esta citoquina activa PI3K y la MAP quinasa ERK1/2. **Objetivo:** Evaluar si PI3K y ERK1/2 participan en la alteración del transporte de Mrp2 mediada por TNF-α y si están ubicadas secuencialmente o en vías de señalización distintas. **Metodología:** Duplas aisladas de hepatocitos de rata (DAHR) se incubaron con TNF-α (6,25pg/ml, 20 min) en presencia del inhibidor de PI3K, Wortmanina (W 100nM); el inhibidor de MEK1/2, PD980589 (PD 5µM, cascada arriba de ERK1/2), y ambos inhibidores en simultáneo. Finalmente, se expusieron a clorometilfluoresceína diacetato (2,5µM) cuyo metabolito, glutatión metilfluoresceína (GMF), es sustrato de Mrp2. Por microscopía de fluorescencia se determinó el porcentaje de DAHR que acumularon GMF en la vesícula canalicular (cVa). En hepatocitos aislados tratados con TNF-α se analizó la activación por fosforilación de las proteínas ERK1/2 y AKT (cascada abajo de PI3K) mediante Western Blot. **Resultados:** (% del control±EE, n:3-10) TNF-α redujo cVa-GMF (66±3a), mientras que la inhibición de PI3K y MEK1/2 previno la disminución por TNF-α: TNF-α+W (86±4a,b) y TNF-α+PD (84±2a,b). La cohibición PI3K y MEK1/2 produjo su-
ma-
ción de efectos: TNF-α+W+PD (97±8b,c). El tratamiento con TNF-α provocó un aumento máximo de los niveles fosforilados de AKT (364±64a) y ERK1/2 (223±50a) a los 20min. Estos efectos fueron prevenidos por el agregado de los inhibidores cascada arriba: W (AKT: 112±2b) y PD (ERK1/2 63±32b). a vs control, b vs TNF-α, c vs TNF-α+W o TNF-α+PD, p<0,05. **Conclusión:** TNF-α produce una disminución de la función de Mrp2 mediada por PI3K y ERK1/2. La su-
ma-
ción del efecto protector de los inhibidores sugiere que PI3K-AKT y MEK-ERK se encuentran en distintas vías de señalización.

308 (356) REGULACIÓN DE LA LOCALIZACIÓN SUBCELULAR DE LA PROTEÍNA ASOCIADA A RESISTENCIA A MULTIDROGAS 2 (MRP2) POR SALES BILIARES EN CÉLULAS INTESTINALES HUMANAS CACO-2

Guillermo Nicolás Tocchetti; Maite Rocío Arana; Agustina Arias; María Laura Ruiz; Juan Pablo Rigalli; Silvina Stella Maris Villanueva; Aldo Domingo Mottino
IFISE

MRP2 es un transportador ATP-dependiente responsable del eflujo intestinal de drogas y contaminantes dietarios, conformando

una barrera contra la absorción intestinal de dichos compuestos. Previamente demostramos que MRP2 es regulable en células Caco-2 en forma aguda por AMPc y por esterógenos colestásicos, resultando en redistribución de su localización en membrana plasmática (MP) vs intracelular (MI). En este trabajo evaluamos si las sales biliares que acceden a la luz intestinal durante la digestión pueden afectar la localización de MRP2. Células Caco-2 se incubaron (30 min) en presencia de bilis humana sintética (BHS), constituida por una mezcla de taurocolato (0,46 mM), glicocolato (0,93 mM), taurodesoxicolato (0,32 mM), glicodesoxicolato (0,64 mM), tauroquenodesoxicolato (0,46 mM) y glicoquenodesoxicolato (0,93 mM). Por centrifugación diferencial se obtuvieron fracciones enriquecidas en MP y MI, evaluándose la expresión de MRP2 por inmunoblot. Villina (MP) y la enzima microsomal UGT (MI) fueron usados como controles de carga. El tratamiento disminuyó la expresión de MRP2 en MP (-54%, $p < 0,05$, $n=6$) y la aumentó en MI (+459%, $p < 0,05$, $n=6$), lo que sugiere internalización del transportador. Al evaluar en forma individual cada una de las sales biliares hallamos que el taurocolato (0,46 mM) y el glicoquenodesoxicolato (0,93 mM) disminuyeron la expresión de MRP2 en MP (-66% y -76%, respectivamente, $p < 0,05$, $n=4$) y la aumentaron en MI (+154% y +103%, respectivamente, $p < 0,05$, $n=4$). Las restantes sales biliares de la BHS no produjeron cambios. No se observaron cambios tras la incubación con dodecil sulfato de sodio 0,01%, descartando que el efecto descrito se deba a una acción inespecífica (detergente) de las sales biliares. Concluimos que taurocolato y glicoquenodesoxicolato son capaces de alterar la normal localización de MRP2, reduciendo su capacidad de barrera química, lo que afectaría la protección contra la absorción de contaminantes dietarios potencialmente tóxicos.

309 (357) EL ÁCIDO LITOCÓLICO PREVIENE EL EFECTO INHIBITORIO DE LA ABSORCIÓN INTESTINAL DE CA²⁺ DESENCADENADO POR EL DEOXICOLATO DE SODIO MEDIANTE BLOQUEO DE LA APOPTOSIS

Adriana Perez; Ana Marchionatti; María Angelica Rivoira; Valeria A Rodríguez; Nori Tolosa De Talamoni
Bioquímica y Biología Molecular Fac. de Medicina Univ. Nac. de Córdoba

En un trabajo previo de nuestro laboratorio se demostró que el ácido deoxicólico (DXC), por un mecanismo oxidativo, inhibe la absorción intestinal de Ca²⁺ y afecta la sobrevivencia celular (Rivoira y col., Comp. Biochem. Physiol., 2012). En base a estos resultados el objetivo del presente trabajo fue determinar si el ácido litocólico (LCA) tendría capacidad de prevenir el efecto inhibitorio del DXC y conocer su efecto individual sobre las vías de absorción intestinal de calcio. Se utilizaron pollos de 4 semanas de edad tratados en el saco intestinal con: 1) solución fisiológica (controles), 2) DXC (10 mmol/L), 3) LCA (200 μmol/L) y 4) tratados con LCA+DXC por 30 minutos. La absorción de calcio, marcado con Ca⁴⁵, se midió por la técnica del asa intestinal ligada *in situ*. En mucosa duodenal se analizó la expresión génica de Caspasa 3 por PCR en tiempo real y la expresión proteica de Fas y Fas-L por Western blot. También se midieron la actividad de Caspasa 3 por espectrofotometría y en mitocondrias aisladas los cambios en la permeabilidad de la membrana interna mitocondrial. Los resultados se evaluaron estadísticamente mediante ANOVA a una vía, seguido del test de Bonferroni. Los resultados indican que el tratamiento con LCA no alteró la absorción intestinal de Ca²⁺, pero LCA+DXC previno el efecto inhibitorio causado por DXC. La administración combinada de LCA+DXC evitó el incremento de la expresión proteica de Fas y Fas-L y de la actividad de Caspasa 3. Además, bloqueó la alteración de la permeabilidad en la membrana interna mitocondrial producida por DXC. En conclusión, LCA previene el efecto inhibitorio ocasionado por DXC sobre la absorción intestinal de Ca²⁺, al menos en parte, por bloqueo de la vía apoptótica extrínseca.

310 (474) SPARC (PROTEÍNA SECRETADA, ACÍDICA Y RICA EN CISTEÍNAS) Y SU ROL EN EL HÍGADO GRASO NO ALCOHÓLICO

Agostina Onorato; Catalina Atorrasagasti; Estanislao Peixotto; Guillermo Mazzolini

Universidad Austral Fac. de Cs. Biomédicas

El hígado graso no alcohólico (HGNA) es una entidad con proporciones epidémicas. Consiste en la acumulación de grasa en las células hepáticas y abarca un conjunto de condiciones clínicas que van desde la simple presencia de grasa en el tejido hepático (esteatosis), hasta el desarrollo de daño e inflamación (esteatohepatitis o NASH) y, en algunos casos, fibrosis y cirrosis. Tanto la esteatosis como el NASH se asocian al síndrome metabólico y a la diabetes de tipo 2 (DBT2). SPARC es una glicoproteína de la matriz extracelular asociada a procesos inflamatorios, remodelación tisular, regulación de los depósitos de colágeno fibrilar, entre otras funciones biológicas. El objetivo fue estudiar el rol de SPARC en el desarrollo del HGNA en un modelo murino de dieta rica en grasa. Se administró dieta alta en grasa (HF) o control (LF) a ratones SPARC null (SPARC^{-/-}) y SPARC wt (SPARC^{+/+}) durante 12 y 20 semanas. La expresión de SPARC fue evaluada por qPCR. Se midió el grado de NASH y fibrosis utilizando el índice de NAS y METAVIR. Se cuantificaron los depósitos de grasa. Se analizaron los niveles de glucosa, triglicéridos, colesterol y transaminasas en suero. Se realizó el test de sobrecarga a la glucosa para evaluar DBT2. La expresión de SPARC se encuentra incrementada en el hígado de animales alimentados con dieta HF. Las curvas de peso demuestran que los ratones SPARC^{-/-} incrementaron su peso de la misma forma que los SPARC^{+/+}HF, mientras que los ratones SPARC^{-/-}LF presentan pesos significativamente menores. Luego de 10 semanas, los animales SPARC^{-/-}, tanto HF como LF, desarrollan DBT2. Luego de 12 semanas, el grupo SPARC^{-/-}HF presenta un índice de esteatosis mayor respecto a los SPARC^{+/+}HF (1.7±0.5 vs 0.3±0.1). A semana 20 los animales SPARC^{-/-} HF presentan NASH incipiente (NAS: 5.2±0.4). En este trabajo se presentan evidencias que demuestran un rol de SPARC en el desarrollo de NASH y de DBT2. La ausencia de SPARC se asocia a esteatosis simple e impide la progresión a NASH.

311 (509) AUTOFAGIA MEDIADA POR VMP1 Y SU ROL EN LA MALIGNIDAD DE LAS CÉLULAS TUMORALES PANCREÁTICAS

Felipe Javier Renna; Alejandro Ropolo; Verónica Boggio; Cintia Catrinacio; María Inés Vaccaro
IBIMOL, Subsede Fisiopatología, FFyB-UBA/CONICET

La autofagia es un proceso que degrada componentes citoplasmáticos incluyendo organelas. La transformación tumoral y la quimioterapia activan la expresión de VMP1 que induce autofagia en células tumorales. Nuestra hipótesis propone que la autofagia mediada por VMP1 es parte del mecanismo que conduce a la alta morbilidad y mortalidad en el cáncer de páncreas. El objetivo de este proyecto es evaluar si la autofagia mediada por VMP1 en células tumorales pancreáticas se relaciona con la malignidad y su capacidad de metástasis. Utilizamos células tumorales pancreáticas altamente resistentes al tratamiento (PANC-1 y MIAPaCa-2) que portan la mutación G12D del gen KRAS. Para modular la autofagia mediada por VMP1, las células se trataron con el inhibidor de autofagia 3-metiladenina (3MA) y con el agente quimioterapéutico inductor de VMP1, gemcitabina. Evaluamos migración celular como factor de malignidad mediante ensayos de migración como *Scratch Assay* (capacidad de cerrar una herida realizada sobre un cultivo confluyente) y *Transwell Assay* (capacidad de migrar de un compartimiento sin suero fetal bovino a uno con presencia del mismo atravesando una membrana de policarbonato). Los resultados mostraron una disminución significativa de la migración medida mediante *Scratch Assay* de un 11% y 16% a las 24 y 48 horas de incubación respectivamente al inhibir la autofagia con 3MA ($p < 0,05$). Por otro lado, la inducción de autofagia con gemcitabina reveló un aumento del 14%, 16% y 17% ($p < 0,001$) de la migración a las 12, 24 y 48 horas de incubación, respectivamente. Mediante la técnica de *Transwell Assay* se logró evidenciar una marcada tendencia de disminución de la migración ante la inhibición de la autofagia y aumento ante su inducción. Estos resultados son de potencial relevancia clínica y proponen a la autofagia como marcador de malignidad tumoral.

312 (546) EFECTO DEL CONSUMO DE FRUCTOSA EN EL AGUA DE BEBIDA SOBRE LAS NEURONAS NADPH+ DEL COLON PROXIMAL DE RATAS

Verónica Labourdette¹; Facundo Alberto Aburto Santiago²; Marta Posadas¹; María Catalina Olguin³; Noriyuki Hisano²
Cátedra de Biología, Facultad de Ciencias Médicas, UNR¹
Cátedra de Histología y Embriología, Facultad de Ciencias Médicas, UNR²
Cátedra de Química de Alimentos, Facultad de Ciencias Bioquímicas, UNR³

El creciente consumo de azúcares en alimentos sólidos y en especial en bebidas analcohólicas ingeridas en reemplazo del agua potable como fuente de hidratación, es motivo de preocupación de las autoridades sanitarias tanto nacionales como internacionales. Publicaciones recientes ubican a nuestro país como líder mundial en el consumo de bebidas gaseosas en las que se emplea como edulcorante el jarabe de maíz de alta fructosa (con más del 55% de fructosa), de gran preponderancia desde los años 80 y sobre el cual se han descrito efectos perjudiciales para la salud. El plexo de Auerbach -cadenas de neuronas ubicadas entre las capas musculares circular y longitudinal del intestino- es el encargado de los movimientos intrínsecos gastrointestinales, controla la actividad motora en toda la longitud del intestino. El objetivo fue evaluar el efecto del consumo de fructosa sobre las neuronas NADPH+ del colon proximal. Para ello a ratas macho púberes de la línea obesa y diabética IIMb/beta, se les suministró por 90 días como agua de bebida una solución acuosa de fructosa al 20% (F,n:7) y al grupo control (C,n:7) agua potable de red. El alimento fue un balanceado comercial para rata/ratón *ad libitum*. Al final se dosó glucemia y los animales fueron eutanasiados. Segmentos del colon proximal se fijaron en paraformaldehído 4% y se procesaron con la técnica histoquímica del NADPH. El material fue fotografiado con cámara digital y se contaron las neuronas con un analizador de imágenes. Resultados (media \pm SD): glucemia (mg/dl) F: 224,2 \pm 60,6 vs C: 229,6 \pm 66,1 (p>0,05). Contaje neuronal / mm²: : C 11,86 \pm 2,48 vs F 7,75 \pm 1,78, (p<0,05). El consumo elevado de fructosa a través del agua de bebida podría afectar la motilidad intestinal ya que el recuento neuronal del plexo de Auerbach a nivel del colon proximal fue significativamente menor en las ratas del grupo F.

313 (565) CAMBIOS ESTRUCTURALES DEL MÚSCULO ESQUELÉTICO EN UN MODELO DE HIPERAMONEMIA

Juan C Perazzo¹; Marcotegui A¹; Tallis S¹; Skerl J¹; Caltana L²; Orbea L¹; Di Carlo Mb⁴; Romay S¹; Eizayaga F¹; Lago Nr¹; Fisch P³; Souto Pa¹

Fac. de Farmacia y Bioquímica¹ IBCN² Albert Ludwigs Universität³ Htal.d e Clínicas Gral. S. Martín⁴

La hiperamonemia aparece como una grave complicación en los trastornos del metabolismo del amonio y principalmente en la insuficiencia hepática aguda y crónica. En estas circunstancias el tejido renal, el SNC y el músculo esquelético (Me), adquieren un papel preponderante en la regulación de los niveles de amonio en sangre mediante su metabolismo. Esto genera efectos deletéreos en los órganos diana, como el SNC. Objetivos: estudiar si existe alteraciones y/o daño en el Me en un modelo de hipertensión portal prehepática con hiperamonemia moderada (HM). Métodos: ratas macho Wistar se dividieron en dos grupos, HM inducido por estenosis regulada de la vena porta, y Sham (S). Se utilizó inmunohistoquímica, inmunofluorescencia, microscopía de Alta Resolución y Electrónica de Transmisión para evaluar daño celular. Resultados: Grupo HM presentó hiperamonemia (83,7 \pm 1,2 vs. 22,6 \pm 2,5 μ M/L). La caspasa-3 clivada, el TUNEL y el antígeno antinuclear de células proliferativas (PCNA) fueron significativamente diferentes entre HM vs. S. El grupo HM mostró cambios en el Me, ultraestructurales con necrosis focal y mitocondrias edematizadas con disrupción de la membrana externa, pérdida de crestas y disminución de densidad electrónica matricial. La Tríada mostró dilatación con desprendimiento del sarcolema y con aumento del tráfico de membranas y mitocondrias. Se observó miofibrililolisis en células tipo I y II del Me, y aumento del número de las células

satélite. Los sarcómeros mostraron un área clara con fibrililolisis, con bandas Z acortadas con aumento de la densidad, lo que indica el daño celular precoz. Además hubo pérdida difusa de bandas sarcoméricas. Conclusión: En este modelo, con niveles moderados de hiperamonemia, el tejido (Me) que realiza el metabolismo secundario de amonio, presenta daño celular irreversible.

METABOLISMO Y NUTRICIÓN 2

314 (21) PROGRAMACIÓN FETAL EN RATAS ALIMENTADAS CON DIETA RICA EN SACAROSA: ¿PUEDE LA SALVIA HISPÁNICA PREVENIR LA DISLIPEMIA, HIPERTENSIÓN Y ADIPOSIDAD VISCERAL EN LA ADULTEZ?

María A Fortino¹; Silvia Rodríguez; Adriana Chicco
Univ. Nac. del Litoral Facultad de Bioquímica y Ciencias Biológicas

Diferentes tipos de stress durante la vida intrauterina y post-natales tempranos, incluido mala nutrición, influyen en el desarrollo de enfermedades crónicas del adulto. Dieta rica en sacarosa (DRS) durante la preñez+lactancia (P+L) inducen en la descendencia adulta dislipemia y adiposidad visceral (AV) independientemente del tipo de dieta en la post-lactancia. La incorporación de ácidos grasos polinosaturados n-3 de cadena larga reduce la adipogénesis y la lipogénesis en roedores adultos, pero no es claro el efecto de los mismos en los periodos perinatales. Objetivo: analizar el posible efecto beneficioso de la semilla de chia (rica en alfa-linolénico, 18:3 n-3) en el modelo de dislipidemia y adiposidad inducido precozmente por DRS, cuya fuente grasa es aceite de maíz (rico en 18:2 n-6). Metodología: Durante (P+L) las madres se alimentaron con DRS o con DRS donde la chia fue la fuente grasa (DRSC). Al destete, crías macho de madres DRS continuaron con DRS o con DRSC (DRS-DRS y DRSC-DRSC respectivamente) y las crías de madres DRSC continuaron con DRS (DRSC-DRS). Paralelamente se alimentaron madres y sus crías con dieta de referencia (R-R). En madres se evaluó ingesta calórica, ganancia de peso y número de crías. En crías adultas: medidas antropométricas, AV, presión arterial, lípidos y glucosa plasmática. Resultados: 1) la chia administrada durante la preñez previene el efecto deletéreo de la sacarosa respecto al número de crías por camada; 2) En crías adultas la AV no se modificó por la presencia de chia durante la P+L o luego del destete. El peso corporal final, medidas antropométricas e IMC fueron semejantes en todos los grupos. 3) Solo cuando la chia fue administrada luego del destete, aun en presencia de DRS, previno la hipertrigliceridemia e hiperglucemia y atenuó la hipertensión y el contenido de AGNE. Estos resultados enfatizan la idea de una nutrición adecuada durante los primeros estadios de vida para prevenir enfermedades crónicas del adulto.

315 (148) REGULACIÓN DE ENZIMAS ANTIOXIDANTES POR NRF2 EN CEREBRO DE RATAS CON SOBRECARGA DE COBRE

Nidia Ferrarotti^{1,2,5}; Rosario Musacco Sebío^{1,3}; Christian Saporito Magri^{1,3}; Juan Manuel Acosta^{1,3}; Mauricio Castro Parodi^{1,4}; Alicia Damiano^{1,4}; Alberto Boveris^{1,5}; Marisa Repetto^{1,3,5}
Fac. de Farmacia y Bioquímica. UBA¹ Departamento de Bioquímica Clínica, Hospital de Clínicas² Cátedra de Química General e Inorgánica³ Cátedra de Biología Celular y Molecular⁴ IBIMOL (UBA-CONICET)⁵

La sobrecarga aguda de cobre (Cu) en cerebro genera estrés y daño oxidativo, con oxidación de glutatión (GSH) y en consecuencia pérdida de la homeostasis redox intracelular en hígado y cerebro. Se observó, en estudio previos, incrementos de la actividad y la expresión de las enzimas antioxidantes Cu,Zn-superóxido dismutasa (SOD1) y catalasa (CAT). El factor de transcripción Nrf2 responde a los cambios de la homeostasis redox intracelular, trasloca al núcleo y activa enzimas antioxidantes como la glutatión transferasa (GT) y la NADPH óxido-reductasa. El objetivo de este

trabajo fue evaluar si los cambios en la actividad y expresión de SOD y CAT están regulados por Nrf2 en la toxicidad aguda del Cu en cerebro. Ratas macho Sprague-Dawley (200 g) recibieron (ip) 5 mg/kg de Cu²⁺ (CuSO₄, n=9) y se sacrificaron a diferentes tiempos (0, 6, 16, y 24h). Se determinó el contenido de GSH, el índice GSH/GSSG, la actividad de GT y la expresión por Western blot (WB) de Nrf2 en núcleos de células de cerebro con respecto a ratas control (C, NaCl 0,9% P/V, ip, n=6). Se observó: disminución a las 4 h del 20% la concentración de GSH (2,00±0,05µmol/g) y 89% GSH/GSSG (22±2), un incremento de la actividad de GT del 27% a las 16 h y del 50% a las 24 h (C:2,0±0,2 U/g, p<0,01). Resultados previos mostraron que entre 10 y 12 h de la sobrecarga, la actividad de SOD1 y CAT aumentaron 90% y la expresión 60% respecto a C (SOD1:16kDa, CAT:60 kDa). Los resultados de WB mostraron para Nrf2 dos bandas, una de 66 kDa (proteína sin fosforilar) y otra de 112 kDa, que corresponde a la proteína fosforilada, en núcleos de células de cerebro. Con respecto a C, se observó un aumento significativo (100%) de la banda de 118 kDa, a las 6 h, que indicaría que se expresó en la sobrecarga de Cu posteriormente al consumo de GSH, y previamente a GT, SOD1 y CAT. Conclusión: La protección antioxidante en la toxicidad aguda con Cu por las enzimas antioxidantes SOD y CAT en cerebro estaría regulada por Nrf2.

316 (226) ORIGEN FAMILIAR COMO OTRO FACTOR DE RIESGO DE EXCESO DE HIERRO, EN UN GRUPO DE VARONES DE CABA

*Silvana J Fleischman*¹; Marcelo Castro²; Jorge A Rey²; Alejandra Vellido²; Romina Airaldi³; Vanesa Sebastiano³; M. Luján Donadio³; Marta M Lardo⁴; Ana Lía Felipoff¹; Silvia H Langini¹

Cat.Nutrición¹ Ser.Hemoterapia, Htal Clínicas² Esc. Nutrición, Fac. Medicina³ INFIBIOC.FFyB,UBA⁴

La hemocromatosis hereditaria (HH), asociada al gen HFE, se acepta que se originó en el norte de Europa y países que bordean el Mediterráneo. Con el objetivo de estudiar la relación entre ingesta de Hierro (Fe), ascendencia familiar y presencia de mutaciones asociadas al gen HFE, se estudiaron 166 varones donantes de sangre (D), clínicamente sanos, edad (media±DS):36±11 años, concurrentes al Serv. Hemoterapia, Htal de Clínicas, UBA, 2012-2014. Los D respondieron un cuestionario de Frecuencia de consumo de Alimentos (QFA), e informaron el origen de sus antecesoros. El QFA incluyó entre otros, carnes y derivados, cereales y panificados elaborados con harina enriquecida y consumo de suplementos. Se calculó ingesta de Fe (IFe) por Programa Informático SARA y Tabla de Composición de Alimentos (USDA). En una muestra de sangre entera se identificaron las mutaciones C282Y, H63D y S65C (PCR-RFLP). El 57.4% de D fueron descendientes de europeos (E), 38.3% de latinoamericanos (L), ascendencia mixta (E/L) en 3.1%, otro origen 1.24%. Los E y L no presentaron diferencia significativa en la IFe total (mg/día) (media±DS):22.0± 8.7 vs 22.6± 10.3, pero sí para: IFe hemínico: 1.8±1.1 vs 2.4±1.3, p=0.0012, e IFe no hem de carnes: 4.2±2.7 vs 5.7± 2.8, p=0.0002. La IFe de enriquecimiento de las harinas fue, respectivamente: E vs L: 10.6±6.6 vs 10.8±7.0 (ns). Seis D consumieron suplementos de minerales con Fe (14 o 16.6 mg / comprimido), de los cuales 83% eran E. El porcentaje de D con mutaciones fue: 19.4% en E y 16.1% en L (ns). La prevalencia de H63D fue 83.3% en E y 90% en L; C282Y solo se halló en E (3.2%) y S65C solo en L (1.6%). Dado que el organismo humano no posee mecanismos que le permitan excretar el exceso de hierro, la elevada IFe de la dieta, el eventual consumo de suplementos, y la influencia ancestral europea en Latinoamérica, en particular en Argentina, podrían sumarse al riesgo de padecer HH. Financiado por Universidad de Buenos Aires, UBACyT20720120200004BA

317 (340) EVALUACIÓN DE ENDOTELINA-1 EN HIPOTIROIDISMO SUBCLÍNICO. EFECTO DEL TRATAMIENTO SUSTITUTIVO CON LEVOTIROXINA

*Luz Muzzio*¹; Marcos Abalovich²; Aizhar Mumbach²; Leonardo Cacciagiuli¹; Cristina Calabrese²; Graciela Astarita²;

Betiana Perez²; Adriana Vazquez²; Mario Frydman²; Graciela Alcaraz²; Silvia Gutierrez²; Laura Schreier¹
Lab Lípidos y Aterosclerosis. Depto Bioq Clínica. Fac.Farmacología y Bioquímica. INFIBIOC. UBA¹ División Endocrinología Hospital Carlos G Durand. Buenos Aires, Argentina²

La endotelina (ET-1) -potente vasoconstrictor y estimulante del crecimiento del músculo liso- promueve la disfunción endotelial junto con otras sustancias proinflamatorias. El hipotiroidismo subclínico (HS) es de considerable prevalencia y se asocia con aumento de riesgo cardiovascular. Los mecanismos que conducen a esta relación son controversiales. La ET-1 podría tener un papel importante favoreciendo el proceso inflamatorio y la disfunción endotelial. Objetivos: Evaluar los niveles de ET-1, perfil lipídico y PCRhs en pacientes con HS en comparación con controles. Determinar los efectos de la terapia con levotiroxina en los parámetros evaluados. Se evaluaron 44 pacientes con HS (T4 normal y TSH>4,2mUI/l) 36,9±9,1 años y 19 pacientes eutiroideos, 30±2,9 años. Se les midió perfil lipídico, ET-1 como marcador de disfunción endotelial (ELISA) y PCRhs como marcador de inflamación crónica (inmunoturbidimetría). Veinticuatro pacientes fueron tratados con levotiroxina y re-evaluados luego de 8.9 ± 3.9 meses de tratamiento. No se observó diferencias en los valores lipídicos entre HS y controles: (mg/dl) triglicéridos 88,8±33,8 vs 77,4±32,1, colesterol 180,7±28,4 vs 172,1±31,5 c-HDL 58,2±17,6 vs 57,7±13,5 y c-LDL 106,9±25,7 vs 99,8±28,3. Los niveles de ET-1 (pg/ml) y PCRhs (mg/l) fueron más altos en HS que en controles: 1.8±0.9 vs 0.8±0.3, p<0.0001 y 1.5 (0.6-3.6) vs 0.5 (0.2-1.1) p<0.008 respectivamente. ET-1 y PCRhs correlacionaron positivamente r= 0,41 p<0,002. Después del tratamiento, ET-1 descendió: 1.8±1,0 vs 1.2±0.5 (pg/ml) p<0,001, aunque persistió significativamente elevada comparada con controles p<0,025) y PCRhs no se modificó. El aumento de ET-1 en pacientes con HS favorecería la disfunción endotelial y constituiría un factor de riesgo aterogénico independiente del perfil lipídico. Este aumento de ET-1 se asoció con el estado inflamatorio crónico. Este cuadro podría mejorar en parte luego del tratamiento con levotiroxina.

318 (392) EL INSUFICIENTE APORTE DE ZINC DURANTE LA PREÑEZ Y LA VIDA POSNATAL TEMPRANA PRODUCE ALTERACIONES EN EL SISTEMA RENINA ANGIOTENSINA RENAL DE RATAS DEPENDIENTES DEL SEXO

*María N Gobetto*¹; Daniela Cardelli Alcalde¹; Agustina Castañón¹; Lorena Juriol¹; Analía Tomat¹; Mariela Gironacci²; Cristina Arranz¹

Cátedra de Fisiología. Fac. de Farmacia y Bioquímica. Univ. de Buenos Aires. IQUIMEFA-CONITET¹ Cátedra de Qca. Biológica. Fac. de Farmacia Y Bioquímica. Univ. de Buenos Aires. IQUIFIB - CONICET²

Una deficiencia moderada de zinc durante la preñez y/o el crecimiento provoca hipertensión arterial y disfunción renal en ratas. Nuestro objetivo fue evaluar la participación del Sistema Renina Angiotensina (SRA) renal durante etapas tempranas del desarrollo y en la adultez de ratas macho (m) y hembra (h) sometidas a una deficiencia de zinc. Ratas Wistar fueron expuestas desde la preñez hasta el destete de sus crías a una dieta deficiente en zinc (B) o control (C). Luego del destete, las crías provenientes de las madres B continuaron con dieta B o C (BBm; BBh; BCm y BCh) durante 60 días. Las crías provenientes de madres C continuaron con dieta control (CCm; CCh). A los 6 días de vida se evaluó en riñón de un grupo de ratas (Cm; Ch; Bm y Bh): AT1R y ECA por WB, (AT1R o ECA/β-actina relativo a Cm) y AngII por RIA, (pg/mg de tejido). A los 81 días se evaluó en corteza renal: AT1R por WB e IHQ, expresión de ARNm de ECA por RTqPCR y AngII por RIA. Los valores fueron expresados como x±SEM, n=6/grupo. Estadística: T-test, ANOVA de dos vías y test a posteriori Bonferroni. *p<0,05 vs. Cm; †p<0,05 vs. CCm. A los 6 días de vida, Bm presentó mayor expresión de ECA (Bm: 1,4±0,1* vs. Cm: 1,0±0,1) y contenido de AngII (Bm:3035±745* vs. Cm: 823±270). No se observaron cambios en la expresión de AT1R. A los 81 días BBm y BCm tuvieron mayor expresión de AT1R (BBm:2,0±0,2†, BCm: 2,2±0,4† vs. CCm: 1,0±0,1), sólo

BBm presentó aumento de AngII (BBm:3213±888[†] vs. CCM: 886±127). No se observaron cambios en el ARNm de la ECA. Las hembras no presentaron alteraciones. La injuria nutricional producida por un déficit moderado de zinc durante la vida fetal y posnatal temprana activa el SRA renal solamente en las crías macho. Este sistema continúa alterado aun cuando el consumo de zinc durante el crecimiento posdestete es el adecuado. La activación del SRA renal podría contribuir a la hipertensión y a las alteraciones morfológicas y funcionales renales observadas en la vida adulta en este modelo.

319 (424) REGULACIÓN DINÁMICA DE ATP EXTRACELULAR EN ESCHERICHIA COLI

Cora Lilia Alvarez¹; Natalia Lauri¹; Gerardo Corradi¹; Eliana Duarte¹; Mariana Sacerdoti¹; Luciano Nievez¹; Mara Victoria Espelt¹; Mara Florencia Leal Denis¹; Vanesa Herlax²; Pablo Julio Schwarzbaum¹

IQUIFIB, Facultad de Farmacia, y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires¹ Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de La Plata, La Plata²

E. coli es el principal anaerobio facultativo del sistema digestivo. De acuerdo al contexto fisiológico del huésped, este organismo puede captar ATP exógeno, siendo metabolizado por nucleotidasas en el periplasma, o liberar ATP del periplasma al medio extracelular. *In vitro* la regulación de ATP extracelular (ATPe) de *E. coli* depende del balance entre la liberación de ATP y la hidrólisis de ATPe por nucleotidasas. Se estudió la regulación de ATP extracelular (ATPe) de suspensiones de *E. coli* DH5 α (2x10⁹ cél/ml) a 20 °C. **Hidrólisis de ATPe:** se evaluó en suspensiones mediante la liberación de [³²P]Pi a partir de [³²P]ATP. En medios con fosfato (M9), a 100-1000 nM ATP, la acumulación de Pi fue lineal en el tiempo y la actividad ATPasica (vi) fue proporcional a la [ATPe]. A 600 nM y 500 μ M ATPe vi fue 2,77-19,26 veces superior en un medio sin fosfato (hepes) que en M9. En ambos medios a 600 nM vi fue inhibida 28% por suramina y 71% por el análogo de ATP (AMP-CPP). **Liberación de ATP:** se evaluó en suspensiones mediante la cuantificación de la [ATPe] por luminiscencia. En ausencia de estímulo, la [ATPe] fue 202 \pm nM/10⁸ cels. La exposición a 10 μ M del péptido mastoparan 7 no afectó la viabilidad, e indujo un aumento de 414 veces en la liberación de ATP, alcanzándose una [ATPe] de 1010 \pm nM/10⁸ cels (n= 13). La incubación con el péptido melitina produjo liberación de ATP dependiente de la dosis, tanto en ausencia como en presencia de lisis. En conclusión, en suspensiones bacterianas, y en ausencia de lisis, se verificó: - actividad ATPasica en un amplio rango de concentraciones. En medios sin fosfato, vi fue mayor. Esto es compatible con la existencia de dos nucleotidasas, una de las cuales es inhibida por fosfato. - liberación de ATP. Con mastoparan 7 esta liberación es 400 veces superior a la actividad ATPasica. Por lo tanto, la evolución temporal de acumulación de ATPe refleja el perfil cinético de liberación de ATP. Con subsidios UBACYT (20020100100090), CONICET (PIP 639).

320 (439) AUTO ANTICUERPOS CONTRA EL RECEPTOR β 2ADRENÉRGICO, INSULINORRESISTENCIA E HIPIERINSULINEMIA INDUCIDA POR PTOG EN PACIENTES CON ENFERMEDAD DE CHAGAS CRÓNICA

Luz María Rodeles^{1,2}; Miguel Hernán Vicco^{1,2}; Iván Bontempi¹; Jose Ignacio Valenzuela²; Evelyn Cáceres³; Maricel Bigliani³; Iván Marcipar¹; Pablo Arias⁴

Laboratorio de Tecnología Inmunológica¹ Área de Clínica Médica, Facultad de Cs. Médicas, Universidad Nacional del Litoral² Laboratorio Central, Hospital Iturraspe, Santa Fe.³ Cátedra de Fisiología, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Rosario⁴

Introducción: La enfermedad de Chagas crónica (ECC) se ha asociado a mayor prevalencia de obesidad y diabetes. Como mecanismo, se ha demostrado aumento de citoquinas pro inflamatorias. Sin embargo, la respuesta inmune a *T. cruzi* además, produce auto anticuerpos dirigidos contra el receptor β 2 adrenérgico (anti- β 2AR) que podrían contribuir al desarrollo de dichas

alteraciones. Como objetivo del trabajo, nos propusimos evaluar la relación entre el perfil metabólico y los niveles de anti- β 2AR en pacientes con ECC. Métodos: Estudio observacional transversal. Se estudiaron prospectivamente 30 pacientes con ECC y 12 controles pareados por edad, sexo e IMC. Se excluyeron aquellos con diagnóstico previo de diabetes, otras endocrinopatías, IMC >30, tratamiento para Chagas o inmunosupresor. Se realizó tolerancia oral a la glucosa (PTOG) de 75g con muestras a los 0, 30 y 120 min determinándose glucosa e insulina plasmáticas. Los niveles de anti- β 2AR en suero fueron medidos por ELISA. Resultados: Los pacientes con ECC presentaron mayores niveles de insulinemia a los 120 min (59.8±39.1 vs 31.2±24.3 mU/l, $p<0.013$) e índice de sensibilidad insulínica (ISI₀₋₁₂₀ 13.9±10.6 vs 9.94±4.1, $p=0.041$) en comparación a los controles. Los pacientes positivos para anti- β 2AR (n=21) tuvieron mayores niveles de insulina basal, HOMA-IR, índice insulínogénico (IGI) e ISI₀₋₁₂₀ (16.8±13.6 vs 9.04±4.83, $p=0.033$; 16.1±12.9 vs 9.31±4.48, $p=0.038$ y 74859±67.6 vs 74967±206, $p=0.038$). Los títulos de anti- β 2AR presentaron moderada correlación con HOMA-IR ($r=0.55$; $p=0.007$) e IGI ($r=0.34$; $p=0.036$). Conclusión: Los pacientes con ECC presentaron mayores niveles de insulina basal e insulinorresistencia durante PTOG. Además, los niveles de anti- β 2AR se correlacionaron con mayor resistencia insulínica (HOMA-IR) y secreción precoz de dicha hormona. Se continuarán estudios clínicos y experimentales para precisar la relevancia patológica de anti- β 2AR en las alteraciones metabólicas detectadas.

321 (522) DETERMINACIÓN DE LA INGESTA DE LECHE MATERNA MEDIANTE LA TÉCNICA DE DILUCIÓN ISOTÓPICA CON DEUTERIO: ESTUDIO DE CASOS

Cristian D Napoli^{1,3}; Silvina Mariela Vidueiros¹; Cristina Possidoni²; Sergio Giordanengo²; Inés Fernandez¹; Anabel Pallaro¹

Cátedra de Nutrición Facultad de Farmacia y Bioquímica¹ Hospital Sagrado Corazón de Jesús de Basavilbaso, Pcia de Entre Ríos² Becario Carrillo-Oñativia, Ministerio de Salud³

Introducción: La ingesta de leche materna (ILM) puede estimarse por el método de doble pesada antes y después del amamantamiento, lo cual está sujeto a errores. Es posible conocer con mayor exactitud la ILM utilizando la técnica de dilución isotópica con deuterio de dosis a la madre, el cual es el método de referencia, inocuo y exacto. Objetivo: Determinar la ILM y estimar si los lactantes son alimentados en forma Exclusiva (LME), predominante (LMP) o parcial (LMPA). Sujetos y métodos: Se analizaron cuatro casos correspondientes a 4 pares madre-lactante de la localidad Basavilbaso, provincia de Entre Ríos, a los 4 meses de edad. Las madres recibieron una dosis oral de agua deuterada (30 mL, 99,8%), recolectándose 6 muestras de saliva de la madre y el bebé durante un período de 14 días. El enriquecimiento de deuterio se determinó en un espectrómetro FTIR-Shimadzu-Affinity de la Cátedra de Nutrición, obteniéndose la ILM (mL/día) y la ingesta de otros líquidos (IOL) mediante software específico. Se categorizó la LME, LMP y LMPA según IOL fuera < 22 mL/día, 22-216 mL/día y > 216 mL/día, respectivamente (Haisma 2003). Resultados: La ILM obtenida fue 0, 909, 757 y 539 mientras que la IOL fue 675, 0, 43 y 602 para cada par analizado, respectivamente. De esta manera, el tipo de lactancia correspondiente fue: sin lactancia, exclusiva, predominante y parcial. Conclusiones: La DI permitió determinar la ILM y la IOL provenientes de otras fuentes y en función de este último parámetro estimar el tipo de lactancia que recibe el lactante. Es importante destacar que la aplicación de la metodología podría transferirse como herramienta de evaluación de la alimentación del lactante, siendo de utilidad a futuro para establecer prevalencias de LME. Mejorar la estimación de LME contribuye al conocimiento de la recomendación de OMS y UNICEF de mantener LME hasta el sexto mes de vida. Financiado UBACYT PB04 y OIEA/RLA 6071

322 (523) REMODELADO DE LOS PROTEOGLICANOS DE LA MATRIZ VASCULAR FRENTE A LA INJURIA POR

LIPOPROTEÍNAS RICAS EN TRIGLICÉRIDOS. VLDL DIETA OCCIDENTAL VERSUS DIETA MEDITERRÁNEA

Roxana Elena Oberkersch¹; Aldana Barriandarán¹; Eugenia Fogliano¹; María Chiara Magnifico²; Marzia Arese²; Paolo Sarti²; Graciela C Calabrese¹

Facultad de Farmacia y Bioquímica¹ Universidad de Roma "La Sapienza", Italia.²

Recientemente hemos reportado que las lipoproteínas de muy baja densidad (VLDL) modificarían el patrón de secreción y las características de sulfatación de los principales condroitín/dermatán sulfato proteoglicanos (CS/DS-PGs) de la matriz producida por un endotelio "atero-resistente". El objetivo del presente trabajo fue estudiar el remodelado de los CS/DS PGs frente a la injuria por VLDL obtenidas de voluntarios sanos alimentados con una dieta de tipo occidental y mediterránea. Las lipoproteínas fueron obtenidas a partir de argentinos (VLDL_{occidental}) e italianos (VLDL_{mediterránea}) y caracterizadas por su perfil bioquímico. Células HUVEC fueron incubadas durante 24h frente a concentraciones crecientes de las lipoproteínas (0, 75, 100 y 140µg/mL). El estudio de los PGs aislados del medio de cultivo fue realizado por Western blot. El porcentaje de triglicéridos, fosfolípidos, colesterol y proteínas de la VLDL_{occidental} fue de 38,89±12,98; 39,56±12,03; 8,98±2,64 y 12,14±3,26; respectivamente, siendo la relación colesterol/triglicéridos de 0,24±0,05. Las VLDL_{mediterránea} mostraron un aumento en fosfolípidos y un descenso en el porcentaje de triglicéridos (75,72±2,11 y 12,91±2,11; P<0,05; n=3), siendo su relación colesterol/triglicéridos 0,47±0,19. El remodelado de los PGs frente a las VLDL_{occidental} sólo mostró un incremento en versicano y decorina frente a 75µg/mL (P<0,05; n=3). Las VLDL_{mediterránea} produjeron el aumento de versicano y decorina a partir de 75µg/mL (P<0,05; n=3), aumento que se mantuvo frente al incremento de VLDL, principalmente a expensas de decorina. Los resultados obtenidos sugieren: (1) la dieta mediterránea favorece la reducción del core lipídico de las VLDL; (2) esta modificación estructural de la lipoproteína se asocia a un remodelado diferente de los CS/DS PGs de la matriz y (3) El incremento en decorina beneficiaría el ensamblaje de las fibras de colágeno dificultando la migración celular y la activación de la respuesta inflamatoria.

323 (576) EL AUMENTO HIPOTALÁMICO DE POMC EQUILIBRA EL BALANCE ENERGÉTICO EN RATAS HIPOTIROIDEAS

Constanza Matilde Lopez Fontana; Natalia Ortiz; Gisela Pennachio; Sebastián García; Leila Zyla; Flavia Eliana Santiano; Corina Verónica Sasso; Marta Soaje; Rubén Walter Carón
IMBECU

El hipotálamo integra una compleja red de vías neuronales que regulan el balance energético (BE) dependiendo de señales periféricas hormonales, de adiposidad y de saciedad. El hipotiroidismo modifica directa e indirectamente el BE afectando la ingesta y el gasto energético, aunque los mecanismos involucrados no están aclarados. El objetivo fue caracterizar la influencia fisiopatológica del hipotiroidismo sobre la regulación periférica y central del BE en ratas. Se utilizaron ratas hembras Sprague-Dawley de 55 días de edad: eutiroides (EUT, n=10) e hipotiroideas (HypoT, 0.01% PTU en el agua de beber, n=11). El peso corporal y la ingesta se controlaron semanalmente. El gasto energético (GE) se estimó calculando la tasa metabólica basal (TMB) y mediante la prueba de Open Field. Los animales fueron sacrificados en diestro por decapitación el día 70. El hipotálamo, el tejido adiposo intra-abdominal (TAA) y mamario (TAM) se tomaron para el análisis histológico, inmunohistoquímico y qPCR. El análisis estadístico se realizó mediante T Student. Las ratas HypoT presentaron un peso corporal significativamente menor que las EUT (P<0,001) aunque el porcentaje de TAA y TAM fue similar en ambos grupos. La ingesta y la TMB fueron menores en las HypoT (P <0,001), sin observarse diferencias en la actividad locomotora entre ambos grupos. En las ratas HypoT se observó un aumento en la expresión del ARNm de neuropéptido Y probablemente debido a los bajos niveles séricos de leptina, estradiol, tiroxina y hormona

de crecimiento determinados por RIA. A su vez, se detectó un aumento del ARNm de proopiomelanocortina en dichos animales mientras que el ARNm de mTOR fue similar en ambos grupos. En conclusión, el hipotiroidismo crónico tiene efectos significativos sobre el peso corporal. Sin embargo, se logra un BE equilibrado mediante un mecanismo compensatorio del sistema de melancortinas para equilibrar la disminución del GE con una menor ingesta de alimentos.

324 (596) LA OBESIDAD MATERNA CONDICIONA EL METABOLISMO DE LA CRIA FRENTE A LA INGESTA DE UNA DIETA ALTA EN GRASAS

María Victoria Bariani; Ana Paula Domínguez Rubio; Julieta Aisemberg; Ana María Franchi
Centro de Estudios Farmacológicos y Botánicos

La prevalencia de la obesidad materna está en aumento y se asocia con resultados perinatales adversos y a un mayor riesgo para la descendencia de contraer enfermedades prematuramente, entre ellas, diabetes y cardiopatías. El sistema endocannabinoide (SEC) está profundamente involucrado en la homeostasis energética, regula la ingesta de alimentos y el almacenamiento de los lípidos. La disregulación del balance energético por los endocannabinoides puede contribuir a la obesidad y a enfermedades asociadas a ésta. Hemos desarrollado un modelo de obesidad materna inducida por la ingesta de una dieta alta en grasas (DAG: alimento estándar +30%grasa) en ratones CD1 silvestres (WT) y deficientes del receptor de cannabinoides tipo1 (KO). Nuestro objetivo fue evaluar el peso y diversos marcadores de obesidad en crías provenientes de madres obesas y controles, frente a la ingesta de la misma DAG o estándar tanto en crías WT y KO. Observamos que el peso al nacer y durante la lactancia fue mayor en crías nacidas de madres obesas (p<0,05), sin importar el genotipo de las mismas. Asimismo, éstas presentaron mayores niveles séricos de colesterol (COL) en el día postnatal 1 (p<0,05), sin mostrar diferencias en los niveles de glucosa ni triglicéridos. Las crías fueron alimentadas hasta los 3 meses de edad con el alimento estándar o con DAG. En el primer caso, estas diferencias dejaron de observarse, sólo las crías KO presentaron mayor peso y mayores niveles de COL en sangre (p<0,05), independientemente de la dieta ingerida por la madre. En cambio, si las crías eran alimentadas con DAG, seguimos observando un mayor peso y mayores niveles de COL en sangre sólo en las crías nacidas de madres obesas (p<0,05). Además, encontramos que el peso del tejido adiposo abdominal también fue significativamente mayor (p<0,05). Estos resultados nos sugieren que el SEC participa en el desarrollo de la obesidad y que la obesidad materna condiciona el metabolismo de las crías a corto y largo plazo.

325 (606) EFECTO DEL ARSENITO DE SODIO EN EL AGUA DE BEBIDA SOBRE EL PESO Y EL METABOLISMO GLUCÍDICO EN RATAS ADULTAS EXPUESTAS DESDE LA CONCEPCIÓN: DIFERENCIAS SEXUALES.

María Marta Bonaventura¹³; Nadia Bourguignon¹; Marianne Bizzozzero¹; Carlos Libertun¹; Victoria Lux-Lantos¹² IBYME¹ Facultad de Medicina UBA² Escuela de Ciencia y Técnica - UNSAM³

La mayor fuente de exposición humana al arsénico inorgánico (iAs) es el agua potable. Aquí determinamos los efectos de la exposición a arsénico desde la concepción hasta la adultez en el metabolismo glucídico de ratas. Administramos arsenito de sodio en agua de bebida [destilada, 0 (C), 5 (A5) o 50 ppm (A50)] a ratas SD desde el día 1 de preñez hasta el destete de sus crías. Al destete, las crías continuaron con igual tratamiento que sus madres hasta las 8 semanas (sem) de edad, completando un esquema de exposición de 11 sem: vía útero, vía leche materna y luego en el agua de bebida. Se midió el contenido de iAs en hígado (AgDDTC, ISO 2590). Se evaluó el peso corporal (PC) el día de nacimiento y a las 4 y 8 sem de edad. A las 8 sem se evaluaron glucemias e insulinemias basales, Test de tolerancia a la glucosa (TTG, 2 g/kg peso, i.p.), Test de tolerancia a la insulina (TTI, 1 UI/kg peso, i.p.) e índice HOMA-IR. El contenido de iAs

en hígado en C fue menor a 0,5 mg/kg (límite de detección). Si bien en A5 fue detectable, no difirió de C, mientras que en A50 fue significativamente mayor que en C y A5. Ratitas A50 de ambos sexos tuvieron menor PC tanto al nacer como a las 4 y 8 sem. El área bajo la curva del TTG (AUC-TTG) fue significativamente mayor en hembras A50 que en C (AUC*10⁴: C: 2.15±0.06; A5: 2.26±0.11; A50: 2.46±0.07. ANOVA en dos sentidos: interacción, p<0.04; A50 vs C, p<0.04), sin diferencias en machos. El HOMA-IR también se encontró aumentado en las hembras A50 (C: 1.9±0.1; A5: 2.3±0.3; A50: 2.7±0.2. ANOVA en dos sentidos: interacción, p<0.01; A50 vs C, p<0.03), sin diferencias en machos. El AUC del TTI no mostró diferencias entre grupos, en ningún sexo. El iAs induce una disminución en el PC en ambos sexos. Sin embargo, sus efectos deletéreos sobre el metabolismo glucídico son sexualmente dimórficos, afectando solamente a las hembras. (Con el apoyo de CONICET, UBA, ANPCYT, Fundación René Barón y Johnson & Johnson, Argentina)

326 (614) EFECTO DEL AYUNO SOBRE DIFERENTES PARÁMETROS MITOCONDRIALES EN ANIMALES CONTROLES Y EN UN MODELO DE PORFIRIA AGUDA INTERMITENTE

Johanna Zuccoli¹; Silvina Ruspini¹; Jimena Lavandera²; María Del Carmen Martínez³; Alcira Batlle¹; Ana María Buzaleh¹³

CIPYP¹ Cátedra de Bromatología y Nutrición, Facultad de Bioquímica y Ciencias Biológicas, UNL, Santa Fe² Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, UBA³

La mitocondria juega un rol vital en el metabolismo energético. La biosíntesis del hemo consiste de 8 pasos; 4 ocurren en la mitocondria. Las Porfirias son enfermedades producidas por alteraciones en la vía del hemo. En la Porfiria Aguda Intermitente (PAI) está disminuida la Porfobilinógeno Deaminasa (PBG-D); se caracteriza por ataques agudos con síndrome neuroabdominal, siendo el ayuno uno de los desencadenantes. Previamente observamos que los agentes porfirinogénicos afectan múltiples metabolismos en encéfalo. El objetivo fue profundizar el estudio de las alteraciones mitocondriales y en particular de los complejos de la cadena respiratoria en ratones macho CF1 y en un modelo genético de PAI (T1, PBG-D disminuida) frente al ayuno (24 horas). El efecto se evaluó en mitocondria de encéfalo sobre las enzimas: 5-Aminolevulónico sintetasa (ALA-S), reguladora del hemo; la hemoproteína Óxido Nítrico Sintasa (mtNOS), y los complejos I-III (NADH-Citocromo C reductasa), II-III (Succinato-citocromo c reductasa), II (succinato deshidrogenasa) y IV (Citocromo C oxidasa) de la cadena respiratoria. La actividad de ALA-S aumentó 13 veces (p<0,01) en los ratones T1 sin variar en los CF1. La expresión de mtNOS se indujo 75% (p<0,05). La actividad de los complejos I-III, II-III y IV varió en ambos grupos. En los CF1, se indujeron las actividades del I-III y del IV (200-233%, p<0,01); la actividad del II-III disminuyó 52% (p<0,01). En los T1, el ayuno causó un efecto similar (aumento 70%, p<0,05) en el complejo I-III, en cambio la respuesta fue opuesta para los complejos II-III y el IV. El complejo II disminuyó 40% (p<0,05) en los T1, sin variar en los CF1. En conclusión, el ayuno afectó en mayor medida las actividades mitocondriales en el modelo de PAI; manifestando una mayor sensibilidad debida a la mutación. Los resultados refuerzan nuestra hipótesis que postula más de una causa para la patofisiología del desencadenamiento del ataque agudo.

METABOLISMO Y NUTRICIÓN 3

327 (25) MECANISMOS INVOLUCRADOS EN EL EFECTO DE LA SEMILLA DE SALVIA HISPÁNICA L. (RICA EN ÁCIDO α-LINOLÉNICO) DIETARIA SOBRE LA LIPOTOXICIDAD Y EL ALTERADO METABOLISMO DE LÍPIDOS EN EL MÚSCULO CARDÍACO DE RATAS DISLIPÉMICAS INSULINO RESISTENTES

Agustina Creus; María R. Ferreira; María E. Oliva; Natalia Alfaro; Yolanda Lombardo

Dpto Cs Biológicas. Lab de Enfermedades Metabólicas relacionadas con la Nutrición. FBCB UNL

Objetivo: Examinar posibles mecanismos involucrados en el alterado metabolismo lipídico presente en el corazón de ratas dislipémicas insulino resistentes (IR) y analizar si la semilla de *Salvia hispánica* L (chia) dietaria puede mejorar/revertir la lipotoxicidad del músculo cardíaco. Metodología: Ratitas Wistar recibieron una dieta rica en sacarosa (DRS) durante 3 meses. La mitad de los animales continuaron con DRS hasta los 6 meses y en la otra mitad la semilla de chia reemplazó al aceite de maíz desde los 3 a los 6 meses (DRS+chia). El grupo de referencia consumió una dieta control. En el músculo cardíaco se determinó los niveles de: triglicéridos, acilCoA, y DAG; actividades enzimáticas: M-CPT1 y PDHc y la masa proteica de M-CPT1, FAT/CD36, PPARα y UCP2. Resultados: 1) El corazón del grupo DRS presenta un incremento del contenido lipídico, acompañado de una profunda alteración en la utilización de sustratos energéticos (lípidos-glucosa) 2) La administración de semilla de chia revierte la lipotoxicidad y la disminuida oxidación de la glucosa. Normaliza la incrementada masa proteica del FAT/CD36 a nivel basal y su disminuida translocación a la membrana plasmática frente al estímulo de la insulina. Reduce significativamente (p<0.05) la elevada actividad M-CPT1 sin cambios en su masa proteica. PPARα disminuye levemente sin cambios en la UCP2. Además, Chia normalizó la presión sanguínea. La reversión de la dislipemia y la IR por la semilla de chia dietaria reduce la disponibilidad de ácidos grasos plasmáticos, sugiriendo que un "melieu" diferente al cual está expuesto el músculo cardíaco disminuye la incrementada translocación del FAT/CD36, decreciendo la actividad de M-CPT1 y la acumulación de lípidos mejorando la oxidación de la glucosa. Conclusión: Este trabajo aporta nuevos datos sobre posibles mecanismos involucrados en el efecto beneficioso de la semilla de chia dietaria sobre el metabolismo lipídico y la oxidación de la glucosa en el músculo cardíaco.

328 (77) CAMBIOS EN LA EXPRESIÓN DE INTERLEUQUINA 1BETA EN PACIENTES CON DIABETES TIPO 2 DESCOMPENSADA METABÓLICAMENTE Y LUEGO DEL TRATAMIENTO, Y SU ASOCIACIÓN CON SNPS Y CAMBIOS EPIGENÉTICOS

Andrea Elena Iglesias Molli¹; Alberto Penas Steinhardt²³; Andrea Milln¹; Fernanda Bergonzi¹; Mónica Spalvieri¹; Mara Amelia Linari⁴; Gloria Edith Cerrone⁵; Gustavo Daniel Frechtel¹

INIGEM, Laboratorio de Diabetes y Metabolismo, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA-CONICET.¹ IDEHU, División Endocrinología, Hospital de Clínicas "José de San Martín", UBA-CONICET.² Instituto Universitario en Ciencias de la Salud, Fundación "H.A.Barceló", Secretaría de CyT³ Sección de Endocrinología y Nutrición, UOM Vicente López⁴

Introducción: La diabetes de tipo 2 (DM2) se caracteriza por presentar un estado de inflamación crónica de bajo grado, que se asoció a una mayor expresión de interleuquina 1 beta (IL-1β). La expresión de esta citoquina se puede ver afectada por SNPs y por la metilación de islas CpG. Objetivos: Estudiar los niveles de expresión génica y proteica de IL-1β en pacientes con DM2 descompensada y luego de la intervención terapéutica; y correlacionarlo con la presencia de SNPs y la metilación de islas CpG en el promotor de dicho gen. Metodología: Se estudiaron 30 pacientes con DM2 descompensados metabólicamente (HbA1c>8%), y luego de 6 y 12 meses de tratamiento (HbA1c<7%). Se realizaron determinaciones bioquímico-clínicas; se determinó la expresión génica y proteica de IL-1β; se genotipificó el SNP -511C/T del gen de IL-1β; y se determinó el porcentaje de metilación en el promotor del gen de IL-1β. Los resultados se analizaron estadísticamente en SPSS 20.0 con un nivel de significación de 0,05. RESULTADOS Luego del tratamiento se evidenció un aumento en la expresión proteica de IL-1β (p=0.0482), sin cambios significativos en la expresión de ARNm. En el promotor del gen de IL-1β se encontraron 3 sitios CpG que disminuyeron

significativamente su porcentaje de metilación luego del tratamiento ($p < 0.001$). El porcentaje de metilación en estos sitios se correlacionó negativamente con el nivel de expresión proteica de IL-1 β ($p = 0.016$, $r = -0.519$; $p = 0.022$, $r = -0.498$; y $p = 0.048$, $r = -0.400$ para cada uno). El SNP -511 C/T del gen de IL-1 β presentó una frecuencia alélica del 48.33%; y la presencia del alelo polimórfico se asoció a mayores niveles de expresión de ARNm de IL-1 β ($p = 0.006$, $r = 0.515$) y a un menor porcentaje de metilación del promotor ($p = 0.022$, $r = -0.422$). **CONCLUSIONES** Con la intervención terapéutica en pacientes con DM2 se verificó un aumento en la expresión proteica de IL-1 β , que se asoció a un menor porcentaje de metilación del promotor del gen, y a la presencia de polimorfismos.

329 (91) EVALUACIÓN FUNCIONAL DE HDL EN EL SÍNDROME METABÓLICO: DISMINUCIÓN DE LA CAPACIDAD ANTIOXIDANTE DE HDL

Diego Lucero¹; Leonardo Cacciagiuli¹; Eduardo Fassio²; Alan T Remaley³; Laura Schreier¹

Lab Lípidos y Aterosclerosis. Depto Bioq Clínica. Fac. Farmacia y Bioquímica. INFIBIOC. UBA¹ Servicio de Gastroenterología. Hospital Nacional "Prof. Dr. A. Posadas". Buenos Aires.² Lipoprotein Metabolism Section. NHLBI. National Institutes of Health. Bethesda, MD, Estados Unidos.³

En un trabajo previo evidenciamos mayor capacidad de eflujo de colesterol por parte de HDL en síndrome metabólico (SMet), asociado a una acumulación de pre- β 1-HDL, reflejando una posible demora en la maduración de HDL. Sin embargo, en SMet no está claro si otras funciones de HDL, como la antioxidante, se encuentran afectadas. **Objetivo:** Estudiar la oxidabilidad de HDL y su capacidad antioxidante *in vitro* en insulino-resistencia (IR). Se estudiaron pacientes con SMet (ATPIII) ($n = 6$) y controles sanos ($n = 6$). En suero (12 h ayuno) determinamos perfil lipídico, glucosa, insulina y HOMA-IR. Además, se determinaron tamaño, n° de partículas y sub-fracciones de HDL por resonancia magnética nuclear (RMN). También, se aisló HDL por ultracentrifugación e *in vitro* se determinó la susceptibilidad de HDL (20 mg prot/dl) a la oxidación provocada con $CuCl_2$ (10 μ M) y la capacidad de HDL de inhibir la oxidación de LDL (10 mg prot/dl), midiendo TBARS en cada caso. **Resultados:** El grupo con SMet mostró las alteraciones características del síndrome, con mayor grado de IR ($p = 0.03$) y mayor cintura ($p = 0.01$), aumento de triglicéridos ($p = 0.03$) y disminución de c-HDL ($p = 0.05$). El análisis de HDL por RMN reveló menor n° de partículas de HDL en SMet ($p = 0.03$), sin diferencias en el perfil de sub-fracciones de HDL. La capacidad de HDL para inhibir la oxidación de LDL se vio disminuida en SMet (17,1 \pm 5,5 vs 45,5 \pm 26,1%; $p = 0.04$), incluso después de ajustar por c-HDL ($F = 4,97$; $p = 0,05$). La susceptibilidad de HDL a la oxidación *in vitro* no se vio modificada ($p = 0,64$), pero correlacionó positivamente con el tamaño de HDL ($r = 0,48$; $p = 0,04$) y con el n° de partículas de HDL grandes ($r = 0,68$; $p = 0,02$). **Conclusiones:** En la IR, mas allá de los niveles disminuidos de c-HDL, la capacidad antioxidante de HDL sería menor. Si bien en los casos evaluados la oxidabilidad de HDL no cambió, se infiere que las partículas de HDL grandes serían más fácilmente oxidables, por una mayor disponibilidad de sustrato para oxidación

330 (119) ÁCIDOS GRASOS EN SUERO Y CEREBRO DE RATA: IMPACTO DE DIETAS CON DIFERENTES FUENTES LIPÍDICAS

Paula Daniela Ferris; Inés Fernandez; María Del Carmen Sanahuja; María Cecilia Mambrin; Nora Slobodianik; María Susana Felio
Cátedra Nutrición. FFYB. UBA

Un adecuado perfil de ácidos grasos (AG) en la dieta es importante para el desarrollo del cerebro. El objetivo fue estudiar el efecto de dietas con diferentes fuentes de lípidos en alta concentración sobre el perfil de AG en suero y cerebro de ratas en período de crecimiento activo. Ratas Wistar al destete, fueron alimentadas 10 días con dieta de 40Kcal% de lípidos aportados por: manteca (M); aceite de oliva (O); acei-

te de girasol alto oleico (AO) y aceite de girasol (G). La dieta control (C) (F%15) contenía aceite de soja. Se determinó el perfil de AG por cromatografía gaseosa. **Resultados** (% área media \pm DE): Oleico SUERO M:20,79 \pm 4,54* \blacktriangle O:22,72 \pm 4,68* \blacktriangle AO:34,35 \pm 4,04* \blacktriangle G:11,19 \pm 1,93 C:10,60 \pm 2,01 CEREBRO M:10,84 \pm 0,68 O:11,47 \pm 1,50 AO:12,04 \pm 1,18 G:13,05 \pm 0,45 C:11,90 \pm 0,61 Linoleico SUERO M:8,91 \pm 1,79* \blacktriangledown O:11,83 \pm 2,76* \blacktriangledown AO:8,92 \pm 1,01* \blacktriangledown G:20,06 \pm 0,69 C:18,66 \pm 2,72 CEREBRO M:0,82 \pm 0,19* \blacktriangledown O:1,08 \pm 0,20* \blacktriangledown AO:0,75 \pm 0,22* \blacktriangledown G:1,77 \pm 0,46 C:1,87 \pm 0,55 Linolénico SUERO M:0,41 \pm 0,11* \blacktriangledown O:0,43 \pm 0,16* \blacktriangledown AO:0,26 \pm 0,11* \blacktriangledown G:0,30 \pm 0,10* \blacktriangledown C:0,92 \pm 0,34 CEREBRO M:0,16 \pm 0,07 O:0,26 \pm 0,10 AO:0,22 \pm 0,07 G:0,34 \pm 0,15* \blacktriangle C:0,20 \pm 0,08 Eicosapentaenoico SUERO M:0,96 \pm 0,42 O:0,67 \pm 0,3 AO:0,88 \pm 0,19 G:1,26 \pm 0,24 C:0,80 \pm 0,23 CEREBRO M:0,41 \pm 0,13 O:0,50 \pm 0,12 AO:0,48 \pm 0,16 G:0,83 \pm 0,11 C:0,55 \pm 0,15 Docosahexaenoico (DHA) SUERO M:1,22 \pm 0,30 O:0,74 \pm 0,20* \blacktriangledown AO:0,83 \pm 0,18* \blacktriangledown G:0,50 \pm 0,07* \blacktriangledown C:1,33 \pm 0,19 CEREBRO M:12,39 \pm 0,63 O:12,13 \pm 0,61 AO:13,15 \pm 1,05* \blacktriangle G:10,90 \pm 0,76 C:10,71 \pm 1,88 (* $p < 0.01$ con respecto a C). Los grupos M, O y AO presentan en suero disminución de ácido linoleico y linolénico con aumento de ácido oleico, sugiriendo la exacerbación de la ruta de la familia ω 9. En cerebro se observa una disminución de ácido linoleico en los grupos M, O y AO, no evidenciándose las disminuciones de DHA encontradas en suero en O, AO y G. A pesar del corto tiempo de administración de las dietas, el perfil de AG en los grupos estudiados difiere del control como consecuencia del contenido de AG de las diferentes fuentes. (UBACYT20020120200068)

338 (138) ESTRÉS OXIDATIVO Y DISFUNCIÓN MITOCONDRIAL EN HÍGADO Y CEREBRO DE RATA POR TOXICIDAD AGUDA DE COBRE

Juan Manuel Acosta^{1,2}; Rosario Musacco Sebio^{1,2}; Christian Saporito Magriñá^{1,2}; Lorelei Cornaló^{1,2}; Mara Victoria Tuttolomondo^{1,3}; Juan Manuel Galdopórpora^{1,3}; Martín Desimone^{1,3}; Alberto Boveris^{1,4}; Marisa Repetto^{1,2,4}
Univ. de Buenos Aires, Fac. de Farmacia y Bioquímica¹ Cátedra de Química General e Inorgánica² Cátedra de Química Analítica Instrumental³ IBIMOL (UBA-CONICET)⁴

La sobrecarga aguda de cobre (Cu) produce daño oxidativo a fosfolípidos y proteínas de hígado (H) y cerebro (Ce) de rata, mediado por especies reactivas del oxígeno y con incrementos de hasta 18 veces la concentración de Cu en H y 8 veces en Ce respecto del valor basal a las 16 h (H:7,3 \pm 0,5 μ g/g, Ce:3,6 \pm 0,8 μ g/g). El objetivo de este trabajo fue evaluar si el daño oxidativo en H y Ce se debe al daño mitocondrial. Se determinó, en mitocondrias de H y Ce de ratas macho Sprague Dawley (200 g), el consumo de O_2 (ΔO_2), la actividad de complejos I y III de la cadena respiratoria y oxidación de fosfolípidos y de proteínas, a distintos tiempos a partir de la sobrecarga de Cu (5 mg/kg, 2 a 24 h). En H, no se observó alteración de la función mitocondrial. En Ce, a las 6 h, el ΔO_2 disminuyó 44% ($p < 0,01$) en estado 3 respecto a C con sustratos del complejo I (C:50 \pm 2 nat-gO/min.mg), y 29% ($p < 0,05$) con sustratos del complejo II (C:35 \pm 1 nat-gO/min.mg). A partir de las 10 h ΔO_2 vuelve a los valores basales. Los complejos mitocondriales I-II y II-III disminuyeron su actividad 30% (C:146 \pm 4 nmol/min mg proteína) y 25% (C:37 \pm 2 nmol/min mg proteína) respectivamente a las 10 h ($p < 0,01$). La oxidación de fosfolípidos en H aumentó significativamente un 100% a partir de las 10 h (C:0,95 \pm 0,09 nmol/mg proteína, $p < 0,05$) y en Ce, 30% a las 16 h y 150% a las 24 h (C:0,85 \pm 0,02 nmol/mg proteína, $p < 0,01$). La oxidación de proteínas solamente aumentó en Ce un 60% a las 6 h, y más del 100% a las 16 y 24 h (C:3,10 \pm 0,05 nmol/mg proteína, $p < 0,05$). La concentración de Cu en mitocondrias de H alcanzó un máximo de 3 veces C (C:86 \pm 14 ng/mg proteína, $p < 0,01$) a las 16 h y en Ce, entre 4 y 8 veces a las 16 y 24 h (C:21 \pm 3 ng/mg proteína, $p < 0,01$). Estos resultados indican que el Cu ingresa a mitocondrias de H y Ce, generando daño oxidativo a biomoléculas. La disfunción mitocondrial en cerebro es reversible, indicando que existen mecanismos que las protegen de los efectos tóxicos del metal.

332 (350) PROGRESIÓN DE ESTEATOSIS HEPÁTICA NO ALCOHÓLICA ASOCIADA A INSULINO-RESISTENCIA: FIBROSIS HEPÁTICA Y CARACTERÍSTICAS DE VLDL

Diego Lucero¹; Gisela Gualano²; Graciela I López¹; Gustavo H López³; Valeria Zago¹; Eduardo Fassio²; Laura Schreier *Lab Lípidos y Aterosclerosis. Depto Bioq Clínica. Fac. Farmacia y Bioquímica. INFIBIOC. UBA*¹ *Servicio de Gastroenterología. Hospital Nacional "Prof. Dr. A. Posadas". Buenos Aires. Argentina*² *Cát de Bioanalítica II. Depto Biología, Bioquímica y Farmacia. Univ Nacional del Sur. B. Blanca*³

En trabajos previos demostramos que la presencia de esteatosis hepática no alcohólica (EHNA) en la insulino-resistencia (IR) se asocia con producción de VLDL grandes y sobre-enriquecidas en triglicéridos (TG) y de mayor aterogenicidad. Sin embargo, no se conoce que ocurre con VLDL cuando EHNA progresa a estadios más avanzados como la fibrosis. Objetivo: Evaluar las características de VLDL en distintos estadios de EHNA asociada a IR. Se estudió 36 sujetos con síndrome metabólico (ATPIII) y diagnóstico de EHNA por ultrasonografía/biopsia hepática. Según la histología, los pacientes se dividieron en grupo A: fibrosis severa (F3 y F4, n=9) y grupo B: fibrosis leve/moderada (F0-F2, n=27). En suero (12 h ayuno) se determinó: perfil lipídico, albúmina, hepatograma, glucosa, insulina y HOMA-IR, y se midió colágeno 7S tipo IV, potencial biomarcador de fibrosis. Se aisló VLDL ($d < 1.006 \text{g/L}$) y se determinó composición química y subfracciones (HPLC exclusión molecular). Además se determinó tiempo de protrombina. Resultados: Grupo A mostró aumento de transaminasas ($p < 0,01$), mayor grado de IR y cintura ($p < 0,04$) y disminución de TG y apoA-I plasmáticos ($p < 0,04$), sin diferencias en albúmina sérica ni en tiempo de protrombina ($p = 0,54$ y $p = 0,29$, respectivamente). El colágeno 7S tipo IV estuvo aumentado en el grupo A ($4,7 \pm 1,4$ vs $3,0 \pm 1,2 \text{ng/ml}$, $p = 0,01$) y correlacionó positivamente con $\text{AST}/r = 0,60$ y $\text{ALT}/r = 0,71$ ($p = 0,01$). Llamativamente el grupo A mostró menor masa de VLDL ($p = 0,01$), menor contenido de TG-VLDL ($55,7 \pm 5,2$ vs $50,1 \pm 5,7\%$, $p = 0,014$) y menor %VLDL grandes ($52,1 \pm 13,2$ vs $32,6 \pm 15,6\%$, $p = 0,008$), esta última se asoció inversamente con colágeno 7S tipo IV ($r = -0,57$; $p < 0,01$). Conclusiones: El progreso a estadios más avanzados de fibrosis en la EHNA, se asoció con una aparente "normalización" de la VLDL secretada, a pesar del mayor grado de IR, posiblemente como consecuencia temprana del compromiso hepático.

333 (518) NUEVOS AVANCES EN LA PARTICIPACIÓN DE FKBP51 EN EL PROCESO DE LIPÓLISIS

Judith Toneatto; Antonella Lombardi; Graciela Piwien-Pilipuk
IBYME

La obesidad es una pandemia que crece implacablemente año a año. Por lo tanto conocer las moléculas que modulan la adipogénesis y regulan las funciones del adipocito, es relevante para el desarrollo de nuevas estrategias terapéuticas. La inmunofilina (INM) de alto peso molecular, FKBP51 se halla altamente expresada en adipocitos 3T3-L1 y debido a que se desconoce su función iniciamos su estudio en adipocitos, analizando su posible participación en el control del proceso de lipólisis. En dicho proceso están involucradas numerosas proteínas, tales como la lipasa sensible a hormona (LSH) y la Perilipina, proteína que recubre la superficie de las vesículas lipídicas controlando los procesos de almacenamiento y liberación de triglicéridos. El objetivo de nuestro estudio fue determinar si FKBP51 interactúa con proteínas involucradas en el proceso de lipólisis y dilucidar la importancia funcional de dichas interacciones. Demostramos que cuando la lipólisis es inducida en adipocitos 3T3-L1, FKBP51 colocaliza con LSH fosforilada (P-LSH), es decir su forma activa, observándose un máximo de colocalización a los 5 min de iniciado el estímulo, tiempo necesario para el desplazamiento de LSH a las vesículas lipídicas. Mediante ensayos de inmunoprecipitación encontramos que FKBP51 interactúa tanto con P-LSH como con Perilipina A. Sin embargo la presencia de FK506 (inhibidor de la actividad enzimática peptidil-prolil-isomerasa de la INM) afecta negativamente la interacción de FKBP51 con P-LSH, lo que se acompaña con el

aumento de la forma activa de LSH, concomitantemente con el aumento de lipólisis, posiblemente debido en parte a la disrupción de la interacción entre ambas proteínas causada por FK506. Resultados preliminares sugieren que las células HEK 293, capaces de acumular lípidos en su citoplasma, responden de igual manera que los adipocitos 3T3-L1 ante un mismo estímulo lipolítico. Esto permitirá evaluar el efecto de la inhibición y/o sobre-expresión de FKBP51 en el proceso de lipólisis, resultados que serán presentados y discutidos en la presentación del presente trabajo. En síntesis, en los adipocitos 3T3-L1, FKBP51 interactúa con Perilipina A y LSH, interacción que regulará el proceso de lipólisis.

GENÉTICA 2**334 (87) ALGORITMO MOLECULAR DIAGNÓSTICO PARA ESTUDIOS PRENATALES DE DISTROFIA MUSCULAR DE DUCHENNE/BECKER**

Leonela Luze; Irene Szijan; Florencia Giliberto
Cátedra de Genética y Biología Molecular, FFyB, UBA

Las Distrofias musculares de Duchenne/Becker (DMD/DMB) son enfermedades recesivas ligadas al cromosoma X, originadas por mutaciones en el gen de la Distrofina. DMD es una de las patologías genéticas más frecuentes, afectando a 1 en 3.500 niños. La DMB es menos frecuente, afecta 1 en 18.000. Debido al patrón de herencia, los varones padecen la enfermedad mientras que las mujeres son portadoras asintomáticas. Los casos se clasifican en Familiares (más de 1 afectado, 2/3) o en Esporádicos (sólo 1 afectado, 1/3). Hasta el momento, no existe cura o tratamiento efectivo para detener el desarrollo de estas enfermedades, por ello resulta de suma importancia informar a miembros de familias afectadas respecto del riesgo que poseen de transmitir o padecer la enfermedad. Puesto que no existe una técnica "Gold standard" para DMD/DMB, se plantea un algoritmo diagnóstico para cada caso particular considerando: caso esporádico o familiar, disponibilidad de muestra del afectado o de un varón sano, alteración molecular identificada o no y tipo de mutación hallada. El objetivo del presente trabajo es ilustrar el algoritmo empleado en estudios prenatales utilizando 5 familias como modelo. Se analizaron 2 casos familiares y 3 casos esporádicos. Para ello, se implementaron técnicas de PCR, MLPA, secuenciación y Segregación de STRs intragénicos. Se estableció que las vellosidades coriónicas no estaban contaminadas con sangre materna y se descartó a todas de padecer la enfermedad. Finalmente, la información que resulta de estos estudios prenatales permite brindar un adecuado asesoramiento genético a las familias afectadas, brindando información necesaria para estudios preimplantatorios y prevenir el nacimiento de nuevos afectados. Además, contribuye en la comprensión de las bases genéticas/moleculares de estas patologías, siendo información imprescindible para los grupos de trabajo dedicados al desarrollo de un tratamiento o cura.

335 (183) EL ESTRÉS OXIDATIVO INDUCE LA EXPRESIÓN DE ARN NO CODIFICANTE DE ORIGEN TELOMÉRICO

Natalia Maricel Galigniana¹; Ana María Cabanillas²; Graciela Piwien-Pilipuk¹
*IBYME*¹ *CIBIC*²

Los telómeros fueron considerados por mucho tiempo como regiones del genoma transcripcionalmente silentes debido a la presencia de múltiples marcadores epigenéticos de heterocromatina. No obstante, en la última década se han identificado ARNs no codificantes transcritos a partir de los telómeros, conocidos como TERRA (*telomeric repeat-containing RNA*), que se propone controlan la estabilidad estructural de los telómeros y su elongación. Se ha reportado que la inflamación crónica *in vivo* induce disfunción telomérica por sobreproducción de especies reactivas del oxígeno vía COX-2, lo cual es revertido por tratamiento antiinflamatorio o antioxidante. Consecuentemente, hipotetizamos que los TERRA son modulados por estrés oxidativo. Para abordar el estudio, realizamos curvas de tiempo incubando a las células renales embrionarias humanas HEK-293T en presencia de los agentes oxidantes H_2O_2 , arsenito de sodio ó butionina sulfoximina,

y evaluamos la expresión de TERRAs mediante PCR empleando primers específicos y revelando los productos de amplificación en gel de agarosa. Observamos que los TERRA se modulan en forma oscilante dentro de las 2 h de iniciado es estrés oxidativo y que dicho perfil de inducción varía según el agente oxidante utilizado, sin embargo se observó en los tres casos una clara inducción de los niveles de TERRA a las 4 h de tratamiento. El uso del antioxidante N-acetil-L-cisteína previene el aumento de TERRA. También encontramos que la inducción de los TERRA se revierte entre 1-2 h luego de haber cesado el tratamiento con H₂O₂, y al cabo de 24 h ya se encuentran por debajo de los niveles basales. Estos resultados sugieren una expresión dinámica de los TERRA, los que posiblemente ejercerían un rol protector, ya que al desaparecer el agente estresor disminuye rápidamente su expresión.

336 (511) AUTOMATIZACIÓN DEL ANÁLISIS DE DATOS GENÓMICOS EN LA CLÍNICA

Gerónimo Dubra²; Sergio I. Nemirovsky³; Jonathan J. Zaiat²; Marta Cordoba⁵; Martín Vazquez⁴; German F. Burguener¹; Ezequiel J. Sosa¹; I Marcelo A. Mart³; Marcelo A. Kauffman⁵; Adrian Turjanski⁶
FAC.DE CS.EXACTAS¹ Plataforma de Bioinformática Argentina, Instituto de Cálculo, FCEN, UBA² IQUIBICEN/CONICET³ INDEAR/CONICET⁴ Consultorio y Laboratorio de Neurogenética. IBCN Eduardo de Robertis UBA-CONICET⁵ INQUIMAE/CONICET⁶

Las técnicas de secuenciación de alto rendimiento se han convertido en una herramienta ampliamente utilizada en la clínica para el diagnóstico de enfermedades mediante la identificación de variantes genéticas. Sin embargo, el análisis de la información que arrojan es un obstáculo que requiere del manejo de herramientas bioinformáticas complejas. Con el objeto de facilitar el acceso de los profesionales de la salud a los datos genómicos de sus pacientes se desarrolló un "pipeline" automatizado que incorpora las herramientas recomendadas por el Broad Institute (Harvard/MIT) para la obtención de variantes, utiliza SnpEFF/SnpSIFT para anotarlas y las clasifica de acuerdo a su relevancia clínica mediante un "script" generado por nuestro grupo. Con este método se procesaron los datos de secuenciación de diferentes exomas y genomas humanos. En particular se realizó con éxito el análisis de los tres primeros genomas humanos secuenciados en el país, pertenecientes a tres hermanos que presentaban un cuadro clínico correspondiente con un trastorno autista con síntomas de epilepsia y discapacidad intelectual. A partir del análisis de variantes, pudimos identificar una delección de novo en la línea germinal en el gen SHANK3, de relevancia en el desorden del espectro autista, posteriormente confirmada por el método de Sanger. De esta forma se comprobó la utilidad de implementar un "pipeline" para la automatización del análisis genómico para el diagnóstico molecular en la clínica.

337 (516) ESTUDIO DE LA EXPRESIÓN DE RHBDD2Y EL EFECTO FENOTÍPICO DE SU SILENCIAMIENTO EN EL CÁNCER DE MAMA

Romina Canzoneri; Ezequiel Lacunza; Martín Carlos Abba
CINIBA Centro de Investigaciones Inmunológicas Básicas y Aplicadas Fac de Cs Médicas UNLP

El gen RHBDD2 se encuentra involucrado en la patogenia de neoplasias malignas como el cáncer de mama y de colon. Estudios previos demostraron que su sobreexpresión se asocia a estadios neoplásicos malignos avanzados y a un mal pronóstico de la enfermedad. El objetivo de este estudio fue el de caracterizar la expresión de las variantes de empalme alternativo de RHBDD2, determinar la localización subcelular de RHBDD2 y analizar el efecto fenotípico de su silenciamiento postranscripcional sobre la proliferación, migración celular y la expresión de moléculas de adhesión a la matriz extracelular. Se diseñaron cebadores para la amplificación de ambas variantes de empalme de ARNm de RHBDD2, flanqueando al exón 2, incluido en la variante 1 pero no en la variante 2. Se estudió su expresión en líneas celulares de cáncer de mama y muestras de tejidos normales y de carci-

nomas mamaros. Se pudo demostrar que RHBDD2 codifica una proteína transmembrana localizada en el Aparato de Golgi, en las líneas celulares. Por otro lado, se estudió el efecto del silenciamiento de RHBDD2 en la línea MCF7 mediante el ensayo de cierre de la herida, observándose una disminución significativa ($p < 0,05$) de la proliferación y la migración celular en correlación con la disminución en los niveles de RHBDD2. Respecto de la expresión de moléculas de adhesión a la matriz extracelular, no se identificaron cambios significativos en función del nivel de expresión de RHBDD2 ($p > 0,05$). En cuanto a las variantes de empalme, ambas se expresan en las líneas celulares, los tejidos normales y neoplásicos estudiados. Particularmente, la variante 2 aumenta significativamente tanto su frecuencia como su nivel relativo de expresión ($p < 0,05$, en ambos casos) en los carcinomas respecto de los tejidos mamaros normales. Los resultados obtenidos brindan más conocimientos sobre RHBDD2 y abren la puerta a nuevos estudios para determinar la relevancia del mismo en el desarrollo del cáncer de mama.

338 (575) ANÁLISIS DE DESBALANCES GENÓMICOS EN PACIENTES CON CARDIOPATÍAS CONGÉNITAS CONOTRONCALES

Marisol Delea¹; Celeste Martinoli²; Claudia Picon³; María Eugenia Ponce Zalda⁴; Norma Tolaba⁵; Noemí Buzzalino¹; Liliana Dain¹
Centro Nacional de Genética Médica – ANLIS, CABA¹ Hospital Sor. María Ludovica provincia de Buenos Aires, La Plata² Hospital Pediátrico A. Castelan, Chaco³ Hospital Castro Rendón, Neuquén, Neuquén⁴ Hospital Arturo Oñativía, Salta, Salta⁵

Las cardiopatías congénitas (CC) resultan del desarrollo anómalo del corazón en el período embrio-fetal. Su etiología es heterogénea, pero los factores genéticos serían importantes tanto en casos esporádicos como hereditarios. El objetivo de este trabajo fue analizar afectados con CC conotroncales (CCC) de diferentes centros de referencia de nuestro país para caracterizar las posibles causas genéticas asociadas. Se analizaron 81 pacientes con CCC (60 aisladas y 21 con otra anomalía mayor asociada) de 4 hospitales: Resistencia (Chaco), La Plata (Pcia. de Bs. As.), Neuquén (Capital) y Salta (Capital). Se realizaron estudios de cariotipo por bandeado G, FISH para evaluar la delección 22q11 y MLPA (SALSA P250-B2 y SALSA P424-B2) a fin de detectar desbalances genómicos. Para 2 de los pacientes se analizaron muestras de los padres. No se observaron anomalías cromosómicas en los casos analizados. La delección 22q11 se halló en 17 afectados (21%), de los cuales, 9 presentaban sólo la cardiopatía. La misma se asoció significativamente con la interrupción del arco aórtico (5/11; $p = 0,04$) y con la presencia de otra anomalía mayor asociada (8/12; $p = 0,01$). Ninguno de los pacientes con transposición de grandes vasos ($n = 19$) presentó la delección. Su distribución fue similar en CCC simples o complejas (con otra CC). En 14 pacientes (17%) se observó otra anomalía genómica, entre las cuales los desbalances en 17p fueron los más frecuentes (5/14). Una de las niñas afectadas y su padre presentaron la misma duplicación en 17p. Otra de las pacientes poseía, además de la delección 22q11, una delección en la región de TOP3B que también estaba presente en su madre. Nuestros resultados sugieren la necesidad de realizar el análisis de desbalances genómicos en pacientes con CCC ya sean aisladas o asociadas a otra anomalía mayor.

339 (646) ENFOQUE BIOINFORMÁTICO PARA PREDECIR EL POSIBLE EFECTO DELETÉREO DE VARIANTES DE SECUENCIA EN PACIENTES CON DEFICIENCIA EN 21 HIDROXILASA

Carlos David Bruque^{1,2}; Cecilia Soledad Fernández¹; Marisol Delea¹; Juan Victoriano Orza¹; Alejandro Daniel Nadra³; Liliana Dain^{1,2}
Centro Nacional de Genética Médica - ANLIS-MALBRAN¹ Instituto de Biología y Medicina Experimental, CONICET² Departamento de Química Biológica, IQUIBICEN-CONICET, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Univ³

Entre el 90-95% de las Hiperplasias Suprarrenales Congénitas se deben al déficit de la enzima 21-hidroxilasa (21-OH). La 21-OH es un citocromo P450 y posee 2 sustratos: la 17-hidroxiprogesterona (17-OHP) y la progesterona (P). Recientemente, se reportó el cristal de la 21-OH humana (OID:4Y8W) asociado a P. En trabajos previos de nuestro laboratorio, se realizó el modelado molecular de la 21-OH humana a partir del cristal de la bovina asociado a 17-OHP (OID:3QZ1). El objetivo de este trabajo fue la generación de un modelo predictivo del posible efecto deletéreo de variantes de secuencia en el gen que codifica a la 21-OH a partir del modelo molecular de la 21-OH humana previamente realizado y del cristal de la 21-OH humana. Con el modelo obtenido a partir de la proteína bovina y del cristal de la proteína humana, se generaron 84 mutantes reportadas en la bibliografía para las cuales se conoce su actividad residual (AR) *in vitro*. Inicialmente se establecieron aquellas variantes deletéreas que se encontraban en sitios de unión al hemo, ligandos o cofactores. Para las mutantes restantes, se determinó la variación de la energía libre asociada a cada variante respecto de la secuencia salvaje mediante el programa Foldx 3.0. Los valores obtenidos se correlacionaron con las AR de los ensayos *in vitro* mediante una regresión lineal por el método de cuadrados mínimos y se realizó un test de permutaciones para determinar la significancia estadística de la pendiente de ambas rectas. Los resultados obtenidos demostraron un $R^2=0.80$ y 0.69 para el modelo a partir del OID:3QZ1 y OID:4Y8W, respectivamente, con una significancia estadística de la pendiente para ambas rectas ($p<0.01$). Estos resultados indicarían que la utilización de la estructura molecular de la proteína puede ser una herramienta útil para evaluar los efectos deletéreos de las mutaciones y predecir *in silico* la actividad enzimática residual.

ONCOLOGÍA 5

340 (19) BACILLUS CALMETTE-GUERIN (BCG) DISMINUYE LA EXPRESIÓN DEL RECEPTOR 3 PARA EL FACTOR DE CRECIMIENTO DEL FIBROBLASTOS (FGFR3) EN CÁNCER DE VEJIGA

Yanina Langle¹; Denise Belgorosky¹; Barbara Prack McCormick¹; Natalia Balarino¹; Eduardo Sandes¹; Ana Sahores²; Adrian Gongora²; Alberto Baldi²; Claudia Lanari²; Caroline Lamb²; Ana María Eijan¹
Inst. de Oncología Angel H. Roffo¹ IBYME²

Bacilo de Calmette-Guerin (BCG) es el tratamiento estándar para el cáncer de vejiga (CaV) no invasor de alto grado. Demostramos que BCG induce *in vitro* e *in vivo* la muerte de células de CaV murinas MB49, generando una remodelación tisular que involucra al factor de crecimiento de fibroblastos básico (FGF-2). Objetivo: estudiar el efecto que tiene BCG sobre la expresión del FGF-2 y sus receptores (FGFRs) en el CaV. Resultados: *In vitro*, FGF-2 aumenta la proliferación de las MB49, pero no revierte la inhibición del crecimiento inducida por BCG (recuento celular). BCG (2mg/ml) aumenta la expresión de FGF-2 y disminuye la del FGFR3 (western blot) tanto en la línea murina MB49 como en la humana T24. *In vivo*, los tumores MB49 sobre-expresan al FGFR3 respecto al urotelio normal (inmunohistoquímica). El tratamiento con BCG disminuye su expresión correlacionando con la inhibición del crecimiento tumoral en respuesta a la terapia. Diseñamos un ensayo *ex vivo* donde los tumores ortotópicos MB49 se disgregaron y sus células se separaron en dos subcultivos, uno que sirvió de control de expresión del FGFR3 y el otro que se trató con BCG. Observamos una reducción en la expresión del FGFR3 luego del tratamiento con BCG. Utilizando esta misma metodología, realizamos un ensayo piloto utilizando muestras de tumores de vejiga de pacientes (n=11). Determinamos que existe un subgrupo de pacientes (41%) en los cuales el tratamiento *ex vivo* con BCG disminuye el FGFR3 (PCR cuantitativa y western blot). Conclusión: Basados en el modelo de CaV murino podemos sugerir que la down-regulación del FGFR3 es marcador predictivo de respuesta a la terapia con BCG. Esta reducción no sólo ocurre en ratones, sino también en una línea de CaV humana y en un subgrupo de muestras tumorales de pacientes. Mayor número

de muestras y el seguimiento de los pacientes serán necesarios para establecer el valor predictivo del FGFR3 como marcador de respuesta al tratamiento con BCG.

341 (248) TRATAMIENTO CON ANTIPROGESTÁGENOS Y DESARROLLO DE METÁSTASIS EN MODELOS PRECLÍNICOS DE CÁNCER DE MAMA CON EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE ISOFORMAS DE RECEPTORES DE PROGESTERONA (RP)

Michelle Marilyn Alvarez¹; Sebastián Giulianelli²; Marina Riggio¹; Gonzalo Sequeira¹; María May¹; Virginia Novaro¹; Ana Sahores¹; Caroline Lamb¹; Claudia Lanari¹
IBYME¹ CENPAT²

Hemos demostrado que los antiprogéstágenos (AP) sólo inhiben el crecimiento de carcinomas mamaros murinos que muestran mayor expresión de la isoforma A del RP (RPA) que de RPB. El objetivo de este trabajo fue estudiar el efecto del progéstágeno acetato de medroxiprogesterona (MPA) y de dos AP en modelos metastásicos con expresión diferencial de isoformas del RP. Se utilizó la línea celular humana MDA-MB-231 transfectada con RPB, el carcinoma mamario murino C7-2-HI (RPA>RPB), y su variante resistente a AP C7-HI (RPA<RPB). Se inocularon ortotópicamente en ratones NSG ó BALB/c, y al alcanzar los tumores 25 mm² se implantaron sc pellets controles, de Mifepristona (MFP; 6 mg), Telapristona (TLP; 6 mg) ó MPA (20 mg). Los ratones con tumores MDA-MB-231-RPB mostraron menos focos metastásicos pulmonares que los transfectados con el vector vacío ($p<0,001$). MFP incrementó el número de focos ($p<0,001$) y el MPA los inhibió ($p<0,05$) sólo en los tumores MDA-MB-231-RPB. En concordancia, se observó por inmunohistoquímica una disminución de la expresión del gen supresor de metástasis Nm23-H1 al tratarlos con MFP y un aumento en los tratados con MPA. La expresión del gen prometastásico MMP-2 evaluado por qPCR mostró el patrón inverso. Por otro lado, MFP y TLP inhibieron el crecimiento y metástasis de C7-2-HI (MFP con mayor eficacia que TLP; $p<0,05$) y MPA no modificó el crecimiento tumoral pero aumentó las metástasis ($p<0,05$). En los C7-HI, MFP aumentó el número de focos metastásicos ($p<0,05$). Demostramos que los AP impiden el desarrollo de metástasis de tumores con mayores niveles de RPA que RPB, mientras que podrían ser promotores de metástasis en tumores con el perfil de expresión inverso, poniendo de manifiesto la importancia de la determinación del patrón de isoformas de RP en tumores de pacientes con cáncer de mama previo al tratamiento con terapias endócrinas anti-RP. MFP tendría mayor efecto terapéutico que TLP en tumores con niveles de RPA mayor que RPB.

6 (258) QUIMIOTERAPIA METRONÓMICA APLICADA A UN ADENOCARCINOMA DE MAMA MURINO (M-406) UTILIZANDO DROGAS EN REPOSICIONAMIENTO

María Virginia Baglioni^{1,4}; María José Rico^{1,2,4}; Viviana Rosa Rozados¹; Mauricio Menacho-Márquez^{1,2}; O. Graciela Scharovsky^{1,3}
Instituto de Genética Experimental, Fac. Ciencias Médicas, UNR¹ CONICET² CIC-UNR, Rosario³ Contribuyeron igualmente⁴

El reposicionamiento de drogas en oncología consiste en la utilización de fármacos formulados para otras indicaciones que mostraron potencial antitumoral. Metformina (M) se utiliza para disminuir la glucosa en sangre y Propranolol (P) para enfermedades cardiovasculares. La quimioterapia metronómica (QTM) es un tratamiento crónico con drogas en dosis bajas, a intervalos regulares, sin períodos largos de descanso. Evaluamos el efecto de M y P, individual y combinado, en dosis bajas sobre el crecimiento y desarrollo de metástasis (Mt) del tumor M-406. Se cultivaron células M-406 en condiciones estándares y se determinó su viabilidad (WST-1) en presencia de M (1 a 7,5mM), P (10 a 50µM), o M+P (3,25mM M + 25µM P) y el grado de apoptosis (citometría de flujo con Anexina V e Ioduro de Propidio). La viabilidad disminuyó de modo dosis dependiente (M: $P<0,01$ para 8mM; P: $P<0,01$ en todas las dosis; M+P<0,001) y la apoptosis aumentó (P y M+P,

$P < 0,05$). Se desafiaron ratones hembra adultos CBI, con M-406 s.c. (día 0); al día 3 se distribuyeron en 4 grupos ($n=6$ /grupo) con distintos tratamientos en el agua de bebida: 1) Control, sin tratamiento; 2) M (2 g/l); 3) P (25 mg/l); 4) M+P tratados como 2+3. Los animales se pesaron y los tumores se midieron 2 veces/semana. El tamaño tumoral disminuyó desde el día 17 en todos los grupos y aumentó el tiempo de duplicación (M: $P < 0,01$; P: $P < 0,05$; M+P: $P < 0,01$) y la supervivencia (M+P: $P < 0,001$). Al sacrificio, el n° de Mt pulmonares espontáneas/ratón fue menor en el grupo M+P ($P < 0,05$). Para estudiar las Mt experimentales, los animales se separaron en los 4 grupos mencionados y al día 3 se inyectaron 2×10^5 células, vía i.v. El n° de Mt pulmonares a las 2 semanas fue menor en el grupo M+P ($P < 0,01$). En conclusión, estas drogas en reposicionamiento constituyen una alternativa interesante para el tratamiento del cáncer de mama triple negativo, ya que presentaron efecto antitumoral y antimetastásico, siendo más efectivo el esquema combinado.

343 (403) TERAPIA POR CAPTURA NEUTRÓNICA EN BORO (BNCT) PARA EL TRATAMIENTO DE TUMORES DIFUSOS EN EL PULMÓN EN UN MODELO EXPERIMENTAL DE METÁSTASIS PULMONARES DE CARCINOMA DE COLON

Verónica Andrea Trivillin¹²; Ayelen Serrano³; Lucas L Colombo²⁴⁵; Marcela A Garabalino¹; Emiliano Cc Pozzi¹; Andrea Monti Hughes¹; Paula Curotto¹; Silvia Thorp¹; Rubén O Farías¹; Sara J Gonzalez¹²; Silva Bortolussi⁶; Saverio Altieri⁶; María E Itoiz¹⁷; Romina F Aromando⁷; David W Nigg⁸; Amanda E Schwint¹²
CNEA¹ CONICET² UNIV. Favaloro³ Instituto de Oncología Angel H Roffo⁴ Univ. Abierta Interamericana, Argentina⁵ Dpto Física Nucl. E Teórica e Infm, Italia⁶ Fac. Odontología, Uba⁷ IDAHO National Laboratory, USA⁸

BNCT combina la acumulación selectiva de compuestos borados en el tejido tumoral con irradiación con neutrones. Se ha propuesto BNCT para el tratamiento de tumores difusos en pulmón, no resecables. El objetivo del presente estudio fue evaluar la eficacia terapéutica de BNCT en un modelo experimental de metástasis pulmonares empleando diferentes parámetros como indicadores de control tumoral, y estudios de sobrevida. Empleando el modelo de metástasis pulmonares de carcinoma de colon en ratas BDIX, se estudió el efecto de BNCT 2 semanas después del tratamiento. Se evaluaron dos niveles de dosis, dosis mínima absorbida en tumor 4 Gy y 8 Gy. Para cada dosis se estudiaron 5 grupos experimentales: T0 (sacrificados pretratamiento), boronofenilalanina-BNCT (BPA-BNCT), BPA + Decahidrocaborato-BNCT ((BPA + GB-10)-BNCT), Solo Haz y Sham. Se evaluó la respuesta tumoral en términos de 1)% de masa pulmonar / masa corporal (% $mets_{mass}$) 2)% de la superficie de lóbulos pulmonares ocupados por metástasis a nivel macroscópico (% $mets_{macro}$) y 3)% de área ocupada por metástasis en secciones histológicas de pulmón (% $mets_{hist}$). No se observaron cambios clínicos, macroscópicos o histológicos ostensibles en pulmón en ninguno de los grupos. Los parámetros % $mets_{mass}$ y % $mets_{hist}$ exhibieron control tumoral inducido por BNCT estadísticamente significativo (ANOVA) vs Sham ($p < 0,05$) en los dos niveles de dosis. El % $mets_{macro}$ mostró la misma tendencia, pero no alcanzó significación estadística. Los estudios de sobrevida (sacrificio a $< 70\%$ saturación de oxígeno en sangre) mostraron una duplicación del tiempo de sobrevida sin muertes en el grupo para BNCT (6-7 semanas) vs. Sham (3 semanas). Todos los parámetros y condiciones experimentales del presente trabajo contribuyeron a la evaluación integral del efecto y revelaron consistentemente, con diferente grado de sensibilidad, el control parcial de las metástasis pulmonares por BNCT sin toxicidad pulmonar ostensible.

344 (411) ESTUDIO DEL ROL DE IL-10 E IFN- γ EN UN MODELO MURINO DE INMUNOEDICIÓN TUMORAL

Ángela Paula Oviedo¹⁴; Antonela Del Giudice¹⁴; Lucas Pagura¹; Mauricio Menacho-Márquez¹²; O. Graciela Scharovsky¹³; Viviana R Rozados¹; María José Rico¹²

Instituto de Genética Experimental, Fac. Ciencias Médicas, UNR¹ CONICET² CIC-UNR, Rosario³ Contribuyeron igualmente⁴

El adenocarcinoma de mama M-406 surgió espontáneamente en la línea de ratones CBI, de la que deriva por selección artificial CBI/L. Cuando CBI/L es desafiada con M-406 s.c. el tumor presenta las tres fases de la inmunomodulación tumoral: eliminación (EL), equilibrio (EQ) y escape (ES). Nuestro objetivo fue estudiar: a) los niveles de IL-10 e IFN- γ séricos y en medios condicionados de células mononucleares (MC): basales (BA), en EL, EQ y ES; b) la proliferación de células M-406 en los distintos MC y c) la expresión de receptores de IL-10 (IL-10R) y de IFN- γ (IFN- γ R) en células M-406 en EQ y ES. Animales CBI/L se desafiaron con M-406 s.c. y se obtuvieron muestras de sangre y tumor. Las concentraciones en suero, determinadas por ELISA de: [IL-10] en CBI/L (EL) fue mayor que en CBI/L (EQ) ($P < 0,05$) y la de [IFN- γ] en CBI/L (ES) fue mayor que CBI/L (EL, EQ y BA) ($P < 0,001$). En los MC: [IL-10] en CBI/L (ES) fue mayor que CBI/L (EQ) ($P < 0,05$), sin observarse diferencias en la [IFN- γ]; el cociente IFN- γ /IL-10 fue mayor en EQ que en EL ($P < 0,05$). La proliferación de M-406, evaluada con WST-1, se correlacionó negativamente con las distintas [IL-10] de los MC ($P < 0,01$; $R = -0,7$) y no presentó correlación con [IFN- γ]. Se vio una mayor expresión de IL-10R e IFN- γ R, cuantificados por CELISA, en M-406 en ES, comparada con la del tumor en EQ (t de Student, $P < 0,05$). Los resultados obtenidos sugieren que: 1) La [IL-10] sérica aumentada y la de [IFN- γ] disminuida en CBI/L (EL) sugieren su papel anti y pro-tumoral, respectivamente. 2) La correlación negativa observada entre [IL-10] y la proliferación de células de M-406, sugiere que IL-10 estaría involucrada en la inhibición del crecimiento tumoral; 3) El cociente [IFN- γ]/[IL-10] mayor en los MC en EQ comparado con ES sugiere que la prevalencia del perfil Th1 permite mantener el tumor en EQ, 4) Experimentos en curso determinarán el significado biológico del aumento de IL-10R e IFN- γ R en el modelo de inmunomodulación tumoral.

345 (552) EL BLOQUEO DE LA VÍA HIF-1/AUTOFAGIA AUMENTA LA EFICIENCIA DE LA TERAPIA FOTODINÁMICA EN CÉLULAS DE CÁNCER DE COLON HUMANO: ESTUDIO 2D, 3D E IN VIVO

Matías Exequiel Rodríguez¹; Cintia Catrinacio²; Yanina S. Morán¹; María I. Colombo³; María I. Vaccaro²; Viviana A. Rivarola¹
Univ. Nac. de Río Cuarto¹ Univ. de Buenos Aires² Univ. Nac. de Cuyo³

El microambiente del tumor posee heterogeneidad de disponibilidad de nutrientes, pH y oxigenación. La hipoxia induce la activación de HIF-1, el cual regula la expresión de genes asociados con la supervivencia celular, incluyendo genes autofágicos. La hipoxia y la autofagia han sido reconocidos como mecanismos de resistencia a tratamientos antitumorales incluyendo la Terapia Fotodinámica (TFD). Objetivo: evaluar el impacto de HIF-1a como modulador de autofagia en cultivos 2D, 3D e *in vivo* de cáncer de colon. Determinar su implicancia en la resistencia a TFD. Resultados: Se demostró que la activación de HIF-1, empleando CoCl₂ indujo autofagia a través de un nuevo mecanismo que involucra la regulación transcripcional de VMP1. HIF-1 aumentó el flujo autofágico determinado por un aumento de la relación LC3-II/LC3-I, disminución de p62, aumento de VMP1 y agregación de GFP-LC3. Además, mediante ensayo de MTT determinamos que la autofagia inducida por HIF-1 promueve resistencia a la TFD. Por otro lado, generamos cultivos tridimensionales que imitan la arquitectura de tumor sólido. Mediante el plásmido reportero 5HRE-EGFP corroboramos la activación de HIF-1. Además generamos líneas estables "K.D" (shHIF1a) y "WT" (Ctrl) y demostramos que los esféroides poseen actividad autofágica dependiente de HIF-1 que confiere resistencia a la TFD. En ambos modelos de estudio, la combinación de TFD con diferentes inhibidores de autofagia aumentó la muerte celular. Utilizando ratones nude se generaron tumores WT, K.D. o WT + cloroquina, luego se trataron con 200 mg/

Kg del ALA-Met y se irradiaron con 60 J/Cm². Observamos una pobre respuesta de tumores WT y K.D. al tratamiento, sin embargo se observó una disminución en el porcentaje de crecimiento en la combinación de WT+cloroquina+TFD. Conclusión: La activación de autofagia en hipoxia a través de HIF-1/VMP1 confiere resistencia a la TFD. El bloqueo de la autofagia aumenta la eficiencia del tratamiento. Agencia Foncyt - CONICET- SeCyT UNRC

346 (581) 4-METILUMBELIFERONA SENSIBILIZA LÍNEAS CELULARES HUMANAS DE LEUCEMIA MIELOIDE CRÓNICA AL EFECTO DE IMATINIB

Mariangeles Díaz¹; Daniela Laura Papademetrio^{1,2}; Marilina Mascaró²; Matías Pibuel^{1,2}; Elida Alvarez^{1,2}; Silvia Elvira Hajos^{1,2}; Silvina Laura Lomparía^{1,2}
 IDEHU-CONICET¹ Cát. de Inmunología, Fac. de Farmacia y Bioquímica, Univ. de Buenos Aires²

El ácido hialurónico (AH) activa vías de señalización como PI3K y MAPK de importancia en oncología. La 4-metilumbeliferona (4MU) inhibe su síntesis atenuando así sus señales. Sin embargo, poco se sabe de su implicancia en oncohematología. Previamente reportamos que 4MU inhibe la proliferación de las células humanas de leucemia mieloide crónica K562 y Kv562, mientras que sensibiliza las células Kv562 a la acción de la Vincristina. Dado que la droga de primera línea es Imatinib, el objetivo fue evaluar el efecto de 4MU en combinación con Imatinib sobre diferentes mecanismos biológicos en dichas células. Se utilizó 4MU en dosis de 500 y 100 μM e Imatinib en dosis de 0,5 y 0,25 μM para K562 y de 2 y 0,5 μM para Kv562. La proliferación celular se evaluó mediante incorporación de ³H-T y la senescencia mediante SA-β-gal y SAHF. Los co-tratamientos (Imatinib+4MU) inhibieron la proliferación e incrementaron los niveles de senescencia en ambas células respecto a cada droga por separado (p<0.01). Tanto el efecto anti-proliferativo como la inducción de senescencia fueron revertidos por el AH (4MU+Imatinib+HA) (p<0.01). La inducción de apoptosis se analizó mediante CF (AnexinaV-PE-7AAD y pico subG1) y microscopía de fluorescencia (DAPI). Ninguna de las combinaciones ensayadas incrementó los niveles de apoptosis respecto a Imatinib (p>0.05). Mediante WB se analizó la relación pAkt/Akt y pERK/ERK observándose que en ambas líneas celulares los co-tratamientos (4MU+Imatinib) disminuyeron los niveles de pAkt/Akt de modo similar a cada droga por separado (p>0.05). Un efecto similar se observó para pERK/ERK sólo en las células K562 (p>0.05). Sin embargo, el agregado de AH a dichos co-tratamientos restituyó los niveles basales de pAkt/Akt en ambas líneas celulares y de pERK/ERK en las células K562. Concluimos que la inhibición de la síntesis de AH mediada por 4MU sensibilizaría a las células K562 y Kv562 a la acción anti-proliferativa de Imatinib induciendo senescencia.

204 (266) PARTICIPACIÓN DE EZH2 EN CÁNCER DE MAMA Y RESISTENCIA A TAMOXIFENO INDUCIDOS POR PROGESTÁGENOS

Mauro Ezequiel Cenciarini; Juan Cruz Gómez Poviña; María Florencia Mercogliano; Noelia Paula Di Giorgio; Roxana Schillaci; Patricia Elizalde; Franco Izzo; Cecilia Jazmín Proietti
 IBYME

Los receptores de estrógenos (RE) y de progesterona (RP) se expresan en ~70% de los cánceres de mama (CM), y los pacientes positivos para el RE son tratados con tamoxifeno (TAM) como terapia endocrina. Sin embargo, más de un tercio de los pacientes no responde a la terapia. Aunque existen evidencias sobre la participación del RP en el desarrollo del CM, los mecanismos moleculares permanecen poco claros. Nuestro laboratorio ha descrito previamente la interacción del RP con la metiltransferasa de histonas EZH2, la cual cataliza la trimetilación de la lisina 27 de la histona H3 (H3K27me3) mediando la represión transcripcional del supresor tumoral GATA3. En el presente trabajo estudiamos la participación de EZH2 en los

efectos de los progestágenos tanto en la glándula mamaria normal como en CM. Observamos que en ratones BALB/c ovariectomizados, la inoculación de un depósito de progesterona induce el aumento de la expresión de EZH2, H3K27me3 y del marcador de proliferación Ki67, así como la disminución del mRNA de GATA3 en la glándula mamaria normal. Por otro lado, observamos que EZH2 se encuentra sobreexpresada en el modelo de carcinoma mamario murino C4HD inducido por el progestágeno sintético acetato de medroxiprogesterona (MPA), así como en carcinomas ductales mamarios humanos respecto al tejido normal. En la línea celular de CM humano T47D, el silenciamiento de EZH2 previene el aumento de la proliferación celular y la represión transcripcional de GATA3 inducidos por MPA. Por otro lado demostramos que el pretratamiento con MPA induce resistencia a TAM, y que este cambio fue prevenido al silenciar EZH2. A través de un análisis *in silico* observamos que la expresión de EZH2 en pacientes con CM positivos para RP y RE correlaciona con la respuesta a la terapia endocrina. Estos resultados indican que EZH2 es un mediador clave de los efectos del RP en el CM, y que el mismo es un potencial blanco terapéutico para evitar la resistencia al TAM inducida por progestágenos.

TOXICOLOGÍA 2

347 (92) DISFUNCIÓN MITOCONDRIAL Y DAÑO OXIDATIVO POR SOBRECARGA DE COBRE EN MITOCONDRIAS AISLADAS DE HÍGADO DE RATA

Rosario Musacco Sebío¹; Christian Saporito Magri¹; Juan Manuel Acosta¹; Sofa Bajicoff¹; Paola Paredes Fleitas¹; Alberto Boveris²; Marisa G Repetto²
 Fac. de Farmacia y Bioquímica¹ Fac. de Farmacia y Bioquímica, IBIMOL (UBA-CONICET)²

La enfermedad de Wilson es una patología caracterizada por una alteración en la excreción hepática del cobre (Cu) produciendo un aumento del contenido del metal en el órgano que eventualmente alcanza al resto del organismo. El principal mecanismo propuesto para la toxicidad de la sobrecarga de Cu es la producción de especies reactivas del oxígeno (ROS) y el daño oxidativo a biomoléculas que estas especies producen. Una de las principales fuentes de ROS en la célula es la mitocondria, por lo que esta organela tendría un rol importante en la toxicidad del Cu. En este trabajo se estudió el efecto de Cu²⁺ (0-200 μM) en la función mitocondrial (consumo de O₂ medido en electrodo tipo Clark) y la peroxidación lipídica (TBARS) en diferentes condiciones y estados metabólicos de mitocondrias aisladas de hígado de rata (machos Sprague Dawley, 200 g). Se observó una disminución en el consumo de O₂ mitocondrial en estado activo (estado 3) respecto al control (C), con sustratos del complejo I (C: 41±8 nat-g O/min.mg) y del complejo II (C: 52±11 nat-g O/min.mg) del 25 y 22% respectivamente con Cu²⁺ 50 μM y del 54 y 75% con Cu²⁺ 100 μM, mostrando que la disminución del consumo de O₂ es dependiente de la concentración del metal. El control respiratorio y radio ADP/O se vieron significativamente disminuidos. El aumento del daño oxidativo a fosfolípidos aumentó significativamente (C: 0,09±0,03 nmol/mg, p<0,05) con Cu²⁺ 25 μM (250%) hasta un 400% con Cu²⁺ 100 μM. Este aumento se observa cuando las mitocondrias son incubadas con Cu²⁺ en presencia de sustrato (estado 4), no habiendo cambios cuando el Cu²⁺ se encuentra en el mismo medio sin sustrato (0,06±0,02 nmol/mg) por lo que el efecto oxidante del Cu²⁺ sobre los lípidos mitocondriales es dependiente de la producción de H₂O₂. El efecto del Cu²⁺ en la peroxidación lipídica es revertido en un 100% con glutatión (GSH) 4 mM, pero no con GSH 0,5 mM, indicando que la protección antioxidante tiene lugar sólo a altas concentraciones de GSH.

348 (130) MECANISMO DE MUERTE CELULAR INDUCIDA POR SOBRECARGA DE COBRE EN HEPATOCITOS PRIMARIOS Y FIBROBLASTOS EMBRIONARIOS MURINOS
Christian Saporito Magri^{1,2}; Christoph Borner³; Marisa Repetto²

Fac.de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ Química General E Inorgánica² Albert Ludwigs Universitat (Alemania)³

El exceso de cobre (Cu) a nivel sistémico, como se observa en la enfermedad de Wilson, genera daño y muerte celular en distintos órganos, principalmente hígado y cerebro. La interacción entre el Cu libre y el H₂O₂ producido por las células generan una situación de estrés oxidativo que desencadenaría la muerte celular. Objetivos: determinar la producción de especies prooxidantes luego de la sobrecarga de Cu y estudiar si la muerte celular ocurre mediante un mecanismo apoptótico, necrótico o mixto. Resultados: en fibroblastos embrionarios murinos (MEFs), 400 µM de Cu son suficientes para producir una disminución de la viabilidad del 40% en 24 horas mientras que los hepatocitos expuestos a 300 µM de Cu muestran cambios morfológicos y muerte celular apreciable. Esta concentración de Cu genera un aumento de la oxidación de la diclorofluoresceína (DCFH) del 500% a las 8 horas. La oxidación de la DCFH es completamente prevenida en presencia de inhibidores de la síntesis proteica como cicloheximida y actinomomicina D. La N-acetilcisteína, no es capaz de prevenir la muerte celular, ni tampoco de disminuir la oxidación de la diclorofluoresceína. La deferoxamina, un quelante de Fe³⁺ fue la única molécula capaz de disminuir la oxidación de la diclorofluoresceína y prevenir parcialmente la muerte celular. La actividad de caspasas no se encontró aumentada ni en hepatocitos, ni en MEFs, como tampoco el clivaje de caspasa 3 por lo cual la muerte celular no involucra una vía apoptótica. El análisis microscópico de los hepatocitos mostró una morfología típica de hepatocitos necróticos y ausencia de cuerpos apoptóticos. Conclusión: la muerte celular inducida por Cu es un evento puramente necrótico y la generación de especies prooxidantes depende del tipo de célula expuesta al metal. La oxidación de la DCFH mediada por la síntesis de una proteína implica una vía distinta a la interacción entre el H₂O₂ y el Cu libre en la producción de estrés oxidativo al menos en MEFs.

349 (320) EFECTO DE PLOMO SOBRE LA PROLIFERACIÓN Y DIFERENCIACIÓN A ADIPOCITOS DE FIBROBLASTOS 3T3-L1

Claudia Noemi Martini²; Matias Gabrielli¹; María Magdalena Codesido²; Graciela Bonifacino²; María Del Carmen Vila¹ IQUIBICEN¹ Dpto Química Biológica, FCEyN, UBA²

El plomo (Pb) es un metal pesado y un contaminante ambiental muy difundido, especialmente en zonas industriales, que causa alteraciones bioquímicas y fisiológicas así como alteraciones en el comportamiento, este efecto suele ser mayor en niños. Estudios recientes en niños de la Villa 21-24 y del Barrio Rodrigo Bueno (lindante con un cementerio de automóviles) encontraron valores iguales o mayores a 5µg/dl de plomo en sangre que es el límite de concentración permitido por "Centers for Disease Control and Prevention". En un trabajo reciente, se encontró que la exposición de ratas a Pb causa una disminución de la masa ósea que resulta en una mayor factibilidad de fracturas y que estaría acompañada por una inhibición de la osteogénesis y una estimulación de la adipogénesis a partir de células mesenquimales pluripotenciales. En base a estos antecedentes decidimos evaluar el efecto de una sal de plomo (Pb2+) sobre la proliferación y adipogénesis de fibroblastos 3T3-L1. Estos fibroblastos por agregado de una mezcla que contiene insulina, metilisobutilxantina (MIX) y dexametasona, primero proliferan, proceso que se conoce como expansión clonal mitótica (ECM) y luego se diferencian a adipocitos. Hemos encontrado que la presencia de Pb2+ en concentraciones superiores a 5 µM, es capaz de disminuir la viabilidad e inhibir la proliferación de estas células durante su crecimiento exponencial evaluadas por la técnica de MTT y conteo en cámara de Neubauer. Además, aunque no parece afectar la ECM, el Pb2+ es capaz de inhibir la diferenciación de los fibroblastos 3T3-L1 en concentraciones de 5 µM o mayores y de estimularla en concentraciones inferiores. Nuestros resultados sugieren que Pb2+ altera en función de su concentración dos procesos en los fibroblastos 3T3-L1, su proliferación y su diferenciación a adipocitos.

350 (402) EVALUACIÓN DEL METABOLISMO DEL OXÍ-GENO EN EL SISTEMA CARDIORRESPIRATORIO LUEGO DE LA EXPOSICIÓN AGUDA A NANOPARTICULAS CARGADAS CON NIQUEL

Mariana Garces²; Natalia Magnani²; Timoteo Marchini²; Alejandro Guaglianone²; Lourdes Cáceres²; Andrea Mebert³; Martín Desimone³; Luis Diaz³; Silvia Alvarez²; Pablo Elvelson²
IBIMOL UBA-CONICET² IQUIMEFA UBA-CONICET³

La exposición al material particulado (MP) presente en la contaminación ambiental se encuentra asociada a un aumento de la morbilidad y mortalidad a causa de enfermedades cardiopulmonares. Los metales de transición son componentes frecuentes del PM y jugarían un rol central en los mecanismos de daño producidos por la exposición al mismo. Entre ellos, el níquel (Ni) es predominante en el MP derivado de procesos industriales y combustibles fósiles. El objetivo de este trabajo fue analizar el metabolismo oxidativo en el sistema cardiorrespiratorio luego de una exposición aguda a nanopartículas recubiertas con níquel (Ni-NP). Ratonés Swiss fueron instilados por vía intranasal con una suspensión de Ni-NP (1 mg Ni/kg de peso corporal) en una única dosis. El grupo control fue expuesto a nanopartículas sin níquel. Se tomaron muestras de pulmón, plasma y corazón 1 hora luego del tratamiento. Se evaluó el consumo de O₂ tisular, actividad de NADPH oxidasa (Nox), los niveles de glutatión reducido (GSH) y oxidado (GSSG), el contenido de TBARS y carbonilos, y la activación de leucocitos polimorfonucleares (PMN) y mononucleares (MN) con las sondas DAF-2 y DCF. En pulmón el grupo tratado con Ni-NP mostró un aumento en el consumo de O₂ tisular (67%; p<0,001), un aumento en la actividad de Nox (41%; p<0,001), una disminución en la relación GSH/GSSG (p<0,05) y un aumento en el contenido de TBARS (35%; p<0,001) respecto al grupo control. A nivel sistémico se observó un aumento en TBARS (54%, p<0,001) y en la oxidación de DCF en PMN (115%; p<0,01) respecto al grupo control. No hubo cambios en la oxidación de DAF-2. En corazón, el consumo de O₂ tisular disminuyó (37%; p<0,0001) con NP-Ni y no hubo cambios en TBARS. Los resultados contribuyen a entender los mecanismos fisiopatológicos del sistema cardiorrespiratorio luego de la exposición a metales de transición presentes en el MP, donde el estrés oxidativo y los procesos inflamatorios juegan un rol central.

351 (415) EVALUACIÓN DEL BALANCE REDOX Y DEL DAÑO GENOTÓXICO EN SANGRE DE CORDÓN UMBILICAL DE RESIDENTES RURALES DEL ALTO VALLE DE RÍO NEGRO

María Martha Quintana¹²; Rovedatti Mara Gabriela³; Berta Vera¹²; Gladis Magnarelli¹²
LIBIQUIMA, Facultad de Ingeniería, Univ. Nac. del Comahue¹. Departamento de Biodiversidad y Biología Experimental. Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, U² Dpto Biodiversidad y Biología Exp, Fac. Cs Exactas, UBA³

Los organofosforados (OF) plaguicidas utilizados en el Alto Valle de Río Negro, son agentes cuya neurotoxicidad se basa en la inhibición de la enzima acetilcolinesterasa. Dado que los OF producen estrés oxidativo en diversos sistemas experimentales, el objetivo de este trabajo fue identificar si la exposición ambiental a OF produce alteraciones en el balance redox y en el nivel de daño genotóxico en el compartimiento fetal. Se llevó a cabo un estudio de corte transversal con población residente en zonas rurales de uso intensivo de OF en período de pulverización (PoP), en período de receso (PoR) y con un grupo control no expuesto de zona urbana (PoC). Se utilizaron criterios de inclusión/exclusión y se obtuvo el consentimiento informado. En sangre de cordón umbilical se analizaron los biomarcadores de referencia, actividad de colinesterasa plasmática y eritrocitaria y la actividad de enzimas de la defensa antioxidante, catalasa (CAT) y superóxido dismutasa (SOD) en hemolisados de eritrocitos (ER). Adicionalmente se determinó, resistencia globular (RG) y el daño genotóxico por ensayo cometa. Si bien no se afectaron las colinesterasas ni CAT en PoP, la actividad de SOD fue significativamente menor (P<0,05) en PoP

(n=22) que en PoR (n=22). También la RG disminuyó en los ER de PoP (n=15) vs PoR (n=22) ($p<0,05$). Se halló aumento significativo del daño genotóxico en PoP (n=14) vs población control (PoC) (n=15) ($p<0,05$). La disminución en la defensa antioxidante (SOD) de los ER se asociaría a la disminución de la RG, una medida de la integridad de membrana. Aunque se requiere ampliar el muestreo, la residencia rural sería un factor de riesgo para el daño genotóxico en leucocitos. Las alteraciones observadas sugieren que la homeostasis redox se encuentra alterada en PoP, lo que podría tener consecuencias en la salud a corto y/o largo plazo. Agradecimientos: Méd. M. Curioni., S. Santa Cruz., C. Muntaner Subsidios: UNCo.

352 (555) HERBICIDAS A BASE DE GLIFOSATO CON DIFERENTES ADYUVANTES SON MÁS POTENTES INHIBIDORES DE LA PROLIFERACIÓN Y DIFERENCIACIÓN A ADIPOCITOS DE FIBROBLASTOS 3T3-L1 QUE GLIFOSATO PURO

Claudia Noemi Martini²; Matias Gabrielli¹; María Magdalena Codesido²; María Del Carmen Vila¹
 IQUIBICEN¹ Departamento Química Biológica,
 FCEyN, UBA²

Los herbicidas a base de glifosato se utilizan intensamente en todo el mundo para controlar el crecimiento de malezas en las áreas plantadas con cultivos resistentes a este herbicida. Por lo tanto, es importante investigar el posible efecto tóxico de estas preparaciones comerciales que contienen no sólo glifosato sino también distintos adyuvantes, algunos de ellos polietoxilados. Previamente, hemos informado que una preparación comercial de glifosato inhibe la proliferación y diferenciación a adipocitos de los fibroblastos 3T3-L1. En la presente investigación, evaluamos el efecto de diferentes herbicidas a base de glifosato y comparamos sus efectos con el glifosato puro. Encontramos que las tres formulaciones ensayadas fueron más potentes que el glifosato puro para inhibir la proliferación y diferenciación de estas células. Es decir que los adyuvantes presentes en las preparaciones comerciales contribuyen al efecto tóxico. Mediante un análisis de MALDI encontramos que los espectros de dos de ellas, son consistentes con la presencia de adyuvantes polietoxilados, no siendo así en la tercera preparación, a pesar de tener una capacidad inhibitoria similar. Por otro lado, observamos que la extensión del tiempo de ensayo de 24 a 72 hs permitió disminuir la concentración necesaria para inhibir la proliferación. Esto sugiere que concentraciones aún más bajas podrían ser efectivas a tiempos más largos de exposición, lo cual puede tener lugar en las zonas de aplicación de estos herbicidas comerciales. Nuestros resultados contribuyen a dilucidar los efectos citotóxicos de los herbicidas a base de glifosato y a mostrar la importancia de evaluar el efecto de las preparaciones comerciales más que del glifosato puro.

353 (570) EL ARSÉNICO COMO DISRUPTOR ENDOCRINO: EFECTOS XENOESTROGÉNICOS SOBRE LA ADENOHIPÓFISIS Y EL ÚTERO DE LA RATA

Sonia Ronchetti; Jimena Cabilla; Yanina Benzo; Gisela Novack; Beatriz H. Duvlanski
 INBIOMED

El arsénico es un metaloide ampliamente distribuido en el ambiente con potentes efectos tóxicos. La contaminación provocada por arsénico inorgánico (iAs) es uno de los mayores problemas sanitarios a nivel mundial. El estrógeno (E2) cumple un papel clave en la proliferación celular de tejidos hormonadependientes. Se ha demostrado en la línea tumoral de mama MCF-7 que el iAs interactúa con el receptor de estrógenos alfa (RE α) y reproduce las acciones del E2 induciendo la proliferación celular. Sin embargo, hasta el momento los efectos simil-E2 del iAs no han sido estudiados in vivo. Objetivo: investigar el papel del iAs como agente xenoestrogénico en la adenohipófisis y en el útero. Métodos y resultados: ratas adultas ovariectomizadas (OVX) se expusieron o no (control) al iAs 0.1 ppm en el agua de bebida durante 30 días. Otro grupo se implantó s.c. con cápsulas de 500 μ g de E2 (control positivo). Se monitoreó la citología vaginal y el consumo de agua. Se realizaron estudios histológicos y de expresión proteica. La

exposición al iAs aumentó la frecuencia de aparición de exudado vaginal compatible con proestros y estros a diferencia del grupo control en diestro permanente. En la adenohipófisis, estimuló la proliferación celular de los lactotrofos, la secreción de prolactina y la expresión del RE α y de su variante truncada. En el útero, el iAs causó modificaciones citoestructurales características de un efecto estrogénico (aumento del área glandular y de la altura del epitelio). El iAs incrementó la expresión del RE α en las células epiteliales y en el estroma. Conclusión: El iAs, a una dosis baja, reproduce las acciones del E2 estimulando la proliferación celular en la adenohipófisis y el útero. Estos resultados indican que el metaloide, actuando como un xenoestrogénico, puede promover el desarrollo de patologías preneoplásicas o neoplásicas en tejidos hormona-dependientes.

REPRODUCCIÓN 4

354 (37) LA VÍA DE PI3K/AKT SE ENCUENTRA ALTERADA EN EL ENDOMETRIO DE PACIENTES CON ENDOMETRIOSIS Y PRESENTA DIFERENCIAS SEGÚN EL GRADO DE SEVERIDAD

Daniela Madanes¹; Carla Noemí Olivares¹; Juan Ignacio Bastón¹; Mariela Andrea Bilotas¹; José Javier Singla²; Gabriela Fabiana Meresman¹; Rosa Inés Barañao¹; Analía Gabirela Ricci¹
 IBYME¹ Hospital de Clínicas "José de San Martín"²

Introducción: Se sabe que el NF- κ B es un factor nuclear cuya activación da lugar a procesos antiapoptóticos, proliferativos e inflamatorios. Diversos genes que se encuentran desregulados en la endometriosis (EDT), son blanco de NF- κ B y se ha demostrado que está constitutivamente activado en lesiones endometrióticas. Por otra parte, la vía de PI3K/Akt regula la activación de este factor en diferentes modelos, y recientemente demostraron que Akt esta sobreactivado en células endometriales de pacientes con EDT. OBJETIVOS: Evaluar la expresión proteica de PI3K, p-Akt, Akt y PTEN en lesiones endometrióticas y en endometrio eutópico de pacientes con EDT y de mujeres controles. Comparar los niveles de expresión de estas proteínas en diferentes grados de severidad de EDT (estadios I-II vs. III-IV). Metodología: Se seleccionaron mujeres en edad reproductiva que se sometieron a laparoscopías diagnósticas, utilizando biopsias de lesiones endometrióticas y de endometrio eutópico de pacientes con y sin EDT. Los niveles proteicos fueron cuantificados por Western Blot. RESULTADOS: Observamos una mayor expresión de los niveles de PI3K y p-Akt ($p<0.01/p<0.001$ vs. Control) y una menor expresión de PTEN ($p<0.01/p<0.05$ vs. Control) en tejido endometriótico y endometrio eutópico de pacientes con EDT. Por otra parte, observamos una menor expresión de PTEN en lesiones de pacientes con EDT estadio I-II, así como mayores niveles de p-Akt ($p<0.01/p<0.05$ vs. III-IV). Conclusiones: Demostramos por primera vez la expresión alterada de la vía PI3K/Akt en biopsias de pacientes con EDT. Además es el primer antecedente que demuestra una menor expresión de PTEN en EDT mínima a moderada. Considerando que la sobreexpresión de PI3K ha sido relacionada con diferentes tipos de cáncer, y que la inactivación de PTEN es un evento temprano en carcinomas ováricos relacionados con EDT, este trabajo sugiere nuevos marcadores posibles y/o blancos terapéuticos acordes al grado de severidad de la enfermedad.

355 (89) EVALUACIÓN REPRODUCTIVA EN RATONES HEMBRAS ALIMENTADAS CON DOSIS VARIABLES DE ÁCIDOS GRASOS OMEGA 3

Santiago Bianconi¹; María Del Rosario Solis²; María Emilia Santillan²; Valeria Paola Carlini¹; Graciela Stutz²
 INICSA¹ Cátedra de Fisiología Humana, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba²

La composición lipídica de los tejidos reproductivos guarda relación con el consumo dietario. Los ácidos grasos poliinsaturados (PUFAs) omega 3 (n-3) participan en la función reproductiva

modificando la estructura y fluidez de las membranas y la síntesis de prostaglandinas, entre otros mecanismos probados. Cuatro grupos de ratones hembras *Albino swiss* -durante gestación y lactancia- y luego sus crías -desde destete hasta adulez- fueron alimentados con: D (deficiente en n-3; dieta purificada; 7% aceite de girasol; PUFAs: 3,48%; n-3: 0%; n-6/n-3: 0), A (adecuada en n-3; dieta purificada; 7% aceite de soja; PUFAs: 3,85%; n-3: 0,57%; n-6/n-3: 5,7), E (excesiva en n-3; dieta purificada; 7% aceite mezcla: hígado de bacalao 60% + soja 40%; PUFAs: 3%; n-3: 1,25%; EPA 0,43% y DHA 0,32% n-6/n-3: 1,29) y C (control; alimento balanceado comercial; PUFAs: 1,67%; n-3: 0,08%; n-6/n-3: 19,88). En las crías se evaluó evolución de peso corporal (PC) -desde nacimiento hasta adulez- características de los ciclos estrales -durante pubertad- y al llegar a la adulez, tasa de ovulación inducida y calidad ovocitaria. El PC fue menor durante la lactancia en E vs C, D, A, mayor luego del destete en C vs D, A, E y mayor a partir del día posnatal 49 en C, E vs D, A. El primer estro apareció más tarde en E vs C, D, A. No se detectaron diferencias estadísticamente significativas en la duración de los ciclos estrales ni en alguna de sus etapas. Tampoco en el recuento de ovocitos, madurez ovocitaria y partenogénesis. El menor PC en E durante la lactancia podría deberse a una alteración en el desarrollo de los conductos mamarios que afecta la cantidad y calidad de la leche que reciben las crías. El retraso en el primer estro de este mismo grupo podría responder a la deficiencia de ácido araquidónico (n-6) provocado por exceso de n-3. En conclusión, el exceso de n-3 retarda el crecimiento corporal y el comienzo de la pubertad sin afectar los ciclos reproductivos y la calidad de las gametas.

356 (150) VÍAS DE SEÑALIZACIÓN INVOLUCRADAS EN LA CAPACITACIÓN ESPERMÁTICA DEPENDIENTE DE LA EXCLUSIÓN DE AMPc EN BOVINOS

Carlos Agustín Isidro Alonso¹; Luciana Castellano¹; Claudia Elena Osycka-Salut¹; Carlos Davio²; Silvina Perez Martinez¹
CEFYBO¹ ININFA²

La capacitación espermática (CE) es un proceso necesario para que el espermatozoide (ESP) adquiera capacidad fecundante. La misma implica un complejo diálogo molecular que incluye cambios en la fluidez de membrana, incremento de Ca²⁺ y AMPc y activación de quinasas. En otros tipos celulares, en condiciones fisiológicas y patológicas el AMPc es excluido por proteínas de resistencia a multidroga (MRPs), en particular MRP4, regulando la homeostasis celular. Resultados obtenidos en nuestro laboratorio indican que frente a una concentración moderada de bicarbonato en el medio (40 mM), los ESP bovinos sufren un proceso de exclusión de AMPc vía el transportador MRP4 que es crítico para la CE. A su vez, el AMPc extracelular actúa sobre el receptor A1 activando vías de señalización intracelulares que dependen de una PLC y de la adenilato ciclasa soluble. Es por ello que en el presente trabajo nos propusimos ahondar en las vías de señalización involucradas en la CE inducida por bicarbonato o AMPc. Para ello se llevaron a cabo capacitaciones *in vitro* con bicarbonato (40 mM) o AMPc (10 nM), en ausencia o presencia de diferentes inhibidores farmacológicos. Alícuotas de ESP fueron separadas para evaluar el estado de capacitación mediante la técnica de CTC. Por otro lado se extrajeron proteínas totales para evaluar el estado de fosforilación de sustratos de PKA (pPKA), residuos de tirosina (pTyr), o ERK1/2. Los resultados indican que el bicarbonato y el AMPc incrementan pPKA y pTyr, mostrando diferentes perfiles de activación en el tiempo (p<0,05). Por otro lado, la inducción de CE por bicarbonato o AMPc estaría modulada por PKC (p<0,05). Finalmente, se requeriría de la actividad de ERK1/2 para llevar a cabo la CE inducida por AMPc. Todos estos resultados sugieren que varias vías de señalización podrían activarse simultáneamente por estímulo del AMPc excluido, reforzando su importancia como factor autócrino/parácrino en la CE.

357 (253) POSIBLE ROL DE TRPV-1 Y AQPS EN LA MUERTE CELULAR PROGRAMADA DE CÉLULAS TROFOLASTICAS DE PRIMER TRIMESTRE

Julieta Reppetti^{1,2}; Reza Alejandra²; Aban Cyntia³; Mariana Farina³; Alicia E Damiano^{1,2}; Nora A Martínez²
Cátedra Biol. Celular y Molecular-FFYB-UBA.¹ IFIBIO Houssay² CEFYBO³

El receptor de potencial transitorio tipo 1 (TRPV-1) es un canal de calcio que puede ser activado por múltiples estímulos, entre ellos el estrés osmótico. Las acuaporinas (AQPs) son canales que permiten el pasaje rápido de agua a través de la membrana plasmática en respuesta a gradientes osmóticos. En estudios preliminares demostramos la expresión de TRPV-1, AQP3 y 9 en vellosidades coriónicas de primer trimestre de gestación y observamos que el estrés hiperosmolar induce la expresión de estas proteínas. Recientemente se ha vinculado a TRPV-1 y AQPs con procesos de muerte celular. La muerte celular puede transcurrir por tres vías: necrosis, muerte celular programada tipo I (apoptosis) y tipo II (autofagia). Que se active una u otra vía dependerá de diversos factores. El objetivo del presente estudio fue investigar en una línea celular de citotrofoblasto humano de primer trimestre (Swan71) si el estrés hiperosmolar alteraba la viabilidad celular y si en este proceso estaban involucradas las proteínas TRPV-1 y AQPs. Las células fueron cultivadas en condiciones de isoosmolaridad e hiperosmolaridad, en presencia o ausencia de inhibidores de las proteínas en estudio (HgCl₂ o Capsazepina). Se determinó la viabilidad celular utilizando el ensayo de MTT, se evaluaron la apoptosis y la autofagia mediante el ensayo de Hoechst, el marcaje de autofagosomas utilizando monodansilcavaderina y la expresión de p53 y caspasa 3 clivada mediante western blot. Al cultivar las células Swan71 en condiciones de hiperosmolaridad evidenciamos una disminución de la viabilidad celular acompañada de un incremento en el número de núcleos picnóticos (p<0,05). En estas condiciones observamos un aumento de la expresión de p53 y caspasa 3 clivada (p<0,05). Nuestros resultados sugieren que cambios en la osmolaridad del espacio extracelular inducen la muerte celular programada de células de trofoblasto de primer trimestre por mecanismos en los cuales estarían involucrados el TRPV-1 y las AQPs.

358 (283) EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE GALECTINA-1 EN FUNCIÓN DEL GRADO DE SEVERIDAD DE LA ENDOMETRIOSIS Y EFECTO DEL SILENCIAMIENTO DE GALECTINA-1 SOBRE LA PROLIFERACIÓN DE LAS CÉLULAS ESTROMALES ENDOMETRIALES EUTÓPICAS

Juan Ignacio Baston¹; Luciana Ferella¹; Diego Croci¹; Analía Ricci¹; Mariela Bilotas¹; Rosa Ines Barañao¹; Jose Javier Singla²; Alejandro Gonzalez²; Gabriel Rabinovich¹; Gabriela Meresman¹
IBYME¹ Hospital de Clínicas José de San Martín² Hospital Naval de Buenos Aires Dr Pedro Mallo³

Galectina-1 (Gal-1) es una lectina endógena involucrada en la patogénesis tumoral. Basándonos en nuestros trabajos previos que advierten sobre el rol de Gal-1 en la patogénesis de la endometriosis (EDT) experimental, nuestros objetivos fueron: A) evaluar la expresión de Gal-1 en las lesiones endometrióticas y en el endometrio de pacientes con diferentes grados de severidad de EDT y, B) estudiar el efecto de Gal-1 sobre la proliferación de células estromales endometriales (CEE) de pacientes con EDT y controles. Se analizó la expresión de Gal-1 por Western Blot en homogenatos de biopsias de lesiones endometrióticas (n=41) y de tejido endometrial (n=27), obtenidas de pacientes con diagnóstico certero de EDT y de pacientes controles (n=27) con diagnóstico de infertilidad por factores tubáricos o miomas. Asimismo, se aislaron y se cultivaron las CEE de ambos grupos de pacientes, sobre las cuales se realizó el silenciamiento transitorio de la expresión génica de Gal-1 mediante un ensayo de interferencia de ARN, luego del cual se determinó la proliferación celular *in vitro* mediante la técnica de MTS. Si bien no se observaron diferencias en la expresión de Gal-1 en el tejido endometrial entre pacientes con EDT vs. controles (p=0.1), sí se observó un aumento significativo de la expresión de Gal-1 en las lesiones endometrióticas en comparación con el tejido endometrial (p=0.03). Específicamente, este aumento se produce en pacientes con un

grado de EDT mínima-leve ($p=0.037$), dado que en pacientes con EDT moderada-severa la expresión de Gal-1 fue similar en las lesiones y el endometrio ($p=0.55$). Además, el bloqueo transitorio de la expresión de Gal-1 en las CEE de pacientes con EDT redujo su tasa de proliferación celular en comparación con las CEE de pacientes controles ($p=0.006$). Estos resultados son novedosos e indican que Gal-1 desempeña un rol importante en la fisiopatología inicial de la enfermedad y avalan su estudio como potencial blanco en la terapéutica de la EDT.

359 (354) EVALUACIÓN DE LA APOPTOSIS Y PROLIFERACIÓN CELULAR EN OVARIOS BOVINOS EN UN MODELO DE PERSISTENCIA FOLICULAR

Eduardo M Belotti; Antonela F Stassi; Pablo U Díaz; Natalia C Gareis; Natalia R Salvetti; Florencia. Rey; Hugo H Ortega
ICIVET-LITORAL

La enfermedad quística ovárica (EQO) es una de las causas de infertilidad en bovinos lecheros y la persistencia folicular es uno de sus signos iniciales. Cambios en el microambiente ovárico de las vacas con EQO pueden alterar el proceso normal de proliferación y apoptosis. El objetivo del trabajo fue evaluar la expresión de proteínas que intervienen en la apoptosis (BCL2, Bax y Caspasa3) y proliferación celular (Ki-67) en ovarios de vacas con persistencia folicular inducida. Se desarrolló un modelo de persistencia folicular mediante el uso de dispositivos intravaginales de progesterona para obtener concentraciones séricas subluteales de dicha hormona (1-2 ng/ml). Se realizó la ovariectomía para la obtención de ovarios con folículos dominantes que persistieron sin ovular por 5 (n=5; P5), 10 (n=5; P10) o 15 días (n=5; P15) posteriores al momento esperado a la ovulación. Los animales controles fueron ovariectomizados en proestro (n=5; C). Se evaluó la expresión de BCL2, Bax, Caspasa3 y Ki-67 mediante inmunohistoquímica en diferentes estructuras foliculares. Bax presentó mayor expresión en células de la granulosa de folículos persistentes del grupo P15 en relación a los antrales controles. La expresión de BCL2 fue mayor en la teca interna de los folículos antrales de P10 que en los folículos atresicos controles. Caspasa3 mostró mayor expresión en la granulosa de los folículos antrales controles que en los de P15. Hubo un menor porcentaje de proliferación con Ki-67 en la granulosa de los folículos atresicos controles en relación a los antrales. La teca interna de los antrales controles mostró mayor porcentaje de proliferación en relación a los folículos persistentes de P5 y P15 ($p<0,05$). Los resultados sugieren modificaciones en los mecanismos de supervivencia de las células ováricas desde el inicio de la persistencia folicular debido probablemente a la modificación del ambiente hormonal, lo que concuerda con lo hallado en la enfermedad de presentación espontánea.

360 (359) EXPRESIÓN DE YAP1 Y TEAD4 EN OVARIOS DE RATONES DIABÉTICOS INDUCIDOS CON ESTREPTOZOTOLINA Y SU RELACIÓN CON LA PÉRDIDA FOLICULAR

Nicolas Fraunhoffer^{1,2,3}; Analia Meilerman Abuelafia^{1,3}; Ionatan Bergman³; María Pilar Bosch³; Andres Thompson³; Yael Zin³; Pablo Lopez Bergami^{1,2}; Marcela Barrios³; Alfredo Vitullo^{1,2}
Centro de Estudios Biomédicos, Biotecnológicos, Ambientales y Diagnóstico¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas-CONICET² Carrera de Medicina-Universidad Maimónides³

La diabetes mellitus tipo 1 (DM1) representa el 15% de los casos de DM. A nivel ovárico, se observó que los oocitos de ratones diabéticos presentan un aumento en la apoptosis. La vía Hippo es un regulador clave del crecimiento tisular cuyos principales efectores a nivel nuclear son el coactivador YAP1 y el factor de transcripción TEAD4. Estudios recientes demostraron el rol de la vía Hippo en el desarrollo folicular. El objetivo de este trabajo fue analizar la relación entre la ruta Hippo y la apoptosis durante la pérdida folicular en ovarios de ratones diabéticos. Se utilizaron 25 ratones de la cepa BALB/c. Para la generación del modelo de DM1, los ratones recibieron una inyección diaria de estreptozotocina (STZ) en una dosis de 60 mg/kg por 5 días. 3 ratones

diabéticos y 2 controles fueron sacrificados a los días 15, 20, 40, 70 y 80 post-tratamiento. Los ovarios fueron fijados y analizados por IHQ/IF para las proteínas YAP1, TEAD4, Bax, Fas/FasL, Bid Clivado, Caspasa 8 activa y Caspasa 3 activa. Los ovarios de los ratones diabéticos presentaron débil inmunomarcación citoplasmática para YAP1 en células de la granulosa de folículos antrales con una fuerte expresión para Caspasa 3 activa en todos los tiempos estudiados. Esto fue acompañado por una intensa marca para Fas, FasL, Bid Clivado y Caspasa 8 activa a los 15 y 20 días de tratamiento, mientras que en los restantes tiempos prevaleció la inmunomarcación para Bax. TEAD4 se expresó en citoplasma de células de la granulosa de folículos en todos los estadios de maduración, así como también en folículos atresicos. En el ovario control YAP1 y TEAD4 se expresaron tanto a nivel nuclear y como citoplasmático en células de la granulosa y oocitos de folículos desde el estadio de secundario hasta antral. Estos resultados muestran una posible alteración de la ruta de señalización Hippo en los ovarios de ratones diabéticos inducidos con STZ que podría estar afectando la sobrevida folicular y la fertilidad.

361 (378) EVALUACIÓN DE LA VELOCIDAD DE DESCONDENSACION IN VITRO DE ESPERMATOZOIDES HUMANOS COMO HERRAMIENTA DIAGNOSTICA EN REPRODUCCIÓN ASISTIDA

Vanina Laura Julianelli¹; Marina Romanato²; Gastón Rey Valzacchi^{1,3}; Romina Rolando³; Lorena Rodríguez³; Gabriela Arenas¹; Camila Galotto²; Lucrecia Piñeiro De Calvo²; Juan Carlos Calvo^{2,4}
PROCREARTE¹ IBYME² Servicios de Urología y Ginecología, Hospital Italiano de Buenos Aires.³ Departamento de Química Biológica, FCEyN-UBA⁴

La descondensación cromatínica del espermatozoide en el ovocito es requisito para una fertilización exitosa; en el humano ocurriría *in vivo* con participación de glutatión (GSH) y Heparán Sulfato ovocitarios. Resultados previos de nuestro laboratorio sugieren que la velocidad de descondensación cromatínica *in vitro* en presencia de Heparina (análogo de HS) y GSH estaría vinculada con la calidad embrionaria y la tasa de embarazo bioquímico ($\beta+$) en Fertilización Asistida (FA). Objetivo: Evaluar el efecto de la velocidad de descondensación *in vitro* de espermatozoides de pacientes infértiles sobre la tasa de embarazo clínico (E, presencia saco embrionario) y la tasa de nacimientos (BB) en FA. Metodología: Parejas infértiles que llevaron a cabo procedimientos de FA, con ovocitos propios (OP) o donados (OD). Sobre la muestra de espermatozoides usada en ICSI se evaluó fragmentación de ADN espermático por TUNEL (TUNEL+>20%) y velocidad de descondensación *in vitro* (D60/D30) con Hep/GSH. Se analizó tasa de $\beta+$, tasa de E y tasa de BB. Resultados: Sobre un total de 129 ciclos (población completa, PC) se realizaron 94 transferencias y se obtuvieron 32 $\beta+$, 26 E y 16 BB (34%, 28% y 17% por transferencia, respectivamente). Estos tres parámetros fueron semejantes (χ^2 , $p>0.05$) entre los grupos de descondensadores lentos (L, n=50, D60/D30 $\geq 1,48$) y rápidos (R, n=44, D60/D30 < 1,48): 36% vs 32% $\beta+$, 34% vs 20% E y 20% vs 14% BB. En L, el éxito fue mayor en los ciclos OD (n=19) que en los OP (n=31): 63% vs 23% $\beta+$, 53% vs 23% E y 32% vs 13% BB (χ^2 , $p<0.05$). En R (21 OD y 29 OP) no se observó esta diferencia: 27% vs 28% $\beta+$, 13% vs 24% E y 13% vs 14% BB (χ^2 , $p>0.05$). En L, BB 0% (0/4) en pacientes TUNEL+ y 23% (7/30) en TUNEL-. En R, BB 33% (2/6) en TUNEL+ y 10% (3/29) en TUNEL-. Conclusiones: Pacientes L tendrían mayor posibilidad de éxito en FA si son TUNEL- o si utilizan OD. La evaluación de D60/D30 podría ser una herramienta útil en la toma de decisiones terapéuticas en FA. SUBSIDIOS: CONICET-ANPCYT-Fundación René Barón

362 (383) EL ÓXIDO NÍTRICO Y LAS PROSTAGLANDINAS REGULAN EL EFECTO DEL ÁCIDO LISOFOSFATÍDICO SOBRE LA VASCULARIZACIÓN DEL TROFOBlasto DE PRIMER TRIMESTRE

Jimena S Beltrame¹; Ms Sordelli¹; L Scotti²; F Parborelli²; Am Franchi¹; MI Ribeiro¹
CEFYO¹ IBYME²

El ácido lisofosfatídico (LPA) es un fosfolípido bioactivo que juega un rol fundamental en el establecimiento de la preñez. La implantación del blastocisto en el útero materno requiere de procesos claves como la vascularización. Anteriormente, observamos que el LPA mediante la unión al receptor LPA3 actúa como una molécula pro-implantatoria en el útero de rata, incrementando la longitud transversal de los vasos principales que irrigan los sitios de implantación y la expresión de marcadores de vascularización como IL-10, VEGF y VEGF-R1. El objetivo del presente trabajo fue investigar el rol de mediadores como el óxido nítrico (NO) y las prostaglandinas (PGs) en el efecto del LPA sobre la vascularización en una línea celular de trofoblasto de primer trimestre (HTR-8/SVneo). Las células se incubaron con diferentes concentraciones de LPA (5, 10, 20 y 50 μM) durante 3 y 6h. Se evaluó el grado de vascularización mediante la técnica de formación de túbulos sobre un extracto de matriz de Geltrex. En primer lugar observamos que luego de 6h de incubación, el LPA (10 μM) estimula la formación de túbulos ($p < 0.05$) incrementando el largo de los mismos y el número de ramificaciones formadas. La co-incubación de LPA con 1400W (0,1 mM), un inhibidor selectivo de la isoforma inducible de la NOS, o con NS-398 (1 μM), un inhibidor selectivo de la ciclooxigenasa-2, revierte el efecto del LPA hasta valores similares al control. Se observó también que el tratamiento con DGPP, un antagonista del LPA3, revierte parcialmente el efecto del LPA. La vascularización del trofoblasto es uno de los eventos cruciales durante la gestación temprana. Nuestros resultados sugieren que el LPA, mediante la interacción con mediadores como el NO y las PGs estimula la vascularización del trofoblasto de primer trimestre y además, este efecto está mediado al menos en parte por el receptor LPA3.

- 363 (404) ALTERACIONES EN LA VÍA PI3K DE FOLÍCULOS OVÁRICOS CAPACES DE MODULAR LA EXPRESIÓN DE ENZIMAS IMPLICADAS EN LA SÍNTESIS DE ESTEROIDES EN VACAS CON ENFERMEDAD QUÍSTICA OVÁRICA**
 Natalia Carolina Gareis; Emilia Huber; Gustavo Juan Hein; Fernanda Mariel Rodríguez; Valentina Trionfini; Hugo Héctor Ortega; Natalia Raquel Salvetti; Florencia Rey
 Lab de Biología Celular y Molecular Aplicada ICIVET Litoral UNL CONICET

La enfermedad quística ovárica (EQO) bovina representa uno de los trastornos reproductivos más frecuentes en los sistemas intensivos de producción de leche. El desarrollo, la maduración folicular y la esteroidogénesis son procesos claves para el funcionamiento ovárico y esta última se halla alterada en la EQO. Nos propusimos evaluar la expresión génica y proteica de enzimas que intervienen en la síntesis de esteroides capaces de ser reguladas por una de las vías de señalización de insulina (vía PI3K). Se analizaron muestras obtenidas mediante ovariectomía provenientes de animales con EQO espontánea ($n=8$) y de animales controles en proestro ($n=8$). Se utilizaron folículos antrales pequeños, medianos, grandes y quistes espontáneos para evaluar las moléculas de interés por PCR en tiempo real. La expresión proteica se evaluó mediante inmunohistoquímica indirecta. En el análisis de la vía de señalización de insulina, se determinó una menor expresión proteica de PI3K y AKT en células de la teca de quistes respecto a folículos antrales control ($p < 0,05$), siendo similar en células de la granulosa. La expresión proteica de mTOR en células de la teca fue similar en todas las categorías foliculares y se detectó una menor expresión en células de la granulosa de quistes respecto a folículos antrales control ($p < 0,05$). En la evaluación de enzimas relacionadas con la síntesis de esteroides se demostró que la expresión génica y proteica de StAR fue similar en células de la granulosa y teca de todas las categorías foliculares evaluadas ($p > 0,05$). La expresión proteica de 3 β -HSD y cyp19 fue mayor en células de la granulosa de quistes respecto a los folículos antrales control ($p < 0,05$) y la expresión de cyp17 fue mayor en células de la teca de quistes respecto a controles. Los resultados sugieren una alteración en la señalización de insulina que podría modular la expresión de enzimas involucradas en la síntesis de hormonas esteroides y con ello favorecer el desarrollo de la enfermedad.

- 364 (409) EXPRESIÓN DE TRANSCRIPTOS ALTERNATIVOS DE LOS RECEPTORES DE GONADOTROFINAS EN OVARIOS DE BOVINOS CON ENFERMEDAD QUÍSTICA OVÁRICA**
 Belkis E. Marelli; Juan I. Failla; Ayelen N. Amweg; Pablo U. Díaz; Florencia Rey; Natalia R. Salvetti; Hugo H. Ortega
 ICIVET-Litoral

Una disfunción a nivel del folículo ovárico puede causar una alteración en el eje hipotálamo-hipofisario-gonadal, siendo una de las posibles causas del desarrollo de la enfermedad quística ovárica (EQO) en bovinos. Los receptores de gonadotropinas LH (LHR) y FSH (FSHR) cumplen funciones fundamentales en la regulación del desarrollo folicular, por lo que es posible su asociación directa con la patogénesis de la EQO. La diversidad de transcriptos alternativos de dichos receptores presupone un papel significativo en la regulación funcional de los mismos. En este contexto, el objetivo de nuestro trabajo fue analizar la expresión de transcriptos alternativos de LHR y FSHR en folículos quísticos de bovinos con EQO. Para ambos receptores se diseñaron dos pares de cebadores, uno que permite la amplificación de una región del dominio extracelular (denominado dominio A), y el otro para la amplificación de un fragmento de los dominios transmembrana e intracelular (denominado dominio B). El patrón de expresión de las distintas isoformas fue caracterizado mediante PCR de punto final en células de teca y granulosa de folículos antrales medianos y grandes de animales controles ($n=15$) y de quistes espontáneos de animales con EQO ($n=15$). Para LHR se identificaron amplicones de 689 pb (LHR-A1, dominio A completo), 614 pb (LHR-A2), 898 pb (LHR-B3, dominio B completo), 817 pb (LHR-B4), 633 pb (LHR-B5), y 556 pb (LHR-B6). Para FSHR se detectaron amplicones de 492 pb (FSHR-A1, dominio A completo), 345 pb (FSHR-A2), 725 pb (FSHR-B3, dominio B completo), y 542 pb (FSHR-B4). En todos los casos, excepto para FSHR-B4 y LHR-B5, se observó un patrón de expresión diferencial en folículos controles en relación a folículos quísticos ($p < 0,05$). Estos resultados sugieren una respuesta alterada a gonadotropinas asociada a la EQO que podría explicar ciertos aspectos de la funcionalidad folicular de animales con la enfermedad y la falta de respuesta a tratamientos hormonales.

- 365 (452) VIP REGULA LA MIGRACIÓN E INVASIÓN DE CÉLULAS TROFOBLÁSTICAS EN FORMA AUTOCRINA VÍA VPAC2/PKA/CRE E INHIBE LA SÍNTESIS DE MEDIADORES PRO-INFLAMATORIOS EN MACRÓFAGOS**
 Daiana Marina Vota¹; Daniel Papanini¹; Vanesa Hauk¹; Ayelén Toro²; Fátima Merech¹; Rosanna Ramhorst¹; Cecilia Varone²; Claudia Pérez Leirós¹
 Laboratorio de Inmunofarmacología, Dpto. Química Biológica, IQUBICEN- CONICET, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales-UBA¹ Laboratorio de Fisiología Molecular Placentaria, Dpto. Qca. Biológica, IQUBICEN- CONICET, FCEN-UBA²

El proceso de placentación requiere de la migración de células trofoblásticas (Tb) y su diferenciación a un perfil invasivo en un microambiente anti-inflamatorio. Previamente describimos el efecto del péptido intestinal vasoactivo (VIP), un péptido pleiotrópico endógeno, en el mantenimiento de la homeostasis inmunológica en la gestación temprana. El objetivo de este trabajo es evaluar el efecto de VIP endógeno sobre la migración e invasión de Tb de primer trimestre (líneas Swan-71 y HTR-8), la vía de señalización involucrada y su papel en la inducción de señales anti-inflamatorias en monocitos/macrófagos humanos. La migración de Tb se evaluó por ensayos de cierre de herida en monocapa y su capacidad invasiva mediante dispositivos tipo transwells cubiertos con matrigel. Tb fueron transfectadas con plásmido VPAC2 o CRE-Luciferasa y normalizadas con GFP o beta-gal respectivamente. El silenciamiento de VIP se realizó transfectando Tb con siRNA VIP por 72 h, comparando con uno no relevante (SCRBL). Tb transfectadas con CRE-luc muestran una inducción dosis dependiente de la actividad de CRE por VIP y una disminución de los niveles basales en presencia de un

antagonista de VIP sugiriendo un efecto autócrino del VIP (VIP vs Basal (B); Ant vs B; $p < 0,05$). La inhibición de PKA bloquea la activación de CRE por VIP demostrando su participación en la activación por VIP/VPAC. La sobre-expresión de VPAC2 aumenta la migración y la invasión de Tb indicando su participación en estos procesos (% migración: V.Vacío: $11 \pm 2,4$; VPAC2: $17,1 \pm 2,0$; $P < 0,05$). Por otro lado el silenciamiento del VIP en Tb disminuyó su migración (siRNAVIP vs siRNASCRBL, $p < 0,05$) y se observó una menor producción de mediadores pro-inflamatorios en monocitos/macrófagos luego de co-cultivo con Tb VIP deficientes ($p < 0,05$). Los resultados apoyan la contribución del sistema VIP/VPAC2 de células Tb a la placentación estimulando de manera autócrina la migración e invasión de Tb y contribuyendo a la homeostasis inmunológica

- 366 (477) LA INHIBICIÓN DE LA SÍNTESIS DE PROGESTERONA EN LAS CÉLULAS DEL CÚMULUS ALTERA LA MIGRACIÓN ESPERMÁTICA EN EL OVIDUCTO Y RESULTA EN MENORES PORCENTAJES DE FERTILIZACIÓN**
 Florenza A. La Spina; Ana Romarowski; Lis Del C. Puga Molina; Guillermina M. Luque; Mariano G. Buffone
 IBYME

Los espermatozoides de mamífero son capaces de fertilizar luego de atravesar un proceso denominado capacitación dentro del tracto reproductor femenino. Esto les permite desarrollar la capacidad para realizar la exocitosis acrosomal (EA), la cual es fundamental para penetrar la zona pelúcida (ZP) del ovocito. Antecedentes previos han demostrado que el espermatozoide que llega al sitio de fertilización realiza la EA antes de contactar con la ZP y a pesar de que diferentes estimulantes de la EA fueron reportados, el o los inductor fisiológico aún no ha sido identificado/s. En este contexto, toma protagonismo la progesterona, secretada por las células del cúmulus y postulada como un inductor de la EA pero también como una importante cooperadora en la quimiotaxis dentro del oviducto. Objetivo: Estudiar la participación de la progesterona en la EA y su contribución a la fertilización tanto in vitro como in vivo. Metodología: Se utilizaron ratones transgénicos que expresan las proteínas EGFP en el acrosoma y DsRed2 en mitocondrias (Acr3-EGFP/su9-DsRed2) permitiendo evaluar el estado acrosomal de los espermatozoides y su localización dentro del oviducto por microscopía de epifluorescencia con sistema live imaging. La síntesis de progesterona se inhibió mediante el uso de Trilostante, un inhibidor específico de la 3BHS1. Resultados: 1) La incidencia de EA luego de la inducción con progesterona fue incrementándose de una manera dosis dependiente; 2) El trilostante inhibió la síntesis de progesterona por la células del cúmulus, tanto in vivo como in vitro; 3) La inhibición de la síntesis de progesterona disminuyó significativamente la fertilización in vivo, observándose importantes alteraciones en el proceso de migración espermática a través del oviducto. Conclusión: La progesterona es esencial para que los espermatozoides murinos puedan migrar a través del oviducto hacia el sitio de fecundación.

- 367 (502) EL ACIDO LISOFOSFATIDICO MODULA PROCESOS CLAVES PARA LA IMPLANTACIÓN EN LA INTERFASE MATERNO-FETAL**
 Micaela Sordelli¹; Jimena Beltrame¹; Maximiliano Cella¹; Udo Markert²; Ana María Franchi¹; María Laura Ribeiro¹
 CEFYBO¹ Universidad Hospital de Jena, Alemania.²

Introducción: La invasión del trofoblasto hacia el endometrio es crítica para la implantación. El trofoblasto a término sintetiza ácido lisofosfatídico (LPA), un fosfolípido bioactivo que participa de diversos eventos reproductivos, mayormente a través de su unión al receptor LPA3. La concentración de LPA aumenta en el suero de mujeres embarazadas conforme progresa la gestación y la placenta expresa lyso-PLD, una de las principales enzimas que participa de la síntesis de LPA. Previamente, en nuestro laboratorio observamos que el LPA actúa como una molécula pro-implantatoria regulando la producción de prostaglandinas (PGs) en el útero de rata preñada durante la ventana de implantación. Objetivo: Investigar el rol del LPA sobre las células del trofoblasto de primer trimestre

presentes en la interfase materno-fetal. Metodología: Células de trofoblasto humano de primer trimestre (línea HTR-8/SVneo) se incubaron con LPA (50 μ M) en presencia o ausencia de inhibidores de la producción de PGs y se determinó la migración (ensayo de herida) e invasión celular (ensayo con insertos en Matrigel). Resultados: La incubación con LPA estimula la migración (18hs, $p < 0,05$) y la invasión (24hs, $p < 0,01$) del trofoblasto de primer trimestre. El tratamiento con indometacina (10 nM), un inhibidor no selectivo de las ciclooxigenasa-1 y 2, o con NS-398 (10 nM), un inhibidor selectivo de la ciclooxigenasa-2, revierte el efecto estimulador del LPA sobre la migración. Además, observamos que el LPA aumenta la producción de PGE2 (48hs, $p < 0,001$, RIA), y que las isoformas 1 y 2 de la ciclooxigenasa se localizan en el citoplasma de las células HTR-8/SVneo (inmunocitoquímica). Conclusiones: Estos resultados sugieren que el LPA regula dos de las principales funciones del trofoblasto necesarias para garantizar el éxito de la gestación. En particular, el LPA incrementa la migración a través de un aumento en la producción de PGE2 proveniente de la vía de la ciclooxigenasa-2.

- 368 (506) ALTERACIONES EN EL PROCESO DE PLACENTACIÓN MURINA ASOCIADAS A UNA DEFICIENCIA DE VIP POR CÉLULAS TROFOBLÁSTICAS GIGANTES**
 Vanesa Hauk¹; Daiana Vota¹; Guillermina Calo¹; Lucila Gallino¹; María Emilia Ferro¹; Rosanna Ramhorst¹; James Waschek²; Claudia Perez Leiros¹
 Laboratorio de Inmunofarmacología-Departamento de Química Biológica - IQUIBICEN - CONICET¹ The David Geffen School of Medicine, University of California, Los Angeles, USA²

El proceso de invasión del estroma decidual por células trofoblásticas, indispensable durante la constitución de la interfase materno-placentaria, se asocia a bajas concentración de oxígeno y nutrientes en condiciones fisiológicas de estrés. La autofagia es un proceso metabólico caracterizado por la degradación de organelas para el mantenimiento de la homeostasis celular en condiciones estresantes. El péptido intestinal vasoactivo (VIP) es un péptido pleiotrópico con efecto vasodilatador, anti-inflamatorio y trófico por activación de receptores VPAC1/VPAC2. En trabajos previos demostramos que la gestación en ratones deficientes en VIP se asocia a menor número de crías al nacer, mayor tiempo entre gestaciones y distribución asimétrica de los sitios de implantación. El objetivo de este trabajo es investigar la relevancia del sistema VIP/VPAC endógeno en el fenotipo invasivo de las células trofoblásticas gigantes (TGC). Para esto utilizamos cruces de hembras WT con machos WT o VIP KO. Al día 8,5 de gestación se aislaron los sitios de implantación para determinar la expresión de distintos marcadores de inflamación y placentación por RT-qPCR o las TGC fueron aisladas por microdissección por captura láser (LCM). Los sitios de implantación de la cría WT x KO presentaron una disminución en la expresión de IL-10 y aumento de HIF1- α , VEGF, MMP-9 (UA: $0,46 \pm 0,19$ WTxWT vs $8,5 \pm 3,6$ WTxVIP(-/-); $p < 0,05$), entre otros. Las células trofoblásticas deficientes en VIP presentan una disminución en el patrón puntillado de LC3, marcador característico de la vía autofágica. Al aislar las TGC por LCM encontramos que las TGC deficientes en VIP presentan un incremento en la expresión del receptor VPAC2, de HIF-1 α y una disminución en la expresión de MMP-9 ($p < 0,05$). Estos resultados sugieren la participación de VIP en la regulación de mediadores asociados al fenotipo invasivo y en la inducción de autofagia por células TGCs como vía de supervivencia en condiciones de estrés.

- 369 (531) CARACTERIZACIÓN DEL ARRESTO DE LA ESPERMATOGÉNESIS EN UN CUADRO DE INFLAMACIÓN TESTICULAR E INFERTILIDAD EN LA RATA**
 Cinthia Soledad Mendez; María Eugenia Ferreiro; Cristian Marcelo Sobarzo; Livia Lustig; Patricia Verónica Jacobo; María Susana Theas
 INBIOMED

La orquitis autoinmune experimental (OAE) es un modelo de infertilidad asociado a un infiltrado linfomonocitario intersticial

cuyos productos de secreción (óxido nítrico (ON), TNF- α e IL-6) participan en el daño de los túbulos seminíferos (TS) provocando alteraciones de la barrera hemato-testicular, apoptosis y desca-mación progresiva de las células germinales (CG) post-meióticas. En la fase severa del cuadro sólo persisten las CG pre-meióticas (espermatogonias y espermatoцитos preleptoteno) y de Sertoli y la espermatogénesis no progresa. El objetivo de nuestro trabajo fue evaluar si la alteración del ciclo celular de las CG pre-meióticas y el ON están involucrados en la detención de la espermatogénesis. Para ello determinamos la proliferación de las espermatogonias mediante la incorporación de bromo-deoxi-uridina (BrdU) en ratas macho Wistar adultas normales (grupo N) e inmunizadas para desarrollar OAE (grupo E). Las ratas fueron sacrificadas a los 50 días (d) (OAE focal) y 70d (OAE severa) de la primera inmunización. En la OAE el% de TS con espermatogonias BrdU+, evaluado por inmunofluorescencia (IF) en cortes de testículo, disminuyó significativamente a los 70d (50d N: 53.31 \pm 3.85%, E: 47.24 \pm 8.91; 70d N: 61.80 \pm 1.63, E: 28.47 \pm 2.74*, p<0.01 vs N70d, media \pm ESM). Por citometría de flujo también observamos una disminución del% de espermatogonias BrdU+ (aprox 55.20%) en la OAE severa vs N. En ratas N la inyección intratesticular del dador de ON, DETA-Nonoato (D-NO) disminuyó significativamente el% de TS con espermatogonias BrdU+ vs solución fisiológica (SF) determinado por IF en cortes de testículo (SF: 63.87 \pm 1.93, D-NO (200 μ M): 54.08 \pm 4.44, D-NO (50 μ M): 42.03 \pm 2.98* p<0.05). Demostramos que en la OAE el ciclo celular se arresta como consecuencia de la disminución de la proliferación de las espermatogonias y que el ON podría estar involucrado en la detención del ciclo en dichas células.

370 (535) GRELINA Y PPAR γ EN EL OVARIO HIPERANDROGENIZADO

María Florencia Heber; Leandro Martín Velez; Giselle Adriana Abruzzese; Alicia Beatriz Motta
CEFYBO

Grelina (GHR) es una hormona peptídica que regula el metabolismo de la glucosa y está implicada en el desarrollo del síndrome metabólico y patologías cardiovasculares. Se ha demostrado que grelina se encuentra disminuida en condiciones de obesidad, diabetes tipo 2 y Síndrome de Ovario Poliquístico (SOP). Existen evidencias de que GHR modula el metabolismo lipídico regulando genes adipogénicos como el receptor nuclear activado por proliferadores peroxisomales gamma (PPAR γ). Recientemente se ha demostrado que GHR es un regulador básico del eje reproductivo actuando a nivel gonadal y central. Y que además del estomago se sintetiza en el ovario. Previamente observamos en un modelo murino de hiperandrogenización prenatal (HP) sobrepeso, anovulación, bajos niveles de GHR circulante y acumulación lipídica en el ovario. Objetivo: Evaluar la posible asociación entre GHR y el sistema PPAR γ en el ovario y el efecto de la HP. Ratas preñadas Sprague-Dawley se inyectaron entre los días 16 a 19 de gestación con 2 mg de testosterona ó aceite. Las crías hembras se pesaron y sacrificaron a los 90 días de edad los grupos son control (C) y HP. Se estudió la expresión génica de GHR, su receptor y el sistema PPAR en el ovario mediante PCR en tiempo real. Resultados: La expresión de GHR fue menor en el grupo HP (0.12 \pm 0.08 UA) con respecto al C (0.7 \pm 0.07 UA) p<0.01, la expresión del receptor de GHR fue mayor para el grupo HP vs el C. (C: 0.69 \pm 0.18 UA vs. HA: 1.71 \pm 0.18 UA; p<0.01). La expresión de PPAR γ fue mayor en el grupo HP con respecto al control (C: 1.55 \pm 0.7UA vs HP: 3.39 \pm 0.2UA; p<0.01) al igual que su activador PGC1 α (C: 0.71 \pm 0.25UA vs. HP: 2.22 \pm 0.25 UA; p<0.01). Conclusiones: Existe una asociación directa entre GHR y el sistema PPAR, que se encuentra sobreexpresado/activado en el grupo HP que podría estar induciendo la disfunción ovárica.

371 (540) DETERIORO DEL TEJIDO UTERINO EN UN MODELO MURINO DE POLIQUISTOSIS OVÁRICA

Silvana Rocío Ferreira; María Florencia Heber; Alicia Beatriz Motta
CEFYBO

El Síndrome de Ovario Poliquístico (SOP) es una de las endrocrinopatías reproductivas y metabólicas más frecuente en mujeres en edad fértil. A nivel reproductivo, las mujeres con SOP presentan bajas tasas de implantación por un deterioro de la funcionalidad uterina. La etiología es aún desconocida, pero la hipótesis actual sostiene que durante la gestación un exceso de andrógenos genera un ambiente intrauterino desfavorable, lo que induce reprogramación fetal ocasionando consecuencias en la vida adulta del feto en desarrollo. Los receptores nucleares activados por proliferadores peroxisomales (PPAR gama) modulan la receptividad uterina. Objetivo: Establecer el estado oxidante/antioxidante e inflamatorio y la expresión génica de PPAR gama en el tejido uterino en la etapa adulta (90 días) en ratas hiperandrogenizadas prenatalmente (HP). Ratas preñadas Sprague-Dawley se inyectaron con 2mg de testosterona ó aceite entre los días 16 a 19 de gestación, se utilizaron las crías hembras (N= 10 animales/grupo) que se sacrificaron a los 90 días de edad (Grupos HP y control (C)). Resultados: HP indujo un ambiente intrauterino oxidante dado por un aumento en la peroxidación lipídica (LP) (C: 90,5 \pm 36,1 vs HP: 151,4 \pm 34,6 μ M/mg proteína) p<0,01, mientras que el glutatión se encontraba disminuido (C: 24,2 \pm 9,2 vs HP: 13,7 \pm 2,1 μ M/mg proteína) p<0,05. Con respecto al estado pro-inflamatorio, en el grupo HP se ve un aumento de PGE (293,7 \pm 238,3 pg/mg tejido) con respecto a C (33,1 \pm 21,7pg/mg tejido) p<0,05. La expresión génica evaluada por real time PCR de PPAR gama se encuentra disminuida en el grupo HP con respecto al grupo C (C: 1,92 \pm 0,64 vs HP: 0,46 \pm 0,16 U.A) p<0,05, así como la de su coactivador PGC1 (C: 0,8 \pm 0,49 vs HP: 0,4 \pm 0,16 U.A) La HP induce un estado pro-oxidante y pro-inflamatorio y altera la expresión de PPAR gama en el tejido uterino que se evidencia en la etapa adulta.

372 (559) EL AUMENTO DE TEMPERATURA DURANTE LA CAPACITACIÓN DE ESPERMATOZOIDES HUMANOS ESTIMULA LA HIPERACTIVACIÓN Y FOSFORILACIÓN DE PROTEÍNAS EN TIROSINA

Guillermina María Luque; Lis Del Carmen Puga Molina; Ana Romarowski; Florenza Antonella La Spina; Mariano Gabriel Buffone
IBYME

Los espermatozoides de mamífero no poseen capacidad fértil al momento de ser eyaculados. La adquieren durante el tránsito por el tracto reproductor femenino en un proceso denominado capacitación. Durante el mismo ocurren cambios bioquímicos en el espermatozoide que le permiten adquirir funciones esenciales como la hiperactivación (HA) y la capacidad de realizar la excitación acrosomal. La HA espermática consiste en un cambio en el patrón de movimiento resultando en uno vigoroso, de gran desplazamiento lateral de la cabeza, con incremento en la longitud y amplitud del movimiento del flagelo. En estudios preliminares, observamos que un aumento en la temperatura de incubación provoca un marcado incremento en los niveles de HA. Por lo tanto, nos propusimos estudiar cuáles son las bases moleculares que conllevan a este cambio. Para ello incubamos espermatozoides humanos a 37°C o 40°C durante la capacitación y observamos mediante el análisis por CASA, un incremento en el porcentaje de espermatozoides hiperactivados a partir de los 30 min de capacitación a 40°C en comparación con aquellos incubados a 37°C. Este incremento correlacionó con un aumento en los niveles de proteínas fosforiladas en tirosina, sin variaciones en la fosforilación de sustratos de PKA. Asimismo los niveles de HA observados en espermatozoides humanos capacitados a 40°C son similares a los provocados por la estimulación farmacológica de la vía AMPc/PKA utilizando dbAMPc/IBMX. A partir de estos resultados podemos concluir que el aumento de temperatura durante la capacitación produce un incremento en la HA que estaría relacionado con un aumento en la activación río abajo de la vía AMPc/PKA mediante el estímulo de la fosforilación de proteínas en tirosina. Estos resultados son relevantes ya que el aumento de la temperatura durante la capacitación podría ser utilizado para tratar ciertos casos de infertilidad masculina en combinación con técnicas de fertilización *in vitro* e inseminación intrauterina.

373 (571) ECLAMPSIA Y SÍNDROME DE HELLP: DOS ALTERATIVAS GRAVES EN EL ESPECTRO DE LAS PATOLOGÍAS DE HIPERTENSIÓN GESTACIONAL. ESTUDIO COMPARATIVO

Ana Irene Corominas¹; Silvia Balconi¹; María Ortiz¹; Natalia Szpilbarg²; Nora Martínez²; Alicia E Damiano^{2,3}
Hospital Posadas¹ IFIBIO HOUSSAY² Cat. Biol. Celular y Molecular- FFyB-UBA³

La eclampsia (E) es la forma más grave de preeclampsia (PE), y se caracteriza por convulsiones, hipertensión, proteinuria y edema. El Síndrome HELLP una complicación grave de PE caracterizada por anemia hemolítica microangiopática, disfunción hepática y trombocitopenia. Ambas se encuentran entre las causas principales de muerte materna y fetal y pueden desencadenarse preparto (preP), intraparto (intraP) o postparto (postP) y su fisiopatología no es conocida. Nuestro objetivo fue estudiar la incidencia de E y HELLP en la población de gestantes atendidas entre el 2006-2010 en el Hospital Posadas, con el fin de seleccionar factores de riesgo en dicha población. Se realizó un estudio descriptivo-cuantitativo, mediante relevamiento y análisis de información de fuentes secundarias. Se estudiaron todos los partos atendidos durante el año 2010 y una selección de casos con diagnóstico de E y HELLP ocurridos entre 2006-2010. En los 4845 partos atendidos durante el año 2010 las prevalencias fueron 2.09% PE, 0.24% E y 0.11% HELLP. La distribución de edades maternas en el grupo de pacientes con E comparado con PE presentó un corrimiento hacia edades menores (24 vs 20 años) mientras que las que desarrollaron HELLP (26 años) tuvieron un corrimiento hacia edades mayores, $p < 0.05$. Un 37% de los casos de E se manifestó intraP o postP, mientras que el 100% de los casos de PE y el 86% de HELLP fueron preP. Un alto porcentaje de PE y HELLP presentaron sobrepeso u obesidad. Con respecto a los recién nacidos, la tasa de prematuridad en HELLP fue de 74.3%, E 52.3%, PE 45.9%; y el porcentaje de bajo peso al nacer (<2500g) fue de 66.7% para HELLP, 51.2% para E, y 38.9% para PE. Esto sugiere que la E y el HELLP serían entidades diagnósticas con distinto grupo de pacientes susceptibles y con un perfil de riesgo diferencial para cada una. La obesidad y la edad materna podrían influir en el desencadenamiento de una u otra patología. El HELLP presentaría un mayor riesgo para el neonato.

374 (580) DESARROLLO DE UN MODELO MURINO DE RESTRICCIÓN DEL CRECIMIENTO INTRAUTERINO INDUCIDO POR GLUCOCORTICOIDES. EFECTO DE LA DEXAMETASONA SOBRE LA EXPRESIÓN GÉNICA EN LA PLACENTA

Julieta Aisemberg; María Victoria Bariani; Ana Paula Domínguez Rubio; Ana María Franchi
CEFYO

La restricción del crecimiento intrauterino (RCIU) está asociada a un mayor riesgo de morbi-mortalidad neonatal y al desarrollo en la adultez de un grupo de enfermedades que incluyen diabetes tipo II, hipertensión y obesidad entre otras. Una causa identificada es la exposición excesiva a glucocorticoides (GC), ya sea por estrés materno o por administración exógena de GC como norma terapéutica ante riesgo de parto prematuro. Patologías como RCIU y preeclampsia están directamente relacionadas con disfunción placentaria. El objetivo de este trabajo fue desarrollar un modelo murino de RCIU por administración de GC y determinar el compromiso de la placenta en esta patología. Se realizó una curva con dexametasona (Dx: 0.1, 0.5, 2, 3, 5 y 8 mg/kg, s.c.) administrándola en distintos días de gestación (14, 15 y 16) a ratones de la cepa BALB/c y se evaluó el peso de las crías en el día postnatal 1. La dosis de 8 mg/kg de Dx dada en los días 14 y 15 de gestación produce RCIU (crías con peso por debajo del percentil 10). Un 30% de los controles tienen al menos una cría con RCIU. El 87,5% de las madres tratadas con Dx presenta crías con bajo peso, con una incidencia del 70% dentro de la camada. Estas crías muestran una reducción de peso del 26% en el día postnatal 1, que ya se observa en el día 18 de gestación, además de disminución del peso de la placenta (18%). No hay

cambios en la ingesta materna pero si una menor ganancia de peso en las hembras tratadas con Dx ($p < 0,01$). Al evaluar los niveles de ARNm en la placenta encontramos aumento del factor de crecimiento endotelial vascular VEGF ($p < 0,05$) y disminución del factor de crecimiento placentario PGF ($p < 0,05$) y del transportador de glucosa GLUT3 ($p < 0,05$). La administración de Dx durante el último tercio de la gestación en el ratón induce RCIU. La sobreexposición a GC afecta la fisiopatología placentaria alterando la expresión de intermediarios de la función vascular y del transporte de glucosa al feto.

375 (590) EVALUACIÓN DE IL1 β E IL4 EN SUERO Y LÍQUIDO FOLICULAR DE BOVINOS TRATADOS CON ADENOCORTICOTROPINA (ACTH) DURANTE EL PERIODO PREOVULATORIO

Eduardo M Belotti; Antonela F Stassi; Natalia C Gareis; Ulises S Notaro; Florencia Rey; Hugo H Ortega; Natalia R Salvetti
ICIVET-Litoral

La ovulación es un proceso análogo a la inflamación pero sumamente controlado, siendo las citoquinas factores determinantes en este mecanismo. Junto con células del sistema inmune, las células de la granulosa y de la teca secretan las citoquinas en el ovario. La enfermedad quística ovárica (EQO) constituye una de las causas de infertilidad en bovinos lecheros que tiene como uno de sus componentes la falla en la ovulación que ocasiona la persistencia folicular. Una alteración en los mediadores de la inflamación podría contribuir a la patogénesis de la EQO. Nuestro objetivo fue evaluar la concentración de las interleuquina (IL) 4 e IL1 β en líquido folicular (LF) de los folículos dominantes y suero de vacas sometidas a un modelo de estrés. Se generó un modelo experimental en bovinos mediante la aplicación de ACTH intramuscular cada 12 horas durante cuatro días previos al momento esperado para la ovulación. Se tomaron muestras de sangre y se realizó la ovariectomía para la obtención de tejido y líquido folicular de folículos dominantes ($n=5$). Los controles fueron ovariectomizados en proestro ($n=5$; C). Sobre LF y suero se determinó, la concentración de IL4 e IL1 β mediante ELISA. El LF del grupo tratado con ACTH mostró una tendencia a disminuir la concentración de IL4 con respecto al grupo C ($p=0.75$), mientras que en suero los niveles fueron similares en ambos grupos ($p > 0.05$). No se encontraron diferencias en la concentración de IL1 β en LF y suero entre ambos grupos ($p > 0.05$). Estos resultados contribuyen al análisis de alteraciones en los mecanismos inflamatorios asociados a la ovulación en animales sometidos a estrés. La falla en el mecanismo ovulatorio podría estar implicada en la persistencia de los folículos que se observa en animales que cursan con EQO de manera espontánea. La IL4 actúa a través del receptor de IL4 por lo que sería fundamental evaluar la expresión del receptor como así también la expresión de otras citoquinas involucradas en el proceso de ovulación.

376 (597) LA PROGESTERONA REVIERTE EL INCREMENTO DEL ÓXIDO NÍTRICO INDUCIDO POR LIPOPOLISACÁRIDO A TRAVÉS DE UN MECANISMO INDEPENDIENTE DEL RECEPTOR NUCLEAR DE PROGESTERONA

Manuel Luis Wolfson; Julieta Schander; María Victoria Bariani; Fernando Correa; Ana María Franchi
CEFYO

Las infecciones del tracto genital por bacterias gram negativas son una de las mayores complicaciones en los embarazos humanos. En nuestro laboratorio demostramos que la administración de LPS a ratones a los 7 días de gestación induce reabsorción embrionaria a las 24hs, y el óxido nítrico (NO) cumple un papel fundamental. Además, demostramos que la progesterona (P) tiene un efecto protector sobre los efectos inflamatorios inducidos por el LPS. El objetivo de este trabajo fue estudiar si la administración de P modula el aumento de la producción de NO inducida por LPS en células mononucleares de sangre periférica (PBMC) de ratones preñados y no preñados. En ratones preñados en día 7 de gestación la administración de LPS indujo un aumento en los niveles de NO producido por las PBMC, el cual fue revertido

con la administración de P. La administración de LPS a ratones no preñados produjo un aumento en la producción de NO de las PBMC, el cual fue abolido con la administración de P. El mismo efecto se observó cuando se analizaron los niveles de la NOSi sintasa inducible (NOSi). Para analizar si el efecto de la P es a través de sus propios receptores (PR) utilizamos RU486, un antagonista de los PR. Al co-administrar RU486 y P, el efecto de la P sobre los niveles de la NOSi desaparece. Como el RU486 además de antagonista de los PR es antagonista de los receptores de glucocorticoides (GR), utilizamos un antagonista específico de los PR, lonaprisan. Al co-administrar lonaprisan y P, no se revirtió el efecto de la P, sugiriéndonos que la P podría estar actuando a través de los GR. Asimismo la dexametasona, agonista de los GR, mimetizó el efecto protector de la P sobre el aumento de la expresión de la NOSi en las PBMC de ratones no preñados desafiados con LPS. A través de RT-PCR mostramos que las PBMC expresan los GR. Estos resultados sugieren que la progesterona protege del incremento en la producción de NO inducida por LPS a través de un mecanismo independiente de los PR.

377 (620) MODIFICACIONES EN LA COMPOSICIÓN LIPÍDICA PLACENTARIA Y ENCEFÁLICA PRODUCIDAS POR DIETAS EXCEDIDAS EN ÁCIDOS GRASOS OMEGA 6

María Del Rosario Solís¹; Santiago Bianconi¹; Graciela Stutz¹; María Emilia Santillán²
Cátedra de Fisiología Humana, FCM, UNC.¹ Facultad de Medicina, Univ. Nac. de La Rioja²

El ácido graso (AG) ω 3 docosahexaenoico (DHA) es fundamental para el desarrollo del sistema nervioso central y la retina, durante gestación. Debido a la alimentación occidental rica en ω 6, nos propusimos evaluar efectos de dietas excedidas en ácido linoleico (AL ω 6) sobre la composición lipídica de placentas (P) y encéfalos fetales (EF) de ratón. Hembras con tapón mucoso vaginal (día gestacional 0,5=DG0,5; n=75), asignadas a 3 grupos: control (C, dieta comercial, AL=1,6%;n=25) o C con 10% de aceites de soja o girasol (S, AL=6,68%; n=24 y G, AL=7,68%;n=26, respectivamente). Extractos lipídicos de P y EF (Fólch) al DG12,5 y 16,5. Cromatografía gaseosa. Estadística: ANOVA, Chi-cuadrado, Kruskal-Wallis. $p \leq 0,05$ EF: Los 3 grupos con gran cantidad de AG saturados, superior en G al DG 12,5 y en C al DG 16,5 ($p \leq 0,05$). Mayor contenido de AG insaturados en C y S al DG 12,5 ($p \leq 0,05$). Importante tendencia a mayor contenido de ω 3 en S y C, con predominio de docosapentaenoico sobre eicosapentaenoico (EPA) y DHA. Contenido superior de ω 6 en hembras tratadas al DG 12,5 y 16,5 ($p \leq 0,05$). Predominio AA en hembras tratadas, estabilizándose en los 3 grupos al DG 16,5. Al DG 12,5 menos ω 9 y ác. oleico en las hembras tratadas, $p \leq 0,05$. P: DG12,5: saturados: mayor en G ($p \leq 0,05$); insaturados: mayor en C y S ($p \leq 0,05$). Elevadas concentraciones de ω 6 totales, mayores en G y S vs C, a expensas de un incremento de AA ($p \leq 0,05$). P y EF: escasa cantidad de EPA en hembras tratadas, $p \leq 0,05$ vs C. P vs EF: significativa disminución de ω 3 totales y ALA en C vs G y S. El gran contenido de AG saturados en ambos tejidos se debería a su provisión por la dieta, al igual que el de AL, aumentado en G y S, que explicaría más AA en estos grupos. Ác. Oleico elevado en S y C favorecería el desarrollo cerebral. El contenido de ALA en EF no varió, posiblemente por la escasa presencia de este AG en las dietas empleadas. ALA, EPA y DHA fueron muy bajos a nivel P, apoyando la prioridad de su transporte transplacentario.

378 (547) APOPTOSIS E INFLAMACIÓN EN UN MODELO DE FOLICULOGÉNESIS ALTERADA POR ANDRÓGENOS

Leandro Martín Velez; Silvana Rocio Ferreira; Giselle Abruzzese; María Florencia Heber; Alicia Beatriz Motta CEFYBO

El hiperandrogenismo en mujeres en edad reproductiva está fuertemente asociado a la anovulación crónica, y por lo tanto a la infertilidad. Esa infertilidad está relacionada con alteraciones en el ovario de los mecanismos de apoptosis/anti-apoptosis y con el estado inflamatorio. En este trabajo nos proponemos estudiar si el

hiperandrogenismo altera el desarrollo folicular temprano en el ovario, evaluando la relación en la expresión génica de las proteínas antiapoptóticas BCL2 y proapoptóticas BAX, y de dos marcadores de inflamación temprana: interleuquina 6 (IL-6) y el factor de necrosis tumoral (TNF α). Para ello utilizamos ratas Sprague Dawley a las cuales le inyectamos vehículo (grupo control), gonadotropina coriónica equina (25 UI/rata ip, grupo eCG) para inducir foliculogénesis, o eCG más dehidroepiandrosterona (DHEA) para inducir foliculogénesis en presencia de hiperandrogenismo (25 UI/rata ip más 60 mg DHEA sc, grupo eCG+HA). 8 horas post-tratamiento sacrificamos los animales y extraímos el RNA mensajero del tejido ovárico, a partir del cual evaluamos la expresión génica (Real Time PCR). La relación BAX/BCL2 disminuyó en el grupo eCG vs control (0.53 \pm 0.06 vs 1.00 \pm 0.11 UA), y en el grupo eCG+HA este retornó a niveles control (0.85 \pm 0.32 vs 0.53 \pm 0.06 UA). En cuanto a la inflamación, IL-6 disminuyó en el grupo eCG vs control (0.68 \pm 0.45 vs 3.36 \pm 1.57 UA), pero en el grupo eCG+HA retornó a niveles control (3.22 \pm 1.68 vs 3.36 \pm 1.57 UA), mientras que los niveles de TNF α aumentaron tanto en el grupo eCG y eCG+HA vs control (3.35 \pm 1.17 y 4.55 \pm 1.21 vs 1.58 \pm 1.40 UA) Concluimos que un exceso de andrógenos altera el desarrollo folicular temprano, por medio de un aumento en los mecanismos de apoptosis y de los marcadores de inflamación temprana.

ENDOCRINOLOGÍA 3

379 (290) CULTIVOS DE ESFEROIDES FORMADOS POR CÉLULAS DE LA PAPILA DÉRMICA PRESENTAN UNA MENOR EXPRESIÓN BASAL DE DICKKOPF 1 QUE CULTIVOS EN MONOCAPA Y SU SOBREENEXPRESIÓN POR ANDRÓGENOS DESREGULA LA DIFERENCIACIÓN DE LAS CÉLULAS MADRE DEL FOLÍCULO PILOSO

Gustavo Leiros; Julieta María Ceruti; Ana Gabriela Kusinsky; María Eugenia Balaña
ICT Milstein - CONICET

En el folículo piloso (HF) se encuentra la principal reserva de células madre multipotentes de la piel (HFSC). Estas intervienen en su regeneración cíclica, inducida por factores secretados por las células de la papila dérmica (DPC). En la alopecia androgénica (AGA), los andrógenos causan la miniaturización del HF a través de mecanismos no esclarecidos. Nuestros resultados previos indican que los andrógenos inhiben la vía de Wnt/ β -catenina, interfiriendo en la actividad secretora de las DPC, que impide la diferenciación de las HFSC. Dickkopf 1 (Dkk-1), antagonista de Wnt, se regula positivamente en respuesta a los andrógenos. Las DPC cultivadas en monocapa pierden la capacidad inductiva en pasajes sucesivos mientras que el cultivo en esferoides, agregados celulares 3D, conserva su inductividad. Se evaluó la regulación de la expresión del ARNm de Dkk-1 por dihidrotestosterona (DHT) en cultivos de esferoides y monocapa de DPC. Dkk-1 se indujo significativamente en ambos tipos de cultivo. Sin embargo, la expresión basal resultó significativamente menor en los esferoides respecto a la monocapa. Para determinar si Dkk-1 interfiere en la normal diferenciación de las HFSC, se evaluó la expresión de K6hf (queratina de linaje folicular) en HFSC cultivadas con sobrenadantes de cultivos de DPC. Los sobrenadantes provenientes de ambas modalidades de cultivo de DPC tratadas con Dkk-1 pierden su capacidad de inducir la diferenciación de HFSC, similar a lo observado con DHT. Los sobrenadantes de cultivo suplementados con Dkk-1, también pierden su capacidad inductiva. Concluimos que el incremento de expresión de Dkk-1 en respuesta a los andrógenos en DPC, actuaría de manera autocrina y/o paracrina sobre las HFSC, impidiendo la normal diferenciación de las HFSC y contribuiría al desarrollo de la AGA. La mayor expresión basal de Dkk-1 en cultivos de DPC en monocapa podría explicar en parte, la pérdida de inductividad de las DPC con los sucesivos pasajes en esta modalidad de cultivo.

380 (329) LA SOBRE-EXPRESIÓN DEL FACTOR SOX2 INDUCE UN CAMBIO MORFO-FUNCIONAL DE CÉLULAS TUMORALES HIPOFISARIAS GH3 HACIA UN FENOTIPO INDIFERENCIADO

Carolina Guido¹; Alicia Vaca¹; Liliana Sosa¹; Fabiola Velazquez²; Pablo Perez²; Beatriz Caputto²; Silvina Gutierrez²; Jorge Mukdsi¹; Alicia Torres¹

INICSA¹ CIQUIBIC²

Resultados previos han permitido inferir que células hipofisarias que expresan marcadores de células stem (CS) y cancer stem cells (CSC) estarían involucradas en la etapas tempranas del desarrollo tumoral. Recientemente, en adenomas hipofisarios se ha descrito que la sobre-expresión del factor de transcripción Sox2, asociado a CS, estaría vinculada a la progresión tumoral. El objetivo de este trabajo fue seleccionar y caracterizar la población de células que crecen en suspensión como esferoides y expresan marcadores de CS y CSC a partir de cultivos primarios de tumores hipofisarios. Además, se propone analizar si la sobreexpresión de Sox2 modifica el comportamiento de la línea tumoral hipofisaria GH3. Se utilizaron cultivos de tumores hipofisarios de ratas hembras Fischer estrogenizadas por 30 días, con medios de selección para la obtención de pituesferas y de células GH3 transducidas con un vector retroviral que expresa Sox2 y GFP. Se realizó inmunofluorescencia para la detección de marcadores asociados a CS y CSC y análisis morfológico ultraestructural. Se determinó el metabolismo y la viabilidad celular en GH3 por ensayo de AlamarBlue. Las pituesferas obtenidas fueron positivas para GFRa2, Sox2, Oct4, Nestin, CD133 y CD44 y luego de la diferenciación con medio suplementado expresaron S100, vimentina y GFAP. La sobre-expresión de Sox2 en células GH3 indujo cambios ultraestructurales indicativos de indiferenciación celular incrementando además, el número de figuras mitóticas, la capacidad de formar esferoides, el metabolismo y la viabilidad celular con respecto a las GH3 control. Los resultados obtenidos demuestran que las pituesferas aisladas en cultivo poseen capacidad pluripotente y estarían involucradas en el desarrollo de adenomas hipofisarios. La formación de esferoides y las características morfológicas de células GH3 que sobre-expresan Sox2 evidencian un fenotipo más indiferenciado, sugiriendo un rol activo de este factor en la tumorigénesis hipofisaria

381 (339) ANÁLISIS DE LA ESPECIFICIDAD DE ANTICUERPOS COMERCIALES ANTI-RECEPTOR MAS

Valeria Burghi¹; Iván Andrés Cervino¹; Lucía Mazziotto¹; Emiliana Echeverría²; Natalia Cristina Fernández²; Fernando Pablo Dominici¹; Marina Cecilia Muñoz¹
IQUIFIB, Depto. de Química Biológica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ Cátedra de Química Medicinal, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA²

En los últimos años se ha incrementado el número de publicaciones que basan sus hallazgos en la utilización de anticuerpos cuya especificidad no ha sido validada. Esta observación es principalmente notoria en el caso de estudios de proteínas que se expresan en bajos niveles, como los receptores acoplados a proteínas G (GPCRs). Nuestro grupo estudia el sistema renina angiotensina (SRA), particularmente el eje que involucra a la enzima convertidora de angiotensina de tipo 2, la angiotensina (1-7) y el receptor Mas (MasR). Dicho receptor pertenece a la familia de GPCRs, está constituido por 324 aminoácidos, con una masa molecular estimada de 37 kDa y es específico para la angiotensina-(1-7). El objetivo de este estudio fue determinar la especificidad de cuatro anticuerpos comerciales anti MasR, siguiendo una serie de criterios de especificidad establecidos para una adecuada validación de dichos anticuerpos. Para ello, utilizando anticuerpos comerciales dirigidos contra diferentes epitopes del MasR, se sometieron dos sistemas de expresión del MasR a las técnicas de Western Blotting (WB) e inmunofluorescencia (ICF). Mediante WB y RT-PCR, se investigó la presencia del MasR en corazón y riñón de ratones normales. El patrón de bandas detectado fue idéntico al obtenido por análisis de tejidos de ratones que no expresan el MasR (MasR-KO). A su vez, la intensidad de las bandas obtenidas mediante WB en solubilizados de células HEK293 en las que se sobreexpresó el myc-MasR no correlacionó con los diferentes niveles de expresión de dicho receptor. Finalmente, al analizar mediante ICF la presencia del MasR en

estas células utilizando los anticuerpos anti MasR se observaron patrones de expresión diferentes a los que se obtuvieron con un anticuerpo anti-myc. Se concluye que los anticuerpos comerciales anti-MasR utilizados con mayor frecuencia no cumplen con los principales criterios de especificidad establecidos y su utilización puede conducir a conclusiones erróneas.

382 (349) ESTUDIO DE LA SECUENCIA DEL ARNM DE GNRH, DISTRIBUCIÓN TISULAR Y FISIOLÓGIA EN LA VIZCACHA DE LAS LLANURAS DE SUDAMÉRICA (LAGOSTOMUS MAXIMUS)

Santiago E Charif¹; Pablo I F Insera¹; Alejandro R Schmidt¹; Noelia P Di Giorgio²; Victoria Lux-Lantos²; Alfredo D Vitullo¹; Verónica B Dorfman¹
Centro de Estudios Biomedicos, Ambientales y Diagnóstico¹ IBYME²

La hormona liberadora de gonadotropinas (GnRH) es el factor clave en la regulación del eje reproductivo. GnRH y GAP (proteína asociada a GnRH) son codificadas por el factor pregonadotrófico (preproG). La vizcacha (*Lagostomus maximus*) es un roedor con características reproductivas únicas como poliovlación natural de hasta 800 oocitos y ovulación durante la gestación. El objetivo de este trabajo fue identificar la secuencia del factor preproG y de la variante de GnRH que se expresa en el hipotálamo de la vizcacha, determinar su distribución tisular y el patrón de secreción. Se estudió el hipotálamo de vizcachas no preñadas para secuenciar el factor preproG hipotalámico mediante RACE-PCR, se cuantificó la expresión nucleotídica por PCR y proteica por RIA, y se determinó la pulsatilidad de GnRH en explantos hipotalámicos (n=6). Se identificaron dos variantes del transcripto del factor preproG. Éstas comparten la misma secuencia codificante pero difieren en 34 nucleótidos de la región 5'-UTR. Mediante su comparación con otros roedores se determinó una alta homología de secuencia con respecto a especies evolutivamente emparentadas como chinchilla, degú y cobayo (92, 88 y 87%, respectivamente), y menor homología con respecto a especies evolutivamente más lejanas como rata y ratón (81%). La región que codifica para GnRH resultó altamente conservada entre las especies y se correspondió a la variante mamífero. La expresión del ARNm y proteína de GnRH resultó significativamente mayor en hipotálamo con respecto a otras regiones cerebrales y tejidos reproductivos (ANOVA seguida del test de Newman-Keuls, p<0,05). Se determinó el patrón de liberación pulsátil de GnRH en un pulso por hora durante 6 horas. La presencia de la variante mamífero confirmaría su rol en la modulación del eje reproductivo. La existencia de dos variantes de transcriptos indicaría un equilibrio sensible entre la estabilidad del mensajero y su eficiencia traduccional (PIP-CONICET 0225/2011).

383 (372) PARTICIPACIÓN DE LA QUINASA DEPENDIENTE DE CICLINA 4 (CDK4) EN LA GENERACIÓN DE LOS DISTINTOS LINAJES ADIPOCITARIOS

Andrea Portales¹; Isabel Lopez-Mejía²; Lluís Fajas²; Andres Giovambattista¹
Instituto Multidisciplinario de Biología Celular (IMBICE-CIC-CONICET)¹ Department of Physiology, Université de Lausanne, Lausanne CH-1005, Switzerland²

Las proteínas implicadas en el control del ciclo celular también modulan el metabolismo, cumpliendo un rol integrador entre ambos procesos. Además, se sabe que desempeñan funciones en la diferenciación celular hacia distintos linajes, por ello, el objetivo de este estudio fue evaluar el efecto de CDK4 sobre los precursores adipocitarios del tejido adiposo (TA). Células de la fracción estroma vascular (FEV) del TA epididimal (TAE) e inguinal (TAI) de ratones macho adultos (C57BL/6) fueron aisladas y cultivadas hasta confluencia, momento en el cual se incubaron con o sin Palbociclib (inhibidor de la actividad de CDK4; grupo INH y CTR respectivamente) durante 48hs (d0). En experimentos adicionales se indujo la diferenciación adipocitaria post-tratamiento(d10) y, en otros, al d10 post-tratamiento y diferenciación se estimularon durante 4hs con Forskolina (Fsk). Se extrajo ARN total a los d0,

10 y 10post-Fsk de las células en las condiciones INH y CTR para la determinación de la expresión génica (qPCR). Los resultados mostraron que tanto en TAE como en TAI a d0 y d10 disminuyó la expresión de marcadores adipogénicos generales (PPAR γ , AP2) y aumentó la de adipocitos beige (TBX1, TEMEM26, CD137) al inhibir la actividad de CDK4 ($p < 0,05$). Adicionalmente, a d0 en TAI se registró un descenso de la expresión de CD34 y CD24 (marcadores de precursores blancos, $p < 0,05$) en el grupo INH respecto al CTR, pero no así en TAE. Para los marcadores termogénicos (Ucp1, Dio2, Pgc1 α) a d10 no se encontraron diferencias significativas entre los grupos CTR e INH en ninguno de los TA evaluados. No obstante, la estimulación con Fsk a d10 en el grupo INH indujo un aumento de Ucp1 y Dio2 en TAI ($p < 0,05$ vs CTR+Fsk), no reproducible en TAE. Estos resultados indicarían que CDK4 controla, al menos parcialmente el tipo de precursor adipocitario generado en la determinación, favoreciendo el linaje blanco sobre el beige; y que este efecto sería dependiente del depósito de TA evaluado (PICT2013-0930).

384 (374) EFECTO BENÉFICO DE LA CASTRACIÓN PRE-PUBERAL SOBRE LA FUNCIÓN DEL TEJIDO ADIPOSO

Ana Alzamendi¹; Guillermina Zubiría¹; Amanda Rey¹; Andrea Portales¹; Eduardo Spinedi²; Andrés Giovambattista¹ *IMBICE¹ CENEXA²*

Los estudios de la relación entre la privación estrogénica pre-puberal, y el proceso adipogénico son controversiales. Nuestro objetivo fue evaluar la funcionalidad del tejido adiposo (TA) en la rata hembra adulta deficiente en estrógenos desde la pre-pubertad. Se utilizaron ratas hembra SD: grupo control (C), ovariectomizadas a los 27 días (OVX), y un grupo OVX-pair fed (OVXPF), dada la hiperfagia de los OVX respecto a los C. Determinamos diariamente (días 27 a 60 de vida) el peso corporal (PC) y la ingesta de alimento. A los 60 días se recolectó sangre troncal para determinaciones plasmáticas y se disecó, pesó y extrajo el RNA de TA retroperitoneal (TARP). De hembras C adicionales, se realizó el aislamiento de la fracción estroma vascular (FEV) de TARP; se realizaron cultivos en ausencia o presencia de Estradiol (E_2 , 0,01-1 μ M, 48 hs) en los que se determinó la expresión de marcadores pro- y anti-adipogénicos por qPCR. Los resultados indican que las OVX presentan un aumento en el PC y en la ingesta de alimento ($p < 0,05$ vs. C), que se corrige en el grupo OVXPF. El cálculo de eficiencia calórica muestra un metabolismo diferencial entre las OVX, OVXPF y C. La castración indujo una disminución en la glucemia, no persistente en OVXPF. Las OVX PF presentaron menor masa ($p < 0,05$) de TARP y TARP% vs. OVX y C. Las OVX PF tuvieron menores niveles de leptina plasmática y adipocitos de menor tamaño ($p < 0,05$ vs. C). No se registraron cambios en la expresión de leptina y lipoproteinlipasa en TARP. Los cultivos de FEV muestran un efecto inhibitorio del E_2 sobre el potencial adipogénico, evidenciado por la menor expresión de PPAR γ -2, Zfp 423 y de CD34, un marcador de células con potencial adipogénico. En conclusión, los niveles bajos de estrógenos endógenos desde edad temprana inducen un efecto potencialmente benéfico sobre la función del TARP y de acuerdo a los resultados *in vitro* un aumento del potencial adipogénico de los precursores adipocitarios. (PIP 0198, PICT 2013-0930)

385 (381) FOSFORILACIONES DE LA COCHAPERONA DE HSP90, FK506-BINDING PROTEIN 51

Nadia Romina Zgajnar¹; Cristina Daneri Becerra¹; Mario Daniel Galigniana^{1,2} *IBYME¹ Departamento de Química Biológica, FCEN-UBA²*

La inmunofilina FKBP51 es una cochaperona de Hsp90 a la que recientemente hemos descrito en mitocondria, con acción antiapoptótica y sobreexpresada en células tumorales. Los Western blots muestran varias bandas que atribuimos a isoformas fosforiladas. Con el fin de evidenciar si estas isoformas tienen especificidad de organela, realizamos fraccionamientos subcelulares e incubamos a FKBP51 con fosfatasa alcalina en condiciones moderadas. En geles resolutivos, FKBP51 muestra

al menos cuatro isoformas (a, b, c y d), estando las a y b ausentes en la fracción citosólica, y siendo las b y d abundantes en el núcleo. La isoforma d (la menos fosforilada) es escasa en las mitocondrias comparada con las fracciones nucleares, siendo la isoforma c abundante en ambas. Western blots con anticuerpos anti-fosfoaminoácidos mostraron señal para P-Thr. El fraccionamiento de extractos de hígado demostró que las formas mitocondriales de FKBP51 migran al núcleo durante el ayuno, lo que podría deberse al estrés generado por ayuno prolongado. Analizamos por microscopía confocal a FKBP51 en fibroblastos L1 ayunados de suero en un medio suplementado con variadas hormonas a fin de elucidar la contribución individual de cada sistema, lo cual a su vez se asocia al estado de fosforilación de FKBP51. La privación de suero relocaliza a FKBP51 en el núcleo, lo que se previene totalmente si el medio se suplementa con 1 mM cAMP, 1 mM cGMP, 4 μ M insulina ó 0,2 ng/ml glucagón. Lo hace parcialmente con 0.3 nM angiotensina II ó 15 nM ADH (ambas activan la vía de ACTH in vivo), y no lo hace con 1 μ M dexametasona, 50 nM ACTH, 3 nM epinefrina ó 75 μ M forskolina. El factor común de las cascadas protectoras parece ser la producción de nucleótido cíclicos, la que se sabe es sinérgica en el hígado para los casos de insulina y glucagón. Concluimos que FKBP51 es una fosfoproteína ubicua cuyo grado de fosforilación condiciona su localización subcelular, siendo ello regulado por el balance hormonal.

386 (463) MODULACIÓN DE LA ACTIVIDAD DE LAS SELENOPROTEÍNAS POR EL ESTADO HIPOTIROIDEO

Alicia Juana Klecha^{1,2}; María Laura Barreiro Arcos²; Eduardo Valli²; Luciana Cerchietti³; María Alejandra Paulazo²; María Celeste Díaz Flaqué²; Graciela Alicia Cremaschi^{1,2} *Fac. de Farmacia y Bioquímica¹ BIOMED² CNEA CAC³*

El selenio (Se) es un elemento traza esencial para la función de las selenoproteínas. Los objetivos de este trabajo fueron: 1-analizar la acción del hipotiroidismo experimental sobre los niveles de Se en plasma y en distintos tejidos incluidos los linfoides y 2-evaluar el efecto del contenido de Se tisular sobre la modulación de la actividad de selenoproteínas. Para ello, animales Balb/c fueron tratados con propiltiouracilo (PTU, 0.5 ug/ml) en el agua de bebida por 15 días (grupo hipotiroideo, hipo-) o con placebo (grupo eutiroideo, eu-). Los niveles hormonales en suero fueron cuantificados por radioinmunoensayo (eu- T3:115.0 \pm 12.5 ng/dl, T4:5.5 \pm 0.7 ug/dl, TSH: 47.8 \pm 5.4 ng/ml vs hipo- T3:60.6 \pm 10.2 ng/dl, T4:<1.0 ug/dl, TSH:64.2 \pm 6.8 ng/ml, $p < 0,05$). Las concentraciones de Se en los tejidos pretratados de cada grupo experimental (n=5) fueron determinadas por espectrometría con rayos X por reflexión total. Se observó que el hipotiroidismo regula el contenido de Se en los tejidos estudiados, observándose para este estado tiroideo una reducción significativa de los niveles plasmáticos del mineral (hipo- 200 \pm 16 ug/l vs eu- 414 \pm 15 ug/l $p < 0,005$). A su vez, se encontró una disminución de la actividad de la glutatión peroxidasa en los tejidos linfoides de los animales hipo- respecto de los eu- (% de inhibición 30.7 \pm 3.1; $p < 0,05$). Este efecto fue acompañado por el aumento del estrés oxidativo, evidenciado por la reducción de los niveles de glutatión reducido (GSH) y por el incremento tanto de la peroxidación lipídica, como de las especies reactivas del oxígeno (ROS). Los resultados de este trabajo sugieren que el hipotiroidismo es capaz de modular el balance de Se en los tejidos, disminuyendo la actividad de las selenoproteínas lo que derivaría en un incremento del estrés oxidativo.

387 (495) CAMBIOS MORFOLÓGICOS Y SU CORRELACIÓN CON CAMBIOS HISTOLÓGICOS TIROIDEOS EN UN MODELO DE DISRUPCIÓN ENDÓCRINA EN XENOPUS LAEVIS PROVOCADO POR DEL AGUA DE NAPA

María Fernanda Modarelli¹; Silvia Carbone; Yanina Alejandra Samaniego; Osvaldo J. Ponzio *Laboratorio de Endocrinología - Dpto. de Fisiología. Facultad de Medicina. UBA*

La contaminación de aguas de napas puede vehicular sustancias con acción disruptora endocrina. Objetivos: Evaluar en

anfibios los cambios en la morfología, sensibles a la acción de hormonas tiroideas, en correlación con los cambios histológicos de la glándula tiroidea, en un modelo de disrupción provocada por aguas de napas contaminadas. Materiales y Métodos: Se utilizaron larvas de *Xenopus Laevis* inmersas en agua de: a) red de filtrada como control (C) (n=13), b) napa subterránea de 30 m. de profundidad de una ciudad del conurbano bonaerense (ANS) (n=18) y c) conteniendo 0.007mg/l de perclorato de potasio como control positivo (CP) (n=18). Luego de 28 días de exposición se realizó la valoración morfológica (peso, talla y etapas de metamorfosis según los criterios Nieuwkoop y Faber) e histológica (grados de hiperplasia glandular, área colóidea y altura del epitelio folicular según las guías EPA: Área ambiental Protection Agency). Resultados: Duración de prometamorfosis: C: 21±2 días, ANS: 32±2 días, CP: no completó (p<0.001). Peso y talla final mostraron diferencias en las etapas 60 y 62 de la metamorfosis. Peso: etapa 60 diferencias entre los tres grupos C > CP > ANS (p<0.05); etapa 62 CP > C > ANS (p<0.01). Talla: resultados similares al peso en etapa 60; etapa 62 CP > C = ANS (p<0.01). Mortalidad: solo presente en ANS (10%) (p<0.0001). Hiperplasia glandular tiroidea: etapa 60 ausencia en C, grado II en ANS y grado III en CP (p<0.0001); etapa 62 ausencia en C, grado III en ANS y en CP (p<0.0001). Área colóidea: etapa 60 sin cambios significativos; etapa 62 disminuyó en ANS y CP (p<0.002). Altura del epitelio folicular: etapa 60 fue diferente entre grupos en orden creciente C, ANS y CP (p<0.0001); etapa 62 sin diferencias significativas en ANS. Conclusión: los cambios morfológicos e histológicos durante la metamorfosis en anfibios, que dependen fisiológicamente de las hormonas tiroideas, se ven afectados por la acción disruptora endocrina del agua analizada.

388 (505) ALTERACIONES HIPOFISARIAS DEL SISTEMA TGFβ1 EN RATONES QUE SOBREENPRESAN LA SUBUNIDAD β DE LA GONADOTROFINA CORIÓICA HUMANA (β-HCG). DIFERENCIAS SEXUALES

Erika Faraoni; Laura Ratner; María Andrea Camilletti; María Cecilia Bottino; Alejandra Abeledo; Susana Rulli; Graciela Díaz-Torga
IBYME

Ha sido previamente descrito que ratones hembra que sobreenpresan la subunidad β de la gonadotropina coriónica humana, desarrollan prolactinomas a lo largo de su vida, probablemente por el marcado incremento en los niveles de progesterona sérica. Sin embargo los machos del mismo genotipo no desarrollan estos tumores hipofisarios. TGFβ1 es una potente citoquina; se expresa en hipófisis, preferentemente en los lactotropos, al igual que sus receptores tipo I (ALK5) y tipo II (RTβII). TGFβ1 inhibe las funciones del lactotrofo: proliferación celular y secreción de prolactina. En este trabajo nos propusimos evaluar las alteraciones hipofisarias sobre el sistema TGFβ1 en ratones adultos, tipo salvajes (wt) y β^hhCG, de ambos sexos. A los 6 meses de edad las hembras β^hhCG muestran un importante aumento en el peso hipofisario, acompañado de una concomitante hiperprolactinemia (PRL sérica medida por radioinmunoensayo) respecto a sus pares wt. Sin embargo, los machos de la misma edad no muestran diferencias entre genotipos en estos parámetros. Cuando evaluamos los niveles hipofisarios de TGFβ1 (por ELISA) observamos una disminución de la citoquina activa en las hipófisis β^hhCG de ambos sexos, sin alteración en los niveles de citoquina total. Al evaluar la expresión del RTβII (por q-RT-PCR), la misma se encontró disminuida en hipófisis de hembras β^hhCG. Por el contrario, las hipófisis de machos β^hhCG presentaron niveles elevados del RTβII respecto a sus pares wt, que podría estar colaborando a conservar el efecto inhibitorio local de TGFβ1. Postulamos que las diferencias sexuales encontradas en las alteraciones que sufre el sistema TGFβ1 hipofisario de los ratones β^hhCG podrían explicar, al menos en parte, el desarrollo de prolactinomas en hembras β^hhCG, y no así en los machos.

389 (564) TESTOSTERONA FAVORECE LA DIFERENCIACIÓN DE CÉLULAS MUSCULARES LISAS PROSTÁTICAS REGULANDO LA EXPRESIÓN DEL EJE MYOCD/SRF

Carolina Leimgruber¹; Nahuel Peinetti¹; Luciana Noemí García¹; María Victoria Scalerandi¹; Joseph Miano²; Cristina Maldonado¹; Amado Alfredo Quintar¹
*Centro de Microscopía Electrónica. INICSA-CONICET-Facultad de Ciencias Médicas. Universidad Nacional de Córdoba.*¹ *Aab Cardiovascular Research Institute. University of Rochester.*²

La diferenciación de las células musculares lisas depende de la expresión de genes cito-contráctiles que son regulados por sistema MYOCD/SRF. En próstata, la preservación del fenotipo muscular de las células musculares lisas prostáticas (CMLp) es clave en la homeostasis glandular tanto en condiciones fisiológicas como patológicas. Sin embargo, la presencia y regulación de MYOCD/SRF no ha sido estudiado en este órgano andrógeno-dependiente; por lo que nuestro objetivo fue evaluar la expresión de MYOCD/SRF, su regulación por Testosterona (T) y si la dediferenciación de CMLp inducida por inflamación implica cambios en este eje. Cultivos primarios de CMLp de rata se estimularon con T (10-5, 10-7, 10-12M) o su vehículo (ctrl) por 24h y se procesaron para analizar la expresión de MYOCD/SRF, marcadores de fenotipo muscular (ACTA2, CNN) y el marcador de fibroblasto (VIM) por qPCR y WB. Análisis estadístico ANOVA-Tukey. Testosterona incrementó el mRNA de MYOCD y SRF así como también de ACTA2 y CNN en forma dosis dependiente, indicando que T induce diferenciación de CMLp. Por otro lado, se usó LPS como inductor de dediferenciación; las CMLp se estimularon con LPS 1ug/ml por 48hs y luego se agregó T (10-7 ó 10-12M) al medio por 48 hs adicionales. LPS indujo disminución de Myocd (p<0,05) y SRF (p<0,05), y descenso en los niveles de mRNA y proteína de ACTA2 y CNN. En contraste, luego del tratamiento con T, la expresión MYOCD y SRF alcanzó niveles similares al control con la dosis T10-12 e incluso superiores con T10-7. Este efecto de T se acompañó con el restablecimiento de la expresión de ACTA2 y CNN y disminución de VIM. En el mismo sentido, T disminuyó la proliferación de CMLp inducida por LPS (determinada por inmunomarcación de Ki67). Estos resultados evidencian que los andrógenos inducen diferenciación de CMLp regulando la expresión de eje modificador MYOCD/SRF, contribuyendo de esta forma a preservar y/o recuperar el fenotipo muscular normal en la próstata.

390 (577) EFECTOS TEMPRANOS DEL OLIGODEOXINUCLEÓTIDO IMT504 SOBRE LOS ISLOTES DE LANGERHANS EN UN MODELO DE DIABETES TIPO I EN RATONES

S. Bianchi¹, A Montaner², NA Chasseing¹, M Massimino¹, DA Perez¹, C Libertun^{1,3}, VA Lux-Lantos¹ y MS Bianchi¹
IBYME-CONICET¹, ICT Milstein-CONICET² y Facultad de Medicina, UBA³, Buenos Aires, Argentina.

Previamente demostramos que el oligonucleótido inmunomodulador IMT504 induce una marcada recuperación de la diabetes tóxica inducida por estreptozotocina (STZ) en ratas (Diabetologia 2010,53:1184), sin alterar parámetros inmunes (DiabetesMetabResRev 2012;28:156). El IMT504 también mejora la condición diabética en un modelo de diabetes autoinmune inducido por múltiples dosis bajas de STZ en ratones (MLDZ), observándose efectos beneficiosos tempranamente (2 a 5 dosis del IMT504). Acá, evaluamos el efecto del IMT504 sobre la expresión génica en islotes frescos obtenidos de ratones diabéticos y controles. Ratones macho Balb/C fueron inyectados 5 días consecutivos con STZ (40mg/kg, ip) o con diluyente (C). Ratones STZ con glucemias >250 mg/dl y C fueron inyectados diariamente con IMT504 (20mg/kg/dosis, sc) (STZ-IMT, C-IMT) o salina (STZ, C) y sacrificados luego de dos disminuciones consecutivas en la glucemia de los STZ-IMT (2-5 dosis). Se extrajo ARN de islotes pancreáticos aislados de los diferentes grupos y se midió la expresión génica por PCR en tiempo real. IMT504 normalizó la glucemia rápidamente [glucemia (mg/dl): C=125±4, C-IMT: 104±4, STZ: 355±21*, STZ-IMT: 155±10, * diferente a todos: p<0.001] e indujo cambios en la expresión relativa de preproinsulina 2 [*Ins2*/ciclofilina (*Ppib*): C=0.98±0.15, C-IMT: 0.89±0.15, STZ: 1.80±0.31*,

STZ-IMT: 0.73 ± 0.14 , * diferente a todos: $p < 0.05$], proglucagon [*Gcg/Ppib*: $C = 1.05 \pm 0.30$, C-IMT: 1.41 ± 0.31 , STZ: $4.00 \pm 0.68^*$, STZ-IMT: 2.32 ± 0.27 , * diferente a los controles: $p < 0.002$] y nes-tina [*Nes/Ppib*: $C = 1.05 \pm 0.25$, C-IMT: 0.73 ± 0.18 , STZ: $2.32 \pm 0.35^*$, STZ-IMT: 1.13 ± 0.28 , * diferente a todos: $p < 0.03$], sin cambios en preproinsulina 1 ni *Pdx1*. Estos resultados sugieren que la rápida normalización de la glucemia promovida por el IMT504 se acompaña de cambios en la expresión génica en los islotes de los animales diabéticos. (CONICET, UBA, ANCYPT, Fundación René Barón, Johnson&Johnson-Argentina).

- 391 (601) CARACTERIZACIÓN MOLECULAR DE DOS PACIENTES CON DIAGNÓSTICO DE HIPERPLASIA SUPRARRENAL CONGÉNITA Y FENOTIPO ASOCIADO AL SÍNDROME DE GENES CONTIGUOS EHLERS DANLOS**
 Marino, Roxana¹; Perez Garrido, Natalia¹; Ramirez, Pablo¹; Finkielstain, Gabriela²; Alonso, Guillermo³; Romina, Armando³; Bergadá, Ignacio²; Obregón, Gabriela¹; Rivarola, Marco A¹; Belgorosky, Alicia¹
 Hospital de Pediatría Juan P Garrahan SAMIC¹ División Endocrinología Hospital de Niños Gutierrez² Hospital Italiano de Buenos Aires³

Introducción: El síndrome de delección de genes contiguos, Síndrome de Ehlers Danlos (ED), fue descrito en un 7% de los pacientes con hiperplasia suprarrenal congénita (HSC) con una quimera *TNXA/TNXB* que resulta en delecciones del gen *CYP21A2* que codifica para la enzima 21-hidroxilasa, necesaria para la biosíntesis de cortisol, y del gen *TNXB* que codifica para una glicoproteína de la matriz extracelular tenascina-X (TNX). Existen dos quimeras *TNXA/TNXB* descritas, como así también mutaciones puntuales en *TNXB* que resultan en haploinsuficiencia de este gen, disrupción de la señalización del TGF- β y fenotipo Síndrome ED. También existe una forma autosómica recesiva de este Síndrome. Objetivo: Caracterización molecular de dos pacientes no relacionados con diagnóstico de HSC y fenotipo asociado al Síndrome de genes contiguos ED. Métodos: Se analizaron las 10 mutaciones puntuales más frecuentes descritas en el gen *CYP21A2* mediante PCR alelo específica, RFLP y la presencia de grandes rearrangos en el locus (*CYP21A2*; *TNXB*) mediante Southern blot y Multiplex ligation-dependent probe amplification (MLPA). Resultados: En ambos pacientes se pudo determinar la alteración molecular del gen *CYP21A2* como así también haploinsuficiencia del gen *TNXB* responsables del Síndrome Ehlers Danlos. En ambos casos se detectó la presencia de una quimera *NXA/TNXB*, caracterizada por una delección de 120 pb en el exón 35 de *TNXB* y delección del gen *CYP21A2* en un alelo, y una alteración en el gen *CYP21A2* en el otro (-8pb en P1 y macroconversión en P2) Conclusión: El Síndrome ED se puede encontrar en pacientes con HSC debido a la deficiencia de 21-hidroxilasa. Se debería realizar una evaluación clínica de la displasia del tejido conectivo en pacientes con HSC especialmente en aquellos pacientes portadores de una delección.

- 392 (62) EL AGREGADO DE ANTIOXIDANTES EN EL MEDIO DE INCUBACION PREVIENE EL AUMENTO DE LA REACTIVIDAD TRAQUEAL "IN VITRO" QUE SE OBSERVA LUEGO DE LA ADMINISTRACION CRONICA DE FRUCTOSA**
 Carlos F. Reyes Toso; Marina L Wallinger; Javier Torres-Batán; María L Reyes Toso; Laura M Linares
 Universidad de Buenos Aires; Facultad de Medicina; Depto de Fisiología y Biofísica UA II

La administración crónica de fructosa al 10% -F10%- en la bebida induce la producción de un cuadro que se caracteriza por presentar insulino-resistencia y dislipidemia que se asemeja al Síndrome Metabólico (SM). Dentro de los mecanismos fisiopatológicos involucrados en el SM se considera que el estrés oxidativo podría jugar un papel importante. Por otro lado en presentaciones anteriores, se ha descrito la reducción de la respuesta vasodilatadora endotelio-dependiente en anillos aórticos y pulmonares incubados "in vitro". Este efecto estaría

vinculado a una menor formación o mayor metabolización del óxido nítrico -ON- en las paredes arteriales. En este trabajo se ha evaluado el efecto de la administración de F10% (20 semanas) sobre la reactividad traqueal "in vitro" y el efecto de la pre-incubación con sustancias antioxidantes. Ratas Wistar (machos) se dividieron en dos grupos (n=8 c/u): a) dieta estándar -DE-, b) DE + F10%. Se evaluaron: la presión arterial sistólica (PAS), sustancias reactivas al ácido tiobarbitúrico -TBARS-, nitritos -Ni- y diversas variables metabólicas. A las 20 semanas se sacrificaron, se extrajo la tráquea, se seccionó en anillos y luego se dividió en segmentos de 3 a 4 mm de longitud. Los mismos se montaron en un dispositivo de registro de tensión isométrica conectado a una computadora, y se colocaron en un baño para tejidos con solución de Krebs estándar. Luego de un período de aproximadamente 1 hora se efectuaron curvas dosis respuesta a la acetilcolina (Ach) en presencia o ausencia de N-Nitro-L-Arginina (NNLA), superóxido dismutasa (SOD) y Tirón. Resultados: La F10% -ANOVA- incrementó la PAS, los Ni y TBARS ($P < 0.001$). La respuesta contráctil a la Ach en este grupo fue mayor ($P < 0.01$). La pre-incubación con SOD o Tirón evitó dicho efecto ($P > 0.05$), mientras que con NNLA la aumentó ($P < 0.01$). El mecanismo de acción dependería de la mayor producción de peroxinitritos, de marcado efecto constrictor, formados a partir del Oxido Nítrico.

FARMACOLOGÍA 3

- 393 (261) EL GLICEROL FOSFATO (GLI-P) ACTÚA COMO MEDIADOR DE APOPTOSIS VÍA ESTRÉS OXIDATIVO (EO) Y PROTEÍNAS QUINASAS EN LESIONES FOCALES HEPÁTICAS (LFH)**
 Alejo M Capiglioni; Florencia Lorenzetti; Juan Pablo Parody; Ariel D Quiroga; Flavia Lambertucci; María Cristina Carrillo; María Paula Ceballos; María De Lujan Alvarez
 IFISE

Nuestro grupo observó que la administración oral de GLI a ratas con LFH proliferantes, reduce el tamaño de las lesiones. El GLI-P se produce por acción de la GLI quinasa sobre el GLI liberado de los triglicéridos. Se ha demostrado que el GLI-P actúa como mediador en la generación de EO mitocondrial, que participaría en diversas vías de señalización. Objetivo: analizar los mecanismos por los cuales el GLI afecta el crecimiento de las LFH. Métodos y resultados: ratas Wistar macho adultas fueron sometidas a un modelo químico de iniciación-promoción (IP) para la obtención de LFH. Otro grupo IP recibió además GLI (10%v/v, IPGLI). Los niveles intrahepáticos de GLI-P (cuantificación enzimática) se mostraron aumentados en las ratas tratadas con GLI (IP: $100 \pm 8\%$; IPGLI: $137 \pm 5\%$), al igual que los niveles de EO (determinados indirectamente por peroxidación lipídica, IP: $100 \pm 9\%$; IPGLI: $157 \pm 7\%$). Los niveles de glutatión oxidado/total no mostraron diferencias entre grupos. En el grupo IPGLI la actividad catalasa se mostró disminuida (IP: $108 \pm 7\%$; IPGLI: $72 \pm 1\%$) y la actividad superóxido dismutasa aumentada (IP: $100 \pm 7\%$; IPGLI: $146 \pm 5\%$). El análisis de proteínas quinasas mostró aumento de p-JNK/JNK total (JNK1: IP: $100 \pm 23\%$; IPGLI: $363 \pm 81\%$; JNK2: IP: $100 \pm 21\%$; IPGLI: $526 \pm 51\%$) y disminución de p-ERK2/ERK2 total (IP: $100 \pm 13\%$; IPGLI: $43 \pm 12\%$) en el grupo IPGLI, sin cambios en p-ERK1/ERK1 total. Además, el grupo IPGLI mostró un aumento de la apoptosis (actividad caspasa-3: IP: $100 \pm 18\%$; IPGLI: $135 \pm 4\%$; índice mitocondrial Bax/Bcl-2: IP: 1.0 ± 0.4 ; IPGLI: 2.9 ± 0.5) (* $p < 0.05$). Conclusión: la administración de GLI a ratas con LFH proliferantes reduce el tamaño de las mismas por aumento de la producción de GLI-P, el cual conduce a la generación de EO, con modificaciones de las defensas antioxidantes y de quinasas clave en el balance proliferación/muerte celular. Este mecanismo favorece el aumento de apoptosis, que deriva en la reducción de las LFH.

- 394 (363) REGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN DE GPAT2 Y RESISTENCIA AL ATRA EN MODELOS CELULARES DE CÁNCER HUMANO**

Elizabeth Cattáneo; Mauro A Montanaro; María B García Fabiani; María R Gonzalez Baró
INIBIOLP

Clásicamente se han descrito a las glicerol-3-fosfato aciltransferasas como enzimas sintetizadoras de glicerolípidos. Sin embargo, la isoforma GPAT2 se diferencia de las demás GPATs en cuanto al tejido en el que se expresa (principalmente testículo) y a su regulación transcripcional. Previamente demostramos que la expresión de GPAT2 se correlaciona con la capacidad tumorigénica *in vivo* y el fenotipo tumoral de ciertas líneas celulares de cáncer de mama (MDA-MB-231) y colon (HCT-116). Los retinoides son un grupo de compuestos derivados de la vitamina A entre los que se encuentran los metabolitos activos ácido 9-cis retinoico y ácido retinoico todo trans (ATRA). Estos compuestos regulan el crecimiento y la diferenciación celular y son utilizados como agentes quimioterapéuticos para inhibir la metástasis. Nuestro grupo demostró que estos compuestos incrementan la actividad transcripcional del promotor de Gpat2 de ratón *in vitro*. Tanto las células HCT-116 como las MDA-MB-231 se clasifican como resistentes al tratamiento con ATRA. Teniendo en cuenta que la expresión de GPAT2 humana incrementa la proliferación y migración en estos modelos celulares, decidimos estudiar si su expresión se encuentra también estimulada por retinoides contribuyendo así al mecanismo de resistencia. Nuestros resultados nos permitieron demostrar que tanto el nivel del ARNm como el de la proteína GPAT2 aumentan en respuesta al ATRA, alcanzando sus valores máximos de expresión a las 6 y 24 hs de tratamiento respectivamente. Mediante experimentos de silenciamiento también hallamos que el ATRA atenúa de manera más potente las características tumorales de las células en ausencia de expresión de GPAT2. Estos resultados nos permiten proponer a la expresión elevada de GPAT2 como la causa, al menos parcial, de la conocida resistencia al tratamiento con ATRA de algunas líneas celulares derivadas de cáncer humano.

395 (396) EFICACIA DE UN MODELO PROACTIVO DE FARMACOVIGILANCIA HOSPITALARIA

Guillermo A Keller; Roberto A Diez; Guillermo Di Girolamo
Segunda Cátedra de farmacología - Facultad de medicina - UBA

En Argentina, la Red Nacional de Farmacovigilancia está centrada en ANMAT, y nodos periféricos. Nuestro nodo, utilizó un esquema proactivo para incentivar la recolección de notificaciones, además del registro de notificaciones espontáneas. El objetivo del trabajo es evaluar la eficacia de del enfoque proactivo para combatir la subnotificación. Todas las notificaciones fueron incorporadas a una base de datos (SQL), y se enviaron a ANMAT. Describimos aquí las notificaciones recibidas, la proporción obtenida según el enfoque utilizado y el resultado de la intervención analítica del INAME, cuando la misma fue requerida. De 2004 a 2015 se recibieron 4250 notificaciones (95% reacciones adversas, 4% falta de eficacia y 1% falla de calidad). La mayoría (98%) fueron obtenidas por el enfoque proactivo, notándose un incremento paulatino de la frecuencia de obtención en función del tiempo, mientras que las notificaciones espontáneas se mantuvieron estables a ritmos inferiores a las 10/año. Las reacciones adversas fueron causadas predominantemente por fármacos antimicrobianos, cardiovasculares y neurológicos. De ellas 21% fueron serios mientras que la repercusión clínica fue clasificada como 72% leves, 8% moderados y 20% severas. Los problemas de eficacia/calidad estuvieron relacionados predominantemente a fármacos cardiovasculares, neurológicos, y antimicrobianos. Las notificaciones recibidas generaron conductas como cambio de fármaco, marca comercial, o dosis, realización de estudios complementarios, internación, u tratamiento específico de un evento generado. Las muestras de notificaciones de problemas de calidad/eficacia fueron analizadas por INAME con resultado de "cumple con las especificaciones". Los datos nos permiten concluir que el enfoque proactivo presenta incrementos en las notificaciones obtenidas en forma sostenida con escaso costo, constituyendo una medida efectiva para combatir el problema de subnotificación en centros de farmacovigilancia.

396 (398) EVALUACIÓN DE LOS EFECTOS DE LA MEPERIDINA SOBRE EL INTERVALO QTC EN LA PRÁCTICA CLÍNICA COTIDIANA

Guillermo A Keller¹; Andrea Schimpl¹; María Cecilia Villa Villa¹; Nicolás Fernández³; Nancy M Olivera³; Patricia N. Quiroga³; Roberto A Diez¹; Guillermo Di Girolamo¹
Segunda Cátedra de Farmacología - Facultad de Medicina - UBA¹ CENATOXA - Cátedra de Toxicología y Química Legal - Facultad de Farmacia y Bioquímica - UBA.³

El síndrome de QT largo es un efecto adverso serio que motivó el retiro de muchos fármacos, y se encuentra vinculado a varios opioides como dextropropoxifeno, fentanilo, y metadona. Se realizó ECG y laboratorio, basal y durante el tratamiento a pacientes que recibieran Meperidina como analgésico y se cuantificó el fármaco en plasma espectrometría de Masas (GC - MS). Se incluyeron 58 pacientes (45% hombres), con edad promedio±DS (Rango) de 73±11 (50-89) años, peso 74±11 (60-99) Kg e índice de masa corporal 26,44±4,68 (18,31-35,50) Kg/m². Entre los antecedentes, 26 (44,8%) pacientes presentaron por lo menos un factor de riesgo para QT prolongado: arritmia (8,6%), insuf Cardíaca (6,9%), insuficiencia hepática (8,6%), insuf renal (6,9%), hipotiroidismo (5,2%), enf del SNC (6,9%), diabetes (16%), y obesidad (26%). A nivel basal, los pacientes tenían [parámetro: promedio ± desviación estándar (rango)]: intervalo R-R' (mseg) 826±97 (600-980), QT (mseg) 328±40 (240-380), QTcB (mseg) 360±33 (259-424). Intratratamiento, recibiendo meperidina a una dosis de 304±133 (120-480) mg/día y presentaron R-R' (mseg) 756±109 (580-960), QT (mseg) 322±45 (240-420), QTcB (mseg) 370±30 (305-433). El ΔQTc fue +9 ±42 (-90 a +96) mseg. El 26% presentó ΔQTc>30 mseg y el 14% fue >60 mseg. Las concentraciones de meperidina y normeperidina fueron: 369±60 (265-519) y 49±17 (15-78). El QTc mostró correlación con las concentraciones plasmáticas de fármaco y metabolito (R=0,37 y 0,55 respectivamente) y el ΔQTc se correlacionó aún mejor (R=0,69 respecto a meperidina y R=0,82 respecto de normeperidina). Se corrobora un claro efecto concentración-dependiente sobre el intervalo QTc. No se evidenciaron casos de prolongación dle intervalo QTc en valor absoluto (QTc> 470) ni casos de arritmias cardíacas asociadas. La meperidina parece tener un efecto de prolongación del intervalo QT cuando se mide por ΔQTc sin gran repercusión clínica.

397 (551) MODULACIÓN DE TRANSPORTADORES ABC POR LA PROGESTINA NOMEGESTROL ACETATO (NMGa) EN LA LÍNEA CELULAR HEPÁTICA HUMANA HEPG2

Guillermo Nicolás Tocchetti; Juan Pablo Rigalli; María Laura Ruiz; Silvina Stella Maris Villanueva; Aldo Domingo Mottino
IFISE

El hígado desempeña un papel fundamental en la depuración de xenobióticos. Los transportadores canalculares de la familia ABC (ATP Binding Cassette) P-gp (P-glicoproteína, ABCB1), MRP2 (proteína asociada a resistencia a multidroga 2, ABCC2) y BCRP (proteína de resistencia del cáncer de mama, ABCG2) y el transportador basolateral MRP3 (proteína asociada a resistencia a multidroga 3, ABCC3) cumplen un rol clave en la excreción de fármacos a la bilis y a los sinusoides, respectivamente. Alteraciones en la expresión y/o actividad de los mismos son una causa frecuente de interacciones droga-droga que pueden alterar la eficacia y/o la seguridad de un tratamiento. NMGa es una progestina de empleo creciente como anticonceptivo oral. Su uso en tratamientos prolongados aumenta las posibilidades de administración simultánea con otras drogas. Hasta el presente se desconoce si ejerce algún efecto modulador sobre la expresión de transportadores ABC de relevancia farmacológica y, por ende, sobre la excreción de drogas coadministradas. En el presente trabajo se trataron células HepG2 con NMGa (0,5, 5, 50 y 500 nM, 48 h) o vehículo y se evaluó la expresión proteica de P-gp, MRP2, BCRP y MRP3 por inmunoblot. P-gp mostró una inducción significativa a las concentraciones 5, 50 y 500 nM (+83, +77 y +93%, respectivamente; p<0,05, n=3). MRP2 por su

parte mostró una inducción significativa luego del tratamiento con NMGA únicamente a la dosis 5 nM (+159%; $p < 0,05$, $n=3$). No se observaron cambios significativos en la expresión de BCRP ni MRP3 a ninguna de las concentraciones ensayadas. Los resultados observados demuestran una regulación diferencial de los transportadores estudiados. El aumento de la expresión de P-gp y MRP2 sugeriría alteraciones en la farmacocinética de drogas sustratos de estos transportadores que sean coadministradas con NMGA.

398 (557) ACTIVIDAD DEL METIL GALATO SOBRE EL TRACTO GASTROINTESTINAL

María Laura Anzoise; Julieta Sofía Del Mauro; Andrea Carranza; Susana Gorzalczy
Cátedra de Farmacología-FFyB-UBA

La enfermedad inflamatoria intestinal es un trastorno gastrointestinal crónico e idiopático caracterizado por lesiones de la mucosa, diarrea y dolor abdominal. Actualmente, no existe un tratamiento que permita obtener una respuesta totalmente satisfactoria para los pacientes. Los extractos de plantas medicinales o compuestos aislados de las mismas pueden ofrecer alternativas terapéuticas para el tratamiento de esta enfermedad. El objetivo de este trabajo fue estudiar la actividad del metil galato (MG) sobre el tracto gastrointestinal utilizando un modelo de colitis inducida por ácido acético en ratas, un modelo de diarrea y otro de motilidad intestinal inducidos por aceite de ricino en ratones. También se evaluó el efecto espasmolítico del compuesto en yeyuno aislado de rata. El metil galato (300 mg/kg, vo) redujo significativamente el peso del colon (colitis+: 545.2 ± 36.2 mg; MG 300 mg/kg, vo: 374.0 ± 34.7 mg; MG 100 mg/kg, vo: 528.5 ± 66.98 mg; mesalazina 100 mg/kg, vo: 329 ± 36.91 mg), el score del daño (colitis+: 3.4 ± 0.2 ; MG 300 mg/kg, vo: 2.25 ± 0.5 ; MG 100 mg/kg, vo: 2.5 ± 0.65 ; mesalazina: 1.8 ± 0.20) y los niveles de TBARs (colitis+: 5.27 ± 0.9 ; MG 300 mg/kg, vo: 1.41 ± 0.2 ; mesalazina: 4.267 ± 0.54). Además, la dosis más alta de MG produjo una recuperación parcial de los daños histológicos inducidos por el acético y una disminución de la expresión aumentada de COX_2 en el modelo experimental de colitis. El MG (100 y 300 mg/kg, vo) prolongó significativamente el tiempo transcurrido hasta la aparición de diarrea y redujo la motilidad intestinal. El compuesto también disminuyó de manera concentración-dependiente, el efecto máximo de las curvas acumulativas inducidas por acetilcolina (Emáx 1 mg/ml: 91.97%) y el mismo resultado se obtuvo para la curva de $CaCl_2$ (Emáx 1 mg/ml: 100%), en yeyuno aislado de rata. En conclusión, el metil galato, mostró un efecto antiinflamatorio, antidiarreico y antiespasmódico y antioxidante en los modelos experimentales empleados.

399 (612) SECRECIÓN DE NANOVESÍCULAS CON ACTIVIDAD ATPÁSICA POR ESTIMULACIÓN HISTAMINÉRGICA EN LA GLÁNDULA SUBMANDIBULAR DE RATA

*Betina Orman*¹; Noelia Balcarcel²; Emmanuel Quinteros Villarruel¹; Matias Barbieri Van Haaster²; Macarena Brandt²; Debora Gonzalez²
Cátedra de Farmacología FOUBA¹ Cátedra de Biofísica FOUBA²

La glándula submandibular (GSM) secreta a la saliva proteínas como mucina y amilasa. La histamina (His) modula esa secreción. La GSM también libera pequeñas vesículas extracelulares que poseen la capacidad de hidrolizar ATP y ADP. Objetivo: caracterizar el efecto de la His sobre la producción de nanovesículas y su actividad ATPásica en la GSM de ratas. Métodos: fragmentos de GSM de ratas Wistar macho de 80 días se incubaron durante 30' a 37°C en solución fisiológica (pH 7,4), sin o con His y antagonistas de los receptores H_1 y H_4 , pyrilamina y *JNJ* 10191584, respectivamente. Los medios de incubación fueron centrifugados sucesivamente 15' a 2000 g y 60' a 27000 g. Los pellets obtenidos fueron analizados por microscopía electrónica de transmisión con tinción negativa, se midieron proteínas con el método de Bradford y la actividad ATPásica dosando el fosfato (P_i) liberado a partir de 3 mM MgATP con

el método colorimétrico de Baginski. Resultados: A partir de las GSM se obtuvieron pellets conteniendo vesículas con diámetro <150 nm, en las que se midió la actividad ATPásica. El 80% de la actividad ATPásica decayó con $T_{1/2}$ @ 2 min, lo que es característico de la NTPDasa2. La actividad ATPásica de las vesículas se incrementó cuando las GSM se incubaron en presencia de His (10^{-10} hasta 10^{-5} M), obteniéndose un pico máximo a 10^{-8} M (Pi: His 10^{-8} M vs basal \pm ES= $1,73 \pm 0,24$ vs $0,72 \pm 0,08$ nmoles Pi /min/mg peso húmedo, $n=6$ por duplicado). La actividad ATPásica se redujo cuando las GSM fueron incubadas en presencia de His + *JNJ* 10191584, pero no en presencia de pyrilamina. Conclusiones: la His estimula la secreción de nanovesículas con actividad ATPásica en la GSM de la rata, en forma concentración dependiente, a través de la activación del subtipo H_4 . Estas vesículas podrían ser el vehículo para transportar nucleotidasas que regulen las concentraciones de ATP, ADP y adenosina y las respuestas purinérgicas en los ductos glandulares. Financiado por UBACYT 200201202200253BA

400 (631) BUSQUEDA DE MARCADORES MOLECULARES EN SALIVA TOTAL EN PACIENTES CON ARTRITIS REUMATOIDEA Y ENFERMEDAD PERIODONTAL. ESTUDIO PRELIMINAR

*Terেসita Ferrary*¹; Bianchi Liz¹; Armada Mariana¹; Echaide Mariana¹; Quinteros Villarruel Emmanuel²; Orman Betina¹
Cátedra de Patología y Clínica Buco Dental¹ Cátedra de Farmacología FOUBA²

La saliva es un importante determinante de la salud bucal y juega un rol central en la regulación de la ecología oral. Es una fuente potencial de nuevos marcadores diagnósticos y de objetivos terapéuticos, debido a que su recolección es simple y mínimamente invasiva. El objetivo de este estudio preliminar fue investigar la posible presencia de marcadores moleculares diferenciales para la detección de artritis reumatoidea con diferentes terapéuticas y enfermedad periodontal. Materiales y Métodos: 10 muestras de saliva total de pacientes en estado de salud, 10 con artritis reumatoidea (AR) y enfermedad periodontal (EP), 10 muestras con AR y EP tratados con metotrexato (MTX) y 7 con AR y EP tratados con biológicos. Las muestras fueron extraídas en estado de reposo. Se determinó la concentración de proteínas por el método de Lowry. La técnica analítica empleada fue electroforesis bidimensional, con tinción con Coomassie brilliant blue. Resultados: Se observaron geles bidimensionales de muestras de saliva total adultos en estado de salud y de pacientes con AR y EP, medicados con MTX y con biológicos. Esta técnica confirmó la complejidad de las muestras y permitió visualizar un alto grado de polimorfismo, particularmente en las amilasas y en la región en que se ubican las proteínas ricas en prolina e histatina. Se han observado diferencias y similitudes entre las muestras. Se han desarrollado mapas que llevan al reconocimiento de que aunque hay solamente unos pocos genes codificantes hay una tremenda diversidad de péptidos y proteínas como consecuencia de procesos de modificaciones post-traduccionales. Se están realizando estudios para confirmar las proteínas diferenciales, las cuales podrían ser una herramienta útil para el mejor conocimiento del AR y su relación con la EP.

401 (661) ACTIVIDAD ANTIVIRAL DE EXTRACTOS POLIFENÓLICOS DE PAPAS ANDINAS EN LA INFECCIÓN POR EL VIRUS DE LA HEPATITIS B

*María Martínez*¹; Adriana B. Andreu¹; L Barbini²
Instituto de Investigaciones Biológicas¹ Cátedra de Microbiología Clínica, Universidad Nacional de Mar del Plata²

Las infecciones por el virus de la hepatitis B (HBV) son un problema de salud con 400 millones de infectados en el mundo. A pesar de la existencia de drogas antiHBV, como el INF α o los análogos de nucleósidos, pueden aparecer efectos adversos y surgir mutantes resistentes. Existe la necesidad de nuevas drogas con actividad antiHBV y los compuestos polifenólicos naturales serían potenciales nuevas moléculas. El objetivo es estudiar la actividad antiHBV *in vitro* de extractos polifenólicos

de papas andinas (EPP, variedad CL658). La actividad anti-HBV se ensayó en la línea celular HepG2 2.2.15. Se trataron con diferentes concentraciones de EPP (25, 50, 75, 100, 150 y 200 µg/mL) por 6 días. Se determinó la máxima concentración no citotóxica (MCNC) midiendo viabilidad y muerte mediante: ensayo de MTS, tinción con azul tripán (AT) y tinción con bromuro de etidio/naranja de acridina (BE/NA). Se estudiaron cambios morfológicos característicos por microscopía de contraste de fases y electrónica. Como medida de replicación viral se cuantificó el HBsAg en los sobrenadantes de células controles y tratadas con 25 y 50 µg/mL de EPP, por un ensayo inmunoenzimático. El EPP resultó citotóxico de manera dosis y tiempo dependiente, resultando la MCNC 50 µg/mL. La tinción con BE/NA mostró un aumento en el número de células apoptóticas en concentraciones mayores a 50 µg/mL al sexto día de tratamiento. No se observaron alteraciones morfológicas en las células tratadas con 50 µg/mL a diferentes tiempos. El tratamiento con EPP redujo la concentración del HBsAg en los sobrenadantes de manera dosis y tiempo dependiente, con respecto a los controles. La inhibición de la replicación viral en presencia de EPP se evalúa actualmente determinando HBeAg y la cuantificando el DNA viral por RT-PCR. Se determinará el mecanismo de acción antiviral del EPP. En base a los resultados obtenidos, el EPP posee actividad antiHBV y sería una fuente potencial de nuevos antivirales para el tratamiento del HBV.

- 402 (663) INHIBICIÓN DE APOPTOSIS EN CÉLULAS ERITROIDES UT-7 Y CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS MCF-7 POR DOS FORMULACIONES DE EPOETINA ALFA IN VITRO**
M. Gabriela Lombardi¹; Paola Martínez Pulido¹; Ganna Dmytrenko¹; Roberto A. Diez²; Mara Elena Sales¹
CEFYBO¹ Biosidus S.A.²

La eritropoyetina, una glicoproteína que regula la eritropoyesis, es producida como proteína recombinante (epoetina, EPO), activa el receptor de eritropoyetina (EPOR, expresado también en células no eritroides) y se emplea en diversas formas de anemia. Evaluamos el efecto de dos formulaciones de epoetina alfa (Eprex®, Janssen-Cilag y Hemax®, Biosidus) en una línea eritroide humana (UT-7, eritropoyetina-dependiente) y una línea tumoral mamaria (MCF-7), midiendo su proliferación, apoptosis y señalización del EPOR (fosforilación de STAT5) entre 1 y 10 U/ml. Los datos (promedio ± SEM consolidados de ambas formulaciones cuando no difirieron) fueron comparados con ANOVA y prueba de Tukey. Con MTT, EPO (96 h) estimuló la proliferación de UT-7 entre 5 y 10 U/ml (3,0±0,2 y 2,3±0,1 veces de aumento vs el control, p<0,0001). La proliferación de MCF-7 aumentó con todas las concentraciones (1 a 10 U/ml; 1,5±0,2 a 1,25±0,2 veces de aumento, p<0,01 o p<0,001 vs. control). Se indujo apoptosis privando del medio condicionado (UT-7) o agregando forbol miristato acetato (PMA), 30 µg/ml durante 24 h (MCF-7), con o sin EPO, evaluando por citometría de flujo (FITC- anexina V e yoduro de propidio). La inducción en UT-7 redujo su viabilidad (fracción viable: 24,3± 4,3%, p<0,0001 vs. el control) y EPO las rescató, aumentando la fracción viable (51,3± 2,5%, p<0,001 vs las células en ausencia de EPO). El PMA redujo la viabilidad en MCF-7 y el agregado de EPO no lo previno (viabilidad de 40,8±3,2% y 45,9±3,9% respectivamente, ambos p<0,001 que el control sin PMA). Se detectó STAT5 fosforilado (STAT5-P) por western blot en lisados de UT-7 y MCF-7 con o sin EPO (5 min con 5 y 10 U/ml de EPO). Con ambas concentraciones de EPO se detectó STAT5-P en UT-7, pero no en MCF-7. En ninguno de los modelos estudiados se detectó diferencia entre ambas formulaciones de epoetina. Proponemos que estos modelos pueden ser de utilidad para comparaciones farmacodinámicas de estimulantes de la eritropoyesis.

NEUROCIENCIAS 5

- 403 (225) EXPOSICIÓN A HERBICIDAS Y FUNCIÓN MITOCONDRIAL EN CORTEZA CEREBRAL Y CUERPO ESTRIADO**

Analia Czerniczyniec; Analia Karadayian; Juanita Bustamante; Silvia Lores Arnaiz
IBIMOL

El paraquat (1,1'-dimethyl-4,4'-bipyridinium dichloride) y la atrazina (2-cloro-4-etilamino-6-isopropilamino-s-triazina) son herbicidas que han sido descriptos como tóxicos potenciales del sistema dopaminérgico tanto *in vivo* como *in vitro*. Las mitocondrias cumplen una función fundamental en el suministro de energía necesario para la excitabilidad y supervivencia neuronal. Así, el objetivo de este trabajo consistió en evaluar la funcionalidad mitocondrial luego del tratamiento crónico con paraquat (10 mg/Kg i.p.) o sub-crónico con atrazina (5 mg/Kg i.p.). El tratamiento con paraquat alteró el consumo de oxígeno mitocondrial en corteza cerebral y cuerpo estriado, que se refleja en una disminución del control respiratorio. En tanto, el tratamiento con paraquat disminuyó la actividad del Complejo I en un 25% y 34% en corteza y cuerpo estriado. Como consecuencia, la producción de peróxido de hidrógeno (H₂O₂) en corteza cerebral y cuerpo estriado se incrementó en un 13% y 48%, respectivamente. Asimismo, el tratamiento con paraquat indujo una depolarización mitocondrial en ambas áreas cerebrales (25% y 22%). En el caso del tratamiento con atrazina, las determinaciones de H₂O₂ demostraron que cuando se utilizaron como sustratos malato y glutamato se observó un aumento significativo de H₂O₂ del 23% en mitocondrias de cuerpo estriado. Mientras que cuando el sustrato fue succinato, no se observaron cambios significativos. Por último, se observó una depolarización del 11% en mitocondrias de cuerpo estriado de ratas tratadas con atrazina. Ninguno de estos parámetros se encontró alterado en corteza cerebral luego del tratamiento con atrazina. Estos resultados sugieren que ambos herbicidas inducen disfunción mitocondrial que podría dar lugar a alteraciones en la bioenergética celular y consecuente muerte neuronal.

- 404 (370) MODELO DE INTOXICACIÓN AGUDA POR PARACETAMOL (APAP) SIN INSUFICIENCIA HEPÁTICA. EFECTO SOBRE LA ACTIVIDAD LOCOMOTORA Y MARCADORES GLIALES EN ESTRIADO E HIPOCAMPO DE RATAS**
María B Vigo¹; María J Pérez²; María B Di Carlo³; Alejandra Scazzioti³; José E Manautou⁵; Carolina I Ghanem^{1,4}
ININFA¹ IQUIFIB-CONICET² Dpto. BioQuímica Clínica, FFYB. UBA³ Cátedra de Fisiopatología. FFYB. UBA⁴ Department of Pharmaceutical Sciences, University of Connecticut, USA⁵

El daño cerebral por sobredosis de (APAP) se asocia a encefalopatía hepática, secundaria a una insuficiencia hepática aguda (IHA). Sin embargo reportamos que dosis tóxicas de APAP producen astrogliosis y muerte de precursores de oligodendrocitos (OPC) en cultivo primario de células gliales. Objetivo: Estudiar el efecto de una dosis hepatotóxica de APAP sin IHA sobre la conducta locomotora y los marcadores de células gliales en estriado (Es) e hipocampo (Hp) de ratas. Materiales y métodos: Ratas Wistar Macho (260-310g) se inyectaron i.p. con una dosis tóxica de APAP (1g/kg). Se estudiaron marcadores de lesión (ASAT/ALAT) y función (KPTT; TP; Factor V y amonio) hepática. Se estudió la actividad locomotora en un campo abierto. Se evaluó la expresión de marcador de astrositos (Gfap) y del linaje oligodendrocítico (Pdgfr-alfa; SOX10 y MBP) en Es e Hp por WB. Resultados: Los valores de ASAT y ALAT se incrementaron un 200% y 110% en el grupo APAP, respectivamente (p<0.05). Sin embargo los marcadores de funcionalidad hepática KPTT, TP, FV y amonio no se modificaron por APAP. La distancia recorrida en 25 min fue un 53% menor en APAP (p<0.05). La expresión de Gfap se incrementó en un 70% y 199% en estriado e hipocampo del grupo APAP respectivamente (p<0.05). La expresión del marcador de toda la estirpe oligodendrocítica, SOX 10, no mostró diferencia significativa en Es e Hp (C:100±16; APAP:157±36 y C:100±5; APAP:159±35 respectivamente; n=4). El marcador de OPC, Pdgfr- α , aumentó un 150% y un 262% en Es e Hp respectivamente (p<0.01). Mientras que el marcador del estadio maduro, MBP, no se modificó significativamente en Es (C:100±20;

APAP:70±7; n=4) y disminuyó un 50% en Hp de ratas APAP. Conclusión: Estos resultados demuestran que dosis tóxicas de APAP producen cambios conductuales y efectos tóxicos directos por se, sobre las células gliales caracterizados por astrogliosis y la disminución de oligodendrocitos maduros, independientemente de la función hepática.

405 (382) EFECTO PROTECTOR DEL ÁCIDO LIPOICO SOBRE CORTEZA VISUAL PRIMARIA EN UN MODELO DE GLAUCOMA EXPERIMENTAL

*Claudia G. Reides; Romina M. Lasagni Vitar; Fabián Lerner; Sandra M. Ferreira; Susana F. Llesuy
Cátedra de Química General e Inorgánica. IBIMOL, UBA-CONICET. Facultad de Farmacia y Bioquímica. UBA*

El glaucoma es una neuropatía óptica multifactorial caracterizada por la pérdida de células ganglionares retinales y atrofia del nervio óptico. El objetivo del trabajo fue evaluar el efecto protector del ácido lipoico (AL) frente al daño oxidativo en corteza visual primaria (CV) en un modelo de glaucoma experimental. Se trabajó con 4 grupos de ratas Wistar (3 meses, n=16): grupo glaucoma (G), grupo glaucoma tratado con 100 mg de AL via i.p / kg de peso durante 7 días postquirúrgicos (GL), grupo control (C) y grupo control suplementado con AL (CL). A los 7 días de la cirugía se determinaron en homogeneizados de CV los siguientes parámetros: lipoperoxidación (TBARS), oxidación de proteínas (PO), capacidad antioxidante total (TRAP), tioredoxina reductasa (TR), glutatión peroxidasa (GPx), glutatión reductasa (GR) y superóxido dismutasa (SOD). Al comparar el grupo G con el C se observó un aumento de la lipoperoxidación (133%, $p<0,001$), un aumento en las PO (138%, $p<0,05$), una disminución del TRAP (50%, $p<0,05$), un incremento en la GPx (62%, $p<0,05$), una disminución en la TR (34%, $p<0,05$) y GR (61%, $p<0,05$), no registrándose cambios en la SOD. Cuando a G se lo trató con AL (GL), al comparar ambos grupos se observó una disminución no significativa de los TBARS, una disminución de PO (58%, $p<0,05$), un aumento del TRAP (108%, $p<0,05$), un incremento de la SOD (79%, $p<0,001$) y un aumento de la GR (408%, $p<0,001$). Se concluye que el tratamiento con 100 mg de AL/kg revierte los valores de TRAP y PO a los valores controles. El aumento en la SOD podría ser un mecanismo adaptativo para la protección del daño. El aumento de la GR incrementaría el glutatión reducido lo que aumentaría los niveles de TRAP. La terapéutica del glaucoma podría contemplar el uso de AL como una posible estrategia para la neuroprotección, considerando que el daño glaucomatoso se extiende a nivel cerebral más allá de la retina y del nervio óptico.

406 (386) DESARROLLO DE UN MODELO EXPERIMENTAL DE GLAUCOMA FELINO

*Pablo H Sande; Javier Alvares; Agustina Iaquinandí; Ruth Rosenstein
CEFYBO*

El glaucoma es una disfunción ocular prevalente en felinos, caracterizada por la pérdida progresiva de las funciones visuales, que se correlaciona con la muerte de células ganglionares retinianas y excavación y atrofia de la papila óptica. El aumento de la presión intraocular (PIO) es el principal factor de riesgo para el desarrollo de la enfermedad. Existen diversos aspectos comunes para el glaucoma entre diferentes especies; sin embargo, fármacos que se utilizan en humanos o perros no son bien tolerados por los gatos. Por lo tanto, la elección terapéutica debería ser específica para esta especie. El desarrollo de nuevas estrategias terapéuticas para el glaucoma felino depende en gran medida del uso de modelos experimentales específicamente desarrollados en esta especie, que al presente son muy limitados. El objetivo de este trabajo fue desarrollar un modelo experimental de glaucoma felino. Para ello, gatos macho castrados europeos de pelo corto (4 - 6 kg, 5 ± 1 año de edad) fueron anestesiados y sometidos a la aplicación de 6 a 8 disparos de láser diodo (810 nm, 1500 mW, 5 segundos/disparo) en un cuarto de la superficie del ángulo iridocorneal, mediante

una endosonda en cámara anterior; el ojo contralateral fue sometido a un tratamiento simulado. La aplicación de láser indujo un aumento significativo ($P < 0.01$) y sostenido de la PIO desde el día 1 al día 28 post-cirugía con respecto a ojos controles. Hasta los 3 días post-cirugía se observó leve edema de córnea y midriasis intermedia y a los 28 días post-cirugía se observó una disminución significativa ($P < 0.01$) en el reflejo pupilar consensual, así como signos característicos de la degeneración glaucomatosa en la cabeza del nervio óptico. En suma, estos resultados indican que la aplicación de láser en el trabeculado reproduce aspectos centrales del glaucoma felino primario. Por lo tanto, este modelo podría constituir una herramienta útil en la búsqueda de nuevas terapias para esta enfermedad felina.

407 (422) CAMBIOS MITOCONDRIALES DE GANGLIO TRIGÉMINO EN RATAS INDUCIDOS CON CAPSAICINA EN MIGRAÑA EXPERIMENTAL

*Ariel Balceda¹; María Del Carmen Baez¹; María De La Paz Scribano-Parada²; Federico Buonanotte²; Carla Buonanotte²; Sergio Blencio¹; Mariana Tarán¹; Mónica Moya¹
Univ. Nac. de Córdoba, FCM, Cátedra de Física Biomédica. Univ. Nac. de La Rioja, Fac. Med, Física Biomédica¹ Servicio de Neurología, Hospital Nacional de Clínicas, FCM, UNC² Univ. Nac. de La Rioja, Fac. Med, Física Biomédica³*

Introducción y objetivos: Migraña es una enfermedad neurológica caracterizada por accesos de cefalea hemicránea donde el estrés oxidativo tendría un papel determinante. Aunque la patogénesis no es bien conocida, se cree que los procesos oxidativos en los tejidos involucrados: ganglio y nervio trigémino; y vasos cerebrales, provocarían daño mitocondrial, los cuáles podrían ser, en parte, responsables de sensibilizar y perpetuar migraña. Confirmar esos daños sería de importancia para el estudio de su fisiopatología y tratamiento. Por ello, este trabajo tiene como objetivo evaluar en migraña experimental, en ratas, los posibles cambios histopatológicos mitocondriales en ganglio trigémino después de la estimulación trigeminal con capsaicina, un alcaloide nitrogenado. Material y Métodos: 12 ratas macho Wistar se dividieron en 2 grupos: control (A) y capsaicina 0,1mM x 3 c/72 h en región supraciliar (B). El material se obtendrá de ganglios trigéminos. El tejido será tratado con fijador Karnovsky, ultramicrotomo Jeol Jum-7 y acetato de uranilo en solución alcohólica y citrato de plomo. Serán observadas y fotografiadas en un microscopio electrónico Leo 906E. Resultados: Las microfotografías de células neuronales del grupo control (A) mostraron mitocondrias de aspecto normal, sin alteraciones de crestas ni dilatación de los espacios intermembranosos. En el grupo B se observaron, con respecto al control (A), mitocondrias con aumento del tamaño, dilatación del espacio intermembranosos y desorganización de crestas con vacuolización. Conclusiones: Los cambios se deberían a la mayor demanda de la actividad mitocondrial debido a capsaicina y al estado oxidativo inducido por fenómenos epiinflamatorios concomitantes. Ello sobrecargaría de óxido nítrico y calcio la matriz mitocondrial, generando lipoperoxidación en membranas. El daño a nivel de las membranas genera desorganización de las crestas. La vacuolización podría deberse a una mayor formación de agua en la matriz lo que aumenta el espacio intermembranosos. Estos resultados aportan evidencia sólida de que en migraña experimental se producirían alteraciones mitocondriales.

408 (441) SUPERVIVENCIA DE LOS FOTORRECEPTORES MEDIADA POR PROGESTERONA

*Melisa D. Marquioni Ramella; Mariela C. Marazita; Pablo S. Tate; Angela M. Suburo
Universidad Austral, Fac. de Cs. Biomédicas*

En diversas enfermedades retinianas la supervivencia de los fotorreceptores se encuentra afectada, y como las hormonas esteroideas pueden ser neuroprotectoras, se ha sugerido que la progesterona (PRG) podría ser beneficiosa. Para investigar los mecanismos de neuroprotección de PRG, estudiamos su efecto en dos modelos de degeneración de los fotorreceptores en ratón:

la degeneración fototóxica y la degeneración inducida por mifepristona (MFP), un bloqueante de los receptores de progesterona (PRG) y de glucocorticoides. Se emplearon ratones Balb/c machos (5-7 semanas) criados bajo iluminación cíclica (12 hs 60 lux - 12 hs oscuridad). En el modelo de fototoxicidad, los animales fueron expuestos a 1500 lux por 48 h. En el modelo MFP, los animales recibieron una dosis (10 mg/kg) de dicho compuesto. En ambos modelos, los grupos controles recibieron salina, mientras que los grupos tratados recibieron PRG, 1 o 2 mg/kg/día por 2 días. Para estudios de Western blot (WB), los animales fueron sacrificados a los 2 días, mientras que para medir el espesor de la capa nuclear externa (CNE) a los 7 días. Los WBs demostraron la presencia de caspasa 3 activada (CC-3) en ambos modelos de degeneración, pero no en los tratados con PRG. El regulador apoptótico Bcl-2 mostró un aumento en las retinas lesionadas, que se redujo en los tratados con PRG. Bcl-X_L desapareció en las retinas lesionadas por luz y por MFP, recuperándose totalmente en los animales tratados con PRG. El análisis de imagen en cortes histológicos coloreados con Rojo Neutro mostró una pérdida de núcleos de la CNE en ambos modelos de degeneración. En los animales tratados, la CNE mostró un espesor semejante al de los controles. Concluimos que la PRG es un neuroprotector de los fotorreceptores, cuya muerte evitó, tal como lo muestran la ausencia de CC-3, y la normalización de los niveles de los reguladores apoptóticos Bcl2 y Bcl-X_L. Asimismo, el tratamiento con PRG evitó la pérdida de núcleos de fotorreceptores.

409 (454) LIGANDOS DE INMUNOFILINAS FAVORECEN LA REPARACIÓN DE LESIONES DEL TEJIDO NERVIOSO

Cristina Del Rosario Daneri Becerra¹; Nadia Romina Zgajnar¹; Mario Daniel Galigniana^{1,2}
IBYME¹ FAC. DE CIENCIAS EXACTAS Y NATURALES²

Las inmunofilinas (IMMs) son una familia de proteínas solubles que unen las drogas inmunosupresoras ciclosporina-A (CsA) o FK506, clasificándose como CyPs y FKBP, respectivamente. El tejido nervioso expresa ~10-50 veces más IMMs que otros, siendo su rol biológico poco conocido. Previamente demostramos que FK506 promueve la neurodiferenciación en líneas celulares y en cultivos primarios hipocámpales, y que ambas drogas inmunosupresoras participan en la neurorregeneración y neuroprotección en cultivos organotípicos de cerebro. Lesiones de la médula espinal (SCI: *Spinal Cord Injuries*) generan pérdida de la función motriz, sensibilidad nerviosa y parálisis permanente. A ratones C57B/6 y BALB/c machos se los sometió a SCI seguida de tratamiento diario con 0,1 mg/kg CsA ó FK506 (s.c.), o solvente para los controles. Se evaluó el comportamiento locomotor según el test Basso-Beattie-Bresnahan (BBB) cada tres días durante dos semanas. Los animales fueron perfundidos con *p*-formaldehído para análisis histológico, y se evaluó la expresión de proteínas por Western blot. Mientras que la chaperona Hsp70 y las IMMs FKBP51 y CyPA se ven inducidas en todos los casos por CsA, FK506 induce fundamentalmente la expresión de FKBP52 en lóbulo prefrontal con la aparición de isoformas fosforiladas de FKBP51, mientras que en médula espinal su efecto es más amplio e induce a Hsp70, Hsp90, FKBP52, y formas fosforiladas de p23 y CyPA. Los cortes histológicos mostraron un incremento de la vascularización con FK506, y los ensayos BBB mostraron recuperación de la respuesta motriz y sensibilidad nerviosa, siendo éstas más eficientes en animales tratados con CsA para ese tiempo de tratamiento. Estos resultados permiten inferir un rol relevante in vivo del heterocomplejo p23-Hsp90-FKBP52 para tratamientos con FK506, mientras que Hsp70, FKBP51 y CyPA lo son para CsA.

410 (478) ROL DE LOS RECEPTORES DE VASOPRESINA Y CORTICOTROFINA EN LOS EFECTOS DE FLUOXETINA Y VENLAFAXINA SOBRE LA CONDUCTA RELACIONADA A LA DEPRESIÓN

María Belén Poretti¹; Santiago Bianconi¹; Mathias Rask-Andersen²; Marta Fiol De Cuneo¹; Graciela Stutz²; Helgi B Schiöth³; Mariela F Perez⁴; Valeria Paola Carlini¹
INICSA, UNC-CONICET¹ Cátedra de Fisiología Humana, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de

Córdoba² Department of Neuroscience, Functional Pharmacology, Uppsala University, BMC, Sweden³ Departamento de Farmacología, Instituto de Farmacología Experimental de Córdoba (IFEC-CONICET)⁴

En respuesta al estrés, la hormona liberadora de corticotropina (CRH) y la vasopresina (AVP) son liberadas del hipotálamo, activando sus receptores (CRHR1, CRHR2 o AVPr1b), para inducir la liberación de la hormona corticotropina (ACTH) de la pituitaria anterior. Con el fin de evaluar el papel de AVP y CRH en los efectos de fluoxetina y la venlafaxina sobre la expresión del comportamiento relacionado con la depresión, estudiamos el efecto de la administración crónica de fluoxetina (10 mg/kg/día) o venlafaxina (10 mg/kg/día) sobre la expresión génica de AVPr1b, CRHR1 y CRHR2 en pituitaria, y sobre los niveles plasmáticos de AVP, CRH y ACTH en un modelo animal de depresión (bulbectomía olfatoria bilateral (OB)). Además se analizó la participación de CRH y AVP en la respuesta conductual en el test de suspensión de cola (TST), empleando antagonistas específicos. Encontramos un aumento significativo en la expresión génica AVPr1b sólo en los animales OB-salina (control) ($p < 0,05$), los cuales también mostraron altos niveles plasmáticos AVP y ACTH ($p < 0,05$). El tratamiento con fluoxetina o venlafaxina disminuyen los niveles plasmáticos AVP y ACTH ($p < 0,05$) en los OB. Los niveles plasmáticos de CRH fueron similares en ratones sham y OB ($p < 0,05$). Nuestros resultados sugieren que la terapia antidepressiva empleada modula la vía AVP, ya que se encontró una correlación positiva entre los niveles de AVP y la respuesta conductual en los animales OB. Además ratones OB-fluoxetina, pero no OB-venlafaxina mostraron bajo nivel plasmático de CRH aunque ambos tuvieron respuesta similar conductual de tipo antidepressiva en el TST.

411 (483) MODULACIÓN EPIGENÉTICA DEL SISTEMA ENDOCANNABINOIDE EN LA LÍNEA CELULAR MICROGLIAL BV2POR EXPOSICIÓN AGUDA AL ETANOL

Fernando Correa; Andrea De Laurentiis; Ana María Franchi CEFYBO

La microglía cumple un papel importante en el mantenimiento de la homeostasis del sistema nervioso central y constituyen la primera línea de la respuesta inmune innata. El sistema endocannabinoide (SEC) ha sido identificado como un participante clave en la modulación de la respuesta microglial y alteraciones en el mismo podrían impactar sobre el proceso de activación. Por otra parte, diversos estudios asocian al consumo de bebidas alcohólicas con un incremento de la reactividad microglial. Por ello, nuestro objetivo fue estudiar el efecto del etanol sobre la expresión microglial del SEC así como los posibles mecanismos moleculares involucrados. Como primera aproximación, determinamos el efecto de la exposición aguda al etanol (100mM por 24 h) sobre la expresión proteica y del ARNm de los principales componentes del SEC de células BV2 en cultivo, observándose cambios en la expresión de NAPE-PLD (enzima de síntesis), CB1 (receptor) y FAAH (enzima de degradación) ($p < 0,05$). Únicamente la disminución de la expresión de NAPE-PLD se mantuvo por 48 h post-exposición al etanol, sugiriendo la posible participación de mecanismos epigenéticos en este efecto. A continuación analizamos posibles vías moleculares asociadas a dichos efectos, encontrándose tanto una activación de ERK1/2 como un aumento de los niveles intracelulares de AMPc. La inhibición de ambas vías no solo revirtió los efectos del etanol sobre la expresión de NAPE-PLD ($p < 0,05$), sino que además revirtió la activación del factor de transcripción CREB ($p < 0,05$). Asimismo, se observó que la exposición aguda al etanol modifica el patrón de acetilación de la histona 3 ($p < 0,05$). Por otra parte, la inhibición farmacológica de las vías de ERK1/2 y de AMPc/PKA revirtieron los efectos del etanol sobre los niveles de acetilación de histona 3 ($p < 0,05$). Estos resultados sugieren que el etanol ejerce sus efectos moduladores sobre el SEC mediante mecanismos epigenéticos.

412 (541) EFECTO PROTECTOR DE LOS RECEPTORES X PARA RETINOIDEOS (RXR) SOBRE FOTORRECEPTORES EN UN MODELO DE RETINITIS PIGMENTOSA

Olga Lorena German¹²; Yanel Volont¹²; Andres Garelli¹²; Pilotti Fiorella²; Nora Rotstein¹²; Luis Politi¹²
 INIBIBB¹ Univ. Nac. del Sur²

En las enfermedades neurodegenerativas de la retina, los fotorreceptores (FR) degeneran progresivamente por apoptosis causando ceguera en forma irreversible. Hemos demostrado que la activación de los receptores nucleares para retinoides X (RXR) promueve la supervivencia de los FR de retina de rata en modelos de neurodegeneración *in vitro*. Estudiamos aquí en un modelo murino de Retinitis Pigmentosa, el ratón *rd*, si hay cambios en la expresión y/o localización de los RXR y si la activación de los RXR promovería la supervivencia de los FR. Para ello preparamos cortes de retina y cultivos neurogliales de retina de ratones *rd* y controles (*wt*). A distintos días analizamos la expresión y localización de los RXR mediante microscopía confocal. En los cultivos neurogliales de retina de ratones *rd* evaluamos la apoptosis neuronal mediante TUNEL y DAPI. Investigamos el efecto protector de la activación de los RXR sobre los FR *rd* tratando a los cultivos con diferentes agonistas sintéticos y evaluamos apoptosis. Evidenciamos un cambio en la localización intracelular de los RXR en las células gliales no así en los FR con el tiempo, pasando de una localización nuclear a nuclear y peri-nuclear, que ocurrió más tempranamente en los cultivos *rd* respecto de los *wt*. Asimismo no se observaron cambios en la expresión de los RXR en los cortes de retina *rd* vs *wt* a partir de PN14. En los cultivos *rd* el porcentaje de neuronas apoptóticas fue mucho mayor que en los *wt*, incrementándose en ambos con el tiempo en cultivo. El tratamiento con el agonista PA024 0,1 μ M retrasó la apoptosis de los FR en los cultivos *rd*, disminuyendo el porcentaje de células con núcleos picnóticos respecto al de células con fragmentación nuclear. Estos resultados preliminares sugieren que el cambio en la localización de los RXR en las células gliales *rd* está acelerado respecto del *wt* y que la activación de los RXR postergaría el inicio de la muerte por apoptosis de los FR en el modelo *rd in vitro*.

413 (560) EVALUACIÓN DE LOS NIVELES PLASMÁTICOS DE COENZIMA Q EN AUTISMO. ESTUDIO PRELIMINAR
Paula Samassa¹; Manuela Martinefski¹; Mariana E. Traetta²; Nonthué A. Uccelli²; Analia Reines²³; Valeria Tripodi¹³
 Dpto Tecnología Farmacéutica, FFyB, UBA¹ Instituto de Biología Celular y Neurociencias Prof E De Robertis² CONICET³

El autismo es un espectro de trastornos del neurodesarrollo, de etiología desconocida, que se presenta dentro de los tres años luego del nacimiento; probablemente asociado a la interacción entre una vulnerabilidad genética y factores ambientales. Numerosos estudios sugieren que existe un incremento del estrés oxidativo en esta patología y que el mismo, asociado a una disfunción mitocondrial, podría contribuir a su desarrollo. Un componente clave para la producción de energía celular a nivel mitocondrial es la coenzima Q (CoQ), que facilita la transferencia de electrones en la cadena respiratoria. La CoQ es también un poderoso antioxidante endógeno capaz de proteger lipoproteínas circulantes y membranas celulares contra el daño oxidativo. Su deficiencia se asocia a patologías degenerativas neuromusculares, entre otras. En este trabajo se evaluaron los niveles plasmáticos de CoQ9 (coenzima Q mayoritaria en murinos) en un modelo animal de autismo en comparación con un grupo control. Se utilizaron ratas hembras nulíparas de la cepa Wistar de 250 g de peso corporal y 3 meses de edad. El modelo consistió en una única administración de ácido valproico (VPA; 500 mg/kg, i.p.) a las hembras gestantes (E 10,5). Las hembras control recibieron solución fisiológica en lugar de VPA. Se conformaron dos grupos: grupo control (crías hembras de madres que recibieron solución fisiológica, n=10) y grupo VPA (crías hembras de madres que recibieron VPA, n=8). El fenotipo VPA se confirmó mediante pruebas conductuales. La evaluación de los niveles plasmáticos de CoQ9 se determinó por microHPLC-UV. Los resultados preliminares indican una disminución significativa de los niveles de CoQ9 en el grupo VPA respecto del control ($0,23 \pm 0,01 \mu$ M vs $0,31 \pm 0,03 \mu$ M, $p < 0,05$, X

\pm SEM, respectivamente). Estos resultados constituyen el primer paso para considerar evaluar el comportamiento de los animales VPA luego de la administración terapéutica de CoQ.

414 (637) ALTERACIÓN EN EL FACTOR TRÓFICO DE NEURONAS COLINÉRGICAS DURANTE LA ENFERMEDAD DE ALZHEIMER Y SÍNDROME DE DOWN
María Beatriz Bistué Millón¹³; Florencia Iulita²; A. Claudio Cuello²; Martin Alejandro Bruno¹²³
 Laboratorio de Neurociencias, Facultad de Ciencias Médica, Universidad Católica de Cuyo¹ Pharmacology and Therapeutics, McGill University, Montreal, Quebec, Canada² CONICET³

Las neuronas colinérgicas presentes en los núcleos basales del cerebro que proyectan sus terminaciones nerviosas a la corteza cerebral son altamente dependientes del suministro del factor de crecimiento nervioso (NGF) tanto para el mantenimiento de su fenotipo como de la integridad de sus conexiones y terminales sinápticos. La forma precursora del NGF, proNGF, es la principal forma en que se encuentra ésta neurotrofina en el sistema nervioso central (SNC), dónde paradójicamente sus niveles están muy elevados en la enfermedad de Alzheimer (EA) y en Síndrome de Down (SD). Con el fin de obtener una comprensión más profunda acerca de la función trófica del NGF en el mantenimiento de las neuronas colinérgicas, hemos realizado una serie de investigaciones "in vivo" (con animales de experimentación) y "ex vivo" (tejido cerebral de pacientes con EA y SD). Revelamos la vía metabólica del NGF, describiendo mecanismos de su liberación, su maduración, su degradación y el importante rol trófico que desempeña el NGF maduro en el mantenimiento de las neuronas colinérgicas basales, así como también las alteraciones metabólicas que hacen que se encuentre desregulado en la EA y en SD. En el presente proyecto, hemos descubierto que el precursor de NGF (proNGF) es liberado en forma glicosilada, tanto en ratas experimentales de EA como en corteza cerebral y líquido cefalorraquídeo de pacientes con EA y SD con diagnóstico de EA. El mismo se encuentra aumentado en forma aberrante, correlacionándose esto con una disminución significativa en tPA (activador cerebral de plasminógeno), furina (enzima que madura al proNGF intra-neuronal) y TIMP-1 (inhibidor de la enzima que degrada extra-neuronalmente al NGF maduro, MMP-9). El deterioro progresivo de las neuronas colinérgicas durante la EA transcurre con una alteración de los mecanismos encargados de proveer del suministro trófico a las mismas, abriendo una posible ventana terapéutica experimental.

415 (97) ANALISIS DE LA FRACTALIDAD EN VARIABLES RESPIRATORIAS EN SUJETOS NORMALES Y EN ESTADO VEGETATIVO PERSISTENTE
Carlos Dnegri¹²; Eduardo Luis De Vito¹²³; Santiago Arce¹; Gastón Morel Vulliez²; Miguel Escobar³
 IDIM¹ CONICET² Clínica del Parque³

Las estructuras espaciales o temporales caracterizadas por la auto-similitud se denominan 'fractales' (FRACT). El patrón respiratorio (PR) es fractal. Objetivo: Cuantificar la FRACT VT/TI, TI y FR de normales (N) y en estado vegetativo persistente (EVP) por lesión difusa (D) o focal (F). Hipótesis: diferente FRACT entre grupos y posible degradación de generadores de ritmo. Método: Piloto y exploratorio. Se obtuvo flujo aéreo (~1 h) en N (n=14 25-66a) y EVP (D=10 19-69a, F=12 22-83a), con VE Estacionaria (D'Negri et al, Medicina 2011). En TI y VT/TI se hizo análisis dispersional según: $Disp(n) = \text{std}[\text{media}(XX)](n)$ (XX: TI o VT/TI) en c/grupo de n respiraciones del tacograma; y en FR el factor Fano $F(T) = \text{var}[\text{Ni}(T)] / \text{media}[\text{Ni}(T)]$ con T la segmentación temporal de todo el tacograma y Ni(T) número de respiraciones por segmento T. La condición FRACT es preservar la misma dependencia de F o Disp a distintas escalas de n y T respectivamente. Resultados: Las 3 FRACT tienen 8 combinaciones. Su distribución por grupo no difirió de la uniforme aunque globalmente sí $p < 0,001$ (Chi²). Predominantemente se observa FRACT en FR, TI y VTTI simultáneas y FR y TI en todos los grupos (8 de 14 en N, 5 de 5 en D y 7 de 12 en F). Ausencia de FRACT completa se dio en un caso

de cada grupo. La FRACT en la FR estuvo presente en N (13 de 14), en D (7 de 10) y en F (9 de 12). El seguimiento intrasujeto (n 4) sobre 2 D y 2 F (entre 2 y 7 años) hubo pérdida FRACT en TI (n 3), VT/TI (n 1) y FR (n 1). Conclusiones: La condición D y F no se reflejó en otra distribución diferente de la de los N lo que parece conferirle cierta robustez a esta distribución. La pérdida de FRACT con el tiempo en los D y F justificaría la aparición de combinaciones que los N no parecen tener. La repetición del PR en N podría clarificar si su 'plantilla' de FRACT es estable o sus generadores tienen la facultad de 'prenderse' y 'apagarse' ante estímulos endógenos y/o exógenos tanto en N como en presencia de patologías.

ENDOCRINOLOGÍA 4

416 (32) ROL DE LA IL-6 EN LA SENESCENCIA INDUCIDA POR ONCOGENES EN TUMORES HIPOFISARIOS

Melanie Sapochnik¹; Mariana Fuertes¹; Sergio Senin¹; Eduardo Arz¹²
Instituto de Investigación en Biomedicina de Buenos Aires- CONICET-MPSP¹ Departamento de Fisiología, Biología Molecular y Celular, FCEyN, UBA²

Los tumores hipofisarios son neoplasias mayormente benignas, de crecimiento lento y raramente progresan en malignidad, indicando que existirían mecanismos que frenan su desarrollo. Se sabe que la senescencia inducida por oncogenes (OIS) detiene la transformación maligna en distintos tumores y que ciertas citoquinas (como IL-6) están involucradas en dicho mecanismo. En la hipófisis IL-6 de forma paracrina induce la proliferación de células tumorales mientras que la inhibe en células normales. Con estos antecedentes, caracterizamos la línea tumoral hipofisaria MtT/S como modelo de senescencia *in vitro* mediante determinación de marcadores específicos, como la β -galactosidasa asociada a senescencia (SA- β -gal) y proteínas reguladoras del ciclo celular, como p16 y pRb. Establecimos clones de células MtT/S silenciados para IL-6 (MtT/S shIL-6), observando en ellos una actividad reducida de SA- β -gal ($p < 0,05$), menor expresión de p16 y mayor de pRb, y una mayor proliferación e invasión celular ($p < 0,05$), respecto a las células control (MtT/S *scramble*). Habiendo observado previamente en el laboratorio que las células MtT/S no desarrollan tumor al ser inyectadas en ratones *nude*, lo cual confirmamos inyectando las MtT/S *scramble*, inyectamos las MtT/S shIL-6 (2 series independientes de 4 ratones) y observamos que las mismas forman tumores entre los 46-60 días. Este resultado está indicando que dichos clones, que escapan de la senescencia *in vitro*, son capaces de inducir tumorigénesis. Evaluamos el efecto del silenciamiento de IL-6 sobre los marcadores de senescencia en los tumores formados y comparamos los mismos con tumores de células MtT/S *scramble* coinyectadas con células TtT (células tipo folículo estrelladas, productoras de IL-6). Observamos que los tumores desarrollados por los clones silenciados presentaron menor expresión de p16 y mayor de pRb. Analizamos asimismo senescencia en cultivos de tumores hipofisarios humanos (n=53), observando actividad de SA- β -gal en 39 adenomas, y que dicha actividad se ve inhibida al silenciar IL-6. Estos hallazgos demuestran la participación de IL-6 autócrina en la senescencia tumoral hipofisaria, que podría contribuir a la naturaleza benigna y bajo índice mitótico de estos tumores. Apoyado por ANPCyT, CONICET, UBA, FOCEM (COF 03/11)

417 (64) ESTUDIO DE LA EXPRESIÓN DE HISTIDINA DESCARBOXILASA EN CÉLULAS DE LEYDIG TUMORALES R2C Y TUMORES DE CÉLULAS DE LEYDIG HUMANOS

Adriana María Belén Abiuso¹; Alejandra Lucía Marcos¹; Alicia Belgorosky²; Marco Aurelio Rivarola²; Marcos Besio Moreno¹; Omar Pedro Pignataro¹; Esperanza Berensztein²; Carolina Mondillo¹
Lab de Endocrinología Molecular y Transducción de Señales - IBYME- CONICET¹ Servicio de Endocrinología - Hospital de Pediatría Juan P. Garrahan²

La incidencia de tumores de células de Leydig (TCL) se ha incrementado en los últimos años. A nivel nacional, el rango de edad más afectado es de 11 a 25 años. Si bien los TCL son normalmente benignos, en niños puede presentarse pubertad precoz, y cuando malignizan en el adulto no responden a la quimioterapia ni radioterapia. Aunque la etiología de los TCL es desconocida, diversos estudios apuntan a la sobreexpresión de CYP19 en las células de Leydig tumorales (CLT) y el aumento en la síntesis de estradiol (E2), que a su vez estimula la proliferación celular (PC). El IGF-1 también actuaría como factor de crecimiento autócrino en las CLT. Previamente describimos el efecto proliferativo de la histamina (HA) y la sobreexpresión de histidina descarboxilasa (HDC) en CLT MA-10. Dado que en las CLT MA-10 la esteroidogénesis se interrumpe a nivel de progesterona (P), en este trabajo extendimos nuestro estudio a las CLT R2C, que expresan CYP19 y sintetizan E2 e IGF-1. También evaluamos la expresión de HDC en TCL humanos vs testículos humanos normales (THN). Metodología: La expresión de HDC en las CLT R2C se estudió por Western blot. Los niveles de P y E2 se determinaron por RIA y la PC se evaluó por incorporación de ³H-timidina. Se estudió la expresión de HDC por inmunohistoquímica en 9 THN de 4 grupos etarios (G): G1 (neonatal, n=2), G2 (infantil, n=1), G3 (juvenil, n=3) y G4 (puberal, n=3), y en 5 TCL. Resultados: Se observó elevada expresión de HDC en las CLT R2C, y un aumento en presencia de IGF-1 100ng/ml ($p < 0,001$; n=3). HA 1nM estimuló la PC y potenció el efecto proliferativo del IGF-1 ($p < 0,05$ HA+IGF-1 vs IGF-1). Además, los inhibidores de HDC α -metil-DL-histidinadihidrocloruro y galato de epigallocatequina inhibieron tanto la PC como la síntesis de P y E2. Finalmente, detectamos HDC en todos los TCL, pero sólo en las CL y células germinales de 2 THN de G4. Conclusión: Los resultados sugieren que HDC constituye un potencial blanco terapéutico para el tratamiento de TCL.

418 (304) LA ACTIVACIÓN β -ADRENÉRGICA INDUCE LA RAMIFICACIÓN DE DUCTOS MAMARIOS MURINOS

Lucía Gargiulo; María May; Ezequiel Rivero; Caroline Lamb; Claudia Lanari; Isabel Luthy; Ariana Bruzzone
 IBYME

La mama es un órgano que sufre cambios en tamaño, forma y función asociados a la pubertad, el embarazo, la lactancia y la menopausia. Si bien su desarrollo comienza en la embriogénesis, la mayor parte ocurre bajo el control de las hormonas reproductivas femeninas, como los estrógenos y la progesterona. Anteriormente demostramos que la activación β -adrenérgica con isoproterenol (Iso) induce la diferenciación de las células no tumorales de mama humana MCF-10A en cultivo 3D. En este trabajo, nos propusimos evaluar el efecto del Iso en el desarrollo de la glándula maMaría *in vivo*. Para ello se utilizaron ratones hembras vírgenes Balb/c al destete y adultas inyectadas durante 15 días con solución fisiológica (control) o con Iso 1mg/Kg/día. Al sacrificio, la mama derecha se utilizó para Whole Mount y la izquierda se incluyó en parafina para estudios histológicos. Se evaluó la vía del FGF debido a su rol en desarrollo mamario por inmunohistoquímica (IHQ) y por Western Blot (WB). Se analizó el efecto del Iso en ratones ovariectomizados, tratados con fulvestrant a fin de regular el receptor de estrógenos (RE) y en ratones KO para el receptor de progesterona (PR). El Iso aumentó significativamente el número de ductos mamarios en ratones púberes (196 \pm 16 vs 94 \pm 14 $p < 0,01$), así como en ratones al destete. El tratamiento no interfiere en parámetros reproductivos de tipo funcional (paridad, peso de las crías, lactancia). A su vez, observamos que el efecto del Iso sobre la ramificación se anula en ausencia de estrógenos o de su receptor, pero no en ausencia del PR (KOPR: 114 \pm 10 Iso vs 49 \pm 7 $p < 0,05$). Mediante IHQ, demostramos que el Iso induce la expresión de Efrina-B1, FGF2, FGF10 y FGF2R *in vivo*. El aumento en la expresión de FGF fue observado también *in vitro* mediante WB en MCF-10A. Por lo tanto, la activación β -adrenérgica induce el desarrollo de la glándula maMaría *in vivo*. El efecto sobre la ramificación de los ductos mamarios depende de la presencia del RE.

419 (344) PARTICIPACIÓN DE LAS VÍAS JAK2/STAT5 Y MEK EN LOS EFECTOS APOPTÓTICO Y ANTIPROLIFERATI-

VO DE LA PROLACTINA SOBRE CÉLULAS ADENOHIPOFISARIA

Nataly De Dios¹; Martín Irizarri¹; Santiago Jordi Orrillo¹; María Florencia Gottardo¹; Maríanela Candolfi¹; Adriana Seilovich¹; Vincent Goffin²; Daniel Pissera¹; Jimena Ferraris¹ INBIOMED¹ Institute Necker des Enfants Malades, INSERM U845, Paris, France²

Nuestro objetivo es identificar las vías de señalización mediante las cuales la PRL induce apoptosis e inhibe la proliferación de células adenohipofisarias. Evaluamos la participación de JAK2/STAT5 y MEK/ERK, vías asociadas a la activación del receptor de PRL (RPRL), sobre estas acciones. Para estudiar si los efectos auto/paracrinos de la PRL dependen de JAK2, células GH3 (somatotropos) que secretan de manera constitutiva PRL, fueron incubadas en presencia de un inhibidor de JAK2 (AG460 100µM, iJAK2, 6 hs) y/o de un antagonista de RPRL ($\Delta 1-9$ -G129R-HPRL, 5µg/ml, aRPRL, 6h). Tanto el iJAK2 como aRPRL redujeron el porcentaje de células apoptóticas (TUNEL e hipodiploidía), mientras que la presencia de ambos indujo una disminución mayor de la apoptosis respecto de los tratamientos individuales (TUNEL: C 8.8%, aRPRL 0.6, iJAK2 5.9, aRPRL+iJAK2 0.3, $p < 0.01$, χ^2), lo que sugiere que ambas señales actúan en forma independiente. En otros experimentos, las células fueron preincubadas con aRPRL (16 hs) y luego tratadas con o sin aRPRL por 6 h. En presencia de iJAK2, la PRL secretada durante las últimas 6 h indujo apoptosis de células GH3 ($p < 0.05$, ANOVA), fortaleciendo la hipótesis de que, si bien la vía de JAK2 es proapoptótica, el efecto apoptótico de la PRL es independiente de su activación. Por otro lado, la presencia del iJAK2 impidió el aumento de la proliferación de células GH3 (células BrdU+) inducido por el aRPRL ($p < 0.01$, χ^2), por lo que JAK2 estaría involucrada en el efecto de PRL sobre la proliferación de estas células. Además, el aRPRL incrementó la fosforilación de STAT5 (evaluada por inmunofluorescencia) ($p < 0.01$, χ^2), sugiriendo que la PRL inhibe su fosforilación en células GH3. Por otro lado, aRPRL incrementó la proliferación de células GH3 tanto en presencia como en ausencia de un inhibidor de MEK (PD98950, 5µM, 6 hs) ($p < 0.01$, χ^2), indicando que el efecto de PRL sobre la proliferación de células adenohipofisarias es independiente de esta quinasa.

420 (69) HIPERACTIVACIÓN DEL EJE HIPOTÁLAMO HIPÓFISO-ADRENAL (HHA) INDUCIDA POR UNA DIETA RICA EN SACAROSA (DRS): ROL DEL ESTRÉS OXIDATIVO (EOX) Y LA INFLAMACIÓN

Matias Nicolas Perez; María Elisa Mercu; Juan Salvador Calanni; Marcos Aranda; Ruth Rosenstein; Silvia Sanchez Puch; Esteban Martín Repetto; Cora Beatriz Cymeryng Laboratorio de Endocrinología Molecular, Departamento de Bioquímica Humana. Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires, CEFYBO-CONICET

En estudios previos demostramos que los niveles plasmáticos de ACTH y la expresión de sistemas antioxidantes y marcadores de macrófagos aumentan en la adenohipofisis (AH) de ratas tratadas con una DRS durante 3 semanas. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto del tratamiento antioxidante (AOx) sobre los parámetros mencionados. Ratas Wistar macho adultas fueron distribuidas al azar en los siguientes grupos: C (control), DRS (sacarosa al 30% en el agua de bebida), ALA (ácido α -lipoico 100mg/kg/48 hs, i.p.), MEL (2 implantes de melatonina, 20mg/implante s.c.) y DRS+ALA o DRS+MEL. Luego de 3 semanas de tratamiento se evaluó la sensibilidad periférica a insulina y se obtuvieron muestras de plasma y AH para su análisis. No se observaron alteraciones significativas en la insulinosensibilidad en ninguno de los grupos evaluados con respecto a C. Los tratamientos AOx no previnieron el aumento de la glucemia y trigliceridemia generado por la DRS, pero evitaron el incremento de parámetros de EOx (TBARS y actividad de catalasa) en AH. Observamos también un aumento en la expresión de marcadores de infiltración macrofágica (F4-80 e Iba-1) y de TNF α en las AH del grupo DRS, que fue prevenido por los AOx (TNF α : C: 1.0 \pm 0.1, DRS: 2.2 \pm 0.1^a, ALA: 0.3 \pm 0.1^{ab}, DRS+ALA: 0.3 \pm 0.1^{ab} U.A. ^a $p < 0.001$ vs. C, ^b $p < 0.001$

vs. DRS). Por último, el tratamiento AOx previno el incremento en los niveles circulantes de ACTH y corticosterona (C: 21.9 \pm 2.3, DRS: 34.2 \pm 3.4^c, MEL: 22.0 \pm 3.6^a, DRS+MEL: 22.1 \pm 2.4^d ng/ml. ^c $p < 0.05$ vs. C, ^d $p < 0.05$ vs. DRS). Los resultados obtenidos sugieren que el consumo de DRS produce EOx en AH, lo que podría inducir un perfil pro-inflamatorio en este tejido. Estos mecanismos estarían involucrados en los efectos de la DRS sobre la síntesis y secreción de ACTH. Nuestros resultados sugieren también que la desregulación del eje HHA generada por el consumo de DRS es previa al desarrollo de la insulinoresistencia.

421 (345) RATONES DEFICIENTES EN IGF1 HEPÁTICO PRESENTAN MENOR ACTIVACIÓN DE LA SEÑAL DE INSULINA EN CORAZÓN

Nadia V Muia¹; Marina C. Muñoz¹; Carolina S. Martínez¹; Verónica G. Piazza¹; Gregorio Mc Callum¹; Daniel Turyn¹; Patricia A. Pennisi²; Johanna G. Miquet¹ IQUIFIB (UBA CONICET) FAC. DE FARMACIA Y BIOQUÍMICA - DPTO. QUÍMICA BIOLÓGICA¹ CENTRO DE INVESTIGACIONES ENDOCRINOLÓGICAS (CEDIE) CONICET - HOSPITAL DR. RICARDO GUTIERREZ²

Ratones transgénicos que sobreexpresan GH presentan hipertrofia y fibrosis cardíaca, aumento de la presión arterial, hiperinsulinemia e insulinoresistencia. En un estudio previo describimos que estos animales poseen alterada la capacidad de activación de la vía de señalización PI3K/Akt en respuesta a la insulina en corazón. Debido a que en este modelo aumentan crónicamente GH e IGF1, es difícil establecer el aporte de cada hormona a las alteraciones descritas. El objetivo del presente trabajo fue evaluar el efecto que la exposición prolongada a niveles elevados de GH, pero no de IGF1, ejerce en corazón, centrándonos en la señalización intracelular de la insulina. Para ello, se utilizaron ratones LID (liver IGF1 deficient) que, al no expresar IGF1 en hígado, presentan una marcada reducción de IGF1 en circulación, hecho que ocasiona hipersecreción de GH. Estos animales presentan hiperinsulinemia y menor sensibilidad a la insulina en músculo esquelético, pero no hay estudios hasta el momento que analicen la sensibilidad a la insulina en tejido cardíaco. Mediante técnicas de inmunoprecipitación e inmunoblotting se determinó la activación de mediadores de señal de insulina en corazón. En los ratones LID un estímulo agudo con insulina produjo menor activación de la señal que en los ratones controles, que se evidenció a nivel de la fosforilación del receptor de insulina en los residuos Tyr972 y Tyr1158, del sustrato del receptor de insulina 1 (IRS1) en Tyr612 y de Akt en Ser473 y Thr308 ($P < 0.05$, $n = 3-8$). Si bien los ratones LID presentaron una disminución en la sensibilidad a la insulina en corazón, no se detectó hipertrofia cardíaca en los mismos, a diferencia de lo observado en ratones transgénicos que sobreexpresan GH. Esto sugiere que el aumento crónico de IGF1 tendría un rol importante en la hipertrofia cardíaca que se observa en la acromegalia, mientras que la exposición prolongada a la GH ocasionaría alteraciones en la sensibilidad a la insulina en corazón.

GASTROENTEROLOGÍA 2

423 (82) VMP1 COMO INTERMEDIARIA ENTRE LA INDUCCIÓN Y LA PROGRESIÓN ESTRUCTURAL DE LA ZIMO-FAGIA

Daniel Grasso; Tamara Orqueda; Alejandro Ropolo; María Inés Vaccaro IBIMOL (UBA-CONICET), Cát. Fisiopatología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA.

La pancreatitis aguda (PA) es causada por la activación prematura de los gránulos de zimógenos (GZ). Esto produce la autodigestión de la glándula, con respuesta necro-inflamatoria que puede conducir a la muerte. La mayoría de las PAs son autolimitadas, evidenciando la importancia del mecanismo de respuesta al estrés de las células acinares pancreáticas. Hemos descrito la autofagia selectiva de los GZ activados durante la PA, denomina-

da zimofagia. La zimofagia es mediada por VMP1 y es capaz de prevenir y contener los efectos injuriosos de la activación de los GZ. El objetivo fue entender la dinámica de VMP1 en el proceso autofágico. Determinamos que VMP1 se encuentra inicialmente en el ER como estructura pre-autofagosomal, colocalizando con marcadores de la vía de señalización (ULK1) y de la estructura autofagosomal (LC3, WIPI2). Probamos que un porcentaje de los autofagosomas mediados por VMP1 pasan a través de anisomas, pero el complejo PI3K reclutado por el dominio AtgD de VMP1 es específico del autofagosoma. Además VMP1 prosigue en la membrana autofagosomal hasta la fusión con el lisosoma. Analizando posibles modificaciones postraduccionales de VMP1, construimos mutantes de sitios seleccionados. De estos destaca la fosforilación en Thr25. La dominante negativa (T25A) es incapaz de gatillar autofagia, mientras la constitutivamente fosforilada (T25D) dicha capacidad está incrementada. Por otra parte, VMP1 deficiente de AtgD fué incapaz de reclutar al complejo PI3K e incluso de salir del ER. Sin embargo, ésta colocaliza con ULK1. Los resultados sugieren que VMP1 posee al menos dos regiones funcionales separadas, la Nt probablemente fosforilada por ULK1 y el nexo con la vía de señalización y el Ct asociado al reclutamiento del complejo PI3K necesario para el progreso estructural de la formación del autofagosoma. Proponemos que VMP1 posee un papel como plataforma y acoplante entre la inducción de la autofagia y la formación del autofagosoma.

424 (193) IGFR PARTICIPA EN LA ALTERACIÓN DEL TRANSPORTADOR MRP2 INDUCIDA POR ESTRADIOL-17 β -D-GLUCURÓNIDO (E17G) A TRAVÉS DE LA VÍA GPR30/PI3K EN DUPLAS AISLADAS DE HEPATOCITOS DE RATA (DAHR)

Ismael Ricardo Barosso; Nadia Ciriaci; Romina Adermaten; Gisel Miszczuk; Diego Taborda; Fernando Crocenci; Enrique Sánchez Pozzi
Instituto de Fisiología Experimental CONICET UNR

E17G induce la internalización del transportador Mrp2 activando varias vías de señalización. E17G activa PI3K cascada abajo de GPR30 por un mecanismo dependiente de microtúbulos. Dado que IGFR puede activarse por receptores acoplados a proteínas G e interactúa con PI3K, se evaluó si IGFR media la activación de PI3K producida por GPR30 en la colestasis inducida por E17G. Metodología: DAHR fueron pre-tratadas con Tyrphostin AG1024 (Tyr, 100nM, inhibidor IGFR) o Wortmanina (W, 100nM, inhibidor PI3K) y tratadas con E17G (100 μ M). Segundo: DAHR fueron incubadas con IGF (1nM) junto con W o G15 (10nM, antagonista GPR30). Se determinó la acumulación vacuolar canalicular (AVc) de glutatión metilfluoresceína (sustrato de Mrp2). Para evaluar el rol de los microtúbulos, se utilizó colchicina (Col, 1 μ M) antes de la adición de los inhibidores. La activación de IGFR y AKT (efector de PI3K) se midió por western blot (WB), determinando sus formas fosforiladas (IGFR-P Tyr1131, AKT-P Ser473). Resultados (% del control \pm EE, n=3-5, p<0.05): AVc: E17G (51 \pm 2a), W+E17G (77 \pm 5a,b), Tyr+E17G (78 \pm 2a,b), W+Tyr+E17G (84 \pm 6a,b), G15+E17G (82 \pm 4a,b). IGF no alteró la protección por W (W+IGF+E17G: 76 \pm 6a,b), mientras que previno la protección por G15 (G15+IGF+E17G: 67 \pm 2a,b,c). Con Col: E17G (49 \pm 3a), W+E17G (63 \pm 6a,d), Tyr+E17G (51 \pm 6a,d), W+Tyr+E17G (52 \pm 3a,d). WB: E17G indujo la activación de IGFR (198 \pm 14%a) y AKT (246 \pm 23%a), G15 previene la activación de IGFR por E17G (86 \pm 25%b) mientras que Tyr previene la activación de AKT por E17G (164 \pm 26%b), a significativamente diferente de Ctr; b significativamente diferente de E17G, c significativamente diferente G15+E17G, d significativamente diferente del grupo sin Col. Conclusión: IGFR participa en la alteración de Mrp2 inducida por E17G por un mecanismo dependiente de microtúbulos y comparte la vía GPR30/PI3K (no se observa efecto sumatorio). La acción de IGF y los WB muestran que la activación de IGFR es anterior a PI3K y posterior a GPR30.

425 (343) UNA MAYOR CAPACIDAD PROLIFERATIVA Y MENOR INDUCCIÓN DE ESPECIES REACTIVAS DE OXIGENO PROTEGEN DE LA FIBROSIS HEPÁTICA A

RATONES KNOCKOUT PARA SPARC (SECRETED PROTEIN, ACIDIC ANDRICH IN CYSTEINE)

Estanislao Peixoto¹; Catalina Atorrasagasti¹; Alejandrina Real¹; Marcelo Rodríguez¹; Mariana Malvicini¹; Mariana García¹; Esteban J. Fiore¹; Fernando Corrales²; Guillermo Mazzolini¹

Laboratorio de Terapia Génica, Facultad de Ciencias Biomédicas y Hospital Universitario Austral, Universidad Austral¹ CIMA, Universidad de Navarra²

SPARC es una glicoproteína matricelular involucrada en diversos procesos biológicos, entre los que se encuentra la fibrogenesis hepática. Hemos demostrado previamente en un modelo de fibrosis hepática avanzada inducido por tioacetamida (TAA) que la ausencia de SPARC tiene un rol protector en la generación de fibrosis. Con el fin de estudiar los mecanismos involucrados en la protección de la fibrosis en ausencia de SPARC se realizó un análisis de los cambios de la expresión génica utilizando la plataforma de microarrays y de la expresión de proteínas utilizando 2D-DIGE sobre muestras hepáticas provenientes de ratones SPARC^{+/+} y SPARC^{-/-} tratados 10 semanas con TAA. Para confirmar los resultados obtenidos se realizaron ensayos de inmunohistoquímica y qPCR para PCNA a 24 horas de tratamiento con TAA. Asimismo, se obtuvieron cultivos primarios de hepatocitos provenientes de ratones SPARC^{+/+} y SPARC^{-/-} y se evaluaron los niveles de especies reactivas del oxígeno (ROS) utilizando dichlorofluoresceína (DCFH) tanto en citometría como así también con microscopía de fluorescencia a las 3 horas de la administración de TAA. El análisis proteómico mostró un aumento de proteínas involucradas con la detoxificación de especies reactivas del oxígeno (catalasa, peroxirredoxina-1 y glutatión-S-Transferasa P1 y Mu1) en los ratones SPARC^{-/-} tratados con TAA, mientras que el estudio genómico mostró que a las 10 semanas luego de tratamiento con TAA los ratones SPARC^{-/-} presentaban un incremento en la expresión de genes relacionados con la reparación de ADN y la proliferación celular. Los ratones SPARC^{-/-} mostraron un incremento significativo de PCNA a las 24 horas tanto en los niveles de expresión génica como de proteínas. Asimismo, los niveles de especies reactivas del oxígeno fueron menores en los hepatocitos provenientes de ratones SPARC^{-/-} que en los SPARC^{+/+} tratados con TAA. La ausencia de SPARC tiene un rol protector ante un estímulo fibrogénico como la TAA. Esta protección podría deberse, al menos en parte, a una mayor capacidad proliferativa de los hepatocitos y a una menor inducción de especies reactivas del oxígeno.

426 (362) EFECTO DE LA HIPERTENSIÓN PORTAL (HP) NO CIRRÓTICA EN LA MOTILIDAD, EXPRESIÓN DE MARCADORES DE UNIONES INTERCELULARES Y TRANSPORTADORES ABC CAPICAIN EN INTESTINO

Lisandro Orbea^{1,2}; Susana Gorzalczyk³; Paul Fisch⁴; Juan C Perazzo²; Carolina I Ghanem¹
ININFA¹ CPEA-UBA² Cat de Farmacología-FFYB.³ Inst of pathology. U of Freiburg.⁴

La cirrosis hepática origina el 80% de los casos de HP. En la cirrosis, la motilidad, permeabilidad e inmunidad local intestinal se ven alteradas. Esto predispone a la génesis de sus complicaciones, como son la encefalopatía hepática e infecciones. El 20% de los casos restantes de HP sufren las mismas complicaciones, sin embargo nunca se estudió el efecto que la congestión sanguínea per se produce sobre en dichos parámetros. El objetivo del presente estudio, es evaluar si la mera obstrucción del lecho portal, en ausencia de inflamación, produce modificaciones en la motilidad y permeabilidad intestinal. Método: Se utilizaron Ratas Wistar Macho, (220-250g). Grupo HP, sometido a la estenosis parcial y calibrada de Vena Porta (aguja 20G) durante 14 días. Grupo SH, sometido a cirugía simulada. Luego se evaluó en ambas poblaciones la respuesta contractil a CIK (80 mM) y dosis crecientes de Acetilcolina (Ach) (10⁻⁹ a 10⁻⁶M). Se evaluó con la expresión de marcadores de uniones enterocíticas (ZO-1 y β -catenina) mediante WB e IHQ. También se estudió el transporte específico evaluando la expresión de los principales transportadores ABC de localización apical (P-gp

y Mrp2) por WB e IHQ. * $P < 0.05$ vs SHAM. Resultados: La respuesta contráctil a CIK disminuyó un 33%* y un 59*; 48* y 46%*; luego de estímulo con Ach a 10^{-8} : 10^{-9} ; 10^{-7} M, respectivamente en HP. La HP disminuyó la expresión de β -catenina (SH: 110.5 ± 20.68 vs HP: $46.55 \pm 11.11^*$) y ZO-1 (SH: 126.9 ± 3.37 vs HP: $62.46 \pm 9.62^*$). Respecto a los transportadores ABC apicales, en íleon la expresión de P-gp se observa aumentada (SH: 103.1 ± 5.529 vs HP: $199.6 \pm 31.39^*$), mientras que Mrp-2 disminuye (SH: 100.0 ± 15.34 vs HP: $46.57 \pm 9.212^*$). Conclusión: Se demuestra que la congestión per se generada por la abrupta estenosis parcial de la vena Porta, altera la respuesta contráctil y ciertos parámetros de permeabilidad intestinal pudiendo contribuir de esta forma al desarrollo de las complicaciones mencionadas.

427 (464) REGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN DE VMP1 Y AUTOFAGIA ANTE LA HIPOXIA Y EL TRATAMIENTO QUIMIOTERAPÉUTICO EN CÉLULAS TUMORALES

Cintia Betiana Catrinacio¹; Matias E. Rodríguez²; Felipe J. Renza¹; Viviana A. Rivarola²; María Inés Vaccaro¹; Alejandro J. Ropolo¹
 IBIMOL, Subselede Fisiopatología, FFyB - UBA/CONICET¹
 Departamento de Biología Molecular. Facultad de Ciencias Exactas, Físico-Químicas y Naturales. Unive²

La autofagia es un proceso de degradación de constituyentes celulares citoplasmáticos que se ha demostrado posee un rol pro-tumorigénico. La célula tumoral desarrolla autofagia como mecanismo de adaptación a condiciones estresantes como la hipoxia y el tratamiento. VMP1 es una proteína de membrana necesaria para la formación del autofagosoma, y en la célula tumoral pancreática la vía de señalización PI3K-AKT1 activa el complejo GIL3-p300 que se une al promotor de VMP1 regulando su actividad. En este trabajo, el objetivo es caracterizar la regulación de la expresión de VMP1 en células tumorales ante la quimioterapia y en condiciones de hipoxia. Como modelos de estudio usamos células tumorales pancreáticas resistentes al tratamiento con gemcitabina y condiciones de hipoxia química por CoCl_2 en células tumorales de colon. Evaluamos la regulación del promotor del gen vmp1 mediante ensayos de luciferasa e inmunoprecipitación de cromatina. Identificamos al factor de transcripción E2F1 como un efector de la autofagia inducida por gemcitabina y al factor Hif-1 α como inductor de autofagia mediada por VMP1 en condiciones de hipoxia. E2F1 se une al promotor del gen vmp1 en las células tumorales pancreáticas PANC-1 y MIAPaCa-2 regulando la actividad del promotor y la expresión de VMP1 ante el tratamiento con gemcitabina. Asimismo, Hif-1 α se une al promotor de vmp1 en células tumorales de colon sometida a hipoxia química. Además, identificamos a la histona acetiltransferasa p300 como un modulador de la actividad de este promotor. P300 controla la actividad del promotor y potencia la activación de la expresión de VMP1 en células tumorales. En conjunto, nuestros resultados proporcionan evidencia sobre los mecanismos de regulación a nivel transcripcional de la autofagia e integran este proceso con la compleja red de eventos puestos en juego por la célula tumoral implicados en la resistencia tumoral al tratamiento.

428 (481) MODULACIÓN DE LA ACTIVIDAD BIOLÓGICA-DEMOCRÓFAGOS HEPÁTICOS TRAS EL TRASPLANTE DE CÉLULAS ESTROMALES MESENQUIMALES SOBRE-EXPRESANDO EL FACTOR DE CRECIMIENTO SÍMILINSULINA-I EN LA FIBROSIS HEPÁTICA

Esteban Fiore¹; Estanislao Peixoto¹; Mariana Malvicini¹; Juan Bayo¹; Catalina Atorrasagasti¹; Marcelo Rodríguez²; Romina Sierra²; Sofia Gómez Bustillo¹; Mariana García¹; Jorge B. Aquino²; Guillermo Mazzolini¹
 Lab. Terapia Génica, Fac. de Cs. Biomédicas, Universidad Austral¹ Lab. de Biología del Desarrollo y Medicina Regenerativa, Fac. de Cs. Biomédicas, Universidad Austral²

Los macrófagos (M ϕ) hepáticos cumplen un rol importante tanto en la fibrogenesis como en la reversión de la fibrosis hepática. La capacidad de las células mesenquimales estromales (MSC) de migrar selectivamente hacia sitios de injuria permitiría

utilizarlas como vehículo de genes terapéuticos. Anteriormente demostramos que la aplicación sistémica de MSC sobre-expresando el factor de crecimiento similar insulina-1, mediante un vector adenoviral (AdIGF-I-MSC) tiene un efecto inhibitorio sobre la fibrosis hepática mediado por una reducción en la activación de las células estrelladas hepáticas y el estímulo de la regeneración hepatocitaria. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto sobre los M ϕ hepáticos tras la administración de AdIGF-I-MSC en un modelo de fibrosis hepática murino generado mediante aplicación crónica de tioacetamida. Las MSC provenientes de médula ósea de ratones Balb/C fueron infectadas con AdIGF-1-MSCs o un adenovirus control que expresa GFP (*Green Fluorescent Protein*; AdGFP-MSC). Tras 6 semanas de inducción de la fibrosis, se aplicó el tratamiento experimental (AdIGF-I-MSC o AdGFP-MSC) o vehículo y 24 horas después se aislaron los M ϕ hepáticos para el análisis de su fenotipo, mediante qPCR y ELISA. Asimismo, se tomaron muestras de hígado para estudios de inmunofluorescencia y se evaluó el efecto del sobrenadante de las AdIGF-I-MSC sobre M ϕ peritoneales. La aplicación de AdIGF-I-MSC no resultó en cambios significativos en el número total de M ϕ hepáticos, aunque indujo un mayor reclutamiento de los mismos en el lobulillo hepático a expensas de su presencia en los septos de fibrosis. Asimismo, se redujo la expresión de iNOS, TGF- β , TNF- α , IL1 β , IL6 e IL12 mientras que aumentó la expresión de Arginasa-1 e IL10 en los M ϕ hepáticos aislados a partir de animales tratados con AdIGF-I-MSC. Además, la incubación de M ϕ peritoneales con el sobrenadante de AdIGF-I-MSC incrementó su producción de IL10 y consistentemente redujo sus niveles de producción de IL6. Nuestros resultados sugieren que el efecto de la terapia génica y celular con AdIGF-I-MSC sobre la fibrosis hepática se relaciona, en parte, con la modulación de los M ϕ hepáticos hacia un perfil de tipo antifibrótico/ regenerativo.

429 (567) LA MUTACIÓN DE LA SER908 EN EL TRANSPORTADOR CANALICULAR MRP2 PREVIENE SU ENDOCITOSIS INDUCIDA POR LA ACTIVACIÓN DE PROTEÍNA QUINASAS C CLÁSICAS (CPKCS). IMPLICANCIA EN COLESTASIS POR ESTRÓGENOS

Guillermo Nicolás Tocchetti¹; Agustina Arias¹; Paiboon Jungsuwadee²; Juan Pablo Rigalli¹; Silvina Stella Maris Villanueva¹; María Laura Ruiz¹; Claudia Elena Banchio³; Mary Vore²; Aldo Domingo Mottino¹
 IFISE¹ Graduate Center For Toxicology (University of Kentucky)² IBF³

MRP2 contribuye a la formación de la bilis al secretar glutatión y sus derivados al canalículo biliar. La activación de cPKCs es en parte responsable de la colestasis generada por derivados de estrógenos como el 17-glucuronido de estradiol (E17G). Hemos demostrado en ratas y en la línea celular hepática de origen humano HepG2 que el mecanismo involucra endocitosis de MRP2 con consecuente pérdida de actividad. En este trabajo evaluamos si la endocitosis de MRP2 puede asociarse a un aumento en el grado de fosforilación del transportador debido a la activación de cPKCs. Para ello, se incubaron células HepG2 con timeleatoxina (TTX, 100 nM, 30 min), un activador selectivo de cPKCs, resultando en incremento de fosforilación de residuos de serinas en MRP2, sustratos de cPKCs (inmunoprecipitación seguida de inmunoblot). Mediante un análisis *in silico* identificamos a la Ser⁹⁰⁸, ubicada en la región citosólica que conecta dos dominios transmembrana contiguos de MRP2 (región *linker*), como posible blanco de cPKCs. Sobreexpresamos GFP-MRP2 salvaje o una variante en la que se reemplazó la Ser⁹⁰⁸ por un residuo de Ala (A908SGFP-MRP2), y evaluamos el efecto de TTX sobre el contenido de GFP-MRP2 en membrana plasmática (MP) vs intracelular (MI) por inmunoblot. GFP-MRP2 salvaje disminuyó en MP (-74%) y aumentó en MI (+113%) en respuesta a TTX (n=4; p<0.05), mientras que la endocitosis se previno totalmente al sustituir la Ser por Ala. El transporte de dinitrofenil-glutacion (sustrato modelo de MRP2) fue disminuido por TTX en células que expresan la forma salvaje (-23%; n=6; p<0.05) pero no en las que expresan la forma mutada de MRP2. Un comportamiento similar de la forma salvaje y mutada fue observado al tratar las

células con E17G (200 μ M, 30 min). Concluimos que la Ser⁹⁰⁸ resulta clave en la afectación de la localización canalicular de MRP2 en condiciones de activación de cPKCs, representando un posible mecanismo para explicar su pérdida de actividad en la colestasis por estrógenos.

CARDIOVASCULAR 3

430 (233) ESTUDIO DE FRECUENCIA GENOTÍPICA DE SODMnAla9Val, MARCADORES DE INFLAMACIÓN Y ESTRÉS OXIDATIVO EN CHAGAS

Julia Marina Caffaratti¹; Susana Lioi¹; Gabriela Gerrard¹; Romina Diviani¹; María Jose Ceruti¹; Juan Beloscar²; Mabel D'Arrigo¹

Area Química Analítica Clínica Fbioyf UNR¹ Carrera de Cardiología. FCM. UNR²

Introducción: En la Miocardiopatía Chagásica Crónica (MCC), la inflamación progresiva podría modificar el estado antioxidante celular. El curso de la enfermedad dependería de la carga y cepa parasitaria, factores genéticos y estado inmunológico del hospedero entre otros. **OBJETIVOS:** En este trabajo se propuso realizar un estudio descriptivo de frecuencia genotípica (FG) de superóxido dismutasa dependiente de Mn (SODMnAla9Val) y marcadores de estrés oxidativo, como actividad enzimática de superóxido dismutasa (SOD), peroxidación lipídica a través del ensayo de Sustancias Reactivas del Ácido Tiobarbitúrico (MDA/TBARS) y factor de necrosis tumoral alfa (TNFalfa) como marcador de inflamación. **Material y Métodos:** Se analizaron muestras de sangre de individuos chagásicos sin MCC (ECsinMCC: 40), chagásicos con MCC (MCC: 45) y controles (CN: 60), se les realizó examen cardiovascular, electrocardiograma, radiografía de tórax y exámenes complementarios. Se analizaron SOD y MDA/TBARS por métodos espectrofotométricos (Kits Ransel Labs), TNFalfa ELISA (BD). La caracterización molecular fue realizada por PCR-RFLP. **Resultados:** Los resultados se muestran como Media (DE): SOD(USOD/gHb): MCC 3500 \pm 750, ECsinMCC 2610 \pm 190, CN 890 \pm 310; MDA/TBARS(nmol/ml): MCC 4.24 \pm 1.52, ECsinMCC 3.36 \pm 1.20, CN 2.33 \pm 0.60. TNFalfa (pg/ml): CN 7.7 \pm 2.4, MCC 33.3 \pm 7.2, ECsinMCC 26.1 \pm 6.8. Para el estudio estadístico se realizó análisis de variancia a un criterio de clasificación para cada enzima y se aplicó Kruskal Wallis. El nivel de significancia se estableció en $p < 0,05$, Los resultados muestran para SOD, MDA/TBARS y FNTalfa diferencias significativas ($p < 0,01$) entre MCC, ECsinMCC y CN. Para comparar las FG en los grupos estudiados, se realizó el ensayo de hipótesis de una proporción bajo teoría normal con un intervalo de confianza del 95% (IC 95%). Las FG en los grupos estudiados se compararon con la Test exacto de Fisher. Los resultados se muestran en la tabla I, en la cual se evidencia que existen diferencias significativas entre MCC y los demás grupos estudiados en Val-Val de SODMn ($p = 0.00067$, $pc = 0.00134$).

Tabla I. FG de Mn (SODMnAla9Val)

FG SODMn (IC 95 %)	ECsinMCC	MCC	CN
Ala-Ala	0.36 (0.089-0.631)	0.33 (0.10-0.48)	0.85 (0.259-1.021)
Ala-Val	0.46 (0.178-0.742)	0.30 (0.10-0.50)	0.15 (0.087-0.383)
Val-Val	0.18 (0.000-0.397)	0.37 (0.14-0.56)	0.00 (0.00-0.00)

Discusión: Es conocido que la actividad de MnSOD estaría más afectada por la variante Val de la Mn-SOD. En la MCC se observa aumento de FG de Val-Val, de actividad de biomarcadores de estrés oxidativo y de inflamación en MCC. Deberían realizarse nuevas investigaciones con mayor cantidad de pacientes para aclarar estos aspectos fisiopatológicos en la MCC.

431 (247) PARTICIPACIÓN DE LA PROTEÍNA KINASA B (AKT) EN LA TRANSICIÓN DE LA PERMEABILIDAD MITOCONDRIAL (PTPM) EN CORAZONES TRATADOS CON ROSUVASTATINA (R) SUJETOS A ISQUEMIA-REPERFUSION (I-RP)

Debora Velez; Mariángela Barreda Frank; Romina Hermann; Victoria Mestre Cordero; Enrique Savino; Alicia Varela; María Gabriela Marina Prendes
Cátedra de Fisiología. FFyB, UBA. IQUIMEFA-CONICET

Con anterioridad hemos demostrado los efectos cardioprotectores de la R en corazones de rata sometidos a I-RP. Orientados a investigar la causa de estos efectos beneficiosos, nos propusimos estudiar la sensibilidad a la apertura PTPM frente a concentraciones crecientes de Ca²⁺, y a establecer la posible participación de la AKT en estos eventos utilizando un inhibidor de la vía IP3K/AKT, wortmanina (W), por medio de Western Blot. Se emplearon corazones perfundidos Langendorff provenientes de ratas hembras Wistar (250–300 g) alimentadas *ad libitum*. Los mismos fueron sometidos a 25 min de isquemia (I)-60 min de reperfusión (RP). La R (3 μ M) se administró en el medio de perfusión 10 min antes de la I global total, la W (100nM) se suministró 5 min antes de la R y se mantuvo durante la isquemia. Las mitocondrias fueron aisladas al finalizar la RP sostenida y la apertura del PTPM se evaluó midiendo el descenso de la absorbancia (Abs) de la suspensión de mitocondrias a una longitud de onda de 540 nm. Se empleó ciclosporina A, inhibidor de la apertura del PTPM, para comprobar que los cambios en la Abs son debido a la apertura del mismo. Dicho agente inhibió en todos los grupos el descenso de la Abs en respuesta a la máxima concentración de Ca²⁺ empleada. La estadística se hizo con ANOVA (n=8). Resultados (expresados como% de caída de la Abs inicial a 540 nm):

	100 μ M Ca2+	200 μ M Ca2+	300 μ M Ca2+	400 μ M Ca2+	500 μ M Ca2+
C	1,56 \pm 0,31	2,50 \pm 0,34*	2,25 \pm 0,30	1,93 \pm 0,27	2,36 \pm 0,21
R	0,48 \pm 0,18	0,75 \pm 0,15	1,14 \pm 0,20*	0,53 \pm 0,22	0,85 \pm 0,12
C+W	1,53 \pm 0,33	2,85 \pm 0,22*	2,50 \pm 0,23	2,25 \pm 0,29	2,20 \pm 0,26
R+W	1,67 \pm 0,36	2,43 \pm 0,28*	2,83 \pm 0,60	2,0 \pm 0,28	2,20 \pm 0,27

* $p < 0.05$ vs% de caída de Abs en respuesta a todas las concentraciones menores de Ca²⁺ en el mismo grupo. La relación AKT-P/AKT-T fue mayor en el grupo R ($p < 0.05$ vs C, C+W, R+W). La R demostró retrasar la apertura del PTPM, el empleo de W anuló las diferencias entre los grupos experimentales. Estos eventos podrían estar relacionados con la activación de la vía IP3K/AKT.

432 (256) LA TRH INDUCE LA EXPRESIÓN DE TGF β Y COLÁGENOS I Y III EN LA LÍNEA CELULAR DE FIBROBLASTOS NIH 3T3: POSIBLE MEDIADORA DEL EFECTO FIBRÓTICO DE AII

Ludmila Peres Diaz; Maia Aisicovich; María S Landa; Mariano L Schuman; Silvia I Garca
Laboratorio de Cardiología Molecular, Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA; UE IDIM, CONICET

Con experimentos "in vivo" demostramos que TRH cardíaca (TRHc) participa de los procesos desencadenantes de la hipertrofia cardíaca como hipertrofia, apoptosis y marcadamente en la fibrosis (Schuman y col 2011;2014). Hipotetizamos que la TRH debía actuar directamente sobre los fibroblastos cardíacos. Estas células poseen receptores para el tripeptido y son responsables de la fibrosis a través de la expresión de colágenos y la consecuente expansión de la MEC. Como aproximación utilizamos la línea celular de fibroblastos de ratón NIH3T3. Luego de 24 hs sin suero, el cultivo se estimuló con TRH (1 y 10 μ M) durante 24 y 48 h, tiempo en los cuales un grupo de placas (n=8) se levantaron para extraer el RNA y cuantificar genes (TGF β , col I y III, MMP 9y3) por PCR en tiempo real (syber green como fluoróforo intercalante). En otro grupo de placas (n=4) se cuantificaron las proteínas por inmunofluorescencia. También evaluamos el tamaño celular en las distintas condiciones. Observamos un aumento significativo de la expresión de TGF β en ambas concentraciones de TRH a las 24 h ($P < 0.02$) que se vio reflejado en un aumento de la proteína ($p < 0.03$). En igual sentido colágeno I y III mostraron un aumento significativo ($p < 0.01$) en mRNA y proteína que concuerda con los resultados de TGF β . Así también observamos un aumento ($p < 0.02$) del área celular de los fibroblastos estimulados con TRH a ambos tiempos. Decidimos estudiar si TRH es mediador del

efecto fibrótico de All que se sabe esta mediado principalmente por TGF β . Estimulamos los cultivos por 24h con All 1 μ M con y sin bloqueo previo de TRH (lipofectamina+siRNA) y observamos que All induce el aumento de TRH ($p < 0.04$) y que su bloqueo atenúa el marcado aumento de TGF β y de la expresión de colágenos inducido por All. Nuestros resultados muestran por primera vez que la TRH actúa sobre los fibroblastos estimulando la expansión de la MEC (TGF β , colágenos, etc.) y que su presencia es requerida para el efecto fibrótico de la All.

433 (322) EL ROL DE LA TIOREDOXINA 1 EN EL MECANISMO DE PROTECCIÓN DEL POSCONDICIONAMIENTO ISQUEMICO

Tamara Mazo¹; Virginia Perez¹; Anabella Gómez¹; Timoteo Marchini²; Verónica Casanova³; Pablo Evelson²; Verónica D'annunzio¹; Ricardo J Gelpi¹
INFICA. Departamento de Patología. Facultad de Medicina. UBA¹ IBIMOL² Bioterio Central. Facultad de Ciencias Veterinarias. UBA³

La Tioredoxina-1 (Trx1) es un antioxidante que mantiene el estado redox celular y disminuye el tamaño de infarto frente a la injuria por isquemia/reperfusión (I/R), sin embargo no hay estudios que evalúen el rol de la Trx1 en el poscondicionamiento isquémico (PI). Por ello, el objetivo fue estudiar si en el mecanismo de protección del PI participa la Trx-1. Se utilizaron corazones de ratones no transgénicos (NTG), ratones transgénicos que sobreexpresan Trx1, y ratones con Trx1 mutada en su sitio activo (DN, con actividad casi nula). Los corazones de los ratones fueron sometidos a 30min de I y 120min de R (técnica de Langendorff) (grupo I/R). En el grupo PI, luego de la I se realizaron 6 ciclos de R/I (15seg y 10seg, respectivamente). Se midió la presión desarrollada del ventrículo izquierdo (PDVI), la presión diastólica final VI (PDFVI) y el tamaño de infarto (Técnica de trifenil tetrazolium); además se evaluó la expresión de Trx1 (Western Blot). El tamaño de infarto en el grupo NTG-PI disminuyó con respecto a los NTG-I/R (52.3 \pm 3.1% vs 40.1 \pm 1.9, $p < 0.05$), pero esta protección se abolió en los DN-PI (54.3 \pm 3.9% vs 47.7 \pm 1.1). El grupo Trx1-I/R logro mimetizar la protección del PI con un valor de 31.1 \pm 2.7%. La PDVI y la PDFVI no mostraron cambios significativos entre los grupos durante la reperfusión. La expresión de Trx1 aumentó en los grupos Trx1 y DN, comparados con los NTG en situación basal (Trx1:2.6 \pm 0.1UA, DN:2.3 \pm 0.06; $p < 0.05$ vs. NTG-B:1.0 \pm 0) como era de esperar. Luego de la I/R, la expresión de Trx1 disminuyó en los NTG (NTG: 0.32 \pm 0.09 UA), sin embargo el PI preservó la expresión de Trx1 (0.65 \pm 0.08 UA $p < 0.05$ vs. NTG I/R). Nuestros resultados sugieren que la Trx-1 participa, al menos en parte, de la protección conferida por el PI frente al tamaño de infarto, dado que la expresión de esta proteína disminuye luego de la injuria por I/R y se restaura parcialmente tras la realización del protocolo de PI.

434 (388) INFLIXIMAB PREVIENE LAS ALTERACIONES DE LA FUNCIÓN CARDÍACA PRODUCTO DE UNA EXPOSICIÓN AGUDA A PARTICULAS DE CONTAMINACIÓN AMBIENTAL: ROL DEL CALCIO Y DE LA FUNCIÓN MITOCONDRIAL

Lourdes Cáceres¹; Timoteo Marchini¹; Verónica D'Annunzio¹; Mariela L Paz²; Mariana Garcés¹; Virginia Perez¹; Deborah Tasat³; Virginia Vanasco¹; Natalia Magnani¹; Daniel González Maglio²; Ricardo J Gelpi¹; Silvia Álvarez¹; Pablo Evelson¹
Instituto de Bioquímica y Medicina Molecular (IBIMOL)¹ Instituto de Estudios de la Inmunidad Humoral (IDEHU)² - UBA-CONICET³ CESyMA, Facultad de Ciencia y Tecnología, Universidad Nacional de General San Martín²

La exposición a material particulado (MP) se encuentra asociada a incrementos en la mortalidad cardiovascular, donde una respuesta inflamatoria sistémica ha sido señalada como uno de los principales responsables. Se ha mostrado que el tratamiento previo con Infliximab previene tanto la disminución del consumo de O₂ en corazón, como la caída de la reserva contráctil y diastólica cardíaca en ratones expuestos a MP derivado de la

combustión del petróleo (ROFA). El objetivo de este trabajo fue estudiar los mecanismos subyacentes a este efecto, en ratones Swiss hembras (25 g) expuestos a ROFA (1 mg/kg) y tratados previamente con Infliximab (10 mg/kg). Luego de 3 h, se realizó un perfil plasmático de citoquinas y se determinó el consumo de O₂ en mitocondrias aisladas de corazón. Además, se evaluó la reserva contráctil y diastólica cardíaca según la técnica de Langendorff, como la PDVI y el t50 en condiciones basales y luego de un estímulo β -adrenérgico con isoproterenol (ISO), respectivamente. La exposición a ROFA indujo aumentos en los niveles de TNF- α e IL-6, que fueron revertidos mediante el tratamiento con Infliximab. Se observó una disminución del 31% en la respiración activa mitocondrial (control estado 3: 91 \pm 8 ng at O/min mg proteína, $p < 0,05$) y en el control respiratorio en los ratones expuestos a ROFA, lo cual fue prevenido mediante el tratamiento con Infliximab. En la perfusión del corazón aislado utilizando una solución reguladora Krebs con bajo calcio, se encontró una respuesta similar en los corazones de los ratones expuestos a ROFA con respecto al control. En ambos casos, se observó un aumento de la PDVI en respuesta al ISO (Δ PDVI control: 65 \pm 13%, $p < 0,001$), y una disminución del t50 (Δ t50 control: -22 \pm 2%, $p < 0,001$). Estos resultados sugieren que el TNF- α se encuentra involucrado en los efectos adversos a nivel cardiovascular producto de la exposición al MP, y que los mismos estarían mediados por el calcio y alteraciones de la función mitocondrial.

435 (490) MECANISMOS DE PROTECCIÓN DE LA ESTIMULACIÓN VAGAL PRE-ISQUÉMICA Y POST-ISQUÉMICA EN LA INJURIA POR ISQUEMIA Y REPERFUSIÓN MIO-CÁRDICA EN RATONES

Jazmin Kelly¹; Bruno Buchholz¹; Marina Munoz²; Eduardo Bernatene¹; Nahuel Mendez Diodati¹; Daniel Gonzalez Maglio³; Fernando P Dominici²; Ricardo J Gelpi¹
IBIMOL-Subsede Instituto de Fisiopatología Cardiovascular, Facultad de Medicina, UBA.¹ IQUIFIB, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA.² IDEHU, Cátedra de Inmunología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA.³

Se conocen efectos protectores de la estimulación vagal (EV) prolongada en la cardiopatía isquémica, siendo poco conocidos los efectos de la EV breve antes de la isquemia o en la reperfusión. El objetivo fue estudiar los efectos y mecanismos de protección de la EV aplicada selectivamente antes de la isquemia (EVp) y en el inicio de la reperfusión (Evr). En ratones FVB machos se realizó una isquemia miocárdica regional de 30 min y 2 horas de reperfusión sin EV (I/R, n=8); con EVp por 10 min (n=8); con EVp y bloqueo muscarínico con atropina (Atr) (n=8); con EVp y bloqueo nicotínico $\alpha 7$ con metilicacotina (MLA) (n=8). También, se estudiaron los efectos de la EVr (n=9); con Atr (n=8); con MLA (n=8); y con el bloqueante de la JAK2, AG490 (n=6). Para evaluar la participación de la vía colinérgica antiinflamatoria del bazo en la protección, se realizó EVr con sección vagal abdominal dorsal (n=7) y esplenectomía (Esp) (n=7). Por cateterismo se midió la función ventricular izquierda. Se midió el área de riesgo con azul de Evans y el área de infarto con TTC. A los 5 min de EV la FC disminuyó un 10% respecto al basal tanto en el grupo EVp como EVr; siendo bloqueados estos efectos con Atr. Se observó un deterioro de la función ventricular con la isquemia, sin diferencias entre los grupos. Tanto la EVp (44 \pm 3%) como la EVr (40 \pm 2%) redujeron el tamaño del infarto respecto al grupo I/R (59 \pm 3%) ($p < 0,05$). La protección de la EVp fue bloqueada por la Atr (56 \pm 2%) ($p < 0,05$), pero no por el MLA (44 \pm 3%). En cambio, la protección de la EVr no fue bloqueada por la Atr (39 \pm 2%), pero sí por el MLA (60 \pm 3%) ($p < 0,05$) y por el AG490 (53 \pm 2%) ($p < 0,05$). Además, ni la denervación del bazo, ni la Esp revertieron la protección de la EVr (42 \pm 4% y 42 \pm 3%, respectivamente). En conclusión, la EVp reduce el tamaño del infarto por vía muscarínica. En cambio, la EVr protege por activación nicotínica de la vía de la JAK2, pero podría ser independiente de la vía colinérgica antiinflamatoria sistémica.

436 (536) CARACTERIZACIÓN DEL PAPEL DE LA ERITROPOYETINA SOBRE LA RESPUESTA HEMODINÁMICA

Y FUNCIONALIDAD CARDÍACA EN LA HEMORRAGIA AGUDA SEGÚN AVANZA LA EDAD

María Bernardita Puchulu; Noelia Arreche; Rocio Altaf; Jasmin Silva Cousido; Natalia Ogonowski; Francisco Perosi; Gustavo Cernadas; Viviana Mesch; Martin Donato; Andrea Fellet; Ana María Balaszczuk
Fac. de Farmacia Y Bioquímica

La eritropoyetina (EPO) no solo posee efectos benéficos en el tratamiento de la anemia crónica, sino que también se han descrito funciones cardioprotectoras. Objetivo: estudiar los efectos del tratamiento previo con EPO sobre la respuesta hemodinámica, funcionalidad cardíaca en ratas Sprague-Dawley machos 2 (joven:J) y 12 (adulto:A) meses de edad sujetas a hemorragia 20% de la volemia anestesiadas. Métodos: Grupo C: controles; Grupo H: sometidas a una hemorragia del 20% de la volemia, Grupo EPO: pretratadas con EPO (1000 mUI/Kg peso/3 días); Grupo EPO+H: pretratadas con EPO, sometidas a hemorragia del 20% volemia. Se determinaron EPO plasmática; presión arterial media (PAM), frecuencia cardíaca (FC); parámetros ecocardiográficos. Resultados: EPO plasma (mUI/ml): grupo C $<0,71 \pm 0,11$ vs grupo EPO $21,97 \pm 9,79^*$. El pretratamiento con EPO no modificó los valores basales de PAM y FC. La hemorragia provocó una disminución de la PAM en el grupo H y EPO H joven a los 5 min (30 ± 2 mmHg, $*p < 0,01$ vs valores basales; 51 ± 5 mmHg, $*p < 0,01$ vs valores basales respectivamente). En el grupo EPO se observó un incremento de la PAM alcanzando a partir de los 120 min valores similares a los basales (2 meses 69 ± 4 mmHg; 12 meses 78 ± 3 mmHg, $p = NS$ vs valores basales). La hemorragia indujo, un incremento de la FC en la fase tardía post-hipovolemia (Grupo HJ basal $FC = 335 \pm 6$; FC 120 min $= 416 \pm 6^*$, $*p < 0,01$ vs valores basales). El mismo efecto fue observado en el grupo EPO+HJ; la taquicardia post-hemorrágica fue menor (Grupo EPO+HJ basal $FC = 349 \pm 6$; FC 120 min $= 380 \pm 6^*$, $*p < 0,01$ vs valores basales; $\#p < 0,01$ vs Grupo HJ). Grupo adulto mostró el mismo patrón de cambios en la FC. Grupo HA basal 315 ± 1 vs 120 min 410 ± 2 , $*p < 0,01$ vs valores basales; EPO HA 280 ± 9 vs 120 min 338 ± 12 $*p < 0,05$). El tratamiento con EPO indujo un aumento de la fracción de acortamiento (37 ± 4 vs 45 ± 2 $*p < 0,05$) en Grupo EPO+HA. Conclusión: la EPO luego de una hemorragia aguda ajusta los parámetros hemodinámicos y la función cardíaca según avanza la edad.

REPRODUCCIÓN 5

437 (34) CARACTERIZACIÓN DEL EFECTO DELEPTINA SOBRE LA MIGRACIÓN E INVASIÓN DE CÉLULAS TROFBLÁSTICAS HUMANAS.

Ayelen Rayen Toro¹; Rocio Sampayo²; Antonio Pérez-Pérez²; Vanina Fontana³; Víctor Sánchez-Margalet²; Marina Simian²; Cecilia Varone¹
*1*QUIBICEN-CONICET, FCEyN, UBA¹ Área de Investigaciones, Instituto de Oncología "Ángel H. Roffo", Buenos Aires, Argentina.² Departamento de Bioquímica Médica y Biología Molecular, Universidad de Sevilla, Sevilla, España.³ Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA³

La leptina, proteína conocida por su capacidad de regular el balance energético del organismo, posee un rol importante durante el embarazo ya que está involucrada en la regulación del crecimiento placentario y en la tolerancia materno-fetal. La placenta humana produce leptina y demostramos que dicha hormona es capaz de aumentar la proliferación e inhibir la apoptosis de células trofoblásticas. Resultados previos de nuestro grupo indican que leptina promueve la migración e invasión de células trofoblásticas. En el presente trabajo nos planteamos como objetivo caracterizar los mecanismos involucrados en la acción de leptina sobre dichos procesos. Se utilizó como modelo experimental la línea citotrofoblástica humana de primer trimestre *Swan-71*. Se utilizaron concentraciones crecientes de leptina (50, 100 y 250 ng/ml) y/o inhibidores farmacológicos para las vías de señalización de MAPK (PD98059) y PI3K/Akt (LY294002) y de la actividad de

MMPs (GM6001). Para estudiar si el efecto de leptina es reversible, se eliminó la leptina del medio de incubación durante 24h. Se llevaron a cabo experimentos de qRT-PCR y *Western blot* para evaluar la expresión de distintas proteínas, zimografías para medir la actividad de MMPs y ensayos de cierre de herida para estudiar el proceso de migración celular. Se observó que leptina aumenta la expresión y la actividad de MMP-2. Leptina disminuye los niveles de expresión de E-cadherina y se demostró que es necesaria la actividad de MMPs para ejercer dicha acción. Los niveles de $\beta 1$ Integrina son aumentados por leptina, independientemente de la actividad de MMPs. Se halló que el efecto de leptina sobre E-cadherina es reversible y que su acción sobre $\beta 1$ Integrina se revierte sólo en presencia de 250 ng/ml de leptina. Por último, se evidenció que leptina promueve la migración celular involucrando la vía de MAPK. Podemos concluir que leptina promueve la migración e invasión trofoblástica, procesos críticos para la implantación embrionaria.

438 (100) EFECTO DE PROTEÍNA S100 A9, PRESENTE EN OVIDUCTO, SOBRE LA REACCIÓN ACROSÓMICA EN ESPERMATOZOIDES HUMANOS

Estefanía Ma Massa; G. Prez; C Zumoffen; S Ghersevch
Univ. Nac. de Rosario - Fac. de Cs. Bioquímicas y Farmacéuticas Area Bioquímica Clínica

En trabajos previos hemos demostrado la presencia de la proteína S100 A9 en el oviducto humano y en sus secreciones, y que la misma puede unirse al espermatozoide humano. El objetivo del presente trabajo fue investigar si dicha proteína afectaba la reacción acrosómica (RA) en espermatozoides humanos. Se obtuvieron espermatozoides móviles por swim up de muestras de semen de donantes normozoospermicos (n=8), evaluados según el criterio de la O.M.S. (2010) y el criterio estricto. Los espermatozoides se incubaron en condiciones de capacitación durante 6 h en presencia de S100 A9 recombinante humana (0, 0,1, 1,0 y 10,0 μ g/ml) a 37°C, pCO₂ 5%. Al cabo de la incubación se indujo la RA con progesterona (20 μ M). Los espermatozoides fueron fijados y la RA se detectó con la lectina *Pisum sativum* conjugada con isotiocianato de fluoresceína y los preparados se observaron en un microscopio de epifluorescencia. Se contaron al menos 200 células por tratamiento. Se determinó el % de espermatozoides reaccionados en ausencia del inductor de RA (RA basal) o en presencia del mismo (RA inducida). Se informó el % de población inducible (%PI: diferencia entre % de RA inducida y el % de RA basal dentro de cada tratamiento). Se evaluaron también la viabilidad y la motilidad espermática. El análisis estadístico se basó en el análisis de la variancia, considerando significativo un $p < 0,05$. Los resultados se expresaron como media \pm error estándar. Se encontró un aumento significativo del %PI en presencia de 0,1 μ g/ml de S100 A9 respecto del control ($23,8 \pm 4,9\%$ vs. $8,1 \pm 1,1\%$, respectivamente, $p < 0,01$). Las otras dosis de la proteína no afectaron significativamente al %PI. La presencia de S100 A9 no afectó ni la viabilidad ni la motilidad espermática, que fueron similares a las de los controles. La menor concentración ensayada de S100 A9 incrementó la RA inducida, sin afectar la RA basal. Dado que la proteína puede unirse a los espermatozoides, el efecto podría ser mediado por receptores.

439 (139) FIBRONECTINA ACTÚA COMO PROTEÍNA MODULADORA DE LA INTERACCIÓN ESPERMATOZOIDE OVIDUCTO EN BOVINOS

Claudia Elena Osycka-Salut¹; Luciana Castellano¹; Carlos Agustín Isidro Alonso¹; Daiana Fornes²; Jimena Soledad Beltrame³; Alicia Jawerbaum²; Emilce Silvina Diaz²; Silvina Perez-Martinez¹
*1*Lab Biología de la Reproducción en Mamíferos - CEFYBO¹ Lab de Reproducción y Metabolismo - CEFYBO² Lab de Fisiología y Farmacología de la Reproducción - CEFYBO³ Lab de Biología de la Reproducción - Universidad de Antofagasta - Chile⁴

El oviducto actúa como un reservorio de espermatozoides (ESP) los cuales se unen a las células epiteliales del mismo hasta que señales asociadas a la ovulación inducen su liberación

permitiendo la fecundación. El proceso de capacitación espermática es una causa de la liberación. La fibronectina (Fn) es una glicoproteína que se une a integrinas $\alpha 5\beta 1$. Recientemente demostramos que Fn induce la capacitación en ESP humanos. El objetivo fue caracterizar la expresión de Fn en el epitelio oviductal y evaluar su participación en la interacción ESP-oviducto en bovinos. Cuantificamos los niveles de Fn a lo largo del ciclo estral en células epiteliales del oviducto (CEO) y fluido oviductal bovinos mediante qPCR y por ELISA, siendo mayores los niveles de Fn en el estadio pre-ovulatorio ($p < 0,05$). Estudios de inmunohistoquímicas indicaron que el epitelio oviductal expresa Fn y que el ESP bovino al receptor $\alpha 5\beta 1$. Se utilizaron cultivos de ESP-CEO para evaluar la unión o la liberación de los ESP a las CEO. La preincubación de ESP con un anticuerpo anti- $\alpha 5\beta 1$ inhibió la unión de los mismos a las CEO ($p < 0,05$). Por otro lado, la incubación de los cultivos con Fn indujo la liberación de los ESP ($p < 0,05$). Los ESP liberados con Fn presentaron un mayor porcentaje de ESP con motilidad progresiva y patrón capacitado respecto al control ($p < 0,05$). Además, evaluamos distintos eventos asociados a la capacitación espermática en ESP incubados con Fn. La glicoproteína aumentó el número de ESP con patrón capacitado (por CTC e inducción de reacción acrosomal por LPC) e incrementó los niveles de óxido nítrico (citometría de flujo) y de proteínas fosforiladas en serina-treonina (WesternBlot) ($p < 0,05$). Los resultados sugieren por primera vez la participación de Fn en la unión de los ESP al oviducto en bovinos. En el estadio preovulatorio, un incremento en los niveles de Fn oviductal induciría eventos asociados a la capacitación espermática promoviendo la liberación de los ESP del epitelio oviductal.

- 440 (241) CAPACIDAD FECUNDANTE ESPERMÁTICALUEGO DEL CONSUMO MURINO SEMICRÓNICO DE ALCOHOL: EFECTOS EN LA CINÉTICA DE LA DESCONDENSACIÓN NUCLEAR DURANTE LA FERTILIZACIÓN IN-VITRO**
 Melisa Celeste Sanchez¹; Vanina Andrea Fontana^{1,4}; Cristian Sobarzo²; Juan Carlos Calvo^{1,4}; Elisa Cebral³
 IBYME¹ INBIOMED-UBA/CONICET, Fac Medicina-UBA² IFIBYNE-UBA/CONICET y DBBE, FCEN-UBA³ Departamento de Química Biológica, FCEN-UBA⁴

El consumo de alcohol en el hombre produce disfunción testicular y elevado riesgo de infertilidad. Previamente, vimos que la ingesta crónica (30 días) del 10% de alcohol induce, en el ratón adulto, alto% de espermatozoides anormales con reducida capacidad fecundante, mientras que la ingesta semicrónica (15 días) del 15% de alcohol lleva a inhibición parcial de la meiosis y apoptosis testicular, y a incremento de espermatozoides anormales. Con el objeto de indagar la capacidad fecundante espermática luego de la ingesta semicrónica de alcohol, se analizó: 1) el grado de capacitación espermática: % de hiperactivación, % de reacción acrosomal inducida (test HOS-SPERMAC), 2) la tasa de descondensación inducida, 3) el% de fertilización in-*itro* (FIV), 4) la dinámica de descondensación nuclear post-FIV. Se trataron machos murinos CF-1 de 60 días de edad, con 15% de etanol en el agua de bebida, por 15 días (MT, vs machos controles, MC). Los MT presentaron reducido% de espermatozoides hiperactivados y reaccionados a los 120 minutos de capacitación, vs% de los MC ($p < 0,05$). Sin embargo, la exposición a alcohol indujo un aumento significativo del% de espermatozoides descondensados a los 60 minutos post-inducción (GSH+Heparina) ($48 \pm 3\%$ de MC, $n=8$ vs $57 \pm 4\%$ de MT, $n=10$, $p < 0,05$). Luego de 4 hs post-inseminación (T4), los MT tuvieron mayor% de fecundación (IICP + 2 PN) respecto de los MC ($p < 0,05$), siendo el% de espermatozoides descondensados en los oocitos activados-fecundados (II CP + PN femenino + descond.) mayor a las 2 y 3 h post-FIV en los MT vs el% de los MC ($p < 0,05$). Estos resultados demuestran que la ingesta semicrónica moderada de alcohol inhibe parcialmente la capacitación espermática pero induce incremento de la cinética de la descondensación del espermatozoide en presencia de factores descondensantes y del oocito, lo que sugiere la disregulación de la dinámica de formación pronuclear y singamia en la cigota temprana.

- 441 (330) EL CANAL CFTR REGULA EVENTOS DEPENDIENTES DE HCO₃- ASOCIADOS A LA CAPACITACIÓN EN ESPERMATOZOIDES HUMANOS**
 LIS DEL C. PUGA MOLINA¹; Paulina Torres Rodríguez²; Alberto Vicens Sánchez²; Nicolás A. Pinto¹; Ana Romarowski¹; Florenza A. La Spina¹; Guillermina M. Luque¹; Claudia L. Teviño²; Alberto Darszon²; Pablo E. Visconti³; Mariano G. Buffone¹
 IBYME¹ IBT-UNAM² VASCI-UMASS³

El espermatozoide eyaculado de mamíferos no es capaz de fecundar al ovocito; debe adquirir la capacidad de fecundar durante la migración por el tracto reproductor femenino en un proceso complejo y estrictamente regulado denominado capacitación. En este contexto, se sabe que durante la capacitación del espermatozoide humano (spz) la entrada de bicarbonato (HCO_3^-) a la célula es esencial para: la fosforilación de sustratos de PKA (pPKA) y de tirosina-kinasas (pY), el incremento de pH intracelular (ΔpHi) y de la diferencia de potencial de membrana (ΔV), el desarrollo de movilidad hiperactivada (HA) y la reacción acrosomal (RA), entre otros eventos. Dado que el canal CFTR (cystic fibrosis transmembrane conductance regulator) es un transportador de aniones, entre ellos Cl^- y HCO_3^- , planteamos como hipótesis que el CFTR media la entrada de HCO_3^- al spz siendo de vital importancia para el proceso de capacitación. En este trabajo, spz fueron incubados en condiciones capacitantes en presencia de inhibidores directos (inh-172 y GlyH-101) o indirectos (H-89 y medio capacitante carente de Cl^-) de CFTR. En estas condiciones, los parámetros evaluados asociados a la capacitación (pPKA, pY, ΔpHi , ΔV , HA y RA) se vieron afectados. Contrariamente a lo observado en humanos, el uso de estos inhibidores no afectó la activación de la vía AMPc/PKA en espermatozoides de ratón. La estimulación farmacológica de PKA mediante el agregado de dbcAMP+IMBX logró revertir la inhibición sobre estos parámetros (pPKA, pY, ΔpHi , ΔV y HA). Estos resultados indican que el efecto observado se encuentra río arriba de la activación de PKA. Por lo tanto, proponemos que el CFTR media la entrada de HCO_3^- en el spz durante la capacitación siendo necesaria su actividad para el proceso de fecundación.

- 442 (355) USO DE ESFINGOLÍPIDOS COMO NUEVA ESTRATEGIA TERAPÉUTICA EN LA PREVENCIÓN DEL SÍNDROME DE HIPERESTIMULACIÓN OVÁRICA (OHSS)**
 Mariana Di Pietro¹; Natalia Pascuali¹; Leopoldina Scotti¹; Denise Mesquiatti¹; Marta Tesone^{1,2}; Dalhia Abramovich¹; Fernanda Parborell¹
 IBYME¹ Departamento de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas, Universidad de Buenos Aires²

El OHSS es una complicación iatrogénica durante las técnicas de reproducción asistida. Los rasgos clínicos incluyen aumento del tamaño de los ovarios, formación de quistes y aumento de permeabilidad vascular (ascitis). El S1P es un esfingolípido que promueve la integridad en la vasculatura. Previamente observamos que los niveles de S1P como de PDGF-B y -D (factor de crecimiento derivado de plaquetas) disminuían en fluido folicular de pacientes OHSS. Además, observamos que el S1P en un modelo OHSS en rata disminuía el porcentaje de c. lúteos y de quistes, y los niveles séricos de progesterona. El objetivo fue evaluar el efecto de S1P sobre la integridad vascular en un modelo animal de OHSS. Ratas prepúberes se inyectaron con eCG (50 IU/día) durante 4 días consecutivos y 24 hs después con hCG (25 IU) (OHSS). Al grupo OHSS+S1P se le inyectó S1P (5ul/ovario; 1mM) en el día de la inyección de hCG. El grupo control solo recibió eCG (25 UI) en el día 3 y hCG (10 UI) en el día 5. Luego de 48 hs de hCG los animales fueron sacrificados y se extrajeron los ovarios. En OHSS, se observó una disminución en la expresión proteica del PDGFR β comparado al control. El S1P aumentó la expresión de dicho receptor, sin afectar los niveles de su ligando. En OHSS, los niveles de VE-caderina y N-caderina disminuyeron comparado al control. En cambio, el S1P los revirtió a niveles similares al control. El S1P no fue capaz de revertir el aumento de proliferación celular observada en OHSS. En OHSS, se observó

un aumento en la expresión proteica de β -3HSD sin observarse cambios en la expresión de P450 scc comparado al control. El S1P no causó ningún cambio en estas enzimas esteroidogénicas. El S1P aumentó la expresión proteica de la forma clivada de PARP (marcador de apoptosis) comparado al grupo OHSS. Los resultados sugieren que en OHSS, la administración de S1P mejora la integridad en la vasculatura ovárica, disminuyendo la permeabilidad, y por ende, la severidad en dicho síndrome.

METABOLISMO Y NUTRICIÓN 4

444 (63) EFECTOS DE LA PROTEÍNA DE SOJA DIETARIA SOBRE MECANISMOS DE DEFENSA ANTIOXIDANTES Y ESTRÉS OXIDATIVO EN TEJIDO ADIPOSITO EPIDIDIMAL DE RATAS ALIMENTADAS CON UNA DIETA RICA EN SACAROSA

Paola Guadalupe Illesca¹; Dante Alejandro Selenscig¹; Yolanda Bolzón De Lombardo¹²; Mara Eugenia D Alessandro¹²
Departamento de Ciencias Biológicas. Lab. De Enfermedades relacionadas con la nutrición. FBCB.UNL.¹ Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. CONICET.²

Objetivo: investigar los efectos del reemplazo de caseína (origen animal) por proteína de soja dietaria (vegetal) sobre los mecanismos de defensa antioxidantes y estrés oxidativo en tejido adiposo (TA) epididimal de ratas dislipémicas e insulinoresistentes por la ingesta crónica de una dieta rica en sacarosa (DRS). Metodología: Ratas macho Wistar fueron alimentadas con DRS (62,5% sacarosa, 17% caseína) durante 4 meses. Luego la mitad de las ratas continuaron con DRS hasta el mes 8 de ingesta, mientras que la otra mitad recibió por 4 meses adicionales la DRS en la cual la caseína fue reemplazada por proteína de soja (PS). Otro grupo de ratas fue alimentado con dieta control (DC) (62,5% almidón, 17% caseína) durante 8 meses. Determinaciones: Plasma: triacilglicéridos (TAG), ácidos grasos no esterificados (AGNE), glucosa, insulina, ácido úrico, TNF- α . TA: actividad enzimática superóxido dismutasa (SOD), catalasa (CAT), glutatión peroxidasa (GPx) y glutatión reductasa (GR), estado redox del glutatión. Estado prooxidante: actividad enzimática xantino oxidasa (XO) y TBARs. Se midió el tamaño de los adipocitos y su distribución. Resultados: Los elevados niveles plasmáticos de TAG, AGNE, ácido úrico y glucosa del grupo DRS fueron normalizados cuando la PS reemplazó a la caseína durante los últimos 4 meses de ingesta. La insulinemia fue similar en todos los grupos. El grupo DRS presenta mayor índice de adiposidad visceral e hipertrofia adipocitaria con deterioro de los mecanismos de defensa antioxidante celular enzimáticos y no enzimáticos y un marcado estado pro-oxidante y proinflamatorio. La PS disminuye el tamaño de los adipocitos sin alcanzar los valores del grupo DC, normaliza la actividad SOD y GR y mejora el estado redox del glutatión, pero continúa alterada CAT y GPx. Normaliza/mejora la actividad XO, TNF- α y TBARs. Conclusiones: la PS puede mejorar el estrés oxidativo e inflamación de las ratas DRS utilizadas ampliamente como un modelo de síndrome metabólico.

445 (194) INFLAMACIÓN EN CORTEZA RENAL DE RATA TRATADA CON LPS: EFECTO DE (-)-EPICATEQUINA (EC) DIETARIA

Laura Fischerman¹; Paula D. Prince¹; Patricia I Oteiza²; César G. Fraga¹; Mónica Galleano¹
IBIMOL¹ Departamento de Nutrición y de Toxicología Ambiental, Universidad de California, Davis, EE.UU.²

Los mecanismos de acción de los flavonoides dietarios sobre la salud no están aún dilucidados. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de la (-)-epicatequina (EC) sobre las manifestaciones inflamatorias y funcionales en riñón de rata sometida al tratamiento con lipopolisacárido de pared bacteriana (LPS). Se alimentó por 4 d a ratas Sprague-Dawley con dieta control (C) o suplementada con 100 mg EC/kg de peso corporal/ día (E). En el cuarto día, los grupos se subdividieron en dos subgrupos, a

los que se les administró i.p. solución fisiológica o LPS (4 mg/kg peso) (L) obteniendo 4 grupos experimentales: C; L; E; y LE. Transcurridas 6 h de la inyección de SF o LPS se procedió a la eutanasia. La administración de LPS en las ratas alimentadas con dieta control produjo alteraciones en la función renal evaluada en términos de contenido de creatinina y urea sérica (C= 0,45 \pm 0,04 y L= 0,58 \pm 0,03* mg creatinina/dl; C= 28 \pm 3 y L= 56 \pm 7* mg urea/dl; *p<0,05). Para estudiar la activación de la vía inflamatoria mediada por NF κ B, se determinaron los niveles de p65 por western blot en fracciones nucleares y citosólicas de corteza renal. La relación p65 nuclear/citosólica en la corteza renal de las ratas del grupo L fue un 86% mayor (p<0,04) que en las de C. La expresión de óxido nítrico sintasa inducible (iNOS) se incrementó en un 38% (p<0,05) en la corteza renal de las ratas del grupo L con respecto a las ratas C. En las ratas que recibieron la dieta suplementada con EC previo a la administración de LPS no hubo manifestaciones de alteraciones en la función renal ni en los parámetros asociados a la activación de NF κ B y las proteínas cuya síntesis induce. Los resultados sugieren que la administración dietaria de EC se asoció a una atenuación en la respuesta inflamatoria en corteza renal que resultó en una protección de la función renal frente al tratamiento con LPS. UBACyT 20020120100177 y 20020130100760BA, PIP0612, PICT-2012-0765

446 (195) EFECTO CELULAR DEL FITOESTRÓGENO GENISTEÍNA EN EL SISTEMA ÓSEO Y VASCULAR

Sabrina Belén Cepeda; Marisa J. Sandoval; Mara B. Rauschemberger; Adrian E. Campelo; Pablo H. Cutini; Virginia L. Massheimer
INBIOSUR

Está descripto que un alto recambio óseo se asocia con una mayor mortalidad cardiovascular en el envejecimiento, proceso biológico vinculado al desarrollo tanto de osteoporosis como de enfermedad vascular. Los fitoestrógenos (FE) como la genisteína (Gen) son suplementos dietarios propuestos en la menopausia como protectores de la salud vascular y ósea. Objetivo: evaluar el efecto de Gen (10 nM) a nivel óseo y vascular. Se estudió la diferenciación osteoblástica y osteoclastica (OC), y la transdiferenciación de células musculares lisas vascular (CMLV) a linaje óseo (CMLV-OB), evento involucrado en la calcificación vascular (CaV). Sistemas experimentales murinos: línea celular osteoblástica (MC3T3); cultivos primarios de CMLV y, CMLV inducidas a transdiferenciación ósea en medio procalcificante (b-glicerolfostato 5 mM + Ca 4 mM, 25 días, medio A). El FE sobre osteoblastos MC3T3 produjo aumento de la expresión de la actividad de fosfatasa alcalina (FAL) (130% s/c, p<0.02), marcador de diferenciación ósea. La diferenciación a OC se estudió incubando monocitos de sangre entera sobre CMLV-OB. A 13 días de cultivo se detectaron cambios morfológicos compatibles con un fenotipo osteoclastico (tinción TRAPP) proceso regulado por el FE. El cambio de fenotipo contráctil de la CLMV a proliferante constituye el paso inicial de la CaV. Se observó un aumento en la proliferación celular de CMLV en medio A (10% s/c, p<0.01), evento revertido por el agregado de Gen (11% vs C, p<0.02). La validación del modelo de transdiferenciación fue presentado previamente. En este trabajo se demostró que el tratamiento de CMLV-OB con Gen disminuye FAL (33% s/c, p<0.01) y aumentó los niveles de Ca del medio extracelular (79 \pm 12.6 vs 63 \pm 18.1 mg/mg prot., p<0.05). Los resultados reflejarían que el FE ejercería acción favorable a nivel vascular, atenuando la lesión ateromatosa tanto en etapa temprana como tardía y regularía los procesos celulares involucrados en la remodelación ósea.

447 (204) INHIBICIÓN DEL POTENCIAL ADIPOGÉNICO INDUCIDO POR CONSUMO DE FRUCTOSA DURANTE LA GESTACIÓN

Ana Alzamendi¹; Guillermina Zubiria¹; Eduardo Spinedi²; Andrés Giovambattista¹
IMBICE¹ CENEXA²

Resultados previos de nuestro grupo indican que el consumo de DRF durante la gestación induce en crías macho adultas, al-

teraciones metabólicas y de la función endócrina del tejido adiposo (TA). Evaluamos el impacto del consumo de DRF por la madre gestante sobre el potencial adipogénico en células de la fracción estroma vascular (FEV), aisladas de TA retroperitoneal (TARP) de la progenie macho adulta. Ratas S-D preñadas se dividieron en dos grupos: uno recibió agua y el otro DRF (fructosa 10% p/v en agua) para beber; y alimento *ad libitum* durante la gestación. Las madres lactantes y las crías (entre los días 21 y 60 de vida) (C y F) recibieron agua de bebida y alimento *ad libitum*. El día experimental diseccamos y cuantificamos la masa de TARP, y aislamos las células de la FEV. Determinamos por qPCR la expresión de marcadores indicativos del potencial adipogénico. Los resultados muestran una disminución en la masa de TARP, aumento en el tamaño adipocitario y menor número celular ($p < 0,05$ F vs. C). En conjunto con un aumento ($p < 0,05$ F vs. C) en la expresión de leptina (lep) en TARP, lep circulante y la liberación de lep inducida por insulina (*in vitro*). En las células de la FEV incrementó ($p < 0,05$ F vs. C) la expresión de Pref-1 y CD34. Dado que CD34 es un indicador del número de células precursoras adipocitarias, corrigiendo los niveles de expresión en función del aumento de CD34, observamos un incremento de 1,57 veces en los niveles de Pref-1 y una disminución de 0,04 veces en los de Zfp423. Nuestros resultados indicarían que el consumo de DRF en la gestación induce en su progenie una disminución del potencial adipogénico de la FEV que repercutiría en el número de adipocitos y la masa del TARP, favoreciendo la hipertrofia adipocitaria y cambios del perfil de secreción de adipocinas. Estos cambios serían al menos en parte responsables del aumento de susceptibilidad a desarrollar las alteraciones metabólicas. (PICT 2013-0930, SUBSIDIO CIC, FPREDM062013).

448 (376) ROL DE LXR α/β Y PPAR γ EN EL CONTROL DE LA EXPRESIÓN DE GENES INVOLUCRADOS EN LA BIOSÍNTESIS Y SECRECIÓN DE LÍPIDOS EN CÉLULAS EPITELIALES MAMARIAS MURINAS AISLADAS

Diego Grinman¹; Edith Kordon^{1,2}; Paul Maclean³; Michael Rudolph³; Adali Pecci^{1,2}
 IFIBYNE-CONICET¹ Univ. de Buenos Aires, Fac. de Ciencias Exactas y Naturales, Depto. de Química Biológica² Universidad de Colorado, Facultad de Medicina, Division de Endocrinología, Metabolismo y Diabetes³

Los Receptores X de Hígado (LXRs) y los Activados por Proliferadores de Peroxisomas (PPARs) controlan el metabolismo lipídico y de glucosa. Durante la lactancia la glándula mamaria sintetiza y secreta una gran cantidad de triacilglicéridos y ésteres de colesterol, convirtiéndose en el órgano con mayor producción lipídica del organismo. Trabajos recientes mostraron que en la transición preñez-lactancia murina, el mayor cambio en la expresión génica ocurre en genes involucrados en la biosíntesis y secreción de lípidos. Nuestro objetivo fue estudiar la participación de LXR α/β y PPAR γ en la regulación de algunos de dichos genes en el epitelio mamario. Se aislaron células epiteliales mamarias (MECs) de ratones hembras C57BL/6 con 17 días de preñez (P17) y distintos estadios de lactancia (L2 a L10). Los niveles proteicos de LXR α y PPAR γ aumentaron durante la lactancia respecto a la preñez, LXR β no fue detectado. Mientras que en L5 los niveles de expresión detectados de ambos receptores fueron similares, LXR α aumentó 1.9 \pm 0.1 veces en L10 vs. L5 mientras que PPAR γ disminuyó 1.7 \pm 0.1 veces. Contrariamente, PPAR γ aumentó 4.4 \pm 0.7 veces en lisados totales de mama entre L2 y L10 indicando una fuerte regulación positiva en otro tipo celular, posiblemente adipocitos. También se observó un incremento en la señal nuclear de LXR α en L10 vs. P17. Finalmente, MECs de L5 fueron incubadas con 1 y 25 μ M de los agonistas de LXR y PPAR γ (GW3965 y troglitazona, respectivamente). Hallamos que GW3965 aumenta la expresión de los transportadores de colesterol ABCA1 y ABCG1, mientras que el co-tratamiento con troglitazona bloqueó dicho incremento, sugiriendo que no sólo ambos receptores son susceptibles de ser activados sino que existiría un cross-talk entre ambas vías. Dado que LXR y PPAR γ son blancos farmacológicos para el tratamiento de distintas patologías, consideramos crucial estudiar su rol en la síntesis y secreción de lípidos para validar fármacos administrados durante la lactancia.

449 (515) RELACIÓN ENTRE ENDOTELINA-1 Y PARÁMETROS METABÓLICOS E INFLAMATORIOS EN LA ENFERMEDAD RENAL CRÓNICA

Leonardo D Cacciagiú¹; M L Muzzio¹; G Demarziani²; A Elbert²; A I Gonzalez¹; L Schreier¹
 Laboratorio de Lípidos y Aterosclerosis, Departamento de Bioquímica Clínica, Facultad de Farmacia y Bioquímica - INFIBIOC, UBA¹ Centro de Enfermedades Renales e Hipertensión Arterial (CEREHA)²

La enfermedad renal crónica (ERC) se asocia con alta mortalidad cardiovascular. La conjunción del perfil lipoproteico alterado, insulino-resistencia y estado proinflamatorio acelera la aterosclerosis. La endotelina-1 (ET1) es un péptido vasoconstrictor sintetizado en células endoteliales que podría sumarse al cuadro metabólico alterado y proinflamatorio, contribuyendo al riesgo cardiovascular. Objetivo: evaluar ET1 y su relación con el estado metabólico e inflamatorio en la ERC. Se estudiaron 50 pacientes con ERC en hemodiálisis (HD) y 20 sujetos sanos como controles (C) de ambos sexos y edad HD:61 \pm 17 años y C:32 \pm 10 $p < 0,001$. En suero con 12 h de ayuno se midió LDL, HDL, remanentes lipoproteicos (RLP), triglicéridos (TG), glucosa, insulina, HOMA-IR, PCRus y ET1. Se aplicó Test *t* Student o *U* Mann-Whitney según distribución de datos y se ajustó por edad. El grupo HD con respecto al grupo C mostró TG y RLP aumentados (HD:143 \pm 88mg/dl vs C:79 \pm 31 y HD:54 \pm 29 vs C:15 \pm 7; $p < 0,01$ respectivamente), mientras que HDL se encontró disminuido en HD:41 \pm 13 vs C:56 \pm 14; $p < 0,01$. LDL no tuvo diferencias entre grupos. En cuanto a los parámetros de insulino-resistencia, los pacientes HD tuvieron mayor nivel de insulina con respecto a C (11,8(2,0-64,8)UI/L vs 5,4(2,0-11,3); $p < 0,01$) como también mayor HOMA-IR: HD 2,1(0,7-12,7) y C 1,2(0,43-6,38); $p < 0,01$. El grupo HD presentó PCRus elevada (5,2 \pm 3,2mg/L vs 0,5 \pm 0,7; $p < 0,001$). Por otro lado, los niveles de ET1 fueron mayores en HD: 5,2(2,0-8,1)pg/mL con respecto a C: 0,6(0,2-3,4); $p < 0,001$. Cuando se asoció ET1 con parámetros metabólicos e inflamatorios, se observó una correlación directa con LDL ($r = 0,39$; $p < 0,05$), RLP ($r = 0,69$; $p < 0,01$) y PCRus ($r = 0,59$; $p < 0,01$). En suma, los niveles de ET1 están aumentados en los pacientes en hemodiálisis y se podría relacionar con la acción directa sobre el endotelio de lipoproteínas aterogénicas como LDL y RLP, así como también el estado inflamatorio de los pacientes.

450 (573) ESTUDIO DE LA EXPRESIÓN Y FUNCIÓN DE LAS INMUNOFILINA DE ALTO PESO MOLECULAR FKBP51 Y FKBP52 EN TEJIDO ADIPOSO

Melina Daniela Muñoz Bernart; Nancy Lorena Charo; Antonella Lombardi; María Itati Rodríguez Ceschan; Judith Toneatto; Graciela Piwien-Pilipuk
 IBYME

La obesidad constituye un serio problema para la salud debido a que el tejido adiposo es disfuncional contribuyendo al desarrollo de diversas enfermedades, como diabetes tipo 2. Recientemente demostramos que las inmunofilinas (INM) FKBP51 y FKBP52 se expresan de modo diferencial a lo largo del proceso de diferenciación de preadipocitos 3T3-L1, resultados que sugieren un balance de las mismas en el adipocito. Debido a que se desconoce la función de las INMs en el tejido adiposo, iniciamos dicho estudio. Análisis por WB demuestran que FKBP51 está presente tanto en tejido adiposo marrón (BAT), como en los diferentes depósitos de tejido adiposo blanco de ratón. Interesantemente, FKBP51 presenta diferentes patrones electroforéticos en BAT comparado con tejido blanco subcutáneo y visceral. En BAT FKBP51 presenta bandas con mayor movilidad electroforética compatible con la presencia de formas menos fosforiladas de la INM. Llamativamente el patrón electroforético de FKBP51 en BAT es semejante al de la INM en músculo esquelético o cardíaco, todos tejidos con alto número de mitocondrias. Tratamiento con fosfatasa alcalina de lisados de tejido blanco presentan un patrón semejante a BAT y músculo, aportando evidencia de presencia de FKBP51 con distinto grado de fosforilación en distintos tejidos.

BAT cumple un importante rol en el mantenimiento de la homeostasis térmica cuando el individuo se expone a frío. Análisis por WB de muestras de BAT provenientes de ratones expuestos 1 y 4 hs a 4°C evidencian aumento de expresión de FKBP51, particularmente de las bandas de mayor movilidad electroforética, de FKBP52 y de UCP1. Ambas inmunofilinas interactúan con CREB, uno de los factores de transcripción que regulan la expresión de UCP1. Ensayos de gen reportero indican que FKBP51 inhibe su actividad transcripcional mientras FKBP52 la incrementa. En su conjunto estos resultados sugieren que FKBP51 podría cumplir diferentes funciones ya sea que se trate de tejido adiposo marrón o blanco, diferencias que podrían depender de su grado de fosforilación, y en BAT el balance entre INMs podría regular la expresión de UCP1.

ONCOLOGÍA 6

451 (257) LA EXPRESIÓN DE GALECTINA-1 AUMENTA EN HÍGADOS PRENEOPLÁSICOS Y TUMORES HEPÁTICOS DE RATONES EXPUESTOS A ELEVADOS NIVELES DE LA HORMONA DE CRECIMIENTO

María Lorena Bacigalupo; Veronica Gabriela Piazza; Silvinia Otero; Ana Isabel Sotelo; Johanna Gabriela Miquet; María Fernanda Troncoso
IQUIFIB (UBA-CONICET), Dpto. Química biológica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA

La hormona de crecimiento (GH) regula el crecimiento corporal y el metabolismo. Ratones transgénicos que sobre-expresan GH (GHTg) muestran un tamaño corporal aumentado, organomegalia y alteraciones endócrinas y metabólicas. Los ratones GHTg adultos jóvenes presentan una patología hepática preneoplásica similar a la observada en pacientes humanos con alto riesgo de contraer cáncer de hígado y, en edades avanzadas, estos animales desarrollan tumores en el hígado. Previamente observamos que la exposición prolongada a GH produce alteraciones en vías de señalización involucradas en el crecimiento, proliferación y supervivencia celular, similares a las encontradas en los tumores hepáticos humanos. Galectina-1 (Gal1), proteína que une β -galactósidos, se encuentra incrementada en los hepatocitos tumorales humanos. Su sobre-expresión se asocia a una mayor invasión tumoral, metástasis, recurrencia y menor supervivencia de los pacientes con carcinoma hepatocelular (HCC). Nuestro grupo describió que la sobre-expresión de Gal1 en células de HCC humano induce la transición epitelio-mesénquima y promueve el crecimiento tumoral y metástasis en ratones *nude*. El objetivo de este trabajo fue investigar cómo se altera la expresión de Gal1 en el hígado de ratones GHTg. Mientras que en homogeneizados de hígado de ratones normales el nivel de expresión de Gal1 fue indetectable (Western blot), en los hígados de ratones GHTg observamos una marcada expresión de Gal1 tanto en adultos jóvenes (2-3 meses, ♀ n=4, ♂ n=3) como de edad avanzada (11-14 meses, ♀ n=13, ♂ n=8). Además, detectamos un incremento en la expresión de Gal1 en los tumores hepáticos de ratones GHTg de edad avanzada con respecto a zonas no tumorales ($p < 0,01$, n=21). Estos resultados indican que la exposición prolongada a altos niveles de GH induce la expresión de Gal1, tanto en hígados preneoplásicos como en los tumores, sugiriendo que ambas proteínas podrían promover sinérgicamente el desarrollo y progresión del HCC.

452 (327) ESTUDIO DE LOS FACTORES DE TRANSCRIPCIÓN FORKHEAD BOX (FOX) EN EL CÁNCER DE PRÓSTATA

Javier Nahuel Brandani; Daiana Beatriz Leonardi; Geraldine Gueron; Elba Vazquez; Javier Cotignola
Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA/IQUIBICEN-CONICET

Gran cantidad de trabajos muestran que la disregulación de la expresión de los receptores hormonales es responsable del desarrollo y progresión del cáncer de próstata (CaP). El receptor de andrógenos (AR) y su vía de señalización es uno de los

mecanismos involucrados en la progresión del CaP. Además, el receptor de glucocorticoides (GR) podría tener efectos tanto supresores tumorales como oncogénicos, dependiendo de la presencia/ausencia de un AR funcional y de la disregulación de cofactores de los receptores hormonales, como son los factores forkhead box (FOX). El objetivo del presente trabajo es estudiar la expresión de ciertos factores FOX en condiciones experimentales similares a las que se encuentran expuestas las células tumorales durante la progresión y tratamiento del CaP: estrés oxidativo, ausencia de andrógenos, presencia de glucocorticoides e inducción de HO-1 (enzima involucrada en la tumorigénesis prostática). La expresión génica se evaluó mediante RT-qPCR y la presencia de proteína por Western Blot en las líneas celulares PC3 (AR-, GR+) y C4-2B (AR+, GR+). Encontramos que la ausencia de testosterona en el medio de cultivo induce significativamente la expresión de FOXA1, FOXM1 y FOXO3 ($p < 0,01$) en ambas líneas celulares. El tratamiento con dexametasona reduce la expresión de FOXA1 ($p < 0,001$), y el tratamiento con agua oxigenada disminuye los niveles de FOXO1 y FOXO3 ($p < 0,001$) en ambas líneas. La inducción de HO-1 por hemina aumenta un 50% el nivel de ARNm de FOXA1 en la línea PC3, mientras que en la línea C4-2B disminuye los niveles de todos los factores FOX estudiados. Los resultados demuestran que los estímulos hormonales similares a los inducidos durante el tratamiento de los pacientes con CaP, el estrés oxidativo y la inducción de HO-1 son capaces de modular la expresión de los FOX estudiados. En resumen, el conocimiento de la biología de los tumores prostáticos puede ayudar a desarrollar nuevos blancos terapéuticos.

453 (332) ASOCIACION DE HEMO OXIGENASA 1 CON PROTEÍNAS NUCLEARES EN CÁNCER DE PRÓSTATA

Federico Schuster; Alejandra V Paez; Emiliano G. Ortiz; Nicolas Anselmino; Sofia Lage Vickers; Javier H. Cotignola; Elba S. Vazquez; Geraldine Gueron
Departamento de Química Biológica, FCEyN, UBA / IQUIBICEN-CONICET

La inducción de Hemo Oxigenasa-1 (HO-1), representa un evento crítico en las respuestas celulares a los insultos pro-oxidativos e inflamatorios. Reportes previos de nuestro laboratorio muestran que HO-1 se expresa en carcinomas primarios prostáticos humanos y se localiza en el núcleo. En líneas celulares de PCa comprobamos que su inducción promueve su localización nuclear e inhibe la proliferación, migración e invasión y retarda el crecimiento de tumores in vivo. Ensayos de ChIP demostraron que HO-1 se asocia a promotores de genes relevantes en PCa como PSA. Nuestra hipótesis se basa en que HO-1 en el núcleo podría actuar como un co-regulador de la transcripción favoreciendo un fenotipo menos agresivo. Por lo tanto nuestro objetivo fue encontrar los interactores moleculares de HO-1 que fueran capaces de cumplir una función reguladora a nivel génico ya que HO-1 no posee dominios de unión al ADN. Para identificar proteínas nucleares asociadas a HO-1, se construyó la proteína recombinante HO-1FLAG. Con estas construcciones se transfeció la línea celular PC3 para posterior inmunoprecipitación. Luego se procedió al estudio por MALDI-TOF/TOF y al análisis bioinformático. El análisis por ontología génica mostró que el 71% de las proteínas asociadas a HO-1 se encuentran reportadas como proteínas nucleares con funciones remodeladoras del estado de la cromatina, activadores y cofactores de la transcripción. En particular 6 proteínas, PURA, STAT3, ZNF589, AHCTF1, ARNTL2 & FTSJ3 son factores de transcripción asociados a HO-1. Para este set de proteínas realizamos un análisis de red de interacciones revelando que dichos factores se co-expresan o co-localizan. La detección de dichos factores asociadas a HO-1 evidencia un rol nuclear para esta proteína con potenciales implicancias en la regulación transcripcional del PCa.

454 (337) ROL DEL ERBB-2 NUCLEAR EN CÁNCER DE MAMA TRIPLE NEGATIVO

María Florencia Chervo; Franco Izzo; Leandro Venturutti; Violeta Alicia Chiauzzi; Mara De Martino; Juan Cruz

Gómez Poviña¹; Cecilia Proietti¹; Pablo Guzmán²; Juan Carlos Roa²; Eduardo Hernán Charreau¹; Roxana Schillaci¹; Rosalía Inés Cordo Russo¹; Patricia Virginia Elizalde¹ *Laboratorio de Mecanismos Moleculares de Carcinogénesis, Instituto de Biología y Medicina Experimental (IBYME), CONICET, Buenos Aires, Argentina*¹ *Departamento de Anatomía Patológica (BIOREN), Universidad de La Frontera, Temuco, Chile*²

El cáncer de mama triple negativo (CMTN) es un subtipo de cáncer de mama (CM) de mal pronóstico caracterizado por no presentar niveles clínicamente detectables de los receptores de estrógeno y progesterona, y por carecer de sobreexpresión o amplificación génica de ErbB-2. El receptor tirosina quinasa ErbB-2/HER2 posee un rol clave en CM. Notablemente, el ErbB-2 de membrana es capaz de migrar al núcleo celular donde actúa como factor de transcripción (FT). Nuestro grupo demostró que el ErbB-2 nuclear (NErbB-2) actúa también como coactivador del FT Stat3 promoviendo el crecimiento del CM. En este trabajo exploramos, mediante inmunofluorescencia (IF) y microscopía confocal, la presencia de NErbB-2 en CMTN observando niveles elevados de NErbB-2 en las líneas MDA-MB-468, MDA-MB-231 y MDA-MB-453, como así también en muestras de pacientes. Además, hallamos localización nuclear de Stat3 en líneas de CMTN y, sorprendentemente, encontramos una importante colocalización nuclear entre ErbB-2 y Stat3. A fin de evaluar el rol del NErbB-2 en la proliferación del CMTN, las células fueron transfectadas con una mutante de ErbB-2 humano (hErbB-2ΔNLS), la cual es incapaz de migrar al núcleo y actúa como un inhibidor dominante negativo de la translocación nuclear de ErbB-2 endógeno. Observamos que la mutante hErbB-2ΔNLS inhibió la localización nuclear de ErbB-2 en las células de CMTN y además suprimió la proliferación de las mismas, demostrando el rol central del NErbB-2 en la proliferación del CMTN. El significado clínico de la presencia nuclear de ErbB-2 fue evaluado por IF en microarreglos tisulares provenientes de una cohorte de 266 carcinomas invasivos primarios, dentro de los cuales 51 casos (23%) eran CMTN. El análisis de Kaplan-Meier demostró que la presencia nuclear de ErbB-2 es un marcador de mal pronóstico en pacientes con CMTN ($p=0.045$). Nuestros hallazgos revelan por primera vez la presencia y función del NErbB-2 en CMTN, proponiéndolo como un nuevo blanco terapéutico.

455 (360) PARTICIPACIÓN DEL INHIBIDOR DE QUINASAS DEPENDIENTES DE CICLINAS, P21WAF1/CIP1, EN LA RESPUESTA DE CÉLULAS MADRE DE GLIOMAS DERIVADAS DE PACIENTES FRENTE A AGENTES GENOTÓXICOS

Olivia Morris Hanon¹; María Élica Scassa¹; Vanesa Gottifredi²; Sabrina Florencia Mansilla²; Verónica Alejandra Furmento¹; Damián Darío Fernández Espinosa¹; Horacio Martinetto³; Gustavo Emilio Sevlever¹; Guillermo Agustín Videla Richardson¹ *Laboratorio de Investigación Aplicada a Neurociencias (LIAN). FLENI¹ Fundación Instituto Leloir² Departamento de Neuropatología y Biología Molecular. FLENI³*

Los gliomas de alto grado son extremadamente agresivos e invasivos. En su progresión producen daño neurológico y se incluyen entre los tumores más mortales que existen. Actualmente se propone que los gliomas de alto grado son generados a partir de células madre tumorales (CMT), las cuales corresponden a una subpoblación minoritaria capaz de generar y propagar tumores al ser inyectadas en ratones inmunodeficientes. El cultivo de CMT derivadas de pacientes ofrece la posibilidad de realizar investigaciones traslacionales que contribuyan al desarrollo de terapias personalizadas. El objetivo de este trabajo consiste en evaluar la participación del inhibidor de quinasas dependientes de ciclinas, p21Waf1/Cip1, en la respuesta celular de CMT frente a agentes que producen daño en el ADN. Para ello, utilizamos 5 líneas de CMT, las cuales han sido establecidas y caracterizadas previamente en nuestro laboratorio. En primer lugar, determinamos la viabilidad celular por citometría de flujo y tinción con yoduro de propidio y ob-

servamos que cada línea celular exhibe una sensibilidad particular frente a tratamientos con diferentes agentes genotóxicos. Realizando ensayos de RT-PCR en tiempo real determinamos que los niveles de expresión del ARNm de p21 son elevados en todas las líneas celulares analizadas y que el tratamiento con temozolamida o camptotecina conlleva a un aumento en la expresión del mismo. Además, mediante técnicas de inmunofluorescencia observamos que estos genotóxicos promueven la acumulación nuclear de p21, sugiriendo la participación de esta proteína en la respuesta al daño del ADN. Notablemente, al menos en una de las líneas empleadas, el silenciamiento transiente de p21 durante el tratamiento con camptotecina condujo a un aumento en la muerte celular. Estos resultados sugieren que la inhibición de p21 podría constituir un posible blanco terapéutico destinado a reducir la resistencia de estos tumores frente a tratamientos quimioterapéuticos.

456 (366) EFECTO DE HEMO OXIGENASA 1 EN LA INTERACCIÓN ENTRE CÉLULAS DE CÁNCER PRÓSTATA Y CÉLULAS PROGENITORAS DEL HUESO TULO

Nicolás Anselmino; Daiana B. Leonardi; Javier Cotignola; Geraldine Gueron; Elba S. Vazquez *DPTO. QUÍMICA BIOLÓGICA, FCEYN, UBA- IQUIBICEN, CONICET*

El perfil de diseminación del cáncer de próstata (PCa) muestra tendencia a desarrollarse en el hueso, donde las células tumorales interactúan con el microambiente interrumpiendo el equilibrio del tejido óseo. La inflamación es uno de los principales factores de riesgo para esta enfermedad. Hemo oxigenasa 1 (HO-1) emerge como blanco potencial en el PCa, manteniendo la homeostasis celular y contrarrestando la disminución de la proliferación de osteoblastos. El objetivo de este trabajo fue evaluar la función de HO-1 en la interacción del microambiente tumoral y fenotipo menos agresivo y la progresión ósea de la enfermedad a través de un enfoque proteómico y bionfoón célula prostática/célula progenitora del hueso. Se utilizó un sistema de co-cultivo de células PC3 (derivada de PCa humano) con células MC3T3 (precursores de osteoblastos murinos) o con células Raw 264.7 (precursores de osteoclastos murinos), en el cual las líneas celulares comparten el medio sin estar en contacto directo. Las células PC3 fueron pre-tratadas o no con hemina (inductor de HO-1, 50μM, 24h) antes del co-cultivo. Mediante RT-qPCR, utilizando primers específicos humanos y murinos, evaluamos el efecto del co-cultivo y de HO-1 sobre la expresión de genes implicados en la reacción ósea y la tumorigénesis. La expresión de DKK1, IL6, IL8 y PTHrP, se vio alterada ($P<0,05$) en PC3 Co-cultivadas con MC3T3 o con Raw 264.7. En MC3T3 el co-cultivo modificó ($P<0,05$) la expresión de Col1a1, Hes1, OPG, OPN. En Raw 264.7 el co-cultivo indujo cambios ($P<0,05$) en la expresión de OPN, mientras que FOXO1 y RANK solo se vieron modificados ($P<0,05$) cuando el Co-cultivo se realizó con PC3 pre-tratadas con hemina. Se estudió la diferenciación de células Raw 264.7 a osteoclastos activos mediante el cultivo de estas células durante 8 días sobre una matriz de dentina en medio de diferenciación, y se analizó la capacidad para formar hoyos de degradación. En conjunto estos resultados demuestran que existen factores solubles que alteran la expresión de genes involucrados en la respuesta ósea, tanto en las células tumorales como en las precursoras de hueso.

457 (387) SINERGISMO ENTRE TRIÓXIDO DE ARSÉNICO Y UN INHIBIDOR DE PROTEASOMA EN CÉLULAS DE LINFOMA DE BURKITT LOGRADO MEDIANTE INHIBICIÓN DEMITOFAGIA

TOMÁS LOMBARDO¹; Cintia Y Mihalez¹; Daniela L Papademetrio¹; Susana N Costantino¹; Laura Kornblihtt²; Elida M Alvarez¹; Guillermo A Blanco¹ *IDEHU¹ Servicio de Hematología, Htal de Clínicas José de San Martín²*

El trióxido arsénico (TOA), cuyo blanco es la mitocondria, se utiliza con éxito en leucemia promielocítica, pero otras leucemias/linfomas resultan resistentes. Hemos demostrado que la combinación de TOA con el inhibidor de proteasoma MG132, es antagónica

en la línea celular Raji (Linfoma de Burkitt) y esta resistencia se asocia a una pérdida de masa mitocondrial. La eliminación mitocondrial dañada por vía autofágica (mitofagia) es un mecanismo de resistencia identificado en algunas neoplasias agresivas. El ácido valpróico (VPA) y la vincristina (VCR) son capaces de inhibir el proceso mitofágico. Nos propusimos entonces evaluar si la inhibición del proceso de resistencia mitofágico por medio VPA+VCR genera una sensibilización de la línea Raji al efecto citotóxico de la combinación TOA+MG132. Para esto, se cultivaron las células por 72hs con TOA+MG132 en presencia y ausencia de concentraciones sub-letales de VPA y VCR. La citotoxicidad se evaluó por citometría de flujo con FDA/IP. El tipo de interacción se evaluó mediante el cálculo del índice de combinación (IC) (IC>1 antagonismo, IC<1 sinergismo, IC=1 aditivo). La mitofagia se analizó por citometría de flujo y microscopía de fluorescencia con las sondas mono-dancyl-cadaverina (MDC), mitotracker red (MTK), y nonyl-naranja-acridina (NAO) y TMRE. El co-tratamiento con VPA+VCR generó un aumento significativo ($p<0.05$) de la masa mitocondrial y del porcentaje de células con mitocondrias despolarizadas indicando que las mitocondrias dañadas no se eliminaban. Para todos los niveles del efecto citotóxico (0-100%), el IC de TOA+MG en presencia de VPA+VCR fue <1, indicando sinergismo. Podemos concluir entonces que VPA+VCR a dosis subletales inhiben la mitofagia evitando la eliminación de las mitocondrias dañadas y que TOA+MG132 en presencia de VPA+VCR se comporta de manera sinérgica, aumentando así la potencia del tratamiento.

458 (391) ANGIOTENSINA (1-7) INHIBE EFECTOS DES-ENCADENADOS POR ANGIOTENSINA II EN CÉLULAS MAMA-RIAS NORMALES Y TUMORALES

Nadia Cambados¹; Thomas Walther²; Edith C. Kordon¹; Carolina Schere Levy¹
 IFIBYNE-CONICET, FCEN, UBA¹ Medizinische Fakultät
 Kinderchirurgie-Fetalzentrum, Universität Leipzig, Alemania²

Angiotensina II (AngII) y angiotensina 1-7 [Ang(1-7)] son péptidos del sistema renina angiotensina que median importantes funciones biológicas como proliferación, apoptosis y remodelado tisular. AngII favorecería el crecimiento y desarrollo tumoral, mientras que Ang(1-7) tendría un efecto inhibitorio. Nuestro objetivo es comparar los roles de Ang-(1-7) y AngII en líneas celulares mamarias normales y tumorales. En células epiteliales NMuMG encontramos que AngII indujo activación de AKT a partir de 1 min, mientras que Ang(1-7) lo hizo a los 15 min. La estimulación simultánea con ambas angiotensinas produjo un patrón de activación de AKT similar al desencadenado por Ang(1-7) anulando los efectos observados con AngII. Tratando con bloqueantes farmacológicos de los receptores AT1 y AT2 de AngII, encontramos que la fosforilación de AKT se produce principalmente vía AT1 y al tratar las células con bloqueantes farmacológicos de los receptores MAS y MRGD de Ang(1-7), observamos mayor activación de AKT vía el receptor MAS. En ensayos de migración mediante *transwell*, observamos que AngII aumentó significativamente la capacidad migratoria de células tumorales MDA-MB23 (AngII vs C, $p<0.001$) y el pre-tratamiento con Ang(1-7) inhibió la migración inducida por AngII a valores similares al control (AngII vs AngII + Ang(1-7), $p<0.01$). Confirmamos dichos efectos a través de ensayos de migración por herida en dicha línea celular y en la línea tumoral murina LM3. Por último, demostramos que AngII es capaz de inducir la transición epitelio-mesénquima en células epiteliales NMuMG, a través de una disminución significativa en la expresión de marcadores epiteliales como e-cadh (AngII vs C, $p<0.001$) y un aumento significativo en la expresión de los marcadores mesenquimales fibronectina, n-cadh y acta2 (AngII vs C, $p<0.001$). Conclusión: En células mamarias normales y tumorales AngII y Ang(1-7) tendrían efectos contrapuestos y Ang(1-7) podría inhibir los efectos desencadenados por AngII

459 (394) ESTUDIO COMPARATIVO DEL EFECTO QUIMIO-PREVENTIVO DE MAITAKE PRO4X Y TAMOXIFENO EN EL DESARROLLO DEL CÁNCER DE MAMA EN RATONES

Diego Maximo Aguilera Braico; Valeria Torralba Agu; Tomas Santa Coloma; Gabriela Andrea Balogh
 BIOMED

En este trabajo comparamos los efectos quimiopreventivos del Tamoxifeno con la Fracción D de Maitake Pro4X. Empleamos 20 ratones hembras BALBc de 6-8 semanas de vida, que fueron divididas en 4 grupos: Grupo Control, Grupo Tratado con Fracción D (5 mg/kg peso corporal), Grupo Tratado con Tamoxifeno (20mg/animal) y Grupo Tratado en forma conjunta con Fracción D y Tamoxifeno a las dosis indicadas. La administración se realizó diariamente por vía oral durante 50 días consecutivos (período equivalente a 5 años humanos). Luego de este periodo, se indujo tumorigénesis mamaria por inyección intraperitoneal de 2×10^5 células LM3, y se procedió a determinar desarrollo tumoral mamario, sobrevida y mortalidad hasta el día 27 post-tumorigénesis. Los resultados observados demostraron que la Fracción D Pro4X previene la carcinogénesis mamaria en un 40%, en comparación con Tamoxifeno que solo previno en un 25%, mientras que en conjunto Tamoxifeno + Maitake Pro4X indujeron un 80% de prevención tumoral. Cabe señalar que el 100% de los animales del grupo control desarrollaron tumor mamario. Por otro lado observamos que Tamoxifeno indujo una mortalidad del 20%, comparado con el 0% en los grupos tratados con Maitake Pro4X, solo y en conjunto con Tamoxifeno. La mortalidad del grupo control fue del 40%. Observamos que los ratones del grupo tratado con Tamoxifeno poseen significativamente un incremento del nivel de bilirrubina total (y Bilirrubina Indirecta) con respecto a los controles y al Maitake solo. Como conclusión, los datos sugieren que Maitake Pro4X, no solo previene en un mayor porcentaje el desarrollo de tumorigénesis mamaria, comparada con Tamoxifeno sino que también mejora la sobrevida total relativa de los animales y mejora los parámetros bioquímicos y hematológicos. Quizás Maitake Pro4X podría actuar como co-adyuvante del Tamoxifeno en la prevención de la carcinogénesis mamaria. Este proyecto fue subsidiado por el BIOMED-UCA-CONICET.

460 (416) EFECTOS ANTITUMORALES INDUCIDOS POR UNA METALODROGA DE VANADIO SOBRE UN MODELO IN VITRO E IN VIVO DE OSTEOSARCOMA HUMANO

Ignacio E León¹; Juan F Cadavid Vargas¹; María C Verce-llini²; Agustina Resasco²; Fabricio Maschi²; Miguel Ayala²; Cecilia Carbone²; Susana B Etcheverry¹
 Fac. de Cs. Exactas¹ Fac. de Cs. Veterinarias²

El osteosarcoma (OS) es el tumor maligno óseo primario más frecuente en niños y adultos jóvenes. Es por esto que con el fin de mejorar el bienestar y la supervivencia de los pacientes, una comprensión amplia de los mecanismos en OS se considera vital en la identificación de nuevos fármacos para un tratamiento más eficaz. El vanadio es un elemento traza esencial para formas inferiores de vida. Tiene un rol clave en el funcionamiento de diversas enzimas y además sus compuestos presentan interesantes propiedades biológicas. Los complejos de vanadio con flavonoides han resultado muy atractivos desde un punto de vista farmacológico dado que han demostrado promisorios resultados como antitumorales en diversos modelos de estudio.

En el presente trabajo se generaron los modelos 3D *in vitro* e *in vivo* en ratones N:NIH(S) Fox1tm utilizando células MG-63 de osteosarcoma humano. Por otro lado, se estudiaron los efectos antitumorales de un complejo de vanadio con crisina (VOcris) en ambos sistemas de estudio. Los resultados evidenciaron la formación de esferoides (3D) de 330 ± 14 mm² luego de 7 días de desarrollo y la generación de un tumor luego de 60 días de 246 ± 47 mm² y 451 ± 49 mm² en ratones machos y hembras respectivamente. Además, VOcris disminuyó la viabilidad celular de los esferoides en un 40% luego de 72 h de tratamiento, afectando el volumen y la forma de los mismos ($p<0.01$). Los resultados de los tratamientos con 5,5 y 27,5 mg/ Kg de VOcris durante 11 días sobre los tumores en hembras mostraron una disminución del volumen tumoral sin afectar el peso del animal. Los valores tumorales luego de 6 días de tratamiento fueron: 314 ± 32 , 197 ± 9 y 117 ± 18 para el control y ambos tratamientos (* $p < 0.01$). Estos resultados sugieren que el complejo VOcris posee una notoria actividad antitumoral comprobada para los modelos de osteosarcoma humano *in vitro* e *in vivo* siendo un buen candidato para desarrollar nuevas terapias alternativas contra osteosarcoma.

461 (417) EFECTOS ANTITUMORALES DEL ANÁLOGO DE CALCITRIOL UVB1 SOBRE EL CARCINOMA COLORECTAL

María Julia Ferronato¹; Eliana Noelia Alonso¹; Norberto Ariel Gandini¹; Diego Javier Obiol¹; María Eugenia Fermo¹; Mario Alfredo Quevedo²; Julian Arevalo³; Alejandro Lopez Romero⁴; Yagamare Fall⁵; Alejandro Carlos Curino¹; María Marta Facchinetti¹
Laboratorio de Biología del Cáncer, INIBIBB-CONICET, Bahía Blanca, Argentina¹ Dpto. Farmacia, Facultad de Ciencias Químicas, Universidad Nacional de Córdoba, Argentina² Servicio de Patología del Hospital Interzonal de Agudos Dr. José Penna, Bahía Blanca, Argentina³ Dpto. de Hematología, Laboratorios IACA, Bahía Blanca, Argentina⁴ Departamento de Química Orgánica, Facultad de Química, Universidad de Vigo, España.⁵

El calcitriol presenta potentes efectos antineoplásicos pero su potencial utilización terapéutica se ve afectada por su actividad hipercalcemiante. Por ello se sintetizan análogos con el fin de reducir la actividad hipercalcemiante. Resultados previos muestran que el nuevo análogo de calcitriol UVB1 ejerce efectos antiproliferativos y antimigratorios sobre varias líneas celulares de cáncer y no posee actividad hipercalcemiante. Los objetivos de este trabajo fueron evaluar la acción antineoplásica del UVB1 sobre el cáncer colorectal, empleando la línea HCT116, tanto en ensayos *in vitro* como *in vivo*, y modelar la unión del UVB1 al receptor VDR mediante ensayos *in silico*. Los estudios de *docking* molecular, complementados con dinámica molecular clásica y análisis energéticos de interacción con VDR, indican que UVB1 se une al VDR de manera homóloga a calcitriol. *In vitro* el análogo redujo la viabilidad celular de la línea HCT116 en comparación con su vehículo (WST1 y conteo manual, 100 nM, 96 hs, $p < 0,01$; 0.1-100 nM, 120 hs, $p < 0,001$). El aumento de células en la fase sub G_0/G_1 (citometría de flujo, $p < 0,001$), el incremento de células TUNEL positivas ($p < 0,05$) y el aumento de la expresión proteica de Bax, en las células tratadas con UVB1 indican que el análogo produce muerte celular por apoptosis. Además, el UVB1 redujo la migración celular (ensayo de la herida, $p < 0,01$) y aumentó la expresión de E-caderina. Los estudios *in vivo* mostraron una reducción del volumen tumoral en los animales tratados con UVB1 (40 µg/kg, durante 4 semanas) con respecto a su vehículo (modelo de xenotransplante de células HCT116, $1,815 \pm 0,30$ vs $4,984 \pm 1,35$ mm³, $p < 0,05$). El análogo no afectó la expresión de Ki67 mientras que aumentó la expresión de E-caderina ($p < 0,01$) y β -catenina citoplasmática ($p < 0,05$) por inmunohistoquímica en los tumores de los animales. Los resultados obtenidos demuestran que el UVB1 podría ser un agente terapéutico efectivo en el tratamiento de carcinomas colorectales.

462 (427) LA EXPRESIÓN DE B-CATENINA EN MEMBRANA EN RATAS HIPOTIROIDEAS SE ASOCIA A MAYOR APOPTOSIS POR ACTIVACIÓN DE LA VÍA INTRÍNSECA

Constanza Matilde Lopez Fontana; Leila Ester Zyla; Flavia Santiano; Corina Verónica Sasso; Virginia Pistone Creydt; Mariel Andrea Fanelli; Rubén Walter Carón
IMBECU

El hipotiroidismo experimental aumenta la latencia y disminuye la incidencia de cáncer de mama (CaM) en ratas, favoreciendo la apoptosis sin cambios en la proliferación celular. Por su parte, la distribución subcelular de B-catenina condiciona el pronóstico de CaM. Sin embargo, la relación entre los estados tiroideos y la vía de señalización de la B-catenina en el CaM no ha sido aún dilucidada. El objetivo de este trabajo fue estudiar la relación entre la expresión y localización de B-catenina y la apoptosis en tumores mamarios inducidos con dimetilbenzantraceno (DMBA) en ratas con diferentes estados tiroideos. Ratas hembras Sprague-Dawley fueron tratadas p.o. con una dosis de DMBA (15mg/rata) a los 55 días de edad y divididas en dos grupos: eutiroideas (EUT, n=17) e hipotiroideas (HypoT, 0.01% PTU en el agua de beber, n=26). Se tomaron muestras de sangre troncal para la determinación de hormonas por RIA, y glándula maMaría normal y tumores para estudios histopatológicos,

inmunohistoquímicos, cuantificación de cuerpos apoptóticos y western blot. Se analizó estadísticamente por T de Student y Chi cuadrado. Los tumores de las ratas HypoT mostraron una apoptosis aumentada evaluada por el índice apoptótico, Caspasa 3, y TUNEL ($p < 0,05$). La expresión de BAX fue significativamente mayor en las HypoT que en las EUT ($p < 0,05$) y la relación BAX/Bcl2 mostró una tendencia a ser más elevada en las HypoT. Además, el aumento de la Caspasa 9 clivada en este grupo corroboró la activación de la vía intrínseca. Cabe destacar que, la B catenina se expresó en membrana y con menor intensidad en las ratas HypoT, mientras que la localización fue nuclear y de mayor intensidad en las EUT ($p < 0,05$). En conclusión, la menor expresión de B-catenina y su localización normal en membrana en tumores mamarios se asocian a mayor apoptosis mediada por la activación de la vía intrínseca en ratas hipotiroideas.

463 (438) ESTUDIO DE LOS LINFOCITOS CD4+ Y CD8+ EN UN MODELO DE INMUNOEDICIÓN TUMORAL

Antonela Del Giudice¹; Eduardo A. Roggero¹; Mauricio Menacho-Márquez¹²; O. Graciela Scharovsky¹³; María J. Rico¹²; Viviana R. Rozados¹
Instituto de Genética Experimental, Fac. Ciencias Médicas, UNR¹ CONICET² CIC-UNR, Rosario³

El adenocarcinoma de mama M-406 (M-406) inoculado en la línea endocriada CBI/L presenta las tres etapas de la Inmunoedición Tumoral: eliminación (EL), equilibrio (EQ) y escape (ES). Nuestro objetivo fue determinar el infiltrado leucocitario y los niveles de células CD4⁺ y CD8⁺ intratumorales en muestras provenientes de CBI/L en las tres etapas de la Inmunoedición Tumoral. Para ello, se inocularon con M-406 s.c. animales CBI/L y cuando el tumor presentaba las fases de EL, EQ o ES, se extrajeron muestras de sangre y tumor. Los tumores se incluyeron en parafina y cortes de los mismos fueron teñidos con hematoxilina-eosina, para evaluar el infiltrado leucocitario que se cuantificó utilizando el siguiente score: 0 (nulo), 2 (escaso), 4 (moderado) y 6 (alto). Las células CD4⁺ y CD8⁺ se cuantificaron por inmunohistoquímica en 30 campos de alta magnificación. En cuanto al infiltrado leucocitario, no se encontraron diferencias significativas entre las tres fases, EL, EQ y ES. Se observó un menor número de células CD4⁺ [mediana (rango)/campo: 6(3-6)] y de CD8⁺ [2(2-3)] en los tumores provenientes de ES comparados con los que estaban en EL [7(0-19)]; [13(1-17)] y en EQ [10(3-19)]; [3(3-9)], aunque la diferencia no llegó a ser significativa. Este hallazgo va en contraposición a lo observado previamente en sangre, donde los niveles de ambas poblaciones celulares, evaluadas por citometría de flujo, fueron menores en EL comparados con EQ y ES ($P < 0,01$). En EL, el cociente CD4⁺/CD8⁺ fue significativamente mayor en sangre comparado con el del tejido tumoral ($P < 0,05$), sin observarse diferencias en las otras fases. Nuestros resultados sugieren que si bien el número de células CD4⁺ y CD8⁺ presentes en sangre y en los tejidos no explican las tres fases de inmunoedición observadas, la menor relación CD4⁺/CD8⁺ en tumor en EL podría, en parte, explicar el rechazo tumoral. El estudio de otras subpoblaciones celulares nos permitirá una mejor caracterización de este modelo.

464 (449) DERIVADOS DEL QUIMIOTERAPÉUTICO DE ORIGEN NATURAL DE BETA-LAPACHONA: VALORACIÓN DE LA ACTIVIDAD ANTITUMORAL EN MELANOMA

Maríanela Chiamello¹; María Julia Lamberti¹; Sabrina Ferreira²; Natalia Belén Rumie Vittar¹; Viviana Alicia Rivarola¹
Univ. Nac. de Rio Cuarto¹ Universidad E Federal Fluminense²

El melanoma es un tumor maligno derivado de alteraciones en los melanocitos, encargados de la síntesis de melanina. La melanogénesis está asociada a la inducción de la enzima NQO1 (NADPH quinona oxidoreductasa-1), la cual se encuentra sobreexpresada en tumores como estrategia de supervivencia. En estudios previos, hemos demostrado que la terapia fotodinámica (TFD) induce la expresión de NQO1 en tumores. β -Lapachona (β -Lap) es una o-naftoquinona con actividad antitumoral ex-

traída del Lapacho cuya citotoxicidad está mediada por NQO1. Aquí se propuso determinar la eficiencia terapéutica de β -Lap y sus derivados sobre diferentes líneas de melanoma. Las células B16-F10 (murinas) y SK-Mel-28 (humanas) fueron incubadas con dosis crecientes de β -Lap durante 24 h. Se demostró que la viabilidad celular, evaluada a través del ensayo MTT, disminuyó de forma proporcional a la concentración. La línea B16-F10 fue más resistente al quimioterapéutico (DL50, dosis letal 50: $2.00 \pm 0.05 \mu\text{M}$) en comparación con SK-Mel-28 (DL50: $1.60 \pm 0.05 \mu\text{M}$). Para determinar si la citotoxicidad está regulada por NQO1, las células fueron incubadas con β -Lap en presencia o ausencia de dicumarol (inhibidor competitivo de la enzima). De esta manera, se demostró que en la línea SK-Mel-28 la actividad de β -Lap fue dependiente de NQO1. Por ello, a continuación, 17 quimioterapéuticos derivados de β -Lap fueron ensayados sobre estas células. Los compuestos con mayor potencial antiproliferativo resultaron: PFB, PCIB, EB, PBB, AMEB y PMEB. En base a lo observado, estudios posteriores estarán abocados a la selección del agente superador, según criterios de toxicidad tumoral selectiva y mecanismo de acción dependiente de NQO1. Esto permitirá desarrollar estrategias basadas en terapias combinadas que conjuguen el poder inductor de NQO1, como reportamos con la TFD, con el derivado sobresaliente en su acción contra el melanoma.

465 (450) IMPLICANCIA DE LAS CÉLULAS MADRE TUMORALES EN LA RESISTENCIA A LA TERAPIA FOTODINÁMICA DE CÉLULAS DE GLIOBLASTOMA MULTIFORME HUMANO

Laura Milla¹; Cesar Prucca²; Lucia Rodríguez¹; Rodrigo Palacios¹; Faviola Velazquez²; Beatriz Caputto²; Viviana A. Rivarola¹

Univ. Nac. de Rio Cuarto¹ Univ. Nac. de Cordoba²

La terapia fotodinámica (TFD) contra el cáncer involucra la administración de un fotosensibilizador (FS) seguida de su activación por luz visible. Una novedosa aplicación de este tratamiento es sobre tumores cerebrales, como el glioblastoma multiforme humano (GBM). El problema central de todas las terapias oncológicas, incluyendo la TFD, es la presencia de células resistentes. Se ha propuesto que solamente una pequeña fracción de las células neoplásicas, llamadas células madre tumorales (CMT), tienen el potencial de generar un tumor y que estas son las responsables de la resistencia a los tratamientos oncológicos. El objetivo del presente trabajo fue determinar si las CMT de GBM de la línea T98G, son responsables de la resistencia a la TFD. Para ello, se obtuvo una población de células T98G resistentes a la TFD (R) empleando el compuesto Me-ALA como precursor del FS. Se analizó el contenido intracelular del FS luego de incubar el Me-ALA en poblaciones R, comparando con las parentales, las que nunca recibieron TFD (microscopía de fluorescencia y citometría de flujo), se determinó la capacidad tumorigénica (ratones inmunodeprimidos), la capacidad de crecimiento in vitro (ensayo clonogénico) y se midió la expresión de un marcador de CMT: CD44, en las poblaciones R (Western Blot). El contenido del FS en la población R fue menor que en las células parentales. Aunque en cultivos in vitro, la población R mostró igual capacidad de crecimiento, se observó una mayor capacidad tumorigénica cuando esta fue inyectada en ratones. La expresión del marcador CD44 fue igual en células R, comparando con los controles de las parentales. Las CMT podrían estar involucradas en la resistencia a la TFD. Otros marcadores, diferentes a CD44, o combinaciones de distintos marcadores de CMT, podrían identificar a estas poblaciones R. Además, estas células acumulan menos FS, lo cual podría deberse a la expulsión de este o de su precursor al exterior de las células, la incapacidad del ingreso del Me-ALA al interior de las células o alteraciones en la vía de síntesis de la PpIX. Los resultados obtenidos nos alientan a continuar investigando con más detalle sobre estos mecanismos de resistencia con el fin de encontrar blancos terapéuticos para mejorar la eficacia de la TFD para su aplicación en GBM.

466 (451) ESTUDIO DE DROGAS ANTINEOPLÁSICAS COMO POSIBLES POTENCIADORES DE LA TERAPIA GÉNICA EN CÉLULAS DE MELANOMA FELINO Y CANINO

Lucrecia Agnetti; Marcela S. Villaverde; Gerardo C. Glikin; Liliana M. E. Finocchiaro

Instituto de Oncología Dr Ángel H Roffo

En el presente trabajo se propuso estudiar el potencial terapéutico de la geno-terapia en combinación con bleomicina (BLM) o dicloroacetato (DCA) en 4 líneas celulares de melanoma mucoso felino (Dc y Rn) y canino (Bk y Rk) establecidas en nuestro laboratorio. Todas las líneas resultaron sensibles a la terapia génica cuando se lipofectaron las monocapas (mc) con los genes del interferón beta (cIFN- β y felFN- β , canino y felino respectivamente) o sistema de gen suicida HSVtk/GCV (GS), observándose un mayor efecto del IFN- β para las líneas felinas y del GS en el caso de las caninas ($p < 0,001$). Al cultivarse como esferoides (esf), todas las líneas mantuvieron la sensibilidad al IFN- β , a diferencia de lo observado con el GS, sólo efectivo en el caso de Bk ($p < 0,01$). La necesidad de un umbral de células que expresen el transgen y la baja lipofección de las líneas felinas podrían explicar la ineficacia del GS observada en los esf de estas líneas. Las drogas BLM y DCA generaron un gran efecto *per se* sobre Rn (mc) y Dc (mc y esf), disminuyendo significativamente la sobrevida respecto del tratamiento genético. En esta última, ambas drogas potenciaron el efecto del IFN- β ($p < 0,05$). La combinación IFN- β + BLM fue la única que logró este efecto sobre los esferoides de Rn ($p < 0,05$). Debido a la elevada respuesta de Bk y Rk al GS, la citotoxicidad no varió al combinarse con BLM o DCA. Un efecto sumatorio significativo se evidenció en ambas líneas cuando se combinaron IFN- β y DCA ($p < 0,05$). La eficiencia de lipofección alcanzada en las 4 líneas fue menor al efecto citotóxico de los genes, lo cual podría evidenciar un efecto *bystander*. Se observó una correlación entre dicho efecto y los niveles intracelulares de ROS cuando fueron determinados por citometría (DCF). Por lo tanto, el tratamiento genético con IFN- β fue altamente efectivo como terapia antitumoral *in vitro*. Drogas como BLM o DCA podrían aumentar su citotoxicidad, siendo menor su potencial en combinación con el sistema de GS.

467 (453) METFORMINA EN COMBINACION CON 2-DESOXIGLUCOSA COMO ESTRATEGIA TERAPEUTICA EN UN MODELO CELULAR DE CARCINOMA MAMARIO FELINO

María Florencia Arbe; Chiara Fondello; Lucrecia Agnetti; Gerardo Claudio Glikin; Liliana Mara Elena Finocchiaro; Marcela Solange Villaverde

Unidad de Transferencia Genética Área Investigación Instituto de Oncología Dr Angel Roffo Facultad de Medicina UBA

La glucólisis es la principal vía de obtención de energía en la mayoría de las células tumorales. Su interrupción o modulación resulta una interesante estrategia terapéutica. Previamente, describimos el efecto de metformina (MET), hipoglucemiante oral, activador de la AMPK y bloqueante de FOX) sola o combinada con 2-desoxiglucosa (2DG, inhibidor de la HK) en monocapas de AIRB, línea celular de carcinoma mamario felino (CMF), negativa para los receptores de estrógeno (RE) y progesterona (RP) y positiva para HER2. El objetivo del presente trabajo fue investigar si MET sola o en combinación con 2DG era efectiva en AIRATN, variante celular de CMF triple negativa (RE⁻, RP⁻ y HER⁻), comparar la respuesta entre monocapa (MC) y esferoides (ESF) y con la variante HER2 positiva, AIRB. Las células fueron sembradas en MC o sobre una cubierta de agar sólido, como ESF. Luego de 24 h (MC y ESF) o a los 4 d de siembra (ESF formados) se agregó MET (1 mM) y 2DG (0,5 mM) solos o combinados entre sí, MET/2DG (1 mM/0,5 mM). Además, se realizaron curvas con concentraciones de MET (0,1-10 mM) o 2DG (0,5-10 mM) para comparar las IC50. Luego de 5 d (MC) o 9 d (ESF) se determinó la viabilidad (APH). Las MC de AIRATN mostraron una leve resistencia comparado con las MC de AIRB ($p < 0,01$). Si bien los ESF de AIRB (únicos y pequeños) sobrevivieron, no proliferaron en las condiciones evaluadas. AIRATN desarrolló múltiples ESF de rápido crecimiento. Los ESF de AIRATN resultaron más sensibles a MET que sus MC ($p < 0,01$) e incluso que los ESF de AIRB ($p < 0,01$). El agregado de 2DG (0,5 mM) no resultó

citotóxico *per se*. Sin embargo, 2DG (0.5 mM) potenció el efecto de MET ($p < 0,01$) en las MC de AIRB y en los ESF de AIRATN. Los resultados hasta aquí obtenidos alientan a continuar con los estudios de la inhibición del metabolismo energético tumoral como un posible blanco terapéutico para el CMF en particular y la patología maMaría en general.

468 (456) IMPACTO DE HEMO-OXIGENASA 1 EN LA TRANSICIÓN EPITELIAL-MESENQUIMAL DEL CÁNCER DE PRÓSTATA

Sofía Lage Vickers; Nicolas Anselmino; Emiliano German Ortiz; Federico Schuster; Alejandra Veronica Paez; Javier Hernan Cotignola; Felipe Jaworski; Elba Susana Vazquez; Geraldine Gueron
Departamento de Química Biológica, FCE y N, UBA/IQUI-BICEN-CONICET

La inflamación y la generación de especies reactivas del oxígeno (ROS), aumentan la tumorigénesis del cáncer de próstata (PCa) y un microambiente inflamatorio crónico es un factor decisivo en la inducción de la transición epitelial-mesenquimal (EMT). Hemo-oxigenasa 1 (HO-1), la enzima limitante en la degradación del grupo hemo, mantiene la homeostasis celular reduciendo la injuria oxidativa y atenuando la inflamación. Previamente en nuestro laboratorio comprobamos que la inducción farmacológica y genética de HO-1 inhibe la proliferación, migración e invasión, retarda el crecimiento de tumores *in vivo* y limita la angiogénesis asociada al tumor. En este trabajo analizamos la regulación de genes asociados a la EMT por sobre-expresión farmacológica y genética de HO-1. Por medio de un análisis de microarray observamos que HO-1 modula la expresión de genes asociados a la EMT y la adhesión celular. Validamos dichos resultados por PCR en tiempo real (qPCR). Cabe destacar que entre los genes regulados por HO-1 se encontraron BMP7, TIMP1, WNT11, CAV2, SSP1, E-caderina y B-catenina ($p < 0,05$), genes íntimamente asociados a la carcinogénesis prostática. Adicionalmente analizamos la expresión de dichos genes utilizando las bases de datos OncoPrint. Esta herramienta permite identificar si los genes estudiados tienen una alta significancia estadística en la patogénesis clínica. El análisis reveló una correlación directa entre los estudios *in vitro* y las muestras de pacientes. Por inmunofluorescencia se observó una importante relocalización de E-cadherina y B-Catenina hacia la periferia celular bajo inducción de HO-1. Estos resultados revelan una función novedosa de HO-1 involucrada en la EMT del PCa, favoreciendo así la adquisición de un fenotipo menos agresivo y apoyando su función anti-tumoral en el PCa.

469 (458) EFECTO CITOTÓXICO DEL TRATAMIENTO CONJUNTO DE SORAFENIB (SFB) Y LOS INHIBIDORES DE SIRTUINA 1 (SIRT1) CAMBINOL (CAMB) Y EX527 (EX) EN CULTIVOS 2D (MONOCAPA) Y 3D (ESFEROIDES) DE LA LÍNEA CELULAR DE HEPATOCARCINOMA (HCC) HUH7

María P. Ceballos; Ariel D Quiroga; María De Lujan Alvarez; Juan P Parody; Alejo Capigliani; Flavia Lambertucci; Aldo D Mottino; María C Carrillo
IFISE

Sfb es la única droga aprobada para tratar el HCC. Muchos pacientes generan resistencia por inducción de transportadores ABC que expulsan la droga o requieren reducción de dosis por aparición de efectos adversos. SIRT1 está sobreexpresada en el HCC e induce la expresión de transportadores ABC. Objetivo: evaluar los efectos de combinar Sfb con Camb y Ex en Huh7. Métodos y resultados: Cultivos 2D y 3D se trataron por 72 h con diferentes combinaciones Sfb/Camb, Sfb/Ex, o con las drogas individuales y se obtuvieron las curvas dosis respuesta (viabilidad: 2D: MTT; 3D: fosfatasa ácida). Se determinaron la concentración inhibitoria del 50% del crecimiento (IC50) de cada droga y los índices de combinación (IC: <1 sinergia, =1 adición, >1 antagonismo) y de reducción de dosis (cuántas veces se puede reducir la dosis de una droga en una combinación para producir el mismo efecto que la droga sola) (CompuSyn). Se calculó el volumen de los esferoides (0 y 72 h) como medida del crecimiento celular (ImageJ). Las drogas individuales redujeron la viabilidad celular de

forma dosis dependiente y el cultivo 3D fue menos sensible a las drogas que el 2D: IC50 2D (μM): Sfb 2, Camb 65, Ex 35; IC50 3D (μM): Sfb 10*, Camb 122*, Ex 100* ($p < 0,05$ 3D vs 2D). Diferentes combinaciones de Sfb con Camb y Ex (dosis en el rango del IC50 de cada droga) actuaron sinérgicamente (IC<1), incrementando la sensibilidad a Sfb solo y permitiendo reducciones de dosis de hasta 4 veces para Sfb. En cultivos 3D, Sfb retrasó el crecimiento de los esferoides y este efecto se exacerbó en los tratamientos combinados: % volumen 72 vs 0 h: control: 440, Sfb7,5 μM : 172*, Sfb7,5 μM /Camb100 μM : 133*#, Sfb7,5 μM /Ex75 μM : 136*# ($p < 0,05$ vs control, * $p < 0,05$ vs Sfb). Conclusión: los inhibidores de SIRT1 potenciaron el efecto citotóxico de Sfb. Esto permitiría aumentar su eficacia y reducir su dosis. El modelo 3D resultó más resistente al tratamiento, validando su utilidad para estudios de resistencia y testeo de drogas.

470 (459) ESTUDIO DEL EFECTO DEL EXTRACTO DE YERBA MATE (ILEX PARAGUARIENSIS) EN EL CRECIMIENTO Y LA PROGRESIÓN TUMORAL

Rocio Soledad Garcia Lazaro; Mariano Rolando Gabri; Daniel Eduardo Gómez; Daniel Fernando Alonso; Hernan Gabriel Farina
Laboratorio de Oncología Molecular – UNQ

La Yerba Mate (*Ilex paraguariensis* St. Hilaire) es una planta originaria de la región subtropical de América del Sur, posee compuestos polifenólicos que podrían tener un efecto modulador del comportamiento de las células tumorales. Existen pocos reportes sobre el efecto directo de estos compuestos en modelos de crecimiento y progresión tumoral. En este trabajo se muestran las propiedades de un extracto de yerba mate en modelos tumorales *in vitro* de mama (MDA-MB 231) y colon (CT26). Los datos preliminares encontrados indican que dicho extracto tiene una actividad anti proliferativa, anti adhesiva y anti migratoria. Los ensayos realizados para definir la capacidad antiproliferativa, indicaron dosis inhibitorias del cincuenta por ciento de crecimiento (IC₅₀) de 0.7 mM para la línea celular de colon y de 2 mM para la línea celular de mama. Con estos resultados se establecieron las dosis exploratorias para evaluar los eventos de adhesión y migración *in vitro*. Se encontró que el extracto de yerba mate disminuyó la adhesión en las dos líneas celulares estudiadas, mostrando un descenso significativo del 40% respecto al control en la línea CT26 (***) ($p < 0.001$ ANOVA test) y de un 70% en la línea MDA-MB 231 (***) ($p < 0.001$ ANOVA test). Respecto a la migración celular, el extracto de yerba mate redujo la movilidad de ambas líneas tumorales en porcentajes similares a los encontrados en el ensayo de adhesión (70% MDA-MB 231 y 60% para CT26; * $p < 0.5$, ANOVA test). Los resultados preliminares encontrados sugieren un efecto anti invasivo del extracto de yerba mate generado sobre las células tumorales de mama y colon estudiadas.

471 (462) EL TRANSPORTE DE CATEPSINA D EN CÉLULAS TUMORALES PODRÍA SER MEDIADO POR RECEPTORES

Nadia Bannoud¹²; Flavia Lorena Carvelli¹¹; Laura María Vargas Roig²³; Miguel Angel Sosa Escudero¹²
IHEM¹ Facultad de Ciencias Médicas Universidad Nacional de Cuyo² IMBECU³

La secreción aberrante de hidrolasas lisosomales, tal como procatépsina D (proCatD), es un cambio fenotípico común en muchos cánceres humanos que favorece la invasión y metástasis tumoral. El transporte de la enzima a lisosomas es mediado por receptores a manosa-6-P (MPRs), sortilina o vías alternativas. Se han descrito dos formas de MPRs: catión-dependiente (CD-MPR) y catión-independiente, de los cuales el CD-MPR participaría en la exocitosis de enzimas lisosomales. En células de tumores mamaros malignos se desconoce aún el mecanismo de secreción de proCatD al medio extracelular. Algunos autores lo atribuyen a un defecto en la acidificación de compartimientos. En base a esta hipótesis, estudiamos el efecto del cloruro de amonio (amina acidotrópica que impide la acidificación de compartimientos intracelulares), sobre la expresión y distribución de los receptores

que podrían estar involucrados en el transporte intracelular de la enzima en la línea celular MCF-7 (derivada de adenocarcinoma ductal mamario, que expresa receptores a estrógeno). Mediante inmunoblot e inmunofluorescencia indirecta, observamos que el tratamiento con cloruro de amonio durante 6, 12, 18 y 24h aumentó la expresión de la forma inmadura de catepsina D en células MCF-7, indicando que la misma no es procesada en lisosomas. A su vez, la amina indujo un aumento en la expresión del CD-MPR y una disminución de sortilina. El primer efecto podría atribuirse a un bloqueo en el reciclaje del receptor desde un compartimiento ácido al aparato de Golgi, mientras que el segundo efecto podría deberse a que la neutralización de los compartimientos indujo la secreción de exosomas y consecuentemente la liberación de sortilina al medio extracelular, tal como lo han propuesto otros autores. Estos resultados sugieren que: el transporte intracelular de proCatD es mediado por receptores, y que su secreción no se debe a un defecto en la acidificación de compartimientos en células MCF-7.

472 (468) COOPERACIÓN ESPECÍFICA ENTRE MAGEA6 Y MA-GEA11 Y SU RELEVANCIA EN LA ACTIVIDAD TRANSCRIPCIONAL DEL RECEPTOR DE ANDRÓGENOS (AR)

Julietta Laiseca; Mara Ftima Ladelfa; Carolina Bret; Martn Monte

Laboratorio de Oncología Molecular, Departamento de Química Biológica e IQUIBICEN (UBA-CONICET), Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires.

Las proteínas de la subfamilia Mage-A (Melanoma Antigen Genes) poseen expresión específica tumoral y una alta homología de secuencia, sin embargo regulan la proliferación y la sobrevida de las células tumorales por distintas vías. El Receptor de Andrógenos (AR) media el crecimiento estimulado por hormonas y su desregulación contribuye al desarrollo del cáncer de próstata. MageA11 es un corregulador de AR que aumenta su actividad transcripcional. Nosotros hemos reportado que en sobreexpresión, MageA6 es capaz de colaborar con MageA11 en el aumento de la actividad transcripcional AR debido, al menos en parte, a la estabilización que genera la unión de MageA6 con MageA11 (SAIC 2013). En este trabajo pudimos comprobar que la unión entre MageA6 y MageA11 inhibe la poliubiquitinación de MageA11 y su degradación ya que al inhibir el proteosoma con MG132 se anula el efecto estabilizador. Por otro lado, analizamos el efecto de MageA6 en un sistema endógeno AR/MageA11 en líneas celulares de cáncer de próstata (LNCaP, 22RV1 y C42B) que expresan tanto AR como MageA11 y observamos nuevamente el aumento significativo en la actividad transcripcional de AR con el agregado de MageA6 en experimentos de genes reporteros (dos veces en LNCaP, tres veces en C42B y doce veces en 22RV1). Por último, para analizar la interacción a nivel endógeno entre MageA6 y MageA11, produjimos un anticuerpo específico contra MageA11 que reconoce la región N-terminal presente solo en este. Observamos que reconoce a MageA11 y no a MageA1, A2, A6 ni B2; además se pudo observar la expresión de MageA11 en líneas celulares tumorales (LNCaP, C42B, PC3, DU145, HCT116 y U2OS) siendo mayor la expresión en PC3, C42B y U2OS. Experimentos futuros nos permitirán analizar si existe interacción entre MageA11 y MageA6 a nivel endógeno, corroborando la importancia de esta cooperación en la vía ya que la colaboración entre MageA11 y MageA6 podría dar ventajas en procesos asociados al desarrollo tumoral.

473 (487) EL TRATAMIENTO COMBINADO CON 17-β ESTRADIOL Y PROGESTERONA REDUCE LA PROLIFERACIÓN EN TUMORES DE COLON DE RATAS OVARIETOMIZADAS

Corina Verónica Sasso¹; Flavia Eliana Santiano¹; Leila Ester Zyla¹; Silvana Noemí Semino²; Virginia Pistone Creydt¹; Constanza Matilde López Fontana¹; Rubén Walter Carón¹ *Laboratorio de Hormonas y Biología del Cáncer, IMBECU, CONICET, CCT-Mendoza*¹ *Anatomía Patológica, Hospital Universitario, Universidad Nacional de Cuyo*²

Estudios epidemiológicos sugieren que la terapia de reemplazo hormonal con análogos sintéticos de los esteroides ováricos en mujeres menopáusicas disminuye el riesgo de cáncer de colon (CaCo), pero los mecanismos involucrados recién están empezando a ser dilucidados. En este trabajo estudiamos el efecto de los esteroides ováricos fisiológicos 17-β estradiol (E2) y progesterona (P4) en un modelo animal de CaCo. Utilizamos ratas Sprague Dawley tratadas con 20 dosis de Dimetilhidracina (21 mg/kg, s.c. semanal). En el día 30 posterior a la primer dosis fueron ovariectomizadas, y en el día 37 se inició la terapia de reemplazo hormonal con inyecciones s.c. de E2 (60 µg/kg), P4 (10 mg/kg), E2+P4 o vehículo. Los resultados fueron analizados mediante ANOVA I con GraphPad Prism. Los niveles séricos de E2 y P4 alcanzaron valores normales y los tumores fueron clasificados como adenocarcinomas. El tratamiento con E2 redujo un 29% la incidencia, disminuyó la multiplicidad y aumentó el número de figuras mitóticas tumorales (p<0.05). El tratamiento combinado de E2+P4 produjo una incidencia del 100%, pero estos tumores presentaron un aumento de figuras apoptóticas, una mayor expresión de caspasa 3 y PARP, y una disminución de PCNA (p<0.05). Los tumores del grupo E2 presentaron un aumento de la expresión del receptor de estrógeno alfa (REα, p<0.01), mientras que el tratamiento combinado aumentó la expresión del receptor de estrógeno beta (REβ, p<0.01). En conclusión, en nuestro modelo experimental el tratamiento con E2 previene la aparición de tumores de colon. Sin embargo, los que alcanzan a desarrollarse poseen una mayor proliferación, que puede ser debida a la pérdida de expresión del REβ y al aumento del REα. Por otro lado, el tratamiento con E2+P4 no previene el desarrollo tumoral, aunque sí conduce a una reducción en la proliferación y a un aumento de la apoptosis una vez que los tumores se han desarrollado, siendo este efecto debido probablemente a la menor relación REα/β.

474 (491) REGULACIÓN DINÁMICA DE LA EXPRESIÓN DE CLCA2 POR FACTORES DE TRANSCRIPCIÓN EN EL CÁNCER DE PRÓSTATA

Juliana Porretti¹; Cintia Masillo¹; Nicolas Dalton¹; Cristian Muiola²; Paola De Luca¹; Adriana De Siervi¹ *Laboratorio de Oncología Molecular y Nuevos Blancos Terapéuticos - IBYME*¹ *IBYME*²

Varias evidencias asocian un incremento de la incidencia y la agresividad del cáncer de próstata (PCa) en pacientes con síndrome metabólico (SM). Estudios previos en nuestro laboratorio demostraron que en un modelo murino de SM el silenciamiento estable del corregulador transcripcional CtBP1 disminuyó el crecimiento de tumores xenotransplantados. Un análisis de la expresión génica de esos tumores utilizando microarreglos de expresión identificó que CtBP1 reprime la expresión de CLCA2, un gen supresor de cáncer de mama. Asimismo, CtBP1 disminuyó la actividad del promotor de CLCA2 en líneas de PCa. En este trabajo estudiamos la regulación transcripcional de CLCA2 en PCa. Por inmunoprecipitación de la cromatina (ChIP) establecimos que CtBP1 se asocia al promotor de CLCA2. Cuando cotransfectamos células PC3 con CtBP1 y el plásmido reportero del promotor de CLCA2 en conjunto con un panel de factores de transcripción, encontramos que p53 y ETS2 inducen significativamente la actividad del promotor en forma independiente de CtBP1; sin embargo, E2F1 y STAT3 no afectaron dicha actividad. Sorprendentemente, el gen supresor tumoral BRCA1 disminuyó drásticamente la actividad transcripcional de CLCA2 y esta represión fue significativamente mayor en presencia de CtBP1. Más aún, el silenciamiento estable de BRCA1 en células PC3 eliminó la represión transcripcional de CLCA2 por CtBP1. Debido a que ETS2, p53 y BRCA1 son factores que intervienen en la modulación del ciclo celular, determinamos la distribución de células en las distintas fases del ciclo por tinción con iodo de propidio y análisis por citometría de flujo. La sobreexpresión de CLCA2 produjo el arresto de células PC3 en fase G0/G1. Nuestros resultados describen por primera vez que CLCA2 es finamente regulado en el PCa por una combinación de factores transcripcionales. Asimismo, muestran un nuevo rol de esta proteína como reguladora del ciclo celular en esta enfermedad.

475 (493) COMPLEJA REGULACIÓN TRANSCRIPCIONAL DE AROMATASA POR CTBP1, BRCA1 Y P300 EN EL CÁNCER DE PRÓSTATA.

Cintia Massillo¹; Juliana Porretti¹; Nicolás Dalton¹; Cristian Moiola²; Paola De Luca¹; Adriana De Siervi¹
Laboratorio de Oncología Molecular y Nuevos Blancos Terapéuticos- IByME- CONICET¹ IByME²

El cáncer de próstata (PCa) continúa siendo uno de los problemas más importantes de la salud pública. Los co-reguladores transcripcionales juegan un papel esencial en la homeostasis celular y frecuentemente están alterados en el cáncer. C-terminal Binding Protein (CtBP1) es un co-represor de la transcripción de genes supresores tumorales. Previamente utilizando microarreglos de expresión de mRNA a partir de xenotransplantes obtenidos por inyección de células tumorales de próstata PC3 que tienen silenciada la expresión de CtBP1 o células control, encontramos que CtBP1 reprime la expresión de CYP19A1 (aromatasa), una enzima que participa en la síntesis de estradiol por la aromatización de la testosterona. El objetivo de este trabajo fue determinar el mecanismo de regulación transcripcional de CYP19A1 mediado por CtBP1 en el PCa. Para ello cotransfectamos células PC3 con el plásmido de expresión de CtBP1 y un panel de 10 vectores reporteros que contienen clonado río arriba del gen de la luciferasa diferentes longitudes (27 a 1004 pb) del promotor de CYP19A1. CtBP1 reprime significativamente la actividad de todos los promotores estudiados. Mediante inmunoprecipitación de la cromatina (ChIP) y RT-qPCR determinamos que CtBP1 se asocia al promotor de CYP19A1 y reprime su transcripción en células PC3. Para identificar los co-reguladores que actúan junto con CtBP1 en la modulación de la expresión de CYP19A1, investigamos a p300 (histona acetil-transferasa) y a BRCA1 (gen supresor tumoral). Encontramos que BRCA1 y p300 se asocian al promotor de CYP19A1 y reprimen su transcripción, y esa represión es significativamente mayor en presencia de CtBP1. Utilizando células PC3 que tienen disminuida en forma estable la expresión de BRCA1 determinamos que la represión de aromatasa por CtBP1 se pierde en ausencia de BRCA1. Estos hallazgos manifiestan por primera vez el modo de regulación de la transcripción de CYP19A1 por factores cruciales en el control supervivencia/muerte en el PCa.

476 (503) EFECTO AUTOCRINO DE LA PROLACTINA EN LA VIABILIDAD DE CELULAS DE GLIOBLASTOMA

Antonela Asad¹; Mariela Alejandra Moreno Ayala¹; María Florencia Gottardo¹; María Andrea Camilletti²; Erika Faraoni²; María Graciela Castro³; Victor Goffin⁴; Adriana Sellicovich¹; Daniel Alberto Pisera¹; Jimena Ferraris¹; Mariana Candolfi¹
INBIOMED (UBA-CONICET)¹ IByME (CONICET)² University of Michigan School of Medicine, MI, USA³ Faculte de Medecine Paris Decartes, Paris, Francia⁴

El glioblastoma multiforme (GBM) es el tumor cerebral primario más agresivo y frecuente. Dado que los tratamientos de rutina no logran prolongar la supervivencia a largo plazo de los pacientes, se necesitan nuevos enfoques terapéuticos que inhiban la proliferación o estimulen la apoptosis de las células tumorales. Recientemente, la prolactina (PRL) ha sido asociada al desarrollo de diversos tipos de cáncer. A pesar de que la expresión de PRL ha sido reportada en especímenes de GBM humano, el papel de esta hormona en la patogenia de esta enfermedad es aún desconocido. Nuestro objetivo fue evaluar la expresión y función de la PRL en células de GBM humano (U87), murino (GL26) y de rata (C6). Observamos expresión de PRL en las células de GBM mediante inmunofluorescencia. Además, detectamos PRL en el sobrenadante de las células de rata (6-20 ng/ml) y de ratón (40-90 ng/ml) mediante radioinmunoensayo. Dado que ha sido reportado que la PRL puede tener efectos mitogénicos y antiapoptóticos, evaluamos el efecto de la PRL sobre la viabilidad de células de GBM. Mediante la técnica de MTT observamos que la incubación con PRL recombinante (100 ng/ml) por 48 hs aumentó la viabilidad de células de GBM humano ($C=0.2\pm 0.01$ UA; $PRL=0.26\pm 0.02$, $p<0.05$). Para evaluar el papel de la PRL endógena en la supervivencia de las células de

GBM, utilizamos el antagonista del receptor de PRL $\Delta 1-9$ -G129R-hPRL [Del 1-9, 5 μ g/ml (Endocr Rev 2005 p.400)]. La incubación con Del1-9 por 48 hs en ausencia de suero redujo la viabilidad de células de GBM humano o de ratón (U87: $C=0.14\pm 0.01$ UA, Del1-9= 0.12 ± 0.01 ; $p<0.05$; GL26: $C=0.04\pm 0.01$ UA, Del1-9= 0.006 ± 0.002 ; $p<0.05$). Nuestros resultados indican que las células de GBM expresan PRL y la secretan de forma constitutiva. Es probable que la PRL producida localmente module la supervivencia de las células tumorales, constituyendo un potencial blanco terapéutico para el tratamiento del GBM.

477 (507) CTBP1 MODIFICA LA ADHESIÓN Y LA MORFOLOGÍA CELULAR AFECTANDO EL POTENCIAL INVASIVO DE TUMORES DE PRÓSTATA EN UN MODELO DE SÍNDROME METABÓLICO

Nicolás Dalton¹; Cintia Massillo¹; Juliana Porretti¹; Georgina Scalise¹; Alejandra Paez²; Geraldine Gueron²; Cristian Moiola³; Paola De Luca¹; Adriana De Siervi¹
Laboratorio de oncología molecular y nuevos blancos terapéuticos, IByME-CONICET¹ Laboratorio de inflamación y cáncer, IQUIBICEN-CONICET² IByME³

El síndrome metabólico (SM) aumenta el riesgo de desarrollar cáncer. C-terminal binding protein (CtBP1), un correpresor transcripcional, es considerado un sensor del estado metabólico celular ya que es activado por NADH. En nuestro laboratorio, previamente alimentamos ratones nude con una dieta rica en grasas (DG) la cual produjo un aumento del NADH e indujo un estado similar al SM. En estos animales desarrollamos xenotransplantes a partir de células tumorales de próstata con expresión diferencial de CtBP1, a los cuales estudiamos empleando microarreglos de expresión. Los resultados mostraron a la adhesión celular como una de las vías reguladas por CtBP1. Más aún, la sobreexpresión de CtBP1 disminuyó la capacidad de las células PC3 para adherirse a una matriz de colágeno. En este trabajo investigamos la asociación de CtBP1 al promotor de ITGB4, uno de los genes reprimidos por CtBP1 en los xenotransplantes. Mediante inmunoprecipitación de la cromatina (ChIP) encontramos que CtBP1 se une al promotor proximal de ITGB4 en la línea tumoral PC3. Dada la participación de esta proteína en la adhesión célula-matriz extracelular, evaluamos mediante microscopía confocal, el efecto de CtBP1 sobre la proporción de membrana plasmática adherida a sustrato. El silenciamiento de CtBP1 aumentó la proporción de membrana en contacto con el sustrato. La sobreexpresión de CtBP1 aumentó el número de filopodios, proyecciones delgadas formadas por filamentos de actina características del proceso de migración celular. La sobreexpresión de CtBP1 correlacionó con un fenotipo celular mesenquimal evidenciado por un aumento de la relación Vimentina/E-caderina. Cabe aclarar que E-caderina es un marcador epitelial que es reprimido por CtBP1 y Vimentina es un marcador mesenquimal. Estos resultados expanden el rol antes descripto de CtBP1 en el proceso de adhesión celular y lo involucran en las etapas tempranas del proceso de transición epitelio-mesenquimal en cáncer de próstata en el contexto de SM.

478 (521) TRATAMIENTO DE CÉLULAS DE CÁNCER DE PULMÓN CON EL PÉPTIDO SINTÉTICO CIGB-300: IMPLICANCIAS DE LA INHIBICIÓN DE LA VÍA NF- κ B

Stéfano Cirigliano¹; María Inés Díaz Bessone¹; Carolina Flumian¹; Damián Berardi¹; Silvio Perea²; Elisa Bal De Kier Joffé¹; Hernán Farina³; Laura Todaro¹; Alejandro Urtreger¹
Inst. de Oncología Dr. Angel Roffo¹ Centro de Ingeniería Genética y Biotecnología, La Habana Cuba.² Laboratorio de Oncología Molecular, Universidad Nacional de Quilmes³

La proteína quinasa CK2 es una Ser/Thr quinasa involucrada en crecimiento, supervivencia y apoptosis. CIGB-300 es un péptido sintético capaz de unirse al dominio fosfoceptor de varios sustratos de CK2 inhibiendo su actividad. CIGB-300 ha demostrado actividad antitumoral y este efecto estaría mediado en parte por la inhibición de la vía de supervivencia de NF- κ B, según pudimos constatar en un modelo in vitro de células de cáncer de pulmón (NCI-H125). Se sabe además que dicha vía de señalización se

encuentra asociada a quimiorresistencia. Respecto a la vía de NF- κ B, observamos con antelación por WB que tratamientos cortos con CIGB-300 redujeron los niveles nucleares de la subunidad p65, necesaria para la señalización de esta vía, aún en presencia del activador PMA. Por el contrario, el tratamiento con cisplatino indujo la acumulación de p65 en el núcleo. Al tratar las células con la combinación de cisplatino y CIGB-300 pudimos determinar que la traslocación de p65 al núcleo fue inhibida, indicando que el efecto de CIGB-300 prevalece por sobre el del cisplatino. Con el fin de indagar acerca de la implicancia terapéutica de la inhibición de la vía de NF- κ B, indujimos quimiorresistencia al cisplatino en células de cáncer de pulmón A549. Luego de tratar periódicamente dicha línea durante seis meses, se corroboró que la viabilidad de estas células luego del tratamiento con cisplatino (5 μ M, 72h) fue un 40% mayor respecto a las células de la línea control. Notablemente, la IC50 de CIGB-300 obtenida en las células resistentes a cisplatino fue significativamente más baja (19,0% menos que la línea control, $p < 0,05$; Test-T), sugiriendo que ambos tratamientos podrían estar afectando mecanismos en común. La inhibición de la vía de NF- κ B observada, aún en presencia de cisplatino, nos conduce a profundizar en el mecanismo de acción en un esquema de quimiorresistencia y permite el acercamiento a un abordaje como segunda línea de tratamiento para cáncer de pulmón.

479 (524) EFECTOS PARADÓJICOS ANTE LA MODULACIÓN DE LA QUINASA P38 EN CÉLULAS TUMORALES DE MAMA

Carla Sabrina Capobianco¹; Julio Aguirre-Ghiso²; Daniel Eduardo Gómez¹; Daniel Fernando Alonso¹; Hernan Gabriel Farina¹

Laboratorio de Oncología Molecular. UNIV.NAC.DE QUILMES¹ Tisch Cancer Institute at Mount Sinai. Mount Sinai School of Medicine²

El rol de p38 en el desarrollo del cáncer es actualmente un tema con visiones encontradas. Por un lado, es central en el mantenimiento de la quiescencia, un fenómeno reversible que se observa en algunos tipos tumorales, mediante el cual las células se encuentran arrestadas en el crecimiento. Este es el motivo por el cual en varios tipos de cáncer se observan recaídas luego de largos períodos libres de enfermedad. Sin embargo, existen reportes que le asignan a p38 un rol clave en la supervivencia de las células tumorales, por lo que se llegó a considerar a esta proteína un blanco interesante en la terapia antitumoral. En este trabajo se intenta definir qué rol cumple p38 en diferentes aspectos de la biología tumoral. Se encontró que la inhibición de su actividad provoca *in vitro* un aumento en la actividad de ERK, en la expresión de integrinas $\beta 5$ en membrana, y en la adhesión. De forma previa, *in vivo* se demostró que la inhibición provoca un descenso en la latencia de tumores sc y un aumento en el número de metástasis pulmonares y en el tamaño de las recidivas locales. Asimismo, la inhibición de p38 *in vitro* provocó un descenso en el número de colonias formadas en un ensayo clonogénico y una reducción en la viabilidad a 72 h. Estos resultados demuestran que de acuerdo al entorno en el cual se estudie a p38 las respuestas pueden ser variadas. Sin embargo, si se analiza en profundidad se pueden definir dos escenarios opuestos: por un lado células que se encuentran adaptándose a un nuevo entorno y entablando los primeros pasos en el crecimiento y por el otro células ya establecidas. En el primer caso, p38 se encontraría regulando negativamente el crecimiento, con lo cual al ser inhibida se obtienen resultados a favor de la proliferación activa, y en el segundo caso, sería clave para la supervivencia. Tomando en cuenta los resultados paradójicos que se obtuvieron resulta claro que es necesario ahondar los estudios, prestando particular atención a los modelos utilizados.

MEDICINA REGENERATIVA Y TERAPIA CELULAR 2

480 (126) ESTUDIO DE LAS PROPIEDADES PROLIFERATIVAS DE LAS HAECs DURANTE SU DIFERENCIACIÓN HEPÁTICA

Rodrigo Riedel¹; Antonio Pérez Pérez²; Bernardo Maskin³; Mariana Jaime³; Ornella Parolini⁴; Víctor Sánchez-Margale²; Cecilia L. Varone¹; Julieta Maymó¹
IQUIBICEN¹ Depto. de Bioquímica Médica y Biología Molecular, Universidad de Sevilla, Sevilla, España² Hospital Nacional Alejandro Posadas, Buenos Aires, Argentina³ Centro di Ricerca E. Menni- Fondazione Poliambulanza-Istituto Ospedaliero, Brescia, Italia.⁴

La placenta y las membranas fetales representan una importante fuente de células madre para la medicina regenerativa. Las células placentarias poseen ventajas respecto a otras células madre: el fácil acceso a los tejidos, el potencial ilimitado para proveer células y su uso no genera debates éticos. Las células madre amnióticas epiteliales (hAECs) son aisladas del amnios de la placenta humana a término. Expresan marcadores embrionarios y pueden diferenciar a las tres capas germinales. No son tumorigénicas y poseen propiedades inmunomoduladoras. Así, las hAECs se posicionan como ideales candidatas para la medicina regenerativa. La falla hepática es una de las mayores causas de morbilidad y mortalidad en el mundo; sin embargo, existen obstáculos respecto a su tratamiento. Las hAECs han sido propuestas como fuente alternativa de hepatocitos, dado su capacidad de diferenciación hepática. El objetivo del presente trabajo fue estudiar algunos aspectos de la proliferación de las hAECs, durante su diferenciación hepática temprana y tardía. Se analizó asimismo la expresión de marcadores de pluripotencia (Sox-2, Oct-4, Nanog) y hepáticos (α -fetoproteína, $\alpha 1$ -AT, albúmina, CYP3A4, CYP7A1). La diferenciación se llevó a cabo durante 30 días con factores específicos (EGF + dexametasona) o con medio condicionado de la línea celular hepática HepG2 (MC). Se observó por qRT-PCR, una disminución en la expresión de los genes de pluripotencia y un incremento de los genes hepáticos. Se observó un aumento en la expresión de albúmina y de CYP3A4, evaluado por Western blot e inmunofluorescencia (IF). Se determinó que el EGF incrementó significativamente la proliferación y la viabilidad de las hAECs y el MC las disminuyó, medidas por incorporación de ³H-T y con MTT, respectivamente. Se produjo un aumento en la expresión de Ki-67, determinada por IF. Los resultados obtenidos contribuyen a la comprensión de los mecanismos celulares y moleculares que ocurren durante la diferenciación hepática de las hAECs.

481 (135) ACTIVIDAD DE RETROTRANSPONES LINE-1 EN LA DIFERENCIACIÓN NEURAL. EFECTOS DE DESACETILASAS DE HISTONAS Y DNA METIL-TRANSFERASAS

Lucía Rey Álvarez; Mariana Salcedo; Andres Javier Orqueda
Instituto de Ciencias Básicas y Medicina Experimental, Instituto Universitario del Hospital Italiano

Los retrotransposones *Long interspersed nuclear elements-1* (LINE-1) son elementos repetitivos que contienen dos marcos abiertos de lectura: ORF1 codifica una proteína de unión a RNA, y ORF2 codifica una retrotranscriptasa. La retrotransposición de estos elementos involucra un intermediario de RNA y tiene lugar durante el desarrollo embrionario temprano, en células germinales, células *stem* embrionarias y progenitores neurales del hipocampo; en células somáticas del cerebro, las inserciones en nuevos sitios del genoma conducirían al mosaicismo. Sin embargo, los mecanismos de control de la actividad de dichas secuencias no se conocen completamente. Los objetivos de este trabajo fueron determinar si la actividad de los elementos LINE-1 se ve alterada cuando células madre derivadas de tejido adiposo (hASC) o células de neuroblastomas humano (SH-SY5Y) y murino (N2A) son diferenciadas a células del tipo neural con ácido retinoico (RA), y evaluar la participación de desacetilasas de histonas (HDAC) y metil-transferasas de DNA (DNMT). En primer lugar, encontramos que el contenido relativo de DNA del ORF2 aumenta en células SH-SY5Y y hASC tratadas con RA, sugiriendo que nuevas inserciones de elementos LINE-1 ocurren durante la diferenciación neural. La inhibición de HDAC con tricostatina A (TSA) condujo a niveles aún superiores del

contenido de ORF2 en células SH-SY5Y diferenciadas con RA, mientras que la inhibición de DNMT con 5-azacitidina (5AZA) no tuvo efectos sobre la TSA. Al analizar los niveles de RNA observamos, por un lado, que los LINE-1 se inducen en los tres tipos celulares tratados con RA; por otro, TSA incrementa los niveles de RNA en células SH-SY5Y sometidas o no a RA respecto a los controles sin tratar, mientras que TSA junto a 5AZA lo hacen en hASC y células N2A, diferenciadas con RA o no. Estos resultados sugieren que la retrotransposición de LINE-1 aumenta durante la diferenciación neural, y depende de los niveles globales de acetilación de histonas.

482 (149) CARACTERIZACIÓN DE LOS PATRONES DE EXPRESIÓN Y LOCALIZACIÓN DE LAS ISOFORMAS DE NSL2: POSIBLE MODULACIÓN DIFERENCIAL SOBRE LA ACTIVIDAD DE LA PROTEÍNA MOF

Lucía Canedo¹; Fiorella Belforte¹; Nazarena Ferreyra Solari¹; Ken Kobayashi²; Carolina Perez Castro¹
Instituto de Investigación en Biomedicina de Buenos Aires (IBiBA) - CONICET- Partner Institute of the Max Planck Society, Buenos Aires, Argentina¹ Laboratorio de Agrobiotecnología, Departamento de Fisiología, Biología Molecular y Celular, Instituto de Biodiversidad y Biología Experimental Aplicada (IBBEA-CONICET-UBA)²

El complejo epigenético NSL regula la expresión de genes críticos para el mantenimiento de funciones celulares básicas y el sostenimiento del estado pluripotente. Desregulaciones, tanto en los niveles de expresión como de localización subcelular de sus componentes contribuyen, en teoría, en el desencadenamiento de enfermedades como el cáncer. Anteriormente, reportamos que un componente del complejo, la proteína NSL2, se expresa en células pluripotentes y durante la diferenciación embrionaria. Asimismo, encontramos que NSL2 regula la expresión de genes maestros del desarrollo. Existen dos isoformas murinas de NSL2 (NSL2-corta y NSL2-larga), cuyos cDNAs fueron clonados y expresados en células de mamífero y comprobamos que poseen una localización subnuclear diferencial. Reportamos ahora que la isoforma larga (NSL2-L) es la más abundante en células pluripotentes y que, a diferencia de NSL2-corta (NSL2-C), se localiza en focos subnucleares de diferente morfología y distribución. Mediante ensayos de Inmunofluorescencia y co-transfección con distintos marcadores de estructuras nucleares, encontramos que los focos de NSL2-L localizan mayoritariamente en los nucléolos. Sin embargo, la co-transfección con marcadores de fase S, la proteína Proliferating cell nuclear antigen (PCNA), muestra que NSL2-L se encuentra excluida del nucléolo durante dicha fase, sugiriendo una localización diferencial a lo largo del ciclo. Interesantemente, encontramos que NSL2-L, es capaz de relocalizar a MOF (acetiltransferasa del complejo NSL), de manera específica, hacia estos focos nucleares posiblemente regulando de esta manera su función. Nuestros resultados indicarían que la isoforma NSL2-L es un potencial regulador in vivo de las funciones de MOF. Apoyado por ANPCyT y FOCEM (COF 03/11)

483 (198) EFECTO DE LA ISQUEMIA EN EL AISLAMIENTO DE ISLOTES PANCREÁTICOS PORCINOS Y DE PACIENTES PARCIALMENTE PANCREATECTOMIZADOS

Cecilia A. Rufolo¹; Mariana Barbich¹; Marcelo Ielpi¹; Monica Loresi¹; Martin De Santibaños²; Sung Ho Hyon³; Luis Grosembacher²; Federico Pereyra Bonnet¹
ICBME, Instituto Universitario del Hospital Italiano¹ Servicio de Endocrinología y Medicina Nuclear del Hospital Italiano² Servicio de Cirugía General, Hospital Italiano de Buenos Aires³

El trasplante de islotes pancreáticos es una terapia celular que se utiliza como alternativa en el tratamiento de la diabetes insulino dependiente. El objetivo de este trabajo fue observar el efecto de diferentes tiempos de isquemia pancreática en el aislamiento de islotes a distintas concentraciones y tiempos de digestión enzimática. Para ello, 24 muestras de páncreas porcino (6,24gr+/-0,18) provenientes de un matadero local fueron conser-

vadas en solución de preservación de Wisconsin a 4°C y procesadas en grupos a las 3 (n=12) y 24 hs (n=12) post faena (G3 y G24 respectivamente). Posteriormente, G3 y G24 fueron tratados con distintas concentraciones de enzima de digestión [Colagenasa tipo V; 0 (control), 5 y 50 mg/gr de tejido] y observados bajo lupa a los 5, 10, 15, 20, 25 y 30 min de digestión en baño a 37°C (4 réplicas c/u). Para detectar la eficiencia de la obtención de islotes se consideró como parámetro la aparición de islotes sueltos, con morfología conservada y contenido de insulina evidenciada por tinción con ditizona. En G3, se observaron los primeros islotes sueltos a los 10 min de digestión en el 50% de las muestras y a los 15 min en el 100% de las muestras, independientemente de la concentración de enzima. Asimismo a partir de los 20 min se observó sobre-digestión en las muestras. Por otro lado, en el G24 tanto para 5 y 50 mg enzima/gr tejido, se observaron islotes sueltos a partir de los 5 min en el 100% de las muestras, seguido por la misma dinámica de sobre-digestión. En los controles sin enzima en G3 no se observaron islotes sueltos, mientras que en G24 observamos islotes sueltos desde los 5 min de incubación. Por último, se procesó una muestra de páncreas humano (0,5 gr) con 3 hs de isquemia y se hallaron islotes sueltos desde los 15 min con ambas concentraciones de enzima. Nuestros resultados evidencian que el tiempo de isquemia condiciona la concentración y el tiempo óptimo de digestión enzimática en el aislamiento de islotes pancreáticos.

484 (224) OCT4 MEDIA LA DIFERENCIACIÓN HACIA ADIPOCITOS Y OSTEOCITOS DE CÉLULAS MADRE MESENQUIMALES

Diego Mario Santa Cruz; Natalia Alejandra Pacienza; Gustavo Gabriel Yannarelli
Universidad Favaloro

Las células madre mesenquimales (MSCs) son células multipotentes. Sin embargo, los mecanismos que median dicha multipotencialidad no han sido dilucidados. Más aún, la presencia de variantes inactivas y pseudogenes del factor de pluripotencialidad OCT4 hacen controversial su presencia en MSCs. Por lo tanto, en el presente estudio investigamos la expresión de OCT4 en MSCs y su relación con la multipotencialidad de estas células. Las MSCs se aislaron de médula ósea (BM) de ratones Balb/c. Se silenció (siRNA) el factor OCT4 (siOCT4) y se determinó la eficiencia de diferenciación hacia osteocitos y adipocitos en comparación con células control (siNull). Las BM-MSCs expresaron una variante de OCT4 de localización nuclear y, por lo tanto, activa. El silenciamiento de OCT4 no solo llevo a una reducción significativa de su expresión (67%, p<0,0001) sino que además disminuyó la expresión de otros dos factores de pluripotencialidad, Nanog y SOX2 (85% y 72% respectivamente, p<0,0001). 15 días post-inducción de la diferenciación para adipocitos, se observó una marcada disminución de células con inclusiones lipídicas (Oil Red O positivas) en el grupo siOCT4 vs. siNull. La cuantificación demostró una reducción de la diferenciación de 3,04 veces (p<0,001). La diferenciación hacia osteocitos se evaluó a los 20 días post-inducción mediante tinción de depósitos de Ca en la matriz extracelular. El grupo siOCT4 mostró una menor capacidad de diferenciación respecto del grupo siNull, reflejada por una significativa disminución del contenido de calcio (2,41 veces, p<0,0001) y de la actividad del marcador osteogénico fosfatasa alcalina (0,25 vs. 0,43 nmol.min⁻¹.ug prot⁻¹, p<0,001). En conclusión, nuestros datos inferen que las MSCs expresan una variante activa del factor OCT4 que controlaría la red de factores de pluripotencialidad, mediaría la diferenciación de las MSCs hacia adipocitos y osteocitos y sugerirían un mecanismo de regulación de la multipotencialidad de estas células.

485 (234) EVALUACIÓN DE LA CAPACIDAD PROANGIÓGENICA DE LOS PRODUCTOS IÓNICOS DE DISOLUCIÓN DE UN VIDRIO BIOACTIVO DOPADO CON LITIO

Luis Alberto Haro Durand¹; Gabriela Vargas³; Rosa Vera Mesones³; Alejandra Fanovich⁴; Alberto Baldi²; Alejandro Gorustovich¹
Grupo Interdisciplinario de Materiales-IESIING-UCASAL¹ Laboratorio de Patología y Farmacología Experimental

IBYME² Cátedra de Biología del Desarrollo-Facultad Dde Ciencias Naturales-Unsa³ División Cerámicos-Intema⁴

Una de las principales limitaciones en medicina regenerativa de tejidos vascularizados es la dificultad de lograr una rápida neo-vascularización necesaria para el intercambio de oxígeno, nutrientes, factores de crecimiento y células que participan en el proceso de regeneración y/o reparación tisular. Considerando que el litio (Li) estimula la angiogénesis, tanto *in vitro* como *in vivo*, es de esperar que la liberación controlada y localizada de iones Li a partir de un vidrio bioactivo constituya una alternativa terapéutica promisoría para reparar y/o regenerar tejidos vascularizados, como por ejemplo el tejido óseo. El objetivo de este trabajo fue evaluar la capacidad proangiogénica *in vivo* de los productos iónicos de disolución liberados a partir de un vidrio bioactivo del sistema SiO₂-CaO-Na₂O-P₂O₅ (45S5) dopado con 5% de Li₂O (45S5.5Li). Los productos de disolución fueron obtenidos por incubación de 1% de partículas de vidrio bioactivo 45S5 y 45S5.5Li (<5 µM) en medio embrionario a 37°C durante 72 h en un agitador orbital. La concentración de iones liberados (Li, Si, P, Ca y Na) fue determinada mediante ICP-MS. La respuesta angiogénica fue evaluada usando la membrana corioalantoidea (CAM) del embrión de codorniz (*Coturnix coturnix japonica*). Los resultados evidenciaron una mayor densidad vascular ($p < 0.05$) de la CAM a los 5 días post-estimulación con los productos iónicos de disolución del vidrio bioactivo 45S5.5Li. Además, a las 48h post-estimulación, se observó un incremento ($p < 0.05$) en los niveles de expresión de la subunidad β₃ del marcador angiogénico integrina α_vβ₃ y de β-catenina analizados mediante ensayo de ELISA y western blot respectivamente. Estos resultados se atribuyen a la presencia de 0.20 mM de Li en los productos iónicos de disolución liberados a partir del vidrio 45S5.5Li. En tal sentido, los mismos podrían actuar como un agente angiogénico inorgánico alternativo a los factores de crecimiento costosos y potencialmente riesgosos.

486 (273) CARACTERIZACIÓN DE LA RESPUESTA CELULAR FRENTE AL DAÑO DOBLE CADENA EN EL ADN EN CÉLULAS PLURIPOTENTES HUMANAS Y PROGENITORES NEURALES DERIVADOS DE CÉLULAS MADRE EMBRIONARIAS HUMANAS.

Nicolás Alexis Dimopoulos; Carolina García; Guillermo Videla Richardson; Darío Fernández Espinosa; Leonardo Romorini; Santiago Miriuka; Gustavo Sevlever; María Elida Scassa
Laboratorio de investigaciones aplicadas en neurociencias FLENI

Las células madre embrionarias (CME) deben mantener la integridad de su genoma en respuesta al daño al ADN para proteger así la vida del organismo en desarrollo. Los daños de doble cadena en el ADN (DSBs) constituyen una de las formas más deletéreas de daño celular. Fallas en la reparación de los mismos pueden conducir a inestabilidad genómica, muerte celular o cáncer. Al presente, los mecanismos involucrados en la reparación de los DSBs en CME humanas (CMEh) no se hallan del todo esclarecidos. En este trabajo caracterizamos la respuesta de CMEh, células madre pluripotentes inducidas (iPSC) y progenitores neurales (PN) derivados de CMEh a los DSBs generados por el inhibidor de la topoisomerasa I, camptotecina (CPT). Inicialmente, observamos que las CMEh y las iPSCs son hipersensibles a este genotóxico. Mediante ensayos de inmunofluorescencia y Western blot determinamos que la presencia de CPT conlleva activación de ATM (Ataxia telangiectasia mutada), fosforilación de la histona H2AX en la serina 139 y de la proteína p53 en las serinas 15 y 46. Asimismo, observamos que la hipersensibilidad al CPT se reduce notablemente al bloquear farmacológicamente la translocación de p53 a la mitocondria. Además, evaluamos el efecto de la CPT en células con mayor grado de diferenciación (PN). Estos precursores fueron derivados a partir de CMEh expuestas a un protocolo específico de diferenciación neuronal. En este caso, observamos que los PN son menos sensibles a la CPT. Esta disminución en la sensibilidad podría deberse, al menos en parte, a los cambios en la estructura del ciclo celular,

a la inducción del inhibidor de quinasas dependientes de ciclinas, p21^{Waf1} y a la mayor expresión del factor anti-apoptótico Bcl-2 que éstos exhiben. En los 3 tipos celulares estudiados la CPT activó mecanismos apoptóticos que fueron evidenciados por pérdida de adhesión, encogimiento celular, activación de las caspasas-9 y 3, clivaje de PARP y aparición de oligonucleosomas en el citoplasma.

487 (282) EXPRESIÓN DIFERENCIAL DE CICLINAS EN CÉLULAS PLURIPOTENTES HUMANAS Y EN SU PROGENIE DIFERENCIADA A LINAJE NEURAL

María Soledad Rodríguez Varela; Verónica Alejandra Furmento; Guillermo Videla Richardson; Nicolás Alexis Dimopoulos; Santiago Gabriel Miriuka; Gustavo Emilio Sevlever; María Elida Scassa; Leonardo Romorini
FLENI- Laboratorio de Biología del Desarrollo Celular

Las células madre pluripotentes humanas (CMP), embrionarias o inducidas, presentan un ciclo celular atípico donde la fase G1 se encuentra abreviada y los puntos de control ausentes. La progresión del ciclo celular de una fase a la otra está regulada por las actividades de los complejos quinasas dependientes de ciclinas (CDK/ciclinas). En células somáticas, las ciclinas exhiben una expresión periódica y altamente regulada a través del ciclo celular. Existen controversias acerca de la expresión periódica de estas proteínas en células pluripotentes. Se ha propuesto que la expresión constitutiva de ciertas ciclinas podría ser la responsable de la estructura atípica del ciclo celular que éstas exhiben. En este trabajo determinamos por citometría de flujo que las CMP presentan una población celular de fase S de 43,5±12%, mientras que su progenie diferenciada a linaje neural (Nestina+, Neurofilamento liviano+, Doblecortina+) una de 9,2±0,7% similar a la presente en fibroblastos (10%). A su vez, estudiamos los niveles de expresión de ciertas ciclinas a lo largo del ciclo en CMP y en neuroprogenitores (NP). Mediante RT-qPCR determinamos que a diferencia de células somáticas (fibroblastos) las CMP expresan altos niveles del ARNm de ciclina D2 y bajos de ciclina D1 y D3. Además, observamos que éstas exhiben altos niveles de los transcritos de las ciclinas E1, A2 y B1. Los NP presentan un perfil de expresión similar al de las CMP de las que derivan, con excepción de los ARNm de ciclina D2 y E1 los que se encuentran significativamente reducidos. Para determinar si las ciclinas analizadas se expresan de forma periódica sincronizamos a las células en G1/S con PD0332991, inhibidor específico de CDK4/6 (30h 5µM para CMP y 24h 1µM para NP) y en G2/M con nocodazol (24h 100ng/ml para CMP y 54h 200ng/ml para NP). Análisis de RT-qPCR revelaron diferencias significativas en los niveles de expresión de los transcritos de ciclinas sugiriendo un perfil de expresión periódico.

488 (298) GENERACIÓN Y DIFERENCIACIÓN CARDÍACA DE CÉLULAS PLURIPOTENTES INDUCIDAS DE PACIENTES CON SÍNDROME DE QT-LARGO 2

Fernanda Cristina Paccola Mesquita^{1,2,3}; Tais Hanae Kasai Brunswick²; Dayana Da Silva Araújo²; Gabriel Neiman¹; Gustavo Monnerat Cahli²; Fernando E.S. Cruz³; Santiago Miriuka¹; Antonio Carlos Campos De Carvalho^{2,3}; Adriana Bastos Carvalho²
Fundación para la Lucha contra las enfermedades Neurológicas de la Infancia¹ Instituto de Biofísica Carlos Chagas Filho, Universidade Federal do Rio de Janeiro – RJ – Brazil² Instituto Nacional de Cardiologia – Rio de Janeiro – Brazil³

La derivación de células pluripotentes inducidas (iPSC) abre nuevas perspectivas para el Síndrome de QT-Largo (SQTL), lo que permite el estudio de la patología de la enfermedad y su respuesta específica a drogas. El objetivo de este trabajo fue generar iPSC paciente-específicos a partir de sangre periférica (SP) utilizando vectores virales y diferenciarlas a cardiomiocitos. Se aislaron células mononucleares de SP de pacientes con SQTL2 y 2x10⁶ fueron cultivadas para el enriquecimiento de eritroblastos. La coexpresión de CD36 y CD71 fue evaluada por citometría

de flujo y se realizó la transducción con virus Sendai. Colonias de iPSC fueron seleccionadas, expandidas y genotipificadas. El perfil pluripotente se evaluó mediante RT-PCR y citometría de flujo. La diferenciación cardiaca se realizó con un protocolo de inducción de 15 días. Como resultado se observó la presencia de eritroblastos con coexpresión de CD36 y CD71 ($90,28 \pm 3,81\%$; $n = 6$) después de 12 días de cultivo. Dos muestras fueron reprogramadas, obteniendo líneas de pacientes con SQT2. Las colonias tenían una morfología *iPS-like* (bordes bien definidos y células redondeadas con alta relación núcleo/citoplasma) y cariotipo normal. Las iPSC expresan mRNA (OCT4, NANOG, SOX2, KLF4, DNMT3B, REX1, GDF3, TERT, Lin28 y NODAL) y proteínas relacionadas con el perfil pluripotente (OCT4, SOX2, NANOG, TRA1-60 y TRA1-81) y fueron capaces de diferenciarse a cardiomiocitos, con 72,7% de CD56 en el día 4, zonas contráctiles a partir del día 10 y con una expresión de cardio troponina T (>30%) después de 15 días de diferenciación. Actualmente nos encontramos caracterizando electrofisiológicamente el fenotipo eléctrico de los cardiomiocitos mutados, y comenzamos a realizar ensayos con tecnología CRISPR/Cas9 para corregir la mutación genética. Concluimos que una pequeña muestra de SP es suficiente para generar iPSC de pacientes con SQT2 y diferenciarlas a cardiomiocitos.

- 489 (312) MODULACIÓN EJERCIDA POR HORMONAS TIROIDEAS EN UN XENOMODELO DE OSTEOSARCOMA METASTÁTICO CON COMPONENTE ESTROMAL DERIVADO DE CÉLULAS ESTROMALES MESENQUIMALES**
 Luciana M. Gutierrez¹; María Florencia Cayrol²; Mariana Amorós¹; Santiago Miriuka²; Gustavo Sevlever⁴; Mariana García⁵; Guillermo Mazzolini⁶; Eugenie S. Kleinerman³; Graciela A. Cremaschi⁵; Marcela F. Bolontrade¹
 Laboratorio de Células Madre, IBYME - CONICET¹ Laboratorio de Biología del Desarrollo Celular - LIAN-CONICET - Fundación FLEN² M.D. Anderson Cancer Center, Division of Pediatric and Department of Cancer Biology, Houston, TX³ FLEN⁴ BIOMED-CONICET-UCA. Lab de Neuroinmunología y Oncología Molecular⁵ Lab de Terapia Génica, Universidad Austral, Pilar.⁶

El osteosarcoma (OS), tumor óseo que afecta principalmente adolescentes, permanece con un 60-70% de tasa de supervivencia de 5 años a pesar de las diversas combinaciones terapéuticas. La metástasis pulmonar es uno de los mayores determinantes de mortalidad asociada a OS. Las Células Madre Mesenquimales (MSC) componen una población heterogénea con habilidad para migrar y alojarse en tejidos en remodelación y tumores. Utilizando un xenomodelo de OS con metástasis pulmonar establecimos que MSC administradas de modo i.v. se alojan en pulmones con micrometástasis derivadas de LM7, con capacidad de incorporación hasta 20,000 veces mayor ($1.15 \times 10^5 \pm 0.07$ p2/sec/cm2/sr) que la observada en ratones control, sugiriendo gran capacidad de arribo al microambiente pulmonar neoplásico metastático. El establecimiento de un tumor es un proceso complejo que involucra la interacción entre señales producidas por células tumorales y su microambiente. Esta interacción puede favorecer el crecimiento tumoral primario y la diseminación metastásica. Dentro de la compleja interacción que puede favorecer la progresión tumoral existen factores químicos definidos que modularían la progresión tumoral. Existen evidencias que sugieren efectos de las hormonas tiroideas (HTs) sobre el crecimiento tumoral y alteraciones del eje tiroideo durante el curso de enfermedades neoplásicas. En este sentido evaluamos la modulación ejercida por HTs sobre la capacidad proliferativa de células de OS. Observamos un incremento de PCNA de 8,7 veces y de Ki67 de 14,7 veces 15 hs post-estimulación con HTs (FACS). Demostramos que tanto el componente celular tumoral y el estromal en nuestro modelo expresa receptores para HTs (THRa y b). La modulación ejercida por HTs podría afectar parámetros funcionales que modulen la progresión afectando al componente estromal tumoral. Entender la progresión del OS y los mecanismos asociados a diseminación metastásica a pulmón contribuirían a la identificación de nuevos enfoques terapéuticos.

- 490 (461) REGULACIÓN TRANSCRIPCIONAL DE LA ACETILTRANSFERASA DE HISTONAS MYST4 POR LOS FACTORES DE TRANSCRIPCIÓN ESENCIALES EN CÉLULAS MADRE PLURIPOTENTES**
 María Soledad Cosentino; Claudia Solari; Ariel Waisman; Camila Vazquez Echegaray; Mara Victoria Petrone; Marcos Francia; Lino Barañao; Alejandra Guberman
 IQUIBICEN

La pluripotencia y autorrenovación, propiedades fundamentales de las células madre (CM) embrionarias (CME), son mantenidas por factores de transcripción (FT) específicos, siendo los más importantes Oct4, Sox2 y Nanog. Con el objetivo de estudiar remodeladores de la cromatina relevantes en CME, analizamos estudios de ChIP a gran escala, seleccionando genes que poseen sitios de unión para dichos FT, y que por lo tanto su expresión podría estar regulada por éstos. En este trabajo estudiamos a Myst4, una acetiltransferasa de histonas que posee un elemento regulatorio altamente ocupado por los mismos. Analizamos la expresión de Myst4 por RT-qPCR, en CME murinas indiferenciadas y en distintos estadios de diferenciación. Encontramos que en los tres protocolos de diferenciación utilizados, Myst4 se reprimió notoriamente. A continuación, para estudiar la regulación en un sistema más definido, disminuimos la expresión de Oct4 y Nanog en CME mediante transfección con shRNAs específicos. La expresión de Myst4 se redujo en las condiciones en que cualquiera de los dos FT fue silenciado parcialmente. Estos resultados indican que Oct4 y/o Nanog podrían estar involucrados en la regulación transcripcional de este gen. Dado que planeamos investigar la participación de Myst4 en procesos que deben ser analizados a largo plazo, utilizamos una estrategia de shRNA inducible mediada por el vector Tet-pLKO. Obtuvimos 4 construcciones con distintas secuencias de shRNA, y sólo una de ellas produjo una alta disminución en el ARNm de Myst4 con respecto al control. Actualmente estamos generando líneas estables de CME con esta construcción y una línea control con el vector vacío. Estudiaremos el efecto del silenciamiento de Myst4 sobre el mantenimiento del estado indiferenciado y sobre la diferenciación. Consideramos que la comprensión de los mecanismos involucrados en la regulación de la estructura de la cromatina en CM pluripotentes es fundamental para su futura aplicación.

- 491 (475) EVALUACIÓN DEL ROL DE LA INTEGRINA ALFA 5 (α5) DURANTE LA REPROGRAMACIÓN**
 Gabriel Neiman¹; Fernanda Mesquita²; Ximena Garate¹; Lucia Moro¹; Carlos Luzzani¹; Leonardo Romorini¹; Gustavo Sevlever¹; Alejandra Guberman²; Santiago Miriuka¹
 FLEN¹ Instituto de Biofísica Carlos Chagas Filho, Universidade Federal do Rio de Janeiro - RJ - Brazil² Laboratorio de Regulación Genica de Células Madre, IQUIBICEN, FCEN, UBA³

Las células madre pluripotentes inducidas (CMPI) se obtienen a través de la generación de células madre a partir de células somáticas adultas. Existen cuatro factores que producen células con morfología y funcionalidad similares a células madre embrionarias a partir de la activación de genes asociados a pluripotencia y a la represión de genes de la diferenciación. Existe interés creciente en estudiar el rol de la matrix extracelular (MEX) tanto en las CMPI como en su reprogramación. La MEX es una compleja red que no solo funciona como sostén de las células, sino que presenta funciones de señalización a través de receptores de membrana llamados integrinas que interaccionan principalmente con proteínas estructurales de MEX como Fibronectina (FN). Nuestro objetivo consiste en averiguar el rol de la integrina α5 en la reprogramación de fibroblastos humanos (HFF FM) y cuya interacción se da con FN. Desarrollamos una línea celular estable inducible de fibroblastos humanos HFF FM que al tratarla con doxyciclina, disminuye la expresión de α5. Por qRT-PCR, observamos una disminución de la expresión de ésta integrina en un 75%, lo que también fue verificado por citometría. Al evaluar la proliferación de los HFF FM α5, obtuvimos una disminución de ésta en un 40%. Resultados preliminares del silenciamiento de α5

mediante edición génica a través del sistema CrispR-Cas9 muestra también una disminución de la proliferación. Por citometría evaluamos la eficiencia de reprogramación en fibroblastos humanos wt y $\alpha 5$ a partir de la infección viral con el plásmido STEMCCA. Mantuvimos a lo largo de tres semanas la integrina $\alpha 5$ silenciada y evaluamos el grado de reprogramación mediante la medición de dos marcadores de pluripotencia, SSEA-4 y TRA 1-60. Obtuvimos una caída significativa en la expresión de estos marcadores. Concluimos que silenciando la integrina $\alpha 5$, se afecta la proliferación de los fibroblastos y por consiguiente la potencialidad de fibroblastos para ser reprogramados.

492 (550) LOS FACTORES DE TRANSCRIPCIÓN FUNDAMENTALES EN CÉLULAS MADRE PLURIPOTENTES MODULAN LA ACTIVIDAD DEL PROMOTOR DEL GEN DE LA METIL-TRANSFERASA DE ARGININAS PRMT8

Camila Vázquez Echegaray¹²; Claudia Solari¹²; Soledad Cosentino¹²; María Victoria Petrone¹²; Marcos Francia¹²; Ariel Waisman¹²; Jesica Canizo¹²; Emilly Villodre³; Guido Lenz³; Santiago Miriuka⁴; Lino Barañao¹²; Alejandra Guberman¹²
IQUIBICEN¹ Dep. de Química Biológica, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires² Laboratório de Sinalização Celular, Dep. de Biofísica, UFRGS, Porto Alegre, Brasil³ Laboratorio de Biología del Desarrollo Celular, FLENI⁴

Las modificaciones post-traduccionales de los residuos de histonas llevadas a cabo por remodeladores de la cromatina son parte fundamental de la regulación epigenética celular. Un tipo de modificación es la adición de grupos metilo a los residuos arginina, mediada por la familia de enzimas metiltransferasas de argininas (PRMT), cuyo principal miembro es PRMT1, fundamental en el desarrollo. Su parólogo PRMT8 se encuentra poco estudiado y se ha reportado su expresión únicamente en neuronas adultas y neurogénesis. Sin embargo, previamente encontramos que este gen se expresa en células madre pluripotentes (CMP) y que se reprime durante la diferenciación. Bajo la hipótesis que este gen podría ser regulado por los factores de transcripción (FT) fundamentales en CMP, Oct4, Sox2 y Nanog, nos propusimos estudiar su regulación. Para ello construimos un vector reportero mediante el clonado de una región del promotor de Prmt8, abarcando un sitio putativo de unión para Nanog y uno de complejos formados por FT presentes en CMP, río arriba de la secuencia codificante para la proteína luciferasa. Utilizamos el plásmido obtenido, pPrmt8-Luc, en ensayos de trans-activación en la línea celular NIH 3T3, en la cual no detectamos expresión de los factores Oct4, Sox2 y Nanog. Mediante co-transfección con distintas cantidades de vectores de expresión para dichos FT, encontramos que la actividad luciferasa fue inducida fuertemente de manera dosis-dependiente por Nanog, y en menor medida por Oct4 y Sox2. Esto indica que estos FT modulan positivamente dicha región promotora. Para profundizar este análisis estamos estudiando la regulación de este gen en su contexto endógeno, mediante RT-qPCR, tanto silenciando los mencionados FT mediante la estrategia de *short hairpin* ARN en CMP, como sobreexpresando los mismos en NIH 3T3. Esperamos que estos resultados contribuyan a la comprensión de los mecanismos moleculares relevantes para el mantenimiento de las propiedades fundamentales de CMP.

TOXICOLOGÍA 3

493 (29) ALTERACIONES REPRODUCTIVAS CAUSADAS POR EXPOSICIÓN DIARIA AL 3-METILCOLANTRENO EN LA RATA MACHO

Eric Alejandro Rhon Calderón¹; Rocio Alejandra Galarza¹²; Alicia Graciela Faletti¹²
Centro de Estudios Farmacológicos y Botánicos-CONICET¹ Facultad de Medicina-Universidad de Buenos Aires²

El 3-metilcolantreno (3MC), contaminante ambiental, es un hidrocarburo poliaromático capaz de producir respuestas tóxicas locales y sistémicas en distintos organismos. Estudios previos

demonstraron que el 3MC altera la función ovárica por destruir la reserva y el desarrollo folicular en roedores. El objetivo de este trabajo fue comenzar a estudiar si una exposición diaria al 3MC afecta la capacidad reproductiva en ratas machos. Para ello utilizamos ratas inmaduras expuestas diariamente a 1 mg / kg de 3MC durante 20 días. Comparado con los controles (C), la exposición al 3MC disminuyó el recuento espermático, expresado en 1×10^6 células/ml (3MC: 80 ± 26 ; C: 185 ± 16 $p < 0.05$), aumentó el número de espermatozoides con anomalías morfológicas, expresado en porcentaje respecto al número total de espermatozoides (3MC: $9\% \pm 1$, C: $1.6\% \pm 0.4$ $p < 0.01$). Sin embargo, no se observaron modificaciones en el peso corporal, peso testicular o del epidídimo. Para estudiar daño genético en estos animales utilizamos dos metodologías, ensayo cometa en sangre periférica (SP), médula ósea (MO) y espermatozoides, expresado como porcentaje de ADN presente en la cola del cometa, y presencia de micronúcleos (MN) cada 1000 eritrocitos policromáticos en MO. Los animales expuestos al 3MC presentaban mayor daño al ADN en MO (6.87 ± 0.06), SP (4.16 ± 0.08) y en espermatozoides (16 ± 2) respecto a los C (0.97 ± 0.14 ; 0.86 ± 0.07 ; 6.3 ± 0.4 ; respectivamente, $p < 0.01$). Respecto a los MN observamos una mayor frecuencia de los mismos en los animales expuestos al 3MC (27 ± 7) respecto a los C (2.5 ± 1.4 , $p < 0.01$). Estos resultados nos indican que una exposición diaria al 3MC, en bajas dosis, son capaces de i) alterar la capacidad reproductiva por aumentar las anomalías morfológicas y disminuir el número de los espermatozoides totales, y de ii) aumentar el riesgo de generar procesos carcinogénicos por alterar el ADN.

494 (41) EL INSECTICIDA NEONICOTINOIDE ACETAMIPRID Y SU FORMULADO COMERCIAL ASSAIL® DIFIEREN EN SU CITOTOXICIDAD EN TROFOBLASTOS JEG-3

Diego Sebastian Gómez; Natalia Guiñazú
Facultad de Ciencias del Ambiente y la Salud - Universidad Nacional del Comahue

Los neonicotinoides (NN), son plaguicidas ampliamente utilizados a nivel regional y mundial. Los NN actúan como agonistas de los receptores nicotínicos de acetilcolina, siendo selectivos para insectos. Los efectos tóxicos sobre especies no blanco, como el hombre, se encuentran poco estudiados y no se dispone de estudios sobre mecanismos de toxicidad en el trofoblasto. El objetivo del presente trabajo fue indagar la toxicidad de NN sobre trofoblastos JEG-3, haciendo hincapié en los efectos citotóxicos y la inducción de estrés oxidativo. La línea celular JEG-3 fue expuesta a distintas concentraciones (0,1 - 100 μ M) del NN acetamiprid, como principio activo (ACP) de 99,9% de pureza y en su formulación comercial Assail®, durante 1 y 24 h. Se evaluó muerte celular (vía mitocondrial) por los ensayos colorimétrico con MTT y fluorescente con rezasurina. La producción de especies reactivas de oxígeno (ROS) se evaluó mediante el ensayo colorimétrico de oxidación de NBT. La exposición a ACP induce pérdida de viabilidad a concentraciones de 1, 10 y 100 μ M, a 1 h ($p < 0,05$) y 24 h ($p < 0,01$) de exposición. Mientras que Assail® disminuyó la viabilidad a todas las concentraciones ensayadas en forma dosis dependiente a 1 h ($p < 0,05$) y 24 h ($p < 0,05$) de exposición. Se observaron diferencias entre los resultados obtenidos por los métodos de MTT y rezasurina. Se determinó que ACP no induce la producción de ROS en este modelo. Sin embargo Assail® aumentó la producción de ROS a todas las concentraciones ensayadas a 1 y 24 h de exposición ($P < 0,05$). Estos hallazgos indicarían que la formulación comercial Assail® presenta mayor efecto citotóxico sobre el trofoblasto que el principio activo puro, ensayado a las mismas concentraciones. El estrés oxidativo sería uno de los mecanismos involucrados en el efecto citotóxico resultante de la exposición a Assail® en células trofoblasticas. Asimismo, indicarían la necesidad de incluir estudios de toxicidad con los formulados en los ensayos regulatorios.

495 (94) EFECTOS DE LA EXPOSICIÓN POSTNATAL TEMPORANA A UN HERBICIDA EN BASE A GLIFOSATO SOBRE EL DESARROLLO DE LA GLÁNDULA MAMARIA DE RATAS MACHO POSTPUBERALES

Melisa B. Delconte; Ayeln L. Gómez; Gabriela A. Altamirano; Enrique H. Luque; Mónica Muñoz-De-Toro; Laura Kass *Instituto de Salud y Ambiente del Litoral*

La exposición a glifosato durante períodos críticos del desarrollo induce efectos adversos en el sistema reproductor de ratas machos, sugiriendo su acción como perturbador endocrino (PE). Además, la glándula mamaria (GM) de ratas machos es sensible a la acción del PE, Bisfenol-A. El objetivo de este estudio es evaluar si la exposición postnatal temprana a un herbicida en base a glifosato (HBG), modifica el desarrollo mamario postpuberal. Cada 48hs, desde el día postnatal 1 (DPN1) hasta el DPN7, ratas macho de la cepa Wistar recibieron inyecciones subcutáneas de solución fisiológica (control) o una formulación comercial de 2 mg/kg/día de HBG. En DPN60, obtuvimos GMs que procesamos como *whole-mounts* (WMs) o hasta su inclusión en parafina. Evaluamos área total, crecimiento longitudinal, número de estructuras terminales y densidad mamaria. Por inmunohistoquímica, se cuantificó el índice de proliferación celular y la expresión de los receptores de estrógeno alfa (RE), progesterona (RP) y andrógenos (RA). En las WMs de animales expuestos a HBG se observó un mayor crecimiento longitudinal, un aumento en el área total y en el número de estructuras terminales que se acompañó de una menor densidad mamaria ($p < 0.05$). En los cortes histológicos, se observó una disminución en el desarrollo de las estructuras lóbulo-alveolares, características de las GMs de machos en esta edad. Sin embargo, no hubo diferencias en el índice de proliferación celular. Con respecto a la expresión de los receptores de hormonas esteroideas, los animales expuestos a HBG expresaron un porcentaje mayor de células positivas para RE con respecto a los controles (19.6 ± 7.4 vs 7.5 ± 1.0 ; $p < 0.05$, respectivamente), no habiendo diferencias en la expresión de RA ($> 70\%$) y siendo RP negativo para ambos grupos. En conclusión la exposición postnatal temprana a HBG modifica el desarrollo mamario y la expresión del RE en ratas macho postpuberales.

496 (187) CADMIO ALTERA EL METABOLISMO LIPÍDICO EN PULMÓN: EFECTO DE DISTINTAS FUENTES PROTEICAS
Gabriel G. Boldrini; Silvina Monica Alvarez; Glenda Daniela Martin Molinero; María Gabriela Plateo Pignatari; Nidia Noemi Gómez; María Sofia Gimenez
IMIBIO-SL

Cadmio (Cd) es un metal tóxico y un importante contaminante ambiental. Se estudiaron sus efectos en el metabolismo lipídico bajo diferentes dietas. Para ello, 4 lotes de ratas Wistar, hembras fueron utilizados: 2 lotes recibieron caseína (Cas) y 2 lotes, soja (So) como fuente proteica. Dentro de cada grupo, 1 lote recibió agua potable (control-Co) y el otro, 15 ppm de Cd en el agua de bebida durante 60 días. Se determinaron los niveles de lipoperoxidación en homogenato de pulmón mediante la técnica de TBARS. Se extrajeron los lípidos del tejido y se determinó colesterol total (CoT), triglicéridos (TG) y fosfolípidos (FL). Se aisló ARN total con Trizol y se obtuvo el ADNc. Las enzimas del metabolismo lipídico, Acetil-CoA Carboxilasa (ACC), Ácido Graso Sintetasa (AGS), Diacilglicerol O-AcilTransferasa 2 (DGAT-2), Citidilil Transferasa (CT), HidroxiMetilGlutaril CoA Reductasa (HMGCoAR) y el factor regulatorio SREBP-2 fueron determinados por PCR, usando s28 como control. TBARS mostró un aumento en el grupo So-Cd ($p < 0, 01$). Los FL aumentaron ($p < 0,002$) en Cas-Cd, mientras que los TG y el CoT no evidenciaron variaciones en ningún grupo. La expresión de ACC no mostró diferencias entre los diferentes grupos, mientras que AGS disminuyó con la dieta de soja respecto a la de caseína ($p < 0,05$); por otro lado DGAT-2 evidenció una disminución ($p < 0,01$) de su expresión en los grupos alimentados con soja respecto a los de caseína y, además, un aumento significativo ($p < 0,001$) en Cas-Cd respecto a su control. Los niveles de HMGCoAR disminuyeron significativamente ($p < 0,05$) en So-Cd respecto a Cas-Cd y SREBP-2 disminuyó con la dieta de soja, tanto en el control ($p < 0,05$) como en el grupo con Cd ($p < 0,01$). CT mostró una tendencia al aumento en los grupos intoxicados con Cd, siendo sólo significativa ($p < 0,05$) en el grupo So-Cd. Esto demuestra que Cd afecta el perfil lipídico en pulmón

y la expresión de las enzimas relacionadas, siendo dicho efecto modulado por la dieta.

497 (325) CAMBIOS EN LOS MARCADORES DE ESTRÉS OXIDATIVO EN CÉLULAS DE LA CONJUNTIVA HUMANA EXPUESTAS A PARTÍCULAS DIESEL (DEP)

Natasha Janezic¹; Romina M Lasagni Vitar¹; Julia Tau²; Claudia G Reides¹; Alejandro Berra²; Sandra M Ferreira¹; Susana F Llesuy¹
Cátedra de Química General e Inorgánica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA¹ Laboratorio de Investigaciones Oculares, Facultad de Medicina, UBA²

La polución ambiental es uno de los problemas que afecta a los habitantes de grandes centros urbanos; una de las estructuras anatómicas vulnerable a dichos efectos son los ojos. El objetivo de este trabajo fue evaluar los cambios en los marcadores de estrés oxidativo en células de la conjuntiva humana expuestas a partículas diesel (DEP) en una concentración de 100 µg/mL. Para ello se determinaron los siguientes parámetros: especies activas del nitrógeno (EAN); actividad de superóxido dismutasa (SOD), especies activas del oxígeno (EAO) y peroxidación lipídica, a 1, 3 y 24 horas luego de la incubación con DEP. Las células expuestas a 100 µg/mL mostraron un aumento significativo de las EAN a partir de la hora, manteniéndose a las 3 y 24 horas (500% $p < 0,001$, 457% $p < 0,001$ y 514% $p < 0,001$, respectivamente) comparado a los valores controles. Se observó un incremento significativo en la actividad de SOD (42% $p < 0,05$, 74% $p < 0,05$ y 110% $p < 0,001$, respectivamente). Además, se observó un aumento significativo de EAO a la hora (91%, $p < 0,01$), que luego disminuyó a las 3 y 24 horas, pero que continuó elevado con respecto al control (46%, $p < 0,01$ y 45%, $p < 0,01$, respectivamente). En la peroxidación lipídica se observó un incremento a la hora con respecto al control (79% $p < 0,001$), que recupera los valores control a las 3 horas. A partir de estos resultados se sugiere que en las células de conjuntiva humana existe un aumento temprano en la producción de especies activas del oxígeno y del nitrógeno y en la peroxidación lipídica como consecuencia de la exposición a DEP. Por otro lado, se observa un incremento simultáneo de la actividad de SOD, indicando que hay una respuesta adaptativa temprana por parte de la célula para contrarrestar el aumento del entorno oxidativo. Estos hallazgos indicarían que el estrés oxidativo podría ser uno de los posibles mecanismos tempranos de daño de las células de la conjuntiva humana cuando son expuestas a las partículas diesel.

498 (473) OPTIMIZACIÓN DE UN MÉTODO ANALÍTICO POR HPLC PARA LA CUANTIFICACIÓN DE GLIFOSATO Y AMPA EN AGUAS DE CONSUMO HUMANO

Juan M. Oстера; Julián G Bonetto; Valentina Olmos; Edda Villaamil Lepori
Fac. de Farmacia y Bioquímica

El glifosato (GLI) es un herbicida no selectivo utilizado para eliminar malezas en cultivos transgénicos. La biodegradación del GLI ocurre principalmente por microorganismos, siendo el ácido aminometilfosfónico (AMPA) uno de los productos de degradación. Se ha detectado la presencia del GLI y AMPA en cuerpos de agua cercanos a zonas de cultivo intensivo de transgénicos, y en fuentes de agua potable siendo esta situación relevante para las poblaciones humanas. El objetivo del trabajo fue optimizar un método por HPLC con detección fluorométrica, para cuantificar GLI y AMPA en agua. Se usaron aguas enriquecidas con GLI y AMPA en concentraciones entre 0,5 y 10 µg/L. Las determinaciones se hicieron por cuadruplicado. Para mejorar la detección de GLI y AMPA se realizó derivatización precolumna con 9-fluorenilmetil cloroformato (FMOC). Se ajustaron la concentración de FMOC, el tiempo y la temperatura de derivatización, que finalmente se establecieron en: FMOC 230 mg/L en acetonitrilo (ACN), durante 3 horas a temperatura ambiente. La derivatización se finalizó con el agregado de ácido fosfórico 2% v/v, y el exceso de derivatizante se extrajo con acetato de etilo. Se utilizó un UPLC Acquity (Waters) provisto de una bomba binaria, un inyector automático y

un detector FLR. La columna usada fue una Acquity UPLC BEH SHIELD RP18 (1,7 μ m) 2,1 x 50 mm. La fase móvil utilizada fue buffer KH_2PO_4 0,5 M pH 5,5: ACN (76:24) con gradiente de flujo. El volumen de inyección fue de 10 μ L y la detección fue con $\lambda_{\text{ex}}=315$ nm y $\lambda_{\text{em}}=365$ nm. En estas condiciones el tiempo de retención de GLI fue de 1,33 min y el de AMPA fue de 3,86 min. Los límites de detección y cuantificación fueron de 0,2 μ g/L y 0,5 μ g/L para GLI y de 1,1 μ g/L y 2,2 μ g/L para AMPA, respectivamente. Se comprobó la linealidad hasta 10 μ g/L (Ro= 0,9989, P<0,0001). El método, así optimizado, resultó adecuado para el monitoreo de la presencia de GLI en recursos hídricos. Estudio financiado con fondos del proyecto PID 0032/2011.

499 (486) PLAGUICIDAS ORGANOFOSFORADOS MODULAN LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES MUSCARÍNICOS EN LA PLACENTA Y EN EL TROFOBlastO

María Sol Colobig¹; Berta Emma Vera²; Natalia Guíñazú¹
Facultad de Ciencias de Salud y Ambiente, Universidad Nacional del Comahue¹ Facultad de Ciencias Médicas. Universidad Nacional del Comahue²

Se conoce que la placenta humana contiene todos componentes del sistema colinérgico, incluidos los receptores muscarínicos (mAChR) M1, M2, M3, M4. Considerando que mujeres embarazadas residentes rurales del Alto Valle se encuentran expuestas ambientalmente a plaguicidas organofosforados (OP) y que en modelos murinos se demostró alteraciones en esos receptores debido a OP, se analizó la expresión de mAChR en placentas de mujeres expuestas y en un modelo de exposición *in vitro* de trofoblastos JEG-3.

Estudio poblacional: Se estudiaron 8 placentas sin historia de exposición a OP (control), y 28 placentas de residentes rurales, colectadas en período de aplicación (PP) (n=13), y en período de receso (PR) (n=15). **Estudios *in vitro*:** Se cultivaron trofoblastos JEG-3 en presencia de los OP: clorpirifos (CP) y metilazinfos (MA), utilizando diferentes concentraciones (entre 0,01-100 μ M), por un tiempo de 4 y 8 hs. Las células control fueron tratadas con DMSO. Mediante RT-PCR se estudió la expresión del transcrito para M1, M2, M3 y M4 y del control interno ciclofilina.

No se observaron cambios en la expresión de M1, M2 y M3 en el estudio poblacional entre los grupos estudiados. El receptor M4 se encontró expresado en muestras rurales de PP, mientras que no se observó expresión en grupos control y PR. El estudio *in vitro*, demostró que CP induce la expresión de M1 en todas las concentraciones a 4 hs de incubación (p < 0,05). No se observaron cambios significativos en la expresión de M2, M3 y M4. Cuando las células se incubaron con MA no hubo cambios significativos.

El sistema colinérgico, mediante la expresión de sus receptores, puede regular el flujo sanguíneo, el transporte de aminoácidos y la liberación de hormonas placentarias y de ácidos grasos. Se demostró que la exposición ambiental humana a plaguicidas induce la expresión de M4 en la placenta, por lo que estas funciones podrían estar alteradas. Asimismo, este efecto dependería del OP al que se encuentre expuesta la población

500 (517) ESTUDIO DE LOS MECANISMOS PRESORES DEL TOXICO AMBIENTAL HEXACLOROBENCENO

María Del Rocío Castilla Lozano¹; Agustn Asuaje²; Stephanie Riviere¹; Pedro Martín²; Gabriel Cao¹; Giselle Romero Caimi²; Diana Kleiman De Pisarev³; Veronica Milesi²; Laura Alvarez²
ININCA¹ IIFP² UBA- Facultad de Medicina³

El hexaclorobenceno (HCB) es un pesticida organoclorado bioacumulable. En animales de experimentación induce efectos neurotóxicos, y disfunción inmunológica y endócrina. Hemos demostrado que el HCB altera la homeostasis de las hormonas tiroideas (HT) séricas y tisulares, y la actividad de las deiodinasas II (DII) A su vez, la triiodotironina (T_3) regula la expresión del receptor de estrógeno alfa ($RE\alpha$). Tanto las (HT) como los $RE\alpha$ tienen efectos en la hemodinámica cardiovascular, y regulan la presión arterial (PA). Por ello investigamos en un modelo experimental murino el efecto del HCB sobre la función vascular. Se

trataron diariamente, ratas Wistar hembras con HCB (5 y 500 mg/kg de p.c.), durante 45 días. Se analizaron: PA y niveles de T_3 y T_4 séricos; en aorta: ancho de la pared; niveles proteicos de $RE\alpha$, PCNA y de la MAPK ERK (Western Blot), niveles de RNAm de D II (RT-PCR), y contractilidad arterial, por medición de tensión isométrica en anillos de aorta estimulados con noradrenalina (NA). **Resultados:** El HCB (5 mg/Kg) no cambió la PA, y presentó mayor sensibilidad a NA (EC50 14,5 \pm 3,2 nM vs 24,7 \pm 4,1 nM, p<0,001) y menor respuesta contráctil máxima (RCM) (337,5 \pm 28,9 vs 683,8 \pm 37,4 mgF/mgP, p<0,05). El RNAm de la DII y del $RE\alpha$ disminuyeron significativamente (30% y 18%, respectivamente). Con HCB (500 mg/Kg) aumentó un 25% la PA (149 vs 128 mmHg), y la sensibilidad a NA (EC50 8,7 \pm 1,1 vs 24,7 \pm 4,1 nM, p<0,001) y disminuyó la RCM (481,8 \pm 38,2 vs 683,8 \pm 37,4 mgF/mgP en control p<0,05). Los niveles de RNAm de DII y $RE\alpha$ disminuyeron significativamente (33 y 38%) así como los de los de PCNA y MAPK ERK (24% (p \leq 0,05) y 25%(p \leq 0,05)), respectivamente. Conclusión: La administración de HCB genera hipertensión y sensibiliza la aorta a estímulos del SN. La DII así como los $RE\alpha$ podrían, en parte, estar involucrados en su mecanismo de acción. Estos hallazgos permitirían evidenciar moléculas claves que podrían anteceder en el tiempo al desarrollo de la patología hipertensiva.

501 (534) LA INTOXICACIÓN CON CADMIO INDUCE CAMBIOS EN EL METABOLISMO LIPÍDICO EN CEREBRO DE RATA CON 20 DÍAS DE GESTACIÓN

Veronica Biaggio¹; Karina Altamirano¹; Silvana Piguillem²; María Verónica Pérez Chaca²; Nidia Gómez¹; María Sofia Gimenez¹
IMIBIO-SL¹ Laboratorio de Morfoloía-Universidad Nacional de San Luis²

La exposición a metales tóxicos durante la gestación es uno de los factores que altera el ambiente fetal y en consecuencia aumenta el riesgo de trastornos metabólicos en la edad adulta. El cadmio (Cd), se acumula en la placenta induciendo bajo peso al nacer y alterando el metabolismo lipídico. Nuestro objetivo fue evaluar el posible rol protector del consumo de proteína de soja frente a los mecanismos mediante los cuales Cd ejerce su toxicidad. Se trabajó con 4 lotes de ratas Wistar hembras; 2 lotes recibieron caseína y los otros dos lotes soja, como fuente proteica. En cada grupo 1 lote recibió agua corriente y el otro 15ppm de Cd en agua de bebida durante la preñez (20 días de gestación). Se determinó la concentración de Cd en el tejido fetal y la concentración sérica de TG y CL en la madre. Se analizó FL y CL en tejido fetal y se determinó la expresión por RT-PCR de enzimas involucradas en el metabolismo lipídico; ACC, FAS y CT y los factores SREBP 1c y SREBP-2. Se realizó histología del tejido fetal. Los TG séricos disminuyeron (p<0.001), comparado con el grupo control. En tejido fetal la concentración de FL totales disminuyó en ambos grupos intoxicados (p<0.01). La expresión de ACC aumentó en el grupo Cas-Cd (p<0.01); mientras que en el grupo Soja-Cd disminuyó (p<0.05). FAS no modificó su expresión y CT incrementó en el grupo Soja-Cd (p<0.05). La expresión de SREBP-1c aumentó en el grupo Cas-Cd (p<0.001), mientras que SREBP-2 disminuyó en ambos grupos intoxicados (p<0.001), con respecto al grupo control. El análisis morfológico demostró menor desarrollo y diferenciación en las capas más externas de la corteza. Conclusión: Los resultados obtenidos demuestran un aumento en la síntesis de AG, posiblemente con el fin de favorecer el crecimiento. La expresión de las enzimas ACC y CT y el factor SREBP-1c reflejarían esta situación. Sin embargo, la morfología revela poca diferenciación celular entre las capas que conforman la región más externa de la corteza cerebral.

502 (607) EXPOSICIÓN AL PLAGUICIDA ORGANOFOSFORADO CLORPIRIFOS AFECTA EL EJE HIPÓFISO-GONADAL Y MODULA LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES HORMONALES EN EL ÚTERO DE RATAS

María Rosa Ramos Nieto¹; Clara Ventura¹; Nadia Bourguignon²; Victoria Lux-Lantos²; Clarisa Santamarina³; Horacio Rodríguez³; Andrea Randi⁴; Claudia Cocca¹; Mariel Nuñez¹
Laboratorio de Radioisótopos-Facultad de Farmacia y Bio-

química¹ IBYME² ISAL³ Laboratorio de efectos biológicos de contaminantes ambientales- F. Medicina. UBA⁴

Previamente mostramos que el plaguicida clorpirifos (CPF) actúa como disruptor endócrino (DE) en glándula maMaría de rata. Objetivo: estudiar los efectos del CPF sobre el eje hipófisis-ovario y sus acciones sobre el útero, principal órgano blanco de este eje. Métodos: Ratas Sprague-Dawley hembras de 40 días de vida fueron expuestas a CPF 0,01 (CPF 0,01) y 1 mg/Kg/día (CPF 1) o vehículo (C) durante 100 días por vía oral. Determinamos: niveles de estradiol (E2), progesterona (Pg) y testosterona (T) en suero y ovario, y niveles séricos de gonadotropinas (LH y FSH) por radioinmunoensayo; expresión de las enzimas esteroideogénicas CYP11 y CYP19 por PCR en tiempo real; expresión del receptor de estrógeno alfa (RE α), del receptor de progesterona (RPg) y del marcador de proliferación PCNA por inmunohistoquímica en los úteros. Resultados: CPF 1 redujo el E2 (11,7 \pm 3,0 vs. 22,3 \pm 6,3 pg/ml del C, p<0,05) y la Pg séricos (2,1 \pm 0,7 vs. 4,0 \pm 0,8 ng/ml del C, p<0,05), sin alterar la concentración de T. El contenido ovárico de E2 fue reducido por CPF 1 (363,3 \pm 224,4 vs. 1385,4 \pm 507,3 ng del C, p<0,05) junto con una menor expresión de CYP 11 (41%, p<0,001), sin cambios en CYP19. Por otra parte, el CPF 0,01 y 1 redujeron los niveles de LH (1,4 \pm 0,1 y 1,9 \pm 0,3 respectivamente, vs. 2,8 \pm 0,2 ng/ml del C, p<0,01), sin alterar la concentración de FSH. A su vez, CPF 1 disminuyó la liberación de LH (6,1 \pm 1,7 vs. 15,8 \pm 2,7 ng/ml del C, p<0,05) en ratas ovariectomizadas. En útero, CPF 1 incrementó la expresión del RPg en las glándulas endometriales (81%, p<0,05), mientras que CPF 0,01 aumentó la expresión del RPg (85,7%, p<0,05) y del RE α (62,2%, p<0,05) en endometrio. La expresión de PCNA y el peso del útero no fueron alterados por CPF. Conclusión: estos resultados demuestran que el CPF actúa como un DE, afectando la síntesis de hormonas esteroideas, su regulación hipofisaria y la expresión de sus receptores en útero, alertando sobre sus efectos en la salud reproductiva.

503 (627) ALTERACIONES EN PARÁMETROS ENDÓCRINOS E INFLAMATORIOS INDUCIDOS POR HEXACLOROBENCENO EN UN MODELO DE ENDOMETRIOSIS EN RATA
 Marcela Susana Sanchez¹; Florencia Chiappini¹; Mariela Bilotas²; Noelia Victoria Miret¹; Elsa Zotta³; Claudia Cocca⁴; Andrea Silvana Randi¹
 Laboratorio de Efectos Biológicos de Contaminantes Ambientales, Fac. Medicina, UBA¹ Instituto de Biología y Medicina Experimental (IBYME-CONICET)² Laboratorio de Fisiopatología, Sección Patología, Depto de Ciencias Fisiológicas, Fac Medicina. UBA³ Laboratorio de Radioisótopos, Facultad de Farmacia y BioQuímica, UBA⁴

El Hexaclorobenceno (HCB) es un pesticida de alta persistencia ambiental y bioacumulación. Las fuentes de exposición son alimento, inhalación de aire y a través del útero. Compuestos organoclorados interfieren con la homeostasis endocrina y afectan la salud reproductiva. La endometriosis es un desorden ginecológico, dependiente de estrógenos, por presencia de tejido endometrial fuera del útero. La Ciclooxygenasa-2 (COX-2) y las metaloproteasas 2 (MMP-2) y 9 (MMP-9), están involucradas en proliferación, migración, invasión y angiogénesis asociadas a endometriosis. Previamente observamos que la exposición de ratas al HCB aumenta el volumen de lesiones y el área vascularizada, tanto en lesiones como en endometrio eutópico. Objetivo: estudiar si el HCB (0, 1, 10 y 100 mg/kg p.c.) altera parámetros endocrinos e inflamatorios en un modelo de endometriosis en ratas expuestas durante 30 días. Analizamos lesiones endometrióticas (L) y endometrio eutópico (EU), evaluando: a) cambios histológicos, b) expresión de MMP2, MMP9 y de COX-2 (inmunoblot), c) niveles de receptor de estrógenos α (RE α) (inmunohistoquímica), d) expresión de VEGF (inmunoblot), y e) contenido de TNF α en líquido peritoneal (ELISA). Nuestros resultados mostraron el incremento en: el área de glándulas en EU (HCB1 57% y HCB100 52%, p<0,05); la expresión de MMP2 en L (HCB10 25% y HCB100 43%, p<0,05) y en EU (HCB100 47%, p<0,05); la expresión de MMP9 en L (HCB10 27%, HCB100 40%, p< 0,05)

y en EU (HCB10 48% y HCB100 50%, p<0,01); los niveles de COX-2 en EU (HCB1 20%, p<0,05; HCB10 52%, HCB100 55%, p<0,01). Asimismo observamos elevado el contenido de TNF α en líquido peritoneal en HCB1 30%, p<0,05 y HCB10 55%, p<0,001; así como la expresión de VEGF en L (HCB1, HCB10 y HCB100 90%, p<0,05) y en EU (HCB1 y HCB10, 45%, p<0,05). Los niveles de RE α aumentaron en HCB1 110%, p<0,05. La exposición de ratas al HCB incrementa parámetros endocrinos e inflamatorios, contribuyendo en el desarrollo y severidad de la endometriosis.

TRANSDUCCIÓN DE SEÑALES 3

504 (275) PARTICIPACIÓN DE AKAP350 EN LA FORMACIÓN DE ESTRUCTURAS EPITELIALES ORGANOTÍPICAS
 Evangelina Almada¹; Facundo M. Tonucci¹; Anabella Ferretti¹; Florencia Hidalgo¹; Cristian Favre¹; Rodrigo Vena²; Arlinet Kierbel²; M. Cecilia Larocca¹
 IFISE¹ IIB-INTECH² IBR³

La adquisición y el mantenimiento de la polaridad epitelial son centrales en procesos de relevancia fisiológica y patológica. Las etapas tempranas en la polarización epitelial dependen de las interacciones célula-célula y célula-matriz extracelular (MEC). Las integrinas son proteínas que median la interacción con la MEC, con un rol central en el establecimiento de la polaridad epitelial. AKAP350 es una proteína asociada a la organización de los microtúbulos que interviene en la generación del polo apical en células hepáticas, y del polo anterior en células migratorias. Nuestro objetivo fue evaluar la participación de AKAP350 en el establecimiento de la polaridad epitelial simple. Las células MDCK crecidas en filtros desarrollan polaridad epitelial 2D, mientras que en presencia de MEC generan estructuras tipo quistes. Analizamos el desarrollo de la polaridad epitelial en células MDCK controles o con expresión disminuida de AKAP350 (KD), detectando la localización del centrosoma, la actina y las uniones estrechas. Las células AKAP350KD crecidas en filtros mostraron patrones normales de polaridad, mientras que, en presencia de MEC, formaron quistes anómalos: con polaridad invertida, sin polaridad, y complejos. El análisis de las fases tempranas en la formación de los quistes mostró que en las células AKAP350KD la división se da en una orientación perpendicular a la normal. Los quistes invertidos se asocian a una alteración temprana en el eje de polaridad, mientras que los quistes complejos provienen de células con alteración en la ubicación del huso mitótico, estando ambos fenotipos asociados a la deficiencia en las vías dependientes de integrinas. Conclusión: AKAP350 participa en el establecimiento del eje de polaridad epitelial columnar y en el mantenimiento de la misma, mediante eventos que dependen de la interacción de la célula-MEC. Nuestros próximos estudios se focalizarán en la relación de AKAP350 con las vías de señalización activadas por integrinas.

505 (280) AQP2 MODULA LA ENTRADA CAPACITATIVA DE CALCIO FACILITANDO EL ACOPLAMIENTO TRPV4-SK3
 Alejandro Pizzoni; Juana Rajoy; Gisela Di Giusto; Valeria Rivarola; Claudia Capurro; Paula Ford
 Lab de Biomembranas, IFIBIO Houssay

En distintos sistemas se ha descrito que la entrada de Ca²⁺ a través de canales TRPV4 conduciría a la activación local de canales de K⁺ activados por calcio (K_{Ca}) produciendo una hiperpolarización. Previamente describimos en células renales que el canal de agua Acuaporina2 (AQP2) y el canal de calcio (TRPV4) actuarían en forma conjunta para sensar cambios de osmolaridad y activar mecanismos de regulación del volumen vinculados a la salida de K⁺. El objetivo de nuestro actual trabajo fue estudiar los cambios de potencial de membrana que se producen en las células renales al activar el TRPV4 en función de la presencia de AQP2 y su influencia en la entrada capacitativa de Ca²⁺. Utilizando distintos fluoróforos estudiamos los cambios en el potencial de membrana (Dibac₄(3)) y en la entrada de calcio (Fura2-AM) que ocurren al activar el TRPV4. Realizamos experimentos en dos líneas celulares

renales; una que no expresa AQP2 (WT-RCCD₁) y otra transfectada con AQP2 (AQP2-RCCD₁). Encontramos que, utilizando un activador específico del TRPV4 (4- α -PDD, 10 μ M), las células WT se despolarizan y las AQP2 se hiperpolarizan. Esta hiperpolarización no ocurre en presencia de apamina (300 nM) lo que indicaría que en las células AQP2 la activación de TRPV4 lleva a su vez a la activación un K_{Ca} , el SK3. Por otra parte, utilizamos un protocolo clásico para el estudio de la entrada capacitativa de calcio que se produce al vaciar los depósitos por incubación con tapsigargina (1 μ M). Encontramos que al activar el TRPV4 con 4- α -PDD, la entrada capacitativa fue mayor en las células que expresan AQP2 respecto de las WT (Área bajo la curva AQP2: 2491 \pm 149, WT: 1298 \pm 95 p<0.001, máximo AQP2: 6.9 \pm 0.3, WT: 4.3 \pm 0.27 p<0.001, n_{AQP2} = 194 células, n_{WT} = 155 células de 5 experimentos independientes). Estos resultados indicarían una influencia de la interacción AQP2-TRPV4 en la activación del canal SK3 potenciando la entrada capacitativa de Ca²⁺ al modificar la fuerza impulsora.

506 (286) EFECTOS DE LA FOSFORILACIÓN POR PKA DEL RESIDUO S173 DE AMPK α 1 EN LA SUPERVIVENCIA DURANTE LA FALTA DE GLUCOSA EN CÉLULAS DERIVADAS DE HEPATOCARCINOMA

Anabela C Ferretti; Facundo Tonucci; Florencia Hidalgo; Evangelina Almada; Mara Ojeda; María C Larocca; Cristian Favre
IFISE

Las quinasas AMPK y PKA intervienen en la regulación de la proliferación y la muerte celular en respuesta a señales metabólicas y de crecimiento. Demostramos que la ausencia de glucosa produce disminución de la viabilidad en células C3A, asociada a la inducción de apoptosis y al arresto del ciclo celular. Por otro lado, esta condición nutricional induce la activación temprana de PKA y AMPK. Detectamos que PKA fosforila y regula negativamente la activación de AMPK. Existen tres residuos de AMPK fosforilables por PKA: S485, S497 y S173, la fosforilación del último inhibe alostéricamente la activación de AMPK. En este estudio evaluamos la contribución específica de AMPK en la muerte celular producida por falta de glucosa y analizamos el impacto regulatorio del residuo S173 en la supervivencia en esta condición nutricional. Se incubaron células C3A con un siRNA para AMPK α 1 (O1) o con un siRNA control (SC) en presencia (C) o ausencia de glucosa (Glc0) por 24h seguido de tinción con Anexina V/PI. El silenciamiento de AMPK previno la inducción de apoptosis en ausencia de glucosa (Glc0 O1:1,5 \pm 0,1* vs Glc0 SC:2,8 \pm 0,2; C SC:1). Construimos C3A estables expresando mutaciones de AMPK α 1: S173C y S173D y expresando la forma salvaje de AMPK α 1 (WT). Mediante el ensayo de MTT a distintos tiempos observamos que el aumento de células viables fue considerablemente menor en el clon S173C, tanto en presencia como en ausencia de glucosa (S173C:200,4 \pm 25,3%* vs WT:264,8 \pm 31,0%; S173C Glc0:145,0 \pm 17,5%* vs WT Glc0:179,6 \pm 27,1%, 48h). El clon S173D no mostró cambios significativos en el% de células apoptóticas al quitar glucosa del medio (36h), mientras que en el clon S173C este% se duplicó respecto al WT (S173C Glc0:3,1 \pm 0,3* vs WT Glc0:1,6 \pm 0,1; WT:1). Concluimos que AMPK controla fuertemente la supervivencia de las células C3A sujetas a falta de glucosa, y la anulación de la función del residuo S173 de AMPK α 1 produce un importante aumento de la sensibilidad a esta condición. *p<0,05.

507 (342) METFORMINA REGULA LA FOSFORILACIÓN DE β -CATENINA Y LA PROLIFERACIÓN DE CÉLULAS EPI-TELIALES INTESTINALES

Gastón Federico Amable¹; Laura Inés Anaya²; Gustavo Daniel Frechtel¹; Francisca Rojas²; Silvia Del Valle²; Mabel Lardo³; Susana Truyen³; Osvaldo Rey¹
INIGEM¹ División de Hematología, Hospital de Clínicas "José de San Martín", UBA² INFIBIO, Departamento de Bioquímica Clínica, Sección Hematología, Facultad de Farmacia y Bioquímica³

El cáncer colorrectal (CCR) es la tercer causa de muerte por cáncer en la Argentina con 11.000 nuevos diagnósticos por

año. El CCR se desarrolla como resultado de la desregulación de distintas vías de señalización incluyendo Wnt/ β -catenina, una vía defectuosa en hasta 90% de los casos de CCR. El elemento principal en esta vía es β -catenina, una proteína regulada por múltiples fosforilaciones. Numerosos estudios también muestran que la obesidad y diabetes mellitus tipo 2 (DM2), desórdenes metabólicos caracterizados por resistencia a insulina y por cambios en la producción de insulina e IGF1, están asociadas a un significativo incremento en el riesgo de desarrollar CCR. A pesar de la importancia de estas observaciones, aún no se sabe si existe una relación específica entre estos factores y los mecanismos que regulan la proliferación y diferenciación de los colonocitos. Recientes datos indican que metformina, el fármaco mundialmente más empleado en el tratamiento de la DM2, muestra actividades asociadas a la prevención y tratamiento de distintas patologías incluyendo el CCR. Al respecto, un reciente meta-análisis de 2.461 pacientes diabéticos con CCR mostró que el riesgo de muerte por CCR se redujo en un 34% en pacientes tratados con metformina comparado con aquellos que no la recibían. Lamentablemente no existe información acerca de como metformina podría mediar este efecto terapéutico. Dentro de este contexto, nuestros resultados muestran que en colonocitos derivados de tejido tumoral humano, insulina e IGF1 promueven la fosforilación de Ser552 en β -catenina a través de Akt y que tanto Akt como la fosforilación de Ser552 son inhibidas por metformina. Más aún, metformina inhibe la activación de ERK y la proliferación celular. En conclusión, estos estudios indican que metformina interfiere con la actividad de vías de señalización intimamente asociadas al desarrollo del CCR y sugieren que este fármaco ofrece un nuevo método terapéutico para el tratamiento del CCR.

508 (412) EFECTO DE FKBP5 SOBRE EL FACTOR DE TRANSCRIPCIÓN E2F Y LA PROLIFERACIÓN CELULAR

Sonia Alejandra De Leo^{1,2}; M. Fernanda Camisay^{1,2}; Martín Monte^{1,2}; Mario D. Galigniana^{2,3}; Alejandra G. Erlejman^{1,2}
IQUIBICEN¹ Dpto. Química Biológica - Fac. de Cs. Exactas - Univ. de Buenos Aires² IBYME³

Las proteínas FKBP (*FK506-binding protein*) de 51 y 52-kDa (FKBP51 y FKBP52) modulan la actividad transcripcional de receptores de esteroides, y de otros factores de transcripción como NF- κ B y p53, los cuales participan en la regulación de la proliferación celular. La expresión de FKBP51 se ha encontrado alterada en diversos tipos de tumores. Los factores de transcripción de la familia E2F son reguladores del ciclo celular, entre ellos hay tanto activadores (E2F1, E2F2) como represores (E2F4). Frente a estos antecedentes, nuestro objetivo fue evaluar el efecto de FKBP51 y de su competidor natural FKBP52 en la proliferación celular, así como la posible modulación de E2F por FKBP5. Se generaron células HEK293 que sobreexpresan establemente FKBP51 (HEK51⁺). Se evaluó la viabilidad celular por recuento de células viables con Azul de Tripán, por ensayo de MTT y por CFSE. Luego de 96 h de cultivo, las células HEK 51⁺ incrementaron 51,8% su número respecto a la línea parental HEK WT y el silenciamiento de FKBP51 en células HEK51⁺ disminuyó 44 \pm 5% el número de células ($p=0,003$). La sobreexpresión transitoria de FKBP51 en HEK WT aumentó 894 \pm 36% su viabilidad celular, mientras que la sobreexpresión transitoria de FKBP52 sólo produjo un incremento del 24 \pm 7%. Por medio de ensayos de gen reportero en HEK293 se evaluó la actividad transcripcional para E2F. FKBP52 generó un incremento significativo de la actividad transcripcional de E2F2 (519 \pm 65%) y de E2F4 (553 \pm 39%) respecto al control. Asimismo, FKBP51 aumentó la actividad transcripcional de E2F2 (197 \pm 69%) y de E2F4 (232 \pm 49%). Ninguna de estas FKBP5 tuvo efecto sobre E2F1. Concluimos que FKBP51 estimula la proliferación celular. Proponemos que tanto FKBP51 como FKBP52 regulan la actividad transcripcional de los factores E2F, y que el efecto de FKBP51 y de FKBP52 sobre la proliferación celular sería dependiente de la contribución de los diferentes E2F, tanto activadores como represores.

509 (413) MICROTÚBULOS Y AKAP350: REGULADORES CLAVE EN LA FORMACIÓN DE "BRUSH BORDER" INDUCIDA POR LKB1

Facundo Tonucci¹; Evangelina Almada¹; Anabela Ferreti¹; Florencia Hidalgo¹; Cristian Favre¹; Cecilia Larocca¹; Irina Kaverina²
IFISE¹ Dep. of Cell and Developmental Biology, Vanderbilt University, Nashville TN²

La estructura apical de *brush border* (BB) en los enterocitos es esencial en el transporte intestinal de nutrientes. AKAP350 es una proteína de andamiaje que participa en la nucleación de microtúbulos en el aparato de Golgi (AG) y en el centrosoma. Previamente demostramos que AKAP350 participa en procesos de adquisición de polaridad tales como el desarrollo de estructuras apicales en células hepáticas y el ubicación del centrosoma en células migratorias. Nuestro objetivo fue evaluar la participación de los microtubulos derivados del AG y/o del centrosoma en la formación del BB. Utilizamos células W4 con expresión de LKB1 y STRAD inducible por doxiciclina. La inducción de STRAD estabiliza a LKB1 promoviendo su activación y el subsecuente desarrollo de un programa de polaridad epitelial que culmina con la formación de un BB rico en actina. Luego de la activación con doxiciclina, despolimerizamos los microtúbulos con nocodazol. En estas condiciones, las células no fueron capaces de formar BB. Para analizar la dinámica de ese proceso, transfectamos las células con el marcador de "plus-ends" EB3-Cherry y obtuvimos imágenes de las células vivas durante la activación con doxiciclina. Observamos que, previo al enriquecimiento de actina en el BB, los microtúbulos crecieron hacia ese polo. Con el fin de diferenciar la participación de los microtúbulos derivados del AG y del centrosoma, expresamos AKAP350CTD o AKAP350NTD, que deslocalizan AKAP350 del centrosoma y del AG, respectivamente. Asimismo, tratamos células con Brefeldina A para desorganizar el AG. En cada caso, cuantificamos la fracción de células con BB por microscopía confocal. Se observó reducción en la formación del BB en las células AKAP350CTD (-30%, $p < 0,05$), sin evidenciarse diferencias en las células AKAP350NTD o tratadas con Brefeldina A. Nuestros resultados indican la relevancia de los microtúbulos en la formación del BB y la participación específica de AKAP350 centrosomal en este proceso.

510 (443) EFECTOS ANTIPROLIFERATIVOS DEL BORTEZOMIB EN CÉLULAS ENDOTELIALES TRANSFORMADAS POR EL RECEPTOR VIRAL GPCR ASOCIADO AL SARCOMA DE KAPOSI: PAPEL DE LA FOSFATASA MKP-3 Y P-ERK

Alejandra Suares¹; Mercedes Mori Sequeiros²; Cristina Paz²; Verónica González Pardo¹
INBIOSUR, CONICET-UNS¹ INBIOMED, Facultad de Medicina, UBA²

La expresión y activación del receptor acoplado a proteína G del Herpes virus asociado al sarcoma de Kaposi (vGPCR) promueven la activación de la vía NFκB, clave para la transformación tumoral de las células endoteliales y desarrollo de la enfermedad. Previamente demostramos que Bortezomib (Btz) disminuye la actividad nuclear de NFκB e induce apoptosis en células endoteliales que expresan el vGPCR (células vGPCR). Más aún, Btz aumenta la expresión de la proteína proapoptótica Bim e induce el clivaje de caspasa-3. Aquí investigamos el efecto de Btz sobre la proliferación de las células vGPCR y su correspondiente mecanismo. Demostramos que Btz (0,25-1nM) disminuye el número de células, siendo efectivas las dosis 0,5 nM (54,2 ± 18%) y 1 nM (17,1 ± 5,6%) vs. el control (100 ± 23,2%) e induce cambios en su morfología. MKP-3 es una MAPK fosfatasa que desfosforila a P-ERK1/2 y que también es capaz de desfosforilar al factor de transcripción FOXO1, promoviendo su localización nuclear y activación. Aquí demostramos que Btz induce los niveles de MKP-3, efecto seguido de una disminución en los niveles de P-ERK1/2 y P-FOXO1 en forma dependiente del tiempo (1,5-32 h) y la concentración (0,25-1 nM). Btz (0,5nM) promovió la disminución de P-ERK1/2 en el núcleo y la reorganización del citoesqueleto de actina. FOXO1 es necesario para la transcripción del inhibidor del ciclo celular p21. En línea con la desfosforilación y consecuente activación de FOXO1, se demostró que Btz (0,5nM, 24h) aumenta

los niveles del ARNm de p21 al mismo tiempo que disminuye la expresión del factor de crecimiento vascular endotelial (VEGF). En conjunto, estos resultados sugieren que Btz inhibe la proliferación de las células vGPCR a través de un mecanismo que incluye la inducción de MKP-3, cuya actividad conduce a la desfosforilación de P-ERK y P-FOXO1. La expresión de p21 como consecuencia de la activación de FOXO1 junto con la menor expresión de VEGF contribuiría a una menor proliferación celular

511 (476) ESTUDIO FUNCIONAL DE LA MODULACIÓN DEL FACTOR DE TRANSCRIPCIÓN AP-1 POR PROTEÍNAS FKBP5

María Fernanda Camisay²³; Sonia A. De Leo²³; Vanina Fontana²⁴; Gisela I. Mazaira²³; Mario D. Galigniana²⁴; Alejandra G. Erlejman²³
Depto. Quím. Biológica, Fac. Cs. Exactas y Naturales, Univ. de Buenos Aires²³ IQUIBICEN²⁴ IBYME²⁴

La proteína activadora 1 (AP-1) es un factor de transcripción que participa en procesos celulares como la proliferación y la respuesta al estrés. AP-1 activa a genes que contienen elementos de respuesta a ésteres de forbol. Recientemente, demostramos que las inmunofilinas de la subfamilia FKBP (FK506-binding proteins), FKBP51 y FKBP52 regulan la localización subcelular y la actividad transcripcional de receptores esteroidales y NF-κB. Dado que AP-1 y NF-κB intervienen en vías de señalización similares, hipotetizamos que las FKBP5 podrían regular a AP-1. En estudios de gen reportero la activación de AP-1 en respuesta a PMA - éster de forbol - fue considerada como un 100% de activación. FKBP52 incrementó esta activación desde 350±35.5% a 6972±569% ($p < 0,001$) en células HEK293T transfectadas con un plásmido de expresión para FKBP52 (0,5-1,5ug). Por el contrario, FKBP51 inhibió la actividad transcripcional de AP-1 en forma concentración dependiente. El efecto de FKBP52 fue revertido por cotransfección con FKBP51. Con el fin de evaluar respuestas endógenas, se estudió la secreción de IL-6 (por ELISA) y la activación de MMP-2 (zimografías) en células BeWo estimuladas con PMA. Nuevamente, FKBP52 aumentó tanto la secreción de IL-6 como la actividad proteolítica de MMP-2 en más de 200% ($p < 0,003$) siendo ambos efectos significativamente inhibidos por FKBP51 ($p < 0,05$). La pre-incubación con FK506, macrólido inhibidor de la actividad peptidilprolil-isomerasa (PPIasa) de las FKBP5, así como la transfección con mutantes puntuales de FKBP52 sin actividad PPIasa (FKBP52F67Y y FKBP52 F130Y), bloquearon el efecto estimulador de FKBP52. Concluimos que FKBP51 y FKBP52 modulan a AP-1 en forma contrapuesta, y que la acción estimulante de FKBP52 requiere de su actividad de PPIasa. Ambas FKBP5 actuarían de manera concordante en respuestas biológicas mediadas por NF-κB y AP-1.

512 (510) EXPRESIÓN ALTERNATIVA DE LOS ARN MENSAJERO DE INTEGRINA BETA 1 EN LA GLÁNDULA MAMARIA

Martin Garcia Sola¹; Julian Naipauer¹; Ayelen Santamans¹; María Victoria Medina¹; Daiana Sapochnik¹; María Laura Blengini¹; Martin Abba²; Edith Kordon¹; Omar Coso¹
IFIBYNE¹ CINIBA-FCM-UNLP²

Las integrinas son receptores de la superficie celular que juegan un papel crítico en el desarrollo normal y tumoral de los tejidos. Hemos reportado que el ARN mensajero (ARNm) que codifica para la subunidad β1 de integrina (Itgb1) posee una señal y sitio de corte y poliadenilación alternativa que produce una isoforma corta del ARNm (Itgb1-C), 578 pares de bases más corta que la ya conocida (Itgb1-L). A diferencia de Itgb1-L, Itgb1-C no presenta en su 3'UTR, ni motivos ricos en AU ni secuencias blanco para ARNs pequeños (microRNAs o miRNAs). Los niveles de expresión para cada isoforma de ARNm de Itgb1 están determinados, al menos en parte, por el uso alternativo de estas señales durante los diferentes estadios del desarrollo de la glándula mamaria. El microRNA 29 (miR-29) es representativo de una familia de miRNAs muy estudiados en la glándula mamaria. Hemos encontrado que el miR-29 posee secuencia blanco en Itgb1-L y no en Itgb1-C.

Nos proponemos observar si la modulación de miR-29 modifica la expresión de las distintas isoformas de Itgb1 y sus implicancias fisiológicas. Se moduló tanto de manera transitoria como de manera estable las cantidades de miR-29 en células HC11 para después medir por medio de qRT-PCR las calidades y cantidades de ARNm de Itgb1. Los resultados aquí mostrados indican que las cantidades de miR-29 alteran diferencialmente la expresión de las distintas isoformas Itgb1 en las células maMarías HC11. Específicamente encontramos que la represión de la expresión de miR-29b resulta en la inducción de Itgb1. Además, la generación de líneas estables que sobreexpresan el miRNA sugiere la existencia de mecanismos de regulación intrínseca que mantendrían las cantidades fisiológicas de miR-29 intracelulares. Estos datos muestran por un lado un rol para miR-29 en la regulación de la expresión génica en glándula maMaría y por otro la posible existencia de un sistema de censado y autorregulación de este microRNA.

513 (512) PARTICIPACIÓN DEL RECEPTOR OXER1 EN LA PROLIFERACIÓN Y MIGRACIÓN DE CÉLULAS ESTEROIDOGÉNICAS H295R

María Isabel Neuman^{1,2}; Mariana Muñoz¹; Fabiana Cornejo Maciel^{1,2}
Facultad de Medicina¹ INBIOMED²

El OxeR1 es un receptor de membrana acoplado a proteína G, mediador de las acciones del 5-oxo-ETE, 5-HETE y 5-HpETE, productos del metabolismo del ácido araquidónico a través de la 5-lipoxigenasa. En células esteroideogénicas, estos compuestos son necesarios para la activación de la esteroideogénesis. En células de la línea H295R, células adrenocorticales esteroideogénicas de origen humano, detectamos la presencia del ARNm y proteína del OxeR. El receptor participa en la regulación de la producción de esteroides en células de Leydig y adrenocorticales, a través de vías dependientes e independientes de AMPc. Otros autores han postulado que 5-oxo-ETE es un potente activador de la migración en neutrófilos humanos mediado por su receptor y de la proliferación de células tumorales de próstata. En el presente trabajo analizamos el rol del receptor OxeR1 sobre la migración y la proliferación en las células H295R. Para ello utilizamos las líneas H295R-OxeR1 (Ox), que sobreexpresa el OxeR1 de forma estable, y H295R-vacío (V) como control. La proliferación se cuantificó en diferentes condiciones de número de células y tiempo de cultivo por la técnica de cristal violeta, en células V y Ox. Se muestran los resultados, en unidades arbitrarias, como media \pm SEM, para 120000 células iniciales luego de 48 hs de cultivo: V 0,028 \pm 0,004; Ox 0,06 \pm 0,01 ($P < 0,01$ vs V). El tratamiento de los cultivos de células Ox con Zileuton, inhibidor de la 5-lipoxigenasa, produjo una disminución de la proliferación: 0,04 \pm 0,01 ($P < 0,05$ vs Ox). La migración se evaluó cuantificando el tamaño de una herida luego de 24 hs de producida. Se muestran los resultados, en unidades arbitrarias como media \pm SEM: V control 18 \pm 2; Ox + 5-oxo-ETE 33 \pm 5 ($P < 0,05$). Por lo tanto, la sobreexpresión del OxeR1 aumentó significativamente tanto la proliferación, proceso dependiente de la 5-lipoxigenasa, como la migración.

514 (542) EFECTO DE LA TEMPERATURA EN LA EXPOSICIÓN DE LA SECUENCIA BLANCO DEL MIR-29 EN EL MRNA DEL ONCOGEN RAC3

Daniel R Rabinovich¹; Cintia Cevallos¹; Pablo Nicolás Fernández Larrosa²
Instituto de Investigaciones Biomédicas en Retrovirus y SIDA. INBIRS¹ IDIM-CONICET²

Los miRNAs son RNAs regulatorios de pequeño tamaño, capaces de unirse al 3'UTR de los mRNAs interfiriendo con su traducción y regulando la expresión de los genes a nivel post-transcripcional. Previamente, hemos analizado *in silico* el rol de la temperatura en la modulación del plegado de los mRNAs virales (HIV-1), permitiendo la hibridación de miRNAs, los cuales actuarán promoviendo la degradación de dichos mRNA virales. Por otra parte, algunos miRNAs participan en la

regulación del desarrollo tumoral. RAC3 es un oncogén cuya sobreexpresión en tumores juega un rol clave en el desarrollo tumoral, pero que además se encuentra regulado en diferentes etapas del mismo. El objetivo de este trabajo es el estudio *in silico* del efecto de la temperatura en el plegado del mRNA de RAC3 y la exposición a miRNAs codificados en el genoma humano. La secuencia del 3'UTR de RAC3 se obtuvo de GenBank y las secuencias de los miRNAs descriptos en miR-Base. Los software utilizados para dicho análisis fueron: RNAhybrid, mFOLD 2.3 y Ensemble calc en UNAFOLD. Se analizó *in silico* para la secuencia de RAC3 las regiones que se desapareaban con el aumento de la temperatura y si se exponía una secuencia blanco para algún miRNA descrito. Además, se calculó el DG^o correspondiente al plegado en la zona de complementariedad para el par miRNA-gen. Se encontraron varias secuencias del mRNA de RAC3 que se exponían a 45°C (y que permanecían apareadas a 37°C), pero una de ellas (región 2314 a 2320) exponía una secuencia complementaria al miRNA-29, favoreciendo su hibridación. Estos resultados *in silico* sugieren un rol de la temperatura en la modulación del plegado del mRNA de RAC3 favoreciendo la exposición de secuencia blancos de miRNAs (como es el caso analizado del miR-29), que tienen un rol descrito en la regulación del desarrollo tumoral. Este fenómeno podría ser relevante en episodios de fiebre o pirogénesis local (producto a inflamación) y como aplicación terapéutica en el futuro.

515 (561) EFECTO DEL CALCIO Y DEL LITIO SOBRE LA LONGITUD DEL CILIO PRIMARIO EN CÉLULAS EPITELIALES RENALES LLC-PK1

Paula Perez¹; Mariano Smoler^{1,2}; María Del Rocio Cantero^{1,2}; Horacio Cantiello^{1,2}
Fac. de Odontología¹ CONICET²

El cilio primario (CP) es una organela históricamente considerada un apéndice vestigial de células eucariontes. Recientemente se han demostrado funciones sensoriales para el CP, cuya disfunción está asociada a enfermedades conocidas como "cilio-patías", como las poliquistosis renales autosómica dominantes y recesivas. Estudios previos indican que la policistina-2 (PC2), canal catiónico TRP no selectivo permeable al Ca²⁺, presente en el CP de células epiteliales renales, regula su función. En el presente estudio, investigamos el efecto de distintas maniobras que modificarían la función de la PC2 sobre la longitud del CP en células LLC-PK1. Estas células se mantuvieron en cultivo en medio DMEM suplementado con FBS (3%) a 37°C y atmósfera de CO₂ hasta confluencia. Las placas fueron divididas en cuatro grupos, control (grupo 1) incubado en medio sin suplementos y grupos 2, 3 y 4 incubados en medio suplementado con CaCl₂ (5 mM), LiCl (10 mM) o amiloride (200 μ M) durante 18 hs, respectivamente. Posteriormente, se realizó inmunohistoquímica con marcación priMaría de anticuerpo anti-tubulina acetilada (1:100) para la visualización del CP. Las células fueron observadas mediante microscopio invertido de fluorescencia (Olympus IX71), capturadas por video cámara (Hamamatsu Photonics) y procesadas a fines de cuantificar la longitud del CP. Las células del grupo 2, tratadas con CaCl₂ mostraron una reducción del 45 \pm 2.4% en el largo del CP respecto del control ($p < 0.001$). Un efecto análogo se observó en las células del grupo 4, en presencia de amiloride (48 \pm 6.0%, $p < 0.001$). Por el contrario, el LiCl produjo un aumento significativo en la longitud ciliar respecto del grupo control (68 \pm 11%, $p < 0.001$). La modificación del largo del CP producida por LiCl y CaCl₂ en las células LLC-PK1 es consistente con lo predicho por estudios anteriores de nuestro laboratorio (Cantero, BJ, 2011) y estudios actuales que se están llevando a cabo respecto de la regulación de la PC2 por Ca²⁺ externo.

516 (652) MECANISMOS MOLECULARES INVOLUCRADOS EN EL EFECTO ANTIPOPTÓTICO DEL 17 β -ESTRADIOL Y LA TESTOSTERONA EN CÉLULAS DE MÚSCULO ESQUELÉTICO

Anabela La Colla¹; Lucía Pronsato¹; Lorena Milanesi¹; Andrea Vasconsuelo¹
INBIOSUR

La pérdida de masa y fuerza muscular es una condición frecuente durante la vejez, conocida como sarcopenia. Aunque el mecanismo molecular subyacente a esta patología no está totalmente esclarecido, existen evidencias que asocian la pérdida de miocitos en la adultez con la apoptosis. La sarcopenia ha sido relacionada al déficit de hormonas sexuales observado en adultos mayores. Estudios de nuestro grupo han demostrado que tanto la Testosterona (T) como el 17 β -estradiol (E2) protegen a nivel morfológico, fisiológico, bioquímico y molecular de la apoptosis inducida con peróxido de hidrógeno (H₂O₂) en la línea celular de músculo esquelético murino C2C12. Estas células expuestas a H₂O₂ representan un fenotipo similar al músculo envejecido, constituyendo una herramienta útil para el estudio de la sarcopenia. El objetivo de este trabajo es profundizar el conocimiento de los mecanismos moleculares involucrados en la inducción de la apoptosis por H₂O₂ y en la acción antiapoptótica de ambos esteroides en células musculares. Hemos observado que el tratamiento con H₂O₂ induce la apertura del poro de permeabilidad transitoria mitocondrial (PPTm), la activación de p53 e incrementa los niveles de ARNm de p66shc, su fosforilación y translocación a mitocondria donde ejerce su rol apoptótico. Paralelamente, dicho tratamiento también induce la activación/fosforilación de JNK, PKD, PKC θ , PKC δ y PKC β 1, actuando algunos de éstos componentes *upstream* de la vía de p66Shc en la cascada apoptótica, no observándose la inducción de PKC α / β 2. El tratamiento con T o E2 previo a la inducción de apoptosis, reduce la apertura del PPTm y los niveles de expresión y/o fosforilación de las proteínas evaluadas. Estos resultados concuerdan con el efecto que ambos esteroides ejercen sobre el músculo y aportan conocimiento sobre los mecanismos moleculares responsables de la sarcopenia asociada al envejecimiento, dándole un potencial rol a cada hormona en futuras estrategias terapéuticas.

122 (6) LA ESTIMULACIÓN HORMONAL POR ANGIOTENSINA II PROMUEVE LA LOCALIZACIÓN DE PROTEÍNAS MITOCONDRIALES A TRAVÉS DE MITOFUSINA 2 EN LA ESTEROIDOGÉNESIS

Katia Estefanía Helfenberger; Ana Fernanda Castillo; Ana Zulma Fiore; Ernesto J. Podesta; Cecilia Poderoso
INBIOMED Departamento de Bioquímica Humana Facultad de Medicina UBA

En tejidos esteroideogénicos la mitocondria es la organela en la cual se produce el paso limitante en la regulación de la síntesis de esteroides, el transporte de colesterol de la membrana mitocondrial externa a la interna. En nuestro laboratorio hemos demostrado en células de Leydig, que este proceso necesita de la localización y activación de PKA/MEK/ERK en la mitocondria para que se produzca la fosforilación y activación de la proteína mitocondrial STAR, que regula el transporte de colesterol. La correcta localización mitocondrial de STAR depende de la presencia de Mitofusina 2 (Mfn2), proteína clave en la fusión mitocondrial, en células de Leydig MA-10 y en células adrenocorticales humanas. No se ha descrito la participación de Mfn2 en la compartimentalización de quinasas en la respuesta hormonal mediada por Angiotensina II (Ang II). Por eso, el objetivo principal del presente trabajo es estudiar el efecto de Ang II sobre la localización de quinasas claves en la esteroideogénesis y el rol de Mfn2 en este proceso, en células adrenocorticales humanas (H295R). La Ang II promueve la activación por fosforilación de MEK (quinasa río arriba de ERK) en la mitocondria en células H295R, lo cual se asocia con la translocación y activación de ERK mitocondrial en forma transitoria luego de la estimulación hormonal. Hemos detectado que la PKC epsilon también se localiza en mitocondria luego del estímulo con Ang II. Demostramos que la correcta localización de estas proteínas en la mitocondria depende de la expresión de Mfn2 estimulada hormonalmente. Hemos observado que la proteína Drp1, clave en la fisión mitocondrial, se localiza en mitocondria luego de la estimulación por Ang II. Estos resultados resaltan la importancia de la fusión/fisión mitocondrial mediada por diferentes vías de transducción de señales en la localización subcelular de proteínas claves en la esteroideogénesis.

ONCOLOGÍA 7

518 (36) GALECTINA-8 Y ALCAM ("ACTIVATED LEUKOCYTE CELL ADHESION MOLECULE", CD166) ESTABLECEN UNIONES HETEROFÍLICAS EN LA SUPERFICIE DE CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS

Fátima Ferragut¹; Candelaria Bracalante¹; María F. Troncoso¹; Carlota Wolfenstein-Todel¹; Emilio L. Malchiodi²; Gabriel A. Rabinovich^{3,4}; Marisa Fernández²; María T. Elola¹
IQUIFIB (CONICET-UBA). FFYB. UBA¹ IDEHU (CONICET-UBA)-Cátedra de Inmunología. FFYB. UBA² IBYME-CO-NICET.³ FCEyN. UBA.⁴

Galectina-8 (Gal8) es una lectina con funciones tanto pro como anti-adhesivas. En estudios previos, describimos un nuevo ligando de Gal8, ALCAM ("activated leukocyte cell adhesion molecule", CD166), demostrando la interacción glicano-específica entre la lectina y el ectodominio glicosilado de ALCAM mediante "resonancia plasmónica de superficie" (RPS) empleando un equipo BIAcore. En este trabajo, nos propusimos: 1- Evaluar las interacciones físicas entre Gal8 y células tumorales maMarias controles o silenciadas para ALCAM mediante RPS; 2- Estudiar la dependencia de glicanos en las mencionadas interacciones físicas mediante RPS; 3- Analizar la influencia del eje Gal8/ALCAM en la adhesión célula-sustrato en células tumorales maMarias controles o silenciadas para ALCAM; 4- Examinar la dependencia de glicanos en la adhesión célula-sustrato en células tumorales maMarias controles o silenciadas para ALCAM. Se utilizaron células maMarias tumorales MDA-MB-231 silenciadas para ALCAM (MDA-shALCAM) con un lentivirus (LV) shRNA específico y dichas células controles (LV control). A los efectos de evaluar la adhesión célula-sustrato, se efectuaron ensayos de adhesión *in vitro* de células MDA-shALCAM y controles en placas recubiertas con Gal-8 (0-3 μ M) como sustrato, mediante tinción con cristal violeta y lectura a 595 nm. Nuestros resultados demostraron que: 1- Las células tumorales maMarias MDA-shALCAM tienen una capacidad disminuida de unión a Gal8 determinada por RPS (p<0,05); 2- La adhesión de células tumorales maMarias a sustratos de Gal8 disminuye aproximadamente un 50% al silenciar ALCAM endógeno (MDA-shALCAM: 44,67 \pm 13,87%; control: 100%, para 1 μ M Gal8; n=3, p<0,05); 3- Los efectos evaluados son glicano-dependientes, ya que resultaron inhibidos por azúcares β -galactósidos bloqueantes de galectinas. En conclusión, existen uniones heterofílicas ALCAM-Gal8 que promueven la adhesión de células tumorales maMarias.

519 (78) LA PROTEÍNA CTBP1 Y EL SÍNDROME METABÓLICO DISMINUYEN LA ADHESIÓN CELULAR EN CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS

Paula Lucía Farré; Nicolás Dalton; Juliana Porretti; Cintia Massillo; Georgina Scalise; Adriana De Siervi; Paola De Luca
Laboratorio de Oncología Molecular y Nuevos Blancos Terapéuticos - IByME - CONICET

El síndrome metabólico (SM) es un factor de riesgo para el desarrollo del cáncer de mama y está asociado con el alto grado tumoral. Estudios previos de nuestro grupo muestran una posible explicación molecular para esta asociación. C-terminal Binding Protein (CtBP1) es un correpresor de supresores tumorales que presenta mayor actividad en condiciones de alta energía. Recientemente generamos un modelo de SM en ratones hembra *nu/nu* por alimentación crónica con una dieta grasa (37% grasa) que induce alteraciones consistentes con la aparición del síndrome. Demostramos que ambos, CtBP1 y SM, modulan la carcinogénesis maMarias y el crecimiento tumoral. La forma más severa de cáncer de mama es el metastásico y en este estadio la enfermedad suele resultar fatal. En este trabajo estudiamos el efecto de CtBP1 y el SM sobre la adhesión celular, proceso clave en el inicio de la metástasis. Encontramos que CtBP1 disminuye la adhesión de las líneas tumorales maMarias MDA-MB-231. Para evaluar el efecto del SM sobre la adhesión estas células, las incubamos con medio suplementado con suero obtenido de ratones con SM o de anima-

les control. El suero proveniente de animales con SM disminuyó la adhesión celular con respecto al control. Mediante RT-qPCR encontramos que *in vitro* CtBP1 disminuye la expresión de genes involucrados en el proceso de adhesión celular: ITGB4, COL17A, PRRS2 y FABP4. Interesantemente establecimos que *in vivo* CtBP1 y el SM regulan la expresión de genes que modulan la adhesión celular en xenotransplantes derivados de MDA-MB-231. Nuestros resultados demuestran por primera vez que CtBP1 y el SM disminuyen la adhesión de células tumorales de mama sugiriendo un rol para estos actores en el inicio de la metástasis tumoral maMaría. El esclarecimiento de los mecanismos asociados a CtBP1/SM en el cáncer de mama permitirá definirlos como nuevos marcadores para la prevención, seguimiento y terapia de esta enfermedad.

520 (260) EFECTO DEL SILENCIAMIENTO Y LA SOBREENPRESIÓN DE RUNX2 EN LA LÍNEA TUMORAL DE MAMA HUMANA IBH-6 Y SU INTERACCIÓN CON EL EJE FGF2-FGFR2

María Sol Rodríguez; Isabel A. Lüthy; Claudia Lanari; Cecilia Pérez Piñero
IBYME

RUNX2 es un factor de transcripción que regula la expresión del FGFR2, a su vez FGF2 activa FGFR2 y regula la expresión de RUNX2. Demostramos que FGF2 estimula la proliferación celular activando a receptores hormonales en forma ligando independiente en modelos experimentales de cáncer de mama y observamos altos niveles de RUNX2 en tumores hormono independientes. El objetivo de este trabajo fue evaluar el efecto de la sobreexpresión o el silenciamiento de RUNX2 en la línea de cáncer de mama humana IBH-6. La línea IBH-6 crece *in vivo* sin aporte hormonal exógeno, expresa receptores hormonales, FGFR2 y niveles basales de RUNX2. Se transfectaron las células con plásmidos específicos para silenciar a RUNX2 (shRUNX2) o para sobreexpresarlo (RUNX2), o con plásmido control (*Scrambled*, SC). El éxito de las transfecciones se confirmó por Western Blot. *In vitro*: Las células control y RUNX2 aumentaron su proliferación luego del tratamiento con FGF2 ($p < 0.01$). IBH6 RUNX2 mostró una respuesta menor que el control frente al tratamiento con un inhibidor de FGFRs (Control $p < 0.001$, RUNX2 $p < 0.05$), lo cual podría deberse a que RUNX2 active otras vías de señalización independientes del FGFR2. Estas células también poseen una activación basal de la vía de ERK en comparación con el control (Western Blot). Por otro lado, la proliferación de IBH-6 shRUNX2 fue significativamente menor que el control y RUNX2 ($p < 0.0001$). *In vivo*: Se inocularon $3 \cdot 10^5$ células s.c. en el flanco derecho de ratones NSG. Los tumores control y RUNX2 no mostraron diferencias en el crecimiento. Por otro lado, los tumores shRUNX2 fueron menos agresivos y más pequeños que los controles ($p < 0.01$) y RUNX2 ($p < 0.01$). Los resultados sugieren que RUNX2 es una proteína clave involucrada en la progresión tumoral. Además, suponemos que existe una regulación cruzada entre RUNX2-FGFR2 y actualmente estamos investigando cuales vías de señalización estarían involucradas en este proceso.

521 (347) ANÁLISIS BIOINFORMÁTICO DE EXPRESIÓN GÉNICA DIFERENCIAL EN CÁNCER DE PRÓSTATA

Conrado Marco Olivieri; Federico Cantor*; Geraldine Gueon; Elba Vazquez; Javier Cotignola
IQUIBICEN/CONICET, Dpto de Química Biológica/FCEN, UBA

El cáncer de próstata (CaP) es el cáncer más frecuente en hombres. El diagnóstico se cuantifica mediante la cuantificación de los niveles séricos del Antígeno Prostático Específico (PSA), aunque tiene baja especificidad. La existencia de marcadores pronóstico también es limitada. El objetivo del trabajo es identificar marcadores diagnósticos y de progresión del CaP. Analizamos datos crudos de microarrays del repositorio público NCBI-GEO, los datos se procesaron utilizando el paquete Bioconductor para R. Determinamos la expresión génica diferencial (fold-change) mediante el test t-Student moderado entre tejidos normal de individuos sanos ($n=17$), tumor primario ($n=144$) y metástasis ($n=22$);

el valor p de las comparaciones se ajustó mediante el método FDR (False Discovery Rate). Además se analizó el enriquecimiento de grupos de genes por Gene Ontology (GO). El análisis de expresión entre tejido normal y tumoral mostró expresión diferencial estadísticamente significativa en genes de las vías de: Respuesta a estímulos (ej: NR4A2, FOS, JUN), Citoesqueleto (ej: actinas, tropomiosinas, CRYAB), y Morfogénesis (actinas, FN1, DMD). En la comparación entre tumor primario y metástasis, se observaron alteraciones de expresión en vías de: Osificación y Desarrollo de hueso (ej: COL5A2, OPN, FHL2), Angiogénesis (ej: CAV1, HBB, ADM) y Respuesta a hormonas (ej: AR, CCND1, FOS, JUNB). Finalmente comparamos los tejidos normal y metástasis, y observamos expresión diferencial en vías de Migración (ej: ILK, VCL) y Adhesividad (ej: integrinas, proteasas) además de las mismas vías alteradas entre el tejido normal y tumor primario. Los resultados obtenidos muestran que durante la progresión del PCa se altera un gran número de vías de señalización. La identificación de las vías y genes involucrados podría ayudar a mejorar el diagnóstico y el pronóstico de la enfermedad; además de identificar posibles nuevos blancos terapéuticos para el tratamiento de los tumores prostáticos.

522 (532) EL SILENCIAMIENTO GENÉTICO DE P300 REDUCE LA VIABILIDAD Y AUMENTA LA MIGRACIÓN E INVASIÓN CELULAR DE LA LÍNEA DE CARCINOMA MAMARIO MURINO LM3

María E Fermento; María E Villegas; Norberto A Gandini; Eliana N Alonso; Diego J Obiol; María J Ferronato; María M Facchinetti; Alejandro C Curino
Laboratorio de Biología del Cáncer, INIBIBB-CONICET, Bahía Blanca, Argentina

Los carcinomas mamarios son un grupo heterogéneo de tumores, que difieren en sus características, comportamiento y en la respuesta a la terapia, sugiriendo la necesidad de hallar nuevos marcadores moleculares. En este sentido, la evidencia muestra que p300 juega un importante papel en la tumorigénesis. Previamente hemos demostrado que la inhibición farmacológica de la función acetilasa de p300 aumenta su expresión y disminuye la viabilidad, migración e invasión celular de la línea de adenocarcinoma mamario LM3. Dado que estos resultados se obtuvieron con la modulación de la función acetil transferasa del cofactor y sabiendo que p300 tiene además otras funciones (scaffold, puente, ubiquitina ligasa) nos propusimos investigar el efecto del silenciamiento genético de p300 sobre la supervivencia, migración e invasión celular. Se obtuvieron clones de LM3 con sobreexpresión estable de un shRNA para p300 (LM3-p300NEG) y clones controles (LM3-CTRL) y se evaluaron los procesos de viabilidad, invasión y migración celular. Se confirmó la disminución de la expresión de p300 en las LM3-p300NEG respecto de LM3-CTRL mediante IF y RT-qPCR. Se observó una menor viabilidad (WST y conteo manual) y un aumento de células apoptóticas (TUNEL) en las LM3-p300NEG respecto a LM3-CTRL ($p < 0.05$). Por otro lado, y contrariamente a lo observado con la inhibición de la función acetilasa, observamos una mayor migración (ensayo de la herida) y una mayor invasión (matrigel) en las células LM3-p300NEG respecto a las LM3-CTRL ($p < 0.05$). En conclusión, la reducción de los niveles de p300 mediante silenciamiento genético inhibe la viabilidad celular a través de un aumento de apoptosis y aumenta la migración e invasión celular. Estos resultados sugieren la hipótesis que algunos de los procesos importantes en el desarrollo tumoral mamario son influenciados por la actividad acetilasa de p300 mientras que otros procesos son modulados por alguna de las otras funciones de p300.

523 (544) EFECTO DE LA ACTIVACIÓN DE LA HEMOOXIGENASA EN CÁNCER DE MAMA SOBRE LA MODULACIÓN DE PROTEÍNAS QUE MOVILIZAN EL HIERRO CELULAR

Gisela Giorgi¹; Norberto Ariel Gandini²; Diego Javier Obiol²; Mara Marta Facchinetti²; Alejandro Carlos Curino²; Marta Elena Roque¹
Laboratorio de Fisiología Humana, INBIOSUR, Universidad Nacional del Sur¹ CONICET-INIBIBB-Laboratorio de Biología del Cáncer²

La asociación entre el cáncer de mama (CM) y la disregulación del metabolismo del hierro descrita recientemente, abre nuevas perspectivas para ampliar el conocimiento de la etiología multifactorial de este tipo de tumores. Con este objetivo, se abordó el estudio de la activación de hemooxigenasa (HO-1) vinculada con la progresión de células tumorales y su relación con proteínas que movilizan el hierro celular. **Materiales y Métodos:** Líneas celulares murinas LM3 tratadas con hemina, activador farmacológico de HO-1; Modelos animales: a) Xenotrasplante con células MDA-MB-231 que sobreexpresan HO-1 (pcDNA3-HO-1); b) Trasplante singéneo de células LM3 +hemina; Biopsias Humanas (n=33). Inmunohistoquímica: DMT1, HO-1. Western Blot: DMT1, RTf, Ferroportina (FPN), HO-1. Hierro: Tinción de Perl's. Medición de especies reactivas del oxígeno (ROS); sonda 5,6-carboxi-2,7-diclorofluoresceína. **Resultados:** LM3 + hemina: disminuyó la expresión de DMT1 y RTf, sin cambios en FPN (p<0,05, Chi cuadrado), con aumento de ROS (p<0,011 Test de Student). Modelo murino singéneo: la activación de HO-1 se correlacionó con la disminución de DMT1 (p<0,05; Test de Student). Modelo de xenotrasplante: disminuyó la expresión de DMT1. En ambos modelos se observó aumento de los depósitos de hierro. En biopsias de CM se observó correlación indirecta en la inmunomarcación de HO-1 y DMT1 (p=0,0462; Test de Pearson) y correlación directa entre la expresión de HO-1 y los depósitos de Fe (p=0,0006; Test de Pearson). Concluyendo, el efecto antiproliferativo de la activación de HO-1 por hemina en CM, descripto previamente en nuestro laboratorio, podría explicar el aumento del hierro celular y justificar la inhibición de DMT1 y el aumento de ROS, probablemente por efecto de la acumulación de Fe³⁺

524 (545) IDENTIFICACIÓN DE BIOMARCADORES DE PROGRESIÓN TUMORAL EN CÁNCER DE ENDOMETRIO

María Abascal¹; Ma. Jose Besso¹; Marina Rosso¹; Ma. Victoria Mencucci¹; Laura Furlong²; Ezequiel Lancuza³; Martin Abba³; Monica Vazquez-Levin¹
IBYME¹ Hospital del Mar Medical Research Institute (IMIM)² Centro de Investigaciones Inmunológicas Básicas y Aplicadas, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad

Introducción: El Cáncer de Endometrio (CE) es la neoplasia ginecológica más común en occidente, con una incidencia de 15-20/100.000 mujeres/año. Cadherina Epitelial (CDH1/CadE) es una molécula de adhesión celular cuya expresión se altera durante la progresión tumoral en el CE. Para mejorar el diagnóstico/seguimiento del CE, es necesario identificar genes/proteínas alterados que permitan su detección de forma sensible, específica y reproducible (biomarcadores). **Objetivo:** Implementar estrategias orientadas a identificar biomarcadores relacionados a CDH1/CadE para aportar al diagnóstico/seguimiento del CE. **Metodología:** 1) DisGeNET: Herramienta de Minería de Texto (MT) de asociaciones gen-enfermedad 2)HIPPIE: Herramienta que integra datos de interacciones proteína-proteína (IPP) 3) InSilicoDB: Repositorio de datos de microarreglos moleculares y "RNA-seq" 4) R Bioconductor: Herramienta para análisis de datos genómicos 5) Tratamiento de células de CE Hec1A con ARNi pequeño de CadE y agentes transformantes. 6) Análisis de expresión por qPCR. **Resultados:** Se hallaron por TM 34 genes, además de CDH1, reportados como potenciales biomarcadores en CE, que se relacionaron con 1370 proteínas mediante herramientas de IPP. Se seleccionaron como candidatos las proteínas relacionadas a CDH1 y a los restantes 34 biomarcadores encontrados por MT (45/1370). Se analizaron los perfiles de expresión transcripcional de los 46 genes y CDH1 en sets de datos de microarreglos. 24/46 genes analizados presentaron expresión diferencial (p<0.01) entre tumores y normales; 3/24 genes se encontraron diferencialmente expresados entre tumores grado 1 y 3 y fueron evaluados en modelos experimentales de progresión tumoral de CE obtenidos al tratar células Hec1A con agentes transformantes y con ARNi pequeños para modular la expresión de CadE. **Conclusión:** El uso de estrategias bioinformáticas y moleculares permitieron identificar potenciales biomarcadores asociados a la progresión tumoral en el CE.

525 (553) EXPRESIÓN DE UN MODULADOR NEGATIVO DE CADHERINA EPITELIAL ASOCIADO A LA PROGRESIÓN TUMORAL Y A LA INVASIÓN EN CÁNCER DE ENDOMETRIO

María José Besso¹; María Florencia Abascal¹; Marina Rosso¹; Cristian Moiola²; María Victoria Mencucci¹; Jaime Reventós²; Antonio Gil-Moreno²; Eva Colás²; Roberto Orti³; Alejandra Wernicke³; Monica Vazquez-Levin¹
IBYME¹ Htal Vall d'Hebron (España)² Htal Italiano. CABA Argentina³

Introducción: El cáncer de endometrio (CE) es el 6to cáncer más común en las mujeres en todo el mundo. La infiltración miometrial (IM) es un evento clave en su diseminación y se asocia a un mal pronóstico (20-30% de los casos). La IM se correlaciona con una disminución de Cadherina Epitelial (CadE) y cambios en moléculas que favorecen la migración celular, pero estas entidades no han sido identificadas. En un modelo celular de IM de CE por sobreexpresión del factor de transcripción ETV5 reportamos la disminución de CadE y la expresión de Disadherina (Dys), glicoproteína asociada a invasión/metástasis en otros tumores. **Objetivos:** Evaluar la expresión de Dys en 1) células HEC1A tratadas con TGF-β1, citoquina inductora de invasión celular en CE; y en 2) biopsias de tumores no invasivos e invasivos de pacientes con CE. **METODOLOGÍA:** A) **Modelo in vitro:** células HEC1A tratadas por 72 h con TGF-β1 (10 ng/ml) y procesadas para estudios de PCR cuantitativa de ARNm (qRT-PCR) e inmunocitoquímica (ICQ). B) **Muestras humanas:** Biopsias de CE (n=38; clasificación FIGO tipo IA/no invasivo=23 y IB/invasivo=15) y 20 casos de CE de tumor superficial (T1) y frente invasivo (T2); (muestras pareadas) fueron procesadas para estudios de qRT-PCR de Dys. Las biopsias se clasificaron como Dys "low" y Dys "high" según la expresión de Dys. **RESULTADOS:** A) Las células HEC1A tratadas con TGF-β1 1) adquirieron un fenotipo tipo mesenquimal, evidenciado por su morfología tipo fibroblástica, niveles menores del ARNm de CadE (-45%) y pérdida de la proteína CadE de membrana y niveles mayores de ARNm de vimentina (+450%) y expresión aumentada de la proteína en las células, 2) un aumento en los niveles de ARNm de Dys (500%). B) Se detectó Dys "high", en 26% de los tumores IA y 54% en los IB. En línea con este resultado, Dys se encontró aumentada (p<0,05) en biopsias T2 comparado con T1. **CONCLUSIÓN:** La expresión de Dys se asocia a la transformación inducida por TGF-β1 y a la progresión tumoral del CE.

526 (558) LA INHIBICIÓN DE SURVIVINA SENSIBILIZA A CÉLULAS TUMORALES PANCREÁTICAS A LA ACCIÓN PRO-APOPTÓTICA DE LA GEMCITABINA

Cintia Y Mihalez; Tomás Lombardo; Susana N. Costantino; Daniela L. Papademetrio; Elida Alvarez
Cátedra de Inmunología-IDEHU, Facultad de Farmacia y Bioquímica. UBA-CONICET

Los adenocarcinomas ductales de páncreas (PDA) corresponden al 95% de los tumores del páncreas, con una supervivencia de 5 meses. En Argentina, ocupan el cuarto lugar en prevalencia. Si bien el índice de incidencia es bajo, la mortalidad en estos casos es muy elevada, debido a los múltiples mecanismos de resistencia que este tipo de tumores ponen en marcha frente al accionar de los quimioterápicos. El objetivo de este trabajo fue estudiar si la inhibición farmacológica de la expresión de survivina, una de las proteínas perteneciente a la familia IAP, sensibiliza a la línea tumoral PANC-1 frente a los efectos pro-apoptóticos de la gemcitabina (Gem) y establecer si este efecto es regulado por la autofagia. En primer lugar se demostró mediante western blot, que el tratamiento con Gem incrementa los niveles de survivina. Se analizó luego la capacidad de la Gem (10-1000µg/ml) de inducir apoptosis sola o post- tratamiento con el inhibidor YM155 en la línea PANC-1, mediante ensayos de TUNEL. Se observó un incremento del número de células apoptóticas con dosis de Gem de 100 y 1000µg/ml en combinación con 5nM de YM155, luego de 48 hs, respecto a los valores observados con las drogas utilizadas de manera independiente, alcanzándose valores de

células túnel + de (51,3±6,5)% (p<0,01) y (61,1±9,6)% (p<0,001), respectivamente. Junto con ello se observó que el tratamiento con YM155 disminuye el número de autofagosomas presente en esta línea celular. Nuestros resultados nos permiten concluir que sobrevivir participa de los mecanismos de resistencia que las células tumorales pancreáticas ponen en marcha frente a la acción de la gemcitabina. Este efecto estaría mediado por un incremento del proceso autofágico manifestándose el rol dual de esta proteína en los procesos de muerte y sobrevida que remarcan la interrelación entre apoptosis y autofagia.

527 (572) DISEÑO, SÍNTESIS Y EVALUACIÓN BIOLÓGICA DE ANÁLOGOS DEL CALCITRIOL CON UN ANILLO OXOLANO EN SU CADENA LATERAL

Andrea Martínez Domínguez¹; Hugo Santalla¹; Marcos Lois¹; María Julia Ferronato²; Diego Javier Obiol²; Genorosa Gómez¹; Yagamare Fall¹; Alejandro Carlos Curino²; María Marta Facchinetti²
 Departamento de Química Orgánica, Facultad de Química, Universidad de Vigo, España¹ Laboratorio de Biología del Cáncer, INIBIBB- CONICET, Bahía Blanca, Argentina²

El 1 α ,25-dihidroxitamina D3 (calcitriol) presenta acciones antineoplásicas en varios tipos de cáncer pero su utilidad como agente antitumoral es limitada debido a su actividad hipercalcemiantes. Se han sintetizado diversos análogos del calcitriol en búsqueda de alguno que demuestre actividad antitumoral sin producir efectos calcémicos. El objetivo de este trabajo es el diseño y síntesis de nuevos análogos del calcitriol con un anillo oxolano en la cadena lateral y su posterior evaluación biológica en ensayos de calcemia y de viabilidad y migración celular, comparando los efectos de los mismos con los ejercidos por el calcitriol. Los análogos AM-27, AM-28, ZG-610, ZG-611, AM-122, AM-123, AM-86, AM-93 se sintetizaron poniendo a punto una ruta sintética que parte como sustrato inicial del Diol de Inhoffen-Lythgoe y que permite obtener intermediarios sintéticos clave, dándonos acceso a un abanico de pares de epímeros de análogos del calcitriol con un anillo oxolano en su cadena lateral de una manera rápida, versátil y con buenos rendimientos. Se evaluó la actividad hipercalcemiantes de los nuevos análogos utilizando ratones CF1, a los cuales se les administraron intraperitonealmente dosis de 5 μ g/kg peso diariamente durante 4 días. Ninguno de los análogos generó hipercalcemia a la dosis ensayada (ANOVA, p>0,05). Se observó una disminución de la viabilidad celular de la línea HCT116 (carcinoma colorrectal) con AM-86 (ANOVA, p<0,001) y ZG-610 (p<0,05) y una reducción de la migración celular con AM-86 (p<0,05), ZG-610 (p<0,05), AM-123 (p<0,001) y AM-93 (p<0,01). En la línea celular LM3 (adenocarcinoma mamario) los análogos AM-86, ZG-610 y AM-122 ensayados hasta el momento no demostraron poseer efecto en la migración celular. En conclusión, los resultados sugieren que la modificación de la cadena lateral del calcitriol con un anillo oxolano genera derivados que no inducen hipercalcemia, algunos de los cuales demuestran ejercer efectos antitumorales.

528 (574) EFECTO DEL TRATAMIENTO CON ÁCIDO RETINOICO (ATRA) SOBRE CRECIMIENTO Y LA PROGRESIÓN MALIGNA, EN CÉLULAS TUMORALES MAMARIAS HUMANAS CON SOBREEXPRESIÓN DE DISTINTAS ISOFORMAS DE LA PROTEÍNA QUINASA C (PKC)

María Ines Diaz Bessone; Damian Emilio Berardi; Stefano Cirigliano; Carolina Flumian; Elisa Bal De Kier Joffe; Laura Todaro; Alejandro Urteger
 Inst de Oncología

Las enzimas PKC constituyen una familia de serina-treonina quinasa que controlan numerosas funciones celulares, como el crecimiento, apoptosis y transformación maligna, mientras que el sistema retinoico se encuentra ampliamente implicado en diferenciación. En este trabajo nos propusimos determinar el efecto del tratamiento retinoico sobre características asociadas a la progresión tumoral en las células mamarias tumorales humanas

MDA-MB231 y T47D que sobreexpresan PKC α o PKC δ . Ninguna de las isoformas de PKC alteró la capacidad proliferativa de las células MDA-MB231 ni T47D in vitro (TDP: 18,6±0,8 y 19,2±0,4 hs resp). Al evaluar el efecto del ATRA, observamos que las líneas derivadas de T47D responden disminuyendo su capacidad proliferativa, pero las T47D-PKC α en forma más pronunciada (TDP: 27,4±0,7 hs). Las líneas derivadas de MDA-MB231 no respondieron al tratamiento retinoico. Al evaluar el ciclo celular por citometría de flujo observamos que el ATRA induce un arresto en la fase G1 únicamente en la sublínea T47D-PKC α . Finalmente analizamos la regulación transcripcional de los genes blanco del ácido retinoico mediante ensayos de genes reporteros. Pudimos observar que tanto las sublíneas de T47D como las derivadas de MDA-MB231 respondían al ATRA aumentando la actividad de los sitios de respuesta al ácido retinoico. Como algunos de los efectos de los retinoides están dados por la trans-represión de sitios AP1, los mismos se evaluaron mediante ensayos de genes reporteros. Pudimos determinar que en las sublíneas de T47D hay una disminución de la actividad AP1 al ser tratadas con ATRA, no así en las sublíneas de MDA-MB231. Nuestros resultados sugieren por un lado que la sobreexpresión de PKC α podría sensibilizar al tratamiento retinoico, lo que se correlaciona con lo observado previamente por nuestro grupo en líneas murinas. Por otro lado, la falta de respuesta al tratamiento retinoico de las MDA-MB231 estaría dada por la falta de trans-represión de los sitios AP1.

529 (583) TERAPIA FOTODINÁMICA CON ACIDO 5-AMINOLEVULICO EN CULTIVOS TRIDIMENSIONALES DE CÉLULAS DE ADENOCARCINOMA DE PULMÓN

Haydee Fukuda¹; María Julieta Teijo¹; Rp Meiss²; M Del C Martínez²; Am Del C Battle¹
 CIPYP-CONICET, UBA¹ Departamento de Química Biológica, FCEN, UBA² Instituto de Estudios Oncológicos, Academia Nacional de Medicina, Buenos Aires, Argentina³

La Terapia fotodinámica (TFD) de tumores es un procedimiento terapéutico mínimamente invasivo de citotoxicidad selectiva hacia células malignas. La acción conjunta de un agente fotosensibilizante (FS) y luz genera una serie de reacciones fotoquímicas que producen la muerte celular. La administración de ácido 5-aminolevulico (ALA), induce la acumulación de porfirinas fotoactivas. Sembrando 5x10⁴ cél/ml (A549, adenocarcinoma de pulmón humano) sobre agar 3%-RPMI (1:1) a los 7 días se obtuvieron esferoides multicelulares (EMCs) compactos (100-700 μ m), modelo 3D útil para estudios independiente de la vasculatura. Incubando 3h con ALA 1mM se acumularon 0,09±0,1 pg porf/cél distribuidos uniformemente en los distintos planos del esferoide (microscopía confocal); se irradiaron con 2 tubos fluorescentes y 1h después se observó desprendimiento de células muertas, disrupción de la membrana y núcleos condensados. La activa proliferación celular (marcación con Ki67) de los EMCs no tratados, se redujo luego de la TFD a un cordón de células proliferativas en la periferia y escasa marca hacia el interior de la estructura. La condición hipóxica basal en los EMCs no tratados mostró un perfil heterogéneo de localización nuclear de HIF1- α que se incremento con una dosis lumínica baja (5 min) y explica la menor generación de ROS comparada con la monocapa, signos de apoptosis disminuidos (condensación nuclear, liberación de Cit c, despolarización mitocondrial, activación de caspasa-3, Annexina) e indicios de necrosis y autofagia (expresión de Bcl-2 y LC3-II). La detección de ROS no fue significativamente diferente en presencia y en ausencia de antioxidantes de alto grado de protección (ascorbato y trolox, según los cultivos en monocapa), pero por microscopía de fluorescencia se vio un efecto protector a nivel superficial en las capas externas de los EMCs (NA/BE), sugiriendo que el fotodaño a los tejidos normales puede ser atenuado mediante la administración de agentes antioxidantes.

530 (586) EL TEJIDO ADIPOSO MAMARIO PROVENIENTE DE RATAS HIPOTIROIDEAS DISMINUYE LA PROLIFERACIÓN Y LA MIGRACIÓN DE CÉLULAS EPITELIALES MAMARIAS TUMORALES Y NO TUMORALES

Constanza Matilde Lopez Fontana; Leila Zyla; Flavia Eliana Santiano; Corina Verónica Sasso; Mariángeles Ávila Maniero; Virginia Pistone Creydt; Rubén Walter Carón
IMBECU

Tanto el hipo como el hipertiroidismo experimental modifican la incidencia, latencia y progresión del cáncer de mama (CaM) inducido en ratas. A fin de estudiar la participación del tejido adiposo como posible intermediario entre los estados tiroideos y el CaM, evaluamos cambios en la proliferación, adhesión y migración de células epiteliales tumorales y no tumorales mamarias incubadas con los medios condicionados (MCs) de tejido adiposo abdominal (TAA) y mamario (TAM) provenientes de ratas hipotiroideas (HypoT) y eutiroideas (EUT) con tumores mamarios inducidos. Ratas hembras Sprague-Dawley fueron tratadas con una dosis de DMBA (15mg/rata) a los 55 días de edad y divididas en dos grupos: EUT, n=10 e HypoT (0.01% PTU en el agua de beber), n=10. Los animales fueron sacrificados cuando el volumen tumoral alcanzó los 1000 mm³ o al final del experimento (día 200 post DMBA). Se extrajeron fragmentos de TAA y TAM de ambos grupos de animales, se incubaron por 24 hs con medio M199, y se recolectaron los MCs. Líneas celulares mamarias tumorales (MCF-7 y MDA-MB-231) y no tumorales (MCF-10A), se incubaron con los MCs y se midió proliferación por MTT, migración por cicatrización de la herida y cambios en la adhesión sobre placas expuestas previamente a los diferentes MCs. La concentración proteica de los MCs se determinó por BCA. Los MCs-TAM de ratas HypoT expresaron menor cantidad de proteínas totales que los MCs-TAA (p<0,05). Así mismo, las líneas celulares tumorales y no tumorales incubadas con MCs-TAM de ratas HypoT proliferaron y migraron significativamente menos que aquellas incubadas con MCs-TAM de ratas EUT (p<0,05, ANOVA de 1 factor y Tukey test). No observándose estos cambios en las líneas celulares incubadas con MCs-TAA. Concluimos que el hipotiroidismo inducido en ratas produce modificaciones en la capacidad del tejido adiposo de secretar factores solubles que regulan la proliferación y la migración de células mamarias normales y tumorales.

531 (600) SCHWANOMATOSIS: CARACTERÍSTICAS CLÍNICAS, MOLECULARES Y DIAGNÓSTICO

Marcela Ferrer¹; Patricia Ciavarelli¹; Irene Szijan²
División Neurocirugía HCJSM UBA¹ Cátedra de Genética - FFyB UBA²

La schwannomatosis es una condición que predispone al desarrollo de tumores de las células de Schwann intracraneales, espinales y periféricos. Tiene una incidencia aproximada de 1:40000 y el 15-20% son hereditarios. Los genes implicados son: SMARCB1, LZTR1 y NF2, todos supresores tumorales ubicados en el cromosoma 22. El modelo tumorigénico es de 4 eventos en 3 pasos, siendo las mutaciones germinales solo en SMARCB1 y LZTR1. El objetivo es la búsqueda de datos diagnósticos en pacientes con tumores presuntamente schwannomas. Se estudiaron 18 pacientes por medio de signos clínicos, RMN y métodos moleculares. La edad al diagnóstico varió desde 4 a 72 años. Los síntomas fueron: dolor, trastornos en la marcha, pérdida de audición, etc, como resultado de la compresión de nervios por la masa tumoral. Cuatro pacientes tuvieron antecedentes familiares. Los signos y síntomas fueron variables, algunos (4) mostraron manchas "café con leche", uno tuvo escoliosis, ninguno presentó nódulos de Lisch o problemas visuales (propios de NF1). La presencia de schwannomas únicos o múltiples se observó en todos los pacientes, ubicados en plexo axilar, clavícula, retroperitoneal, médula espinal dorsal, muslos, etc. Once pacientes fueron sometidos a cirugías, sin secuelas. Los estudios moleculares fueron la secuenciación del gen SMARCB1 y NF2. El análisis completo del primero dio negativo en un paciente, en otros dos está en curso y en otro la secuenciación de NF2 dio negativo. Conclusiones: El número de pacientes diagnosticados en la Argentina fue elevado teniendo en cuenta la baja frecuencia de casos publicados internacionalmente. La localización de tumores fue muy variada abarcando cerebro, columna vertebral y miembros. El diagnóstico clínico es difícil debido a que los síntomas se comparten

con otras enfermedades del grupo (NF1 y NF2). Por lo tanto es importante el diagnóstico molecular por medio del análisis de los genes involucrados.

532 (608) ESTUDIO FOTOTERAPEUTICO DE NANOPARTICULAS DE POLÍMEROS CONJUGADOS DOPADAS CON PORFIRINAS PARA SU IMPLEMENTACION EN TERAPIA FOTODINAMICA

Luis Ibarra¹; Lorena Macor²; Gabriela Porcal²; Rodrigo Ponzio²; Rodrigo Palacios²; Viviana Rivarola¹
Depto. de Biología Molecular, Fac. de Cs. Exactas Físicas y Naturales, Univ. Nac. de Río Cuarto¹ Depto. de Química, Fac. de Ciencias Exactas y Naturales, Univ. Nac. de Río Cuarto²

Introducción: La Terapia Fotodinámica (TFD) es una modalidad terapéutica contra el cáncer que involucra la destrucción de células tumorales inducida por la luz, las cuales fueron previamente tratadas con un agente fotosensibilizador. Nanopartículas (NPs) de polímeros conjugados han surgido recientemente y poseen características interesantes para ser aplicadas a TFD. Objetivos: - Evaluar la incorporación de Nps del polímero conjugado poli(9,9-dioctilfluoreno-alftbenzotiadiazol) (F8BT) en líneas celulares normales y tumorales. - Evaluar el efecto fotodinámico de Nps de F8BT y Nps de F8BT dopadas con porfirina - Evaluar el mecanismo de muerte celular desencadenado luego de aplicar TFD. Materiales y métodos: Se sintetizaron Nps de F8BT estabilizadas con polímeros anfifílicos. Se realizó la caracterización de tamaño mediante microscopia de fuerza atómica. Los estudios de incorporación celular se realizaron mediante microscopia de fluorescencia y el efecto fotodinámico empleando la línea celular T98G (glioblastoma multiforme humano) y RAW 264.7 (macrófagos) a través de ensayos de viabilidad celular (MTT), citometría de flujo (anexina V / yoduro de propidio) y fragmentación de ADN. Resultados: Las NPs de F8BT poseen un diámetro promedio 55 nm, dicho diámetro no se modificó luego de la incorporación de una porfirina liposoluble. Se encontró que las Nps son capaces de sensibilizar la formación de ¹O₂ a partir de la observación de la fosforescencia de ¹O₂ a 1270 nm. Se demostró la incorporación de Nps en ambas líneas celulares siendo superior en los macrófagos. Las Nps no fueron citotóxicas en oscuridad. Luego de aplicar TFD con Nps dopadas con porfirinas se determinó el efecto citotóxico en ambas líneas celulares con la consiguiente muerte celular por apoptosis. Conclusión: Se pudieron sintetizar Nps de polímeros conjugados con interesantes propiedades para ser implementadas en TFD. Dicho efecto fue superador cuando se incorporó una porfirina en la síntesis.

533 (609) ESTUDIO DE LA ACTIVACIÓN DE LOS RECEPTORES RETINOIDEOS SOBRE EL COMPONENTE STEM/PROGENITOR, EL POTENCIAL INVASIVO Y LA DISEMINACIÓN METÁSTASICA, DE LÍNEAS TUMORALES MAMARIAS MURINAS

Carolina Flumian; Stéfano M. Cirigliano; María Inés Diaz Bessone; Damian E. Berardi; Agustina Taruselli; Elisa Dora Bal De Kier Joffe; Alejandro Urtreger; Laura Beatriz Todaro
Instituto Ángel H. Roffo

Hemos descripto que la activación de los distintos receptores de ácido retinoico (RARs) tiene un efecto contrapuesto en diversos procesos involucrados en la diseminación metastásica. En este trabajo nos propusimos evaluar si la activación de los RARs influye en el enriquecimiento del componente stem, en la invasión celular y en el potencial metastásico experimental *in vivo*. Utilizamos las líneas murinas tripe-negativas LM38-LP y 4T1 que difieren en el patrón de expresión de los receptores retinoicos (RARs). Los pre-tratamientos se realizaron con: ATRA (pan-agonista), AM (agonista RARa), AC (agonista RARb), BMS (agonista RARg). En ensayos de invasión en transwell/Matrigel se observó que tanto el ATRA como el AM disminuyeron la invasión de las células LM38-LP (ATRA 0,18±0,03; AM 0,34±0,09 vs. V 1±0,30; ANOVA *p<0,05) mientras que la aumentaron en las 4T1 (ATRA 3,77±0,21; AM 3,22±0,08 vs. V 1,00±0,16;

ANOVA * $p < 0,05$). Los pre-tratamientos con AM o AC produjeron un aumento en el número de mamosferas priMarías en la línea LM38-LP (AM 378±47; AC 445±80 vs. Vehículo (V) 195±35, ANOVA * $p < 0,05$). *In vivo*, el pre-tratamiento de las LM38-LP con AM580 o AC aumentó el número de nódulos pulmonares (AM Md 117 Rg[100-174], AC Md 143 Rg[86-314] vs. V Md 42 Rg[14-76], Kruskall Wallis * $p < 0,05$) mientras que en 4T1 fue el BMS el que produjo un aumento de las metástasis (BMS Md 118 Rg[63-145] vs. V Md 42 Rg[14-76], Kruskall Wallis * $p < 0,05$). En conclusión, la activación de RARa disminuye la capacidad invasora de las células LM38-LP mientras que la aumenta para las células 4T1. Esto concuerda con observaciones previas en las que la activación de este RAR disminuye otros parámetros *in vitro* asociados con la diseminación metastásica para las LM38-LP mientras que los aumenta para las 4T1. Sin embargo, el aumento del potencial metastásico observado en las células LM38-LP podría asociarse con el incremento en el número de mamosferas priMarías inducido por la activación de RARa o RARb.

534 (615) LOCALIZACIÓN Y EXPRESIÓN DE PROTEÍNA C-FOS, Y CONTENIDO DE AP-1 EN MAMAS DE RATAS DURANTE EL DESARROLLO TUMORAL MAMARIO

Alicia Gutierrez¹; Rosa Bergoc²; Lorena Sambuco³; Laura Alvarez²; Gabriela Martín²; Andrea Randi¹
Laboratorio de Efectos Biológicos de Contaminantes Ambientales, Fac. Medicina, UBA¹ Laboratorio de Radioisótopos, Depto. Físico-Matemática, FFyB, UBA² Instituto de Inmunooncología, Crescent³

En cáncer mamario c-Fos, un importante regulador del crecimiento celular cuya expresión y actividad es modulada por estrógenos, es el componente más estudiado del AP-1. Sin embargo actualmente se están estudiando las funciones citoplasmáticas de c-Fos. Desarrollamos un modelo de carcinoma mamario inducido en ratas por administración de N-nitroso N-metilurea (NMU). Objetivo: estudiar en glándula maMaría de rata a lo largo del proceso carcinogénico, así como en tumores mamaríos desarrollados: a) proliferación celular por PCNA (inmunohistoquímica, IHQ), b) expresión y localización de c-Fos nuclear (c-FOSn) y citoplasmático (c-FOSc) (IHQ), c) expresión de AP-1 (Inmunoblot), d) activación del Receptor de Estrógenos α (RE α) (Inmunoblot). Ratas hembras fueron separadas en dos grupos: Control (C) y NMU, i.p. 50 mg/kg a 50, 80 y 110 días de vida (d) y se tomaron muestras a los 60, 90, 120 y 150 d. Resultados: Los niveles de PCNA aumentan en NMU desde los 60 d (667%) vs C. En tumores no diferenciados la marca es 150% mayor vs diferenciados. En C la expresión de c-FOSn aumenta a 90 d (185%) disminuyendo a los 120 d al valor inicial, cayendo a los 150 d (55%), mientras que el c-FOSc se mantiene estable y disminuye a los 150 d (75%). En cambio en NMU el c-FOSn aumenta a los 90 y 120 d (53, 87%), bajando a los 150 d (65%) y el c-FOSc disminuye desde los 120 d (58%). En tumores no diferenciados el contenido de c-FOSn es 270% mayor vs diferenciados, pero el c-FOSc es 40% menor vs diferenciados. Los niveles de proteína c-Fos asociados a fosfo-Ser69-cJun (AP-1) se incrementan con NMU (250%) a partir de 60 d, y la activación del Tyr537-RE α aumenta a partir de 60 d (86%) en NMU vs C. Conclusión: En la mamas C se mantiene el contenido de c-FOSc, asociado a alta proliferación en el desarrollo mamario normal. Mientras que en NMU, el c-FOS se transloca al núcleo a lo largo del proceso carcinogénico, y se relaciona con el aumento de AP-1 y de la activación del RE α .

535 (617) EL COMPLEJO LSD1/HOTAIR JUEGA UN IMPORTANTE ROL EN LA TRANSFORMACIÓN TUMORAL DE CÉLULAS CON CÁNCER DE MAMA

María Belen Mestre Gimenez; Juan Pablo Marquez Lara; Martin Alejandro Bruno
Univ. Católica de Cuyo - Sede San Juan

La epigenética es la disciplina científica que estudia las modificaciones que afectan a la expresión de genes sin alterar la secuencia del ADN. Las modificaciones epigenéticas incluyen a la metilación del ADN, la modificación de histonas, y los ARN no

codificantes. Los lncRNA (ARN no codificantes largos) son RNAs no codificantes de simple cadena, tienen una longitud mayor a 200 nucleótidos y participan en la regulación de numerosos procesos biológicos. Además, los lncRNA han sido implicados en distintos tipos de cáncer, ya sea actuando como supresores de tumores o como oncogenes. Se ha demostrado que HOTAIR, un lncRNA que participa en el silenciamiento de varios genes, se encuentra aumentado y asociado a metástasis en cáncer de mama. También se ha demostrado que LSD1, una demetilasa de histonas regulada por HOTAIR, está aumentada en cáncer de mama ER-negativo. La inhibición de LSD1 se está probando como terapia para el cáncer, y se ha encontrado que la desactivación de LSD1 con inhibidores como el TCP (tranylcypromine) disminuye el potencial oncogénico de células con Leucemia Mieloide Aguda. La determinación de la expresión de HOTAIR y su interacción con LSD1 en cáncer de mama proveen la base para el diseño de nuevas estrategias terapéuticas. En nuestro trabajo se determinó la interacción de HOTAIR con LSD1 en líneas celulares con cáncer de mama (MCF-7 y MDA-MB-231) y se comprobó que el inhibidor específico de LSD1, LSD1 Inhibitor III, afecta esta interacción. La formación del complejo LSD1/HOTAIR podría participar en la transformación tumoral de las células. Para corroborar esto, se inhibió LSD1 y se determinó la proliferación celular, ya que la capacidad de proliferar es una característica de las células tumorales. Se observó una disminución en la proliferación después de inhibir LSD1, indicando que LSD1 y HOTAIR podrían participar en la transformación tumoral que sufren las células epiteliales de mama durante el desarrollo del cáncer.

536 (634) LA RADIACIÓN IONIZANTE REGULA LA ACTIVIDAD DE SUPERÓXIDO DISMUTASA (SOD) A NIVEL TRANSCRIPCIONAL EN CÉLULAS DE ADENOCARCINOMA DE PULMÓN HUMANO

Andrea B. Acquier¹; Horacio A. Blanco³; Alejandra B. Gorostizaga²; Cristina Paz²; Carlos F Mendez¹
INBIOMED, Facultad de Medicina, UBA; Cátedra de Farmacología, Facultad de Odontología, UBA¹ INBIOMED, Facultad de Medicina, UBA² INBIOMED, Facultad de Medicina, UBA; Unidad de Alta Energía, Hospital de Oncología María Curie³

Las células cancerígenas que sobreviven a la terapia radiante se denominan radiorresistentes. La radiorresistencia es un fenómeno complejo basado en múltiples interacciones entre genes y proteínas que incluye, en algunos modelos, la sobreexpresión del receptor de EGF y de enzimas antioxidantes. El objetivo de este trabajo ha sido evaluar el efecto de la radiación ionizante (RI) sobre la expresión y actividad de SOD. Se emplearon células derivadas de adenocarcinoma de pulmón humano de la línea A549 y ⁶⁰Co como fuente de RI. Se determinó la expresión de las isoformas de SOD por RT-PCR, la actividad de SOD por un método colorimétrico basado en la inhibición de la autooxidación del pirgalol y la activación del factor nuclear kB (NF-kB) por luminiscencia luego de la transfección de las células con un plásmido conteniendo tres copias de la secuencia kB unidas al ADNc de luciferasa. La RI, en una dosis única de 2,5 Gy, produjo un incremento en la actividad de SOD que resultó significativo ($p < 0,01$) a las 24 hs post irradiación (137±18; 165±12; 168±15 y 483±54 U/mg proteína para control, 15 min, 1 h y 24 hs post irradiación, respectivamente) y una activación de NF-kB (78±5; 90±8 y 98±9 U de luciferasa para control, 15 y 60 min post RI, respectivamente), mientras que la preincubación de las células con 5 μ M de partenolide, inhibidor de NF-kB, disminuyó el efecto de la RI sobre la actividad de SOD (483±54 vs 294±21 U/mg proteína, $p < 0,05$). La RI produjo un incremento significativo de la expresión del transcripto de SOD-1, un efecto observable 24 hs post irradiación, mientras que en condiciones basales se detectó la expresión de los transcriptos de SOD-1 y SOD-2, sin expresión de SOD-3 en las células A549. Nuestros resultados demuestran que la RI incrementa la actividad de SOD por un mecanismo a nivel transcripcional que involucra la inducción del gen de SOD-1 y la activación del factor de transcripción NF-kB.

537 (648) CAMBIOS EN EL INFILTRADO TUMORAL PROVOCADOS POR LA ADMINISTRACIÓN DE MIFEPRISTONA EN UN CARCINOMA MAMARIO MURINO SENSIBLE A ANTIPROGESTÁGENOS

Gonzalo Sequeira; Ana Sahores; Tomas Dalotto; Mariana Salatino; Claudia Lanari
Instituto de Biología y Medicina Experimental

El infiltrado tumoral sufre cambios durante el proceso de regresión, por esto la caracterización de los tipos celulares afectados podría constituir un factor pronóstico del éxito terapéutico. Utilizando citometría de flujo (FACS), nos propusimos identificar en un modelo murino las poblaciones celulares del sistema inmune derivadas de médula ósea (MO) dentro del microambiente tumoral mamario. Para esto, inoculamos de forma endovenosa (ev.) ratones NOD-SCID *gamma* (NSG) con MO de ratones BALB/c-GFP+, estableciendo un modelo de ratones NSG-MO-GFP+. A los dos meses, identificamos con microscopía confocal y FACS la presencia de células GFP+ en bazo y en MO de los ratones experimentales. Se inoculó el tumor mamario murino 59-2-HI sensible a antiprogéstágenos de forma ortotópica en ratones repoblados. Cuando los tumores alcanzaron 50 mm² aprox. se administró mifepristona (MFP; 10 mg/kg/día o *pellet* 0,2 mg) para estudiar las modificaciones del microambiente tumoral con el tratamiento. Se analizaron las poblaciones GFP+ del estroma a los 3 y 6 días de tratamiento. Se observó un aumento en la población de células mieloides granulocíticas (CD11b+ Gr1+; p<0,05), en macrófagos intratumorales (CD11b+ F480+; p=0,01) y en linfocitos T CD8+ (CD8+; p<0,01) y una disminución en linfocitos T reguladores (CD4+; CD25+; Foxp3+; p<0,05) en los tumores tratados con MFP respecto de los controles. No existieron diferencias en las curvas de crecimiento de los tumores tratados con MFP en los ratones NSG respecto de los NSG-MO-GFP+, lo que indica que la regresión inducida por la terapia endocrina sería independiente del sistema inmune. Sin embargo, los cambios observados en las poblaciones inmunes sugieren que la regresión tumoral inducida por MFP podría favorecer la reeducación de la respuesta inmune antitumoral. Además, logramos desarrollar un modelo murino experimental adecuado para el estudio del efecto de terapias sobre las células derivadas de MO en el microambiente tumoral.

538 (660) ANÁLISIS IN SILICO DE LA IMPORTANCIA PRONÓSTICA DE LA EXPRESIÓN DE RECEPTORES ADRENÉRGICOS EN TUMORES DE PACIENTES CON CÁNCER DE MAMA

Ezequiel Mariano Rivero¹; Leandro Marcelo Martínez¹; Carlos David Bruque²; Lucía Gargiulo¹; Ariana Bruzzone²; Isabel Luthy¹
IBYME¹ INIBIBB² ANLIS-Malbrán³

En estudios previos hemos asociado a los receptores adrenérgicos beta2 y alfa2 (B2-RA y A2-RA) con cambios en el crecimiento tumoral y en la proliferación y migración de células de cáncer de mama humano. Para determinar la relevancia pronóstica de estos receptores, analizamos *in silico* la asociación entre sus niveles de expresión en tumores primarios y datos clínicos provenientes de la base de datos de *microarray* GSE18229 del repositorio público GEO. Identificamos el *cut-off* óptimo para cada biomarcador teniendo en cuenta su asociación con el tiempo libre de enfermedad (DFS, menor p-value). La asociación con parámetros de pronóstico clásicos y con la recurrencia de la enfermedad se analizó por el test Exacto de Fisher. La asociación con el DFS y sobrevida acumulada (OS) se evaluó por curvas de sobrevida Kaplan-Meier analizadas mediante *Log-rank test* (Mantel-Cox). La independencia predictiva de cada biomarcador por test multivariado (*Cox Proportional Hazards Model*). El B2-RA y el A2a-RA están sobreexpresados en el subtipo *Claudin-Low* (CL, p<0.05). El A2a-RA además está disminuido en tumores *Basal-like* (BL, p<0.05). En los 291 tumores analizados, una alta expresión del A2a-RA se asoció a un aumento del DFS (p=0.0012) y de la OS (p=0.0015), resultando ser un biomarcador predictivo independiente para el DFS (p=0.027). Se observó una asociación entre una alta expresión del A2c-RA y la recurrencia

de la enfermedad (p=0.0467). Ni la expresión del B2-RA ni la del A2b-RA se asociaron con DFS y OS al tomar la cohorte completa, pero una alta expresión de B2-RA se asoció con una disminución del DFS en tumores Luminales A (p=0.0025). Además, una alta expresión del A2b-RA se asoció con una disminución del DFS y OS (p=0.021 y p=0.036) en tumores de mal pronóstico (CL, BL, *Her2-Enriched* y Luminal B). En conjunto estos datos resaltan la relevancia de los RA en el cáncer de mama y los señalan como posibles biomarcadores y blancos terapéuticos para el tratamiento de esta enfermedad.

539 (667) CITOTOXICIDAD DE IMIQUIMOD: ESTRÉS CELULAR Y MUERTE EN CÉLULAS ENDOTELIALES MURINAS NORMALES VS TRANSFORMADAS COMO MODELO DE HEMANGIOMA

Rodrigo Rocco¹; Hernán Reingruber¹; Roberto Pozner²; Rosa Wainstok¹; Adriana Cochón¹; Silvina Gazzaniga¹
Dpto. de Química Biológica-IQUIBICEN, FCEyN, UBA¹ Academia Nacional de Medicina²

El tratamiento de hemangiomas con Imiquimod (IQ), imidazoquinolina de uso tópico, es una alternativa terapéutica poco implementada para esta patología de piel. Sin embargo, demostró ser de gran eficacia en otras afecciones cutáneas. Independientemente de su capacidad inmunomoduladora, su mecanismo de acción sobre las células transformadas ha sido escasamente estudiado. Previamente hemos reportado que las células endoteliales transformadas H5V poseen una concentración letal (CL₅₀) de IQ menor que la correspondiente de endotelio normal 1G11 (SAIC 2014). Con el fin de analizar si se produce estrés celular y caracterizar el tipo de muerte se trataron ambas líneas con IQ (0-15 µg/ml) durante 2 y 24 hs. Al medir la actividad de la enzima antioxidante catalasa (parámetro relacionado con estrés oxidativo) se observó inhibición máxima a 1 µg/ml de IQ en H5V a las 2 hs post tratamiento. En 1G11 la inhibición fue máxima a 5 µg/ml, reflejándose el efecto selectivo de IQ. Con 24 horas de tratamiento, en ambas líneas celulares se observó una recuperación de la actividad de la enzima. Las evidencias tempranas de estrés no fueron acompañadas por alteraciones en el citoesqueleto de F-actina. El Análisis de Morfología Nuclear (NMA) a 24 hs en H5V mostró condensación nuclear (≈ 45-65%), indicativo de apoptosis, en aquellas halladas en el sobrenadante a 5-10 µg/ml (p<0,05); mientras que las adheridas presentaron núcleos normales o con parámetros de senescencia (6-11%). En 1G11 la morfología nuclear fue normal y no se hallaron células en el sobrenadante. La marcación con yoduro de propidio/Anexina V-FITC fue coherente con el NMA mostrando valores de muerte similares. Estas observaciones implican que la apoptosis tanto como la senescencia en respuesta al estrés inducido por IQ, estaría limitando la proliferación de las células afectadas.

ENDOCRINOLOGÍA 5

540 (137) CAMBIOS METABÓLICOS INDUCIDOS POR NONYL-PHENOL Y FRUCTOSA DESDE LA POSTLACTANCIA EN RATAS MACHO ADULTAS

Yanina Alejandra Samaniego¹; M.Cecilia Fornari²; Andres Giovambattista³; Silvia Carbone¹; Roxana. Reynoso¹; Carlos Reyes Toso⁴; Osvaldo J. Ponzo¹
Laboratorio de Endocrinología - Dpto. de Fisiología. Facultad de Medicina. UBA¹ Laboratorio de Análisis Clínicos Bioalpha-Fornari² Unidad de Neuroendocrinología, Instituto Multidisciplinario de Biología Celular (IMBICE), La Plata³ Unidad Académica 2, Dpto. de Fisiología, Facultad de Medicina, UBA⁴

Objetivo: estudiar si la exposición crónica (postlactancia a adultez) a Nonylphenol (NP) provoca cambios metabólicos en ausencia y presencia de fructosa (F). Se administró NP 50 (NP50) y 100 (NP 100) mg/kg/d (v.o., días 21-70 de edad) a ratas Wistar macho (n= 10-15/grupo). La mitad de los animales de cada grupo recibieron F al 10% en agua de bebida. Se analizó glucemia

(G), ácido úrico (AU), colesterol total (CT), HDL, LDL, triglicéridos (TAG), leptina (L), insulina (I). Resultados: AU: aumentó con NP50 y NP100 (C: 0.53 ± 0.06 , NP50: 0.97 ± 0.10 , $p < 0.05$; NP100: 1.05 ± 0.06 , $p < 0.001$). No hubo diferencias en NP50F y NP100F vs CF (CF: 1.025 ± 0.06 , NP50F: 1.06 ± 0.03 , NP100F: 1.17 ± 0.06) y entre los grupos NP y NP con F, en ambas dosis. TAG: no se modificaron en NP50 y NP100 vs C (C: 66.90 ± 3.25 , NP50: 72.27 ± 4.70 , NP100: 79.50 ± 3.10). En NP100F aumentó ($p < 0.01$) y en el NP50F no cambió vs CF (CF: 94.60 ± 1.75 , NP50F: 94.73 ± 4.40 , NP100F: 136.4 ± 12.7). El tratamiento simultáneo con F y NP produjo aumento en los grupos NP50F ($p < 0.05$) y NP 100F ($p < 0.001$) (NP50: 72.27 ± 4.70 vs NP50F: 94.73 ± 4.40 , NP100: 79.50 ± 3.10 vs NP100F: 136.4 ± 12.7). HDL: disminuyó ($p < 0.001$) con ambas dosis de NP (C: 41.93 ± 2.40 , NP50: 26.76 ± 1.62 , NP100: 30.86 ± 1.62). El tratamiento con F descendió los niveles en NP50F ($p < 0.05$) y NP100F ($p < 0.001$) vs CF (CF: 37.17 ± 1.97 , NP50F: 28.83 ± 1.79 , NP100F: 24.95 ± 1.24), y a su vez en NP100F respecto a su control ($p < 0.05$). CT: descendió con NP50 ($p < 0.01$) y NP100 ($p < 0.05$) (C: 66.83 ± 2.81 , NP50: 55.07 ± 2.87 , NP100: 59.4 ± 2.62). El tratamiento con F disminuyó los niveles en NP50F (CF: 63.47 ± 2.8 vs NP50F: 55.0 ± 2.49). No hubo cambios en el LDL, G y L. La I mostró tendencia no significativa al aumento en los grupos con CF y NP50F. La exposición crónica a NP produce modificaciones metabólicas en los animales expuestos postlactancia solo ó con fructosa, siendo este efecto más evidente en ácido úrico, HDL y TAG. Dosis altas de NP potencian el aumento de trigliceridemia inducido por fructosa

541 (229) ESTUDIO DE LA CORRELACIÓN ENTRE PROLACTINA, PROGESTERONA, VEGF Y LOS NIVELES DE PROLIFERACIÓN CELULAR DE LA GLÁNDULA MAMARIA A LO LARGO DEL CICLO REPRODUCTIVO DE LAGOSTOMUS MAXIMUS (RODENTIA: CHINCHILLIDAE)

Clara Corso¹; Sofia Proietto¹; Pablo Ignacio Felipe Inse-rra¹²; Santiago Elias Charif¹²; Veronica Berta Dorfman¹²; Alfredo Daniel Vitullo¹²; Julia Halperin¹²
CEBBAD, Universidad Maimónides¹ CONICET²

La glándula mamaria (GM) remodela su estructura con cada ciclo reproductivo. Durante la preñez experimenta una alta tasa de proliferación, elongación y ramificación tubular y es en la lactancia cuando alcanza su máximo desarrollo. Prolactina (PRL) y progesterona (Pg) son los factores más importantes en la modulación de estos mecanismos. La angiogénesis es un proceso que implica desarrollo de microvasculatura y ocurre durante el desarrollo de un órgano lo cual es esencial para el aporte adecuado de nutrientes. En este trabajo se analizan las expresiones, a nivel proteico y de ARNm, de los receptores de PRL (PRL-R) y Pg (Pg-R) y del factor vascular de crecimiento endotelial (VEGF) en GM en reposo, preñez, lactancia e involución de hembras de *Lagostomus maximus*. Cada marcador estudiado evidencia un aumento significativo de su expresión en la preñez, alcanzando su máximo en la lactancia para luego disminuir con la involución de la GM (ANOVA, $n=6$, $p < 0.05$). VEGF correlaciona más fuertemente con PRL-R tanto en la preñez ($IC_{VEGF-PRLR} = 0.95$, $p < 0.05$) como en la lactancia ($IC_{VEGF-PRLR} = 0.97$, $p < 0.05$) y en estas etapas también se registran los mayores contenidos de PRL hipofisaria tanto a nivel proteico como de ARNm ($n=5$, $p < 0.05$). Asimismo, el análisis de proliferación celular de la GM por inmunomarcación con anti-PCNA muestra una mayor densidad óptica durante estos mismos estadios. VEGF y Pg-R de GMs en involución ($IC_{PgR-VEGF} = 0.75$, $p > 0.05$) exhiben valores de expresión que se acercan a los valores de reposo y esto se encuentra acompañado por una disminución significativa de los niveles séricos de Pg ($n=9$, $p < 0.05$). Teniendo en cuenta el rol de la PRL como principal efector de crecimiento y desarrollo mamario y analizando la correlación de su perfil de expresión con el de VEGF, proponemos a esta hormona como candidata a la regulación positiva de este factor pro-angiogénico en GM de *L. maximus* durante la preñez y la lactancia. PIP0272 CONICET-Fundación Científica Felipe Fiorellino

542 (272) DIMORFISMO SEXUAL DE LOS METABOLISMOS GLUCÍDICO Y LIPÍDICO EN RATONES CON EXCESO CRÓNICO DE HCG ENDÓGENA

Agustina Marcial Lopez¹; Ana Suarez Ortega¹; Laura Daniela Ratner¹; Guillermina Stevens¹; María Marta Bonaventura¹; Ana Alzamendi²; Eduardo Spinedi³; Andres Giovambattista²; Victoria Lux-Lantos¹; Ricardo Saul Calandra¹; Susana Beatriz Rulli¹
IBYME-CONICET, Buenos Aires¹ IMBICE, La Plata² CENEXA, La Plata³

Estudios previos indican que la expresión crónica de la hormona gonadotrofina coriónica humana (hCG) en ratones transgénicos portadores de las subunidades β (hCG β +) o α/β de hCG (hCG $\alpha\beta$ +) altera el fenotipo en ambos sexos. Las hembras hCG β + y hCG $\alpha\beta$ + son infértiles, presentan niveles circulantes elevados de prolactina, andrógenos y progesterona, y desarrollan tumores. Los machos hCG $\alpha\beta$ + son infértiles, con elevadas androgenemia y progesteronemia. El objetivo fue analizar los metabolismos glucídico y lipídico en ratones de tipo salvaje (WT), hCG β + y hCG $\alpha\beta$ + adultos (6 meses de edad) de ambos sexos. Evaluamos ingesta alimentaria, peso corporal y niveles séricos de hCG, triglicéridos, colesterol, insulina y leptina. Analizamos también la respuesta a glucosa e insulina y la histología tisular (páncreas e hígado). Los niveles séricos de hCG fueron 5 y 30 veces mayores en machos y en hembras hCG β +, respectivamente; y 1000 veces superiores en hCG $\alpha\beta$ + de ambos sexos. Los machos WT, hCG β + y hCG $\alpha\beta$ + presentaron similar insulinemia, leptinemia, trigliceridemia y colesterolesmia. Las curvas de tolerancia a glucosa e insulina resultaron alteradas en ambos grupos ($p < 0.05$), sin cambios histológicos tisulares. Los machos hCG β + mostraron mayor ingesta de comida y peso corporal ($p < 0.01$). Las hembras hCG β + y hCG $\alpha\beta$ + presentaron niveles elevados de insulina, leptina y triglicéridos, con obesidad, intolerancia a la glucosa e insulinorresistencia ($p < 0.05$); la histología pancreática indicó infiltración lipídica y la hepática infiltraciones lipídica e inflamatoria. Estos resultados demuestran que hCG induce una respuesta metabólica (glucídica y lipídica) dimórfica, que resulta ser dependiente del sexo y de los niveles circulantes de hCG. Las alteraciones metabólicas serían más susceptibles en el fenotipo femenino, mientras que el masculino protegería, al menos en parte, el desarrollo de las mismas.

544 (433) TRATAMIENTO CON DIETILNITROSAMINA (DEN) PARA EL INICIO DE HEPATOCARCINOMA (HCC) EN MODELO DE DIABETES TIPO 1 EN RATONES

Ainelén Arboatti¹; Lamberticci Flavia¹; Frances Daniel E¹; Pisani Gerardo B²; Monti Juan A¹; Carrillo María Cristina¹; Alvarez María De Lujan¹; María Teresa Ronco¹; Cristina Ester Carnovale¹
Instituto de Fisiología Experimental-CONICET¹ Cátedra de Morfología, Facultad de Ciencias Bioquímicas y Farmacéuticas, UNR.²

El estado diabético produce en el hígado modificaciones que aumentan la sensibilización del mismo a desarrollar HCC. Para analizar las posibles vías intracelulares implicadas en esta sensibilización, en una primera etapa nos propusimos desarrollar el modelo de HCC con una única dosis intraperitoneal (ip) del carcinógeno completo DEN. Ratones C57BL/6 fueron separados en: Control (C, vehículo), DBT (Estreptozotocina, 200mg/kg pc, ip), DBT tratados con insulina (I). (DBT+I), C+DEN (75mg/kg pc), DBT+DEN y DBT+I+DEN ($n=4$ c/u). La administración subcutánea de I mantuvo la glicemia en el rango 6-9 mM. A las 4 semanas de la inyección de DEN, se realizó la eutanasia de los ratones. En cortes de hígado se realizaron estudios histológicos y la cuantificación de hepatocitos en las distintas fases del ciclo celular (inmunoquímica PCNA). El tratamiento con I normalizó glicemia y niveles plasmáticos de fructosaminas en DBT y DBT+DEN. El grupo DBT+I+DEN mostró un aumento en: Relación Peso Hígado/ Peso Corporal (+40%*), hepatocitos en fase G1 (+433%*), hepatocitos en fase S (+164%*), hepatocitos en fase M (+900%*), índice de proliferación (IP, hepatocitos en fase G1, S, G2 y M, +323%*) ($*p < 0.05$ vs C). Además, DBT+I+DEN mostró aumento en hepatocitos en fase S (+35%#) y en fase M (+82%#) (# $p < 0.05$ vs DBT+I), no observándose modificaciones en IP (+18%). No se observaron grupos de hepatocitos basófilos

(hematoxilina-eosina) en ninguno de los grupos con DEN. Se evaluaron por Western blot marcadores de la progresión del ciclo celular: ciclina (Cyc) D1, E y G1. DBT+I+DEN mostró sólo un aumento en CycE (+179%#) que tiene máxima expresión en fase S. Estos resultados ponen en evidencia que la dosis de DEN utilizada induce una progresión en el ciclo celular hacia la fase M, pero no llega a aumentar el IP. Concluimos que la dosis de DEN utilizada no fue suficientemente efectiva para lograr una alteración en los hepatocitos que asegure el inicio del proceso de hepatocarcinogénesis.

545 (499) LA ADMINISTRACIÓN CRÓNICA DE UN BLOQUEANTE DEL RECEPTOR AT2 DE ANGIOTENSINA II REDUCE LA SEÑALIZACIÓN DE LA INSULINA IN VIVO

Iván Andrés Cervino; Valeria Burghi; Lucía Mazziotto; Marina Cecilia Muñoz; Fernando Pablo Dominici
 IQUIFIB, Depto. de Química Biológica, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA

Se ha demostrado que niveles circulantes elevados de angiotensina II promueven insulinoresistencia y diabetes tipo 2 y que este efecto estaría mediado por la activación de los receptores AT1 (AT1R). Por el contrario, se conoce poco sobre el papel del receptor AT2 (AT2R) en la modulación de las acciones de la insulina. Recientemente se reportó que el AT2R mediaría efectos contrarios a los promovidos por el AT1R. Teniendo en cuenta estos antecedentes, en este estudio se analizó la hipótesis de que el receptor AT2 es un modulador positivo de las acciones de la insulina. Para ello, se usaron ratones normales macho C57BL/6J a los que se les administró diariamente y durante 3 semanas 10 mg/kg de un antagonista del receptor AT2 (PD123319) por vía i.p. (n=8). Los animales controles recibieron solución salina (n=8). Al finalizar el tratamiento, se administró una dosis suprafiológica de insulina vía vena cava (10 UI/kg) o solución salina para investigar la activación basal. Mediante la técnica de Western Blotting se observaron cambios significativos en mediadores de la vía de transducción de señal de la insulina en el hígado y tejido adiposo. El antagonismo crónico del receptor AT2 redujo significativamente la respuesta a la insulina en términos de la fosforilación del receptor de insulina en residuos de tirosina (n=4; p<0,05) así como en la fosforilación de los residuos necesarios para la activación total de la enzima Akt en ambos tejidos (n=4; p<0,01). Estas alteraciones fueron concomitantes con un aumento en la activación de la MAP quinasa p38 en condiciones basales (n=4; p<0,05). Se concluye que el antagonismo de los receptores AT2 *in vivo* atenúa la transducción de señal de insulina de manera tejido específica. Por ello el receptor AT2 se señala como un posible modulador positivo de la señalización de la insulina en ratones normales.

546 (528) EFECTO DEL HIPOTIROIDISMO SOBRE LA INMUNIDAD CELULAR T

Eduardo Valli¹; Alicia Juana Klecha^{1,2}; Nicolás Gigena³; Diego Martinel²; María Laura Barreiro Arcos¹; Helena A Sterle¹; Jc Perazzo²; Claudia Pellizas³; Gabriel Rabinovich⁴; Graciela Alicia Cremaschi²
 BIOMED¹ Fac. de Farmacia Y Bioquímica² CIBIC³ IBYME⁴

Las hormonas tiroideas (HTs) afectan el metabolismo y la inmunidad. El objetivo aquí fue analizar la influencia del hipotiroidismo sobre la funcionalidad celular T. Para ello, se trataron ratones C57Bl/6J con propiltiouracilo (PTU, 0.5 ug/ml de agua de bebida/15 días) (grupo hipo-) o con placebo (grupo eutiroides, eu-). Los niveles séricos de HTs se cuantificaron por RIA (eu- T3:70±2.5 ng/dl, T4:4.5±0.4 ug/dl, vs hipo- T3:57±3 ng/dl, T4:<2.0 ug/dl). La proliferación de las células T estimuladas con anticuerpos anti CD3+CD28+ fue menor en animales hipo-. Cortes de bazo hipotiroideos teñidos con hematoxilina-eosina mostraron desorganización focal con zonas atróficas. En tanto su tinción tricrómica mostró desorganización en ciertas zonas, folículos pequeños y atróficos, con reducción de la fibrogénesis. Además, la inducción de apoptosis en los bazos hipotiroideos fue evidenciada en inmunohistoquímica por un incremento en cantidad de células con marca tanto para caspasa 3 activa, como

para tunel. Estos efectos fueron revertidos por tratamiento del hipotiroidismo con T3 (0.2 ug/g/6 días). Por otra parte, se evaluó por qPCR la expresión genómica del transportador de HT, MCT8 y de la deiodinasa 2 (DIO2), las que aumentan en el grupo hipo-, unas 50 y 35 veces respectivamente. Podemos sugerir que la disminución de la proliferación celular T, los hallazgos compatibles con apoptosis de células linfoides y la reducción de fibrogénesis observados en el hipotiroidismo experimental serían provocados por la reducción de los niveles de HTs y no se relacionarían con potenciales efectos tóxicos del PTU sobre las células inmunes, dado que tales efectos se revierten con reemplazo hormonal y las células hipotiroideas conservan la capacidad de responder fisiológicamente ante la carencia de HTs, elevando los niveles tanto de su transportador como de DIO2.

547 (593) TRES NUEVAS MUTACIONES EN EL GEN DICER1 EN PACIENTES CON TUMORES HEREDITARIOS PEDIÁTRICOS

Jesica A Galeano; Roxana Marino; Pablo Ramirez; Natalia Perez Garrido; Elisa Vaiani; Mariana Costanzo; Laura De La Rosa; Gabriela Obregón; Guillermo Chantada; Marco Aurelio Rivarola; Alicia Belgorosky
 Hospital de Pediatría Juan P Garrahan SAMIC

Introducción: Mutaciones germinales en el gen DICER1 presentan riesgo aumentado de padecer ciertos tumores que incluyen Blastoma Pleuropulmonar, Nefroma Quístico, Bocio Multinodular, Tumor Neuroectodérmico Primitivo, Rabdomiosarcoma Embriionario Uterino, Tumor ovárico de células Sertoli-Leydig. DICER1 codifica para una proteína esencial en el procesamiento y maduración de los miRNAs. Mutaciones germinales en este gen causarían una alteración en el procesamiento de los miRNAs y desregulación de oncogenes target lo que llevaría a un riesgo aumentado de tumorigénesis. En la mayoría de los tumores descriptos, existe una mutación en la línea germinal heterocigota y una segunda mutación somática en el alelo salvaje (segundo "hit"). Por lo tanto, una vez identificada la mutación germinal, es importante poder realizar el análisis molecular en muestra de tejido tumoral para hacer el diagnóstico. Objetivos: Determinación de mutaciones germinales en el gen DICER1 en 3 pacientes con tumores hereditarios pediátricos del espectro DICER1. Métodos: Amplificación de los exones codificantes y regiones intrónicas flanqueantes mediante PCR y secuenciación automática. Casos clínicos: P1 niña con tumor ovárico de células de Leydig-Sertoli bilateral diagnosticada a la edad de 5 años; P2, niña con tumor ovárico de células de Leydig-Sertoli y bocio multinodular con un primer diagnóstico a los 12 años; y P3, varón con nefroma quístico diagnosticado a los 2 años. Resultados: Detectamos 3 mutaciones heterocigotas no descriptas previamente en los pacientes estudiados: p.Trp1098* en P1, p.Phe3515fs*1 en P2 y p.Asp244Glyfs*27 en P3. Dichas mutaciones predicen la aparición de una proteína truncada a la cual le faltan los dominios RNAsa IIIa, RNAsa IIIb y los sitios de unión a metales, esenciales para la actividad enzimática. Conclusiones: En este estudio reportamos 3 nuevas mutaciones en el gen DICER1. El estudio molecular del gen DICER1 permite identificar a las familias de alto riesgo, realizar un diagnóstico temprano y ofrecer asesoramiento genético con respecto al riesgo de recurrencia familiar.

548 (611) EL HIPOTIROIDISMO INDUCE INVOLUCIÓN PREMATURA DE LA GLÁNDULA MAMARIA AUMENTANDO LA EXPRESIÓN DE CASPASAS Y PARP AL FINAL DE LA LACTANCIA

Fiorella Campo Verde Arbocco; Corina Veronica Sasso; Ruben Walter Caron; María Belen Hapon; Graciela Alma Jah
 IMBECU

En trabajos previos hemos demostrado que el hipotiroidismo (HipoT) tiene un efecto deletéreo en la lactancia alterando las vías de señalización que participan en la diferenciación mamaria, generando estasis de leche e induciendo reestructuración del tejido mamario al final de la lactancia. Se ha demostrado que en

la involución maMaría, las células epiteliales sufren apoptosis por Anoikis. Este mecanismo de muerte celular es mediado por lisosomas e involucra la activación de la vía de las Caspasas y la expresión de bax. Previamente demostramos que el HipoT genera involución prematura del tejido mamario y altera la expresión de proteínas estructurales en el día 21 de lactancia (L21). El objetivo de este trabajo fue analizar si la involución inducida por el HipoT involucra a las Caspasas y la muerte celular por Anoikis. Se determinó la expresión de Caspasa-8/3, PARP y BAX mediante inmunohistoquímica y análisis histológico. Se usaron ratas Wistar hembras tratadas con 0,1 g/l PTU (hipoT) en el agua de bebida (n=3). En L21 se obtuvieron las glándulas maMarías inguinales. Se fijaron en formol y se hicieron cortes de 5 micras. El grupo HipoT mostro desestructuración del tejido mamario junto con un aumento en la expresión de las Caspasas-8/3 y PARP ($p < 0.05$). Si bien la expresión de Bax no se alteró por el hipoT, el análisis de la histoarquitectura reveló mayor abundancia de tejido adiposo, menos alveolos totales y menos alveolos activos ($p < 0.05$). Al mismo tiempo en el grupo HipoT encontramos abundantes alveolos colapsados y con células en claro proceso de Anoikis. Considerando que el hipoT genera estasis de leche, estos resultados nos permiten pensar que la tensión celular causada por la falta de vaciamiento alveolar desencadenaría en forma prematura la muerte celular por Anoikis claramente visible en las glándulas HipoT. Al mismo tiempo, el aumento en la expresión de las Caspasas facilitaría el proceso apoptótico promoviendo la involución maMaría acelerada.

549 (629) VALIDACIÓN DEL USO DE CÁPSULAS DE SILASTIC PARA LA ADMINISTRACIÓN CRÓNICA DE ESTRADIOL Y PROGESTERONA EN RATAS ADULTAS

Florencia Merino¹; Nadia Bourguignon²; Mercedes Imsen¹; Camila Racana Narvaez¹; Victoria Lux-Lantos²; Adriana Seilicovich¹; Sandra Zárate¹
INBIOMED¹ IBYME²

La ovariectomía seguida de Reemplazo Hormonal (RH) es un modelo ampliamente usado para determinar los efectos individuales del estradiol (E2) y la progesterona (P4) en diversos procesos. Sin embargo, no existe consenso sobre el método de administración ni las dosis más adecuadas para mantener niveles hormonales estables dentro del rango fisiológico en tratamientos crónicos. Nuestro objetivo fue validar un modelo de RH con cápsulas de silastic conteniendo E2, P4 o E2+P4 por 6 semanas y comparar los niveles de E2 obtenidos por RIA versus un kit comercial de ELISA. Ratas hembras adultas fueron ovariectomizadas e implantadas s.c. con cápsulas de silastic vacías (OVX) o conteniendo 1mg E2 (OVX-E2), 50mg P4 (OVX-P4) o ambas (OVX-E2+P4) y luego de 2, 4 o 6 semanas determinamos las concentraciones plasmáticas de dichas hormonas por RIA. Los niveles de E2 se encontraron dentro del rango fisiológico en OVX-E2 y OVX-E2+P4 y los de P4 en OVX-P4 y OVX-E2+P4. El peso uterino confirmó la eficacia de la RH ($p < 0.01$).

	2 semanas	4 semanas	6 semanas
OVX	13.7±2.0	11.7±0.0	s/datos
OVX-E2	49.3±2.3	29.0±0.0	40.8±3.7
OVX-P4	7.2±1.3	16.3±4.6	s/datos
OVX-E2+P4	78.9±39.6	61.2±0.6	47.7±24.7
P4 (ng/ml)			
OVX	4.8±2.0	1.8±0.9	1.7±0.7
OVX-E2	15.0±4.1	12.7±2.2	12.0±2.2
OVX-P4	21.5±12.0	20.2±2.3	34.6±27.3
OVX-E2+P4	17.8±1.8	21.4±5.8	15.5±5.4
Peso uterino/peso			
OVX	0.7±0.1	0.4±0.1	0.7±0.2
OVX-E2	2.1±0.1*	1.5±0.2*	2.0±0.2*
OVX-P4	0.6±0.1	0.5±0.1	0.6±0.1
OVX-E2+P4	1.9±0.1*	1.6±0.1*	2.1±0.2*

Los niveles de E2 en el ciclo estral obtenidos por RIA fueron superiores a los obtenidos por ELISA pero dentro de niveles fisiológicos (Proestro:99.5±19.6 vs 50.8±17.0, Estro:58.6±15.4 vs 9.9±7.3, Diestro:45.5±16.8 vs 6.8±1.2 ng/ml; $p < 0.05$). Nuestros

resultados validan el uso de cápsulas de silastic conteniendo 1mg de E2 y 50mg de P4 para la administración crónica de estos esteroides al mantener su liberación sostenida dentro del rango fisiológico por varias semanas. No encontramos beneficios adicionales en el uso del kit comercial de ELISA para E2 frente al RIA.

550 (657) LA DEHIDROTESTOSTERONA (DHT) ESTIMULA LA SECRECIÓN DE PROGESTERONA Y ALDOSTERONA Y DISMINUYE LA PRODUCCIÓN DE CORTISOL EN CÉLULAS ADRENOCORTICALES HUMANAS

María Cecilia Alonso Burgos; Mercedes Maceiras; Nora Saraco; Paula Aliberti; Marco A. Rivarola; Alicia Belgorosky; María Sonia Baquedano
Htal. de Pediatría Garrahan

La 17-Hidroxiprogesterona (17OHP) puede convertirse a DHT por la vía alternativa o "backdoor pathway" sin los intermediarios DHEA, androstenediona (A) y testosterona (T). Estudios recientes muestran que esta vía es responsable de la síntesis de DHT en estados patológicos donde se acumula 17OHP adrenal. Sin embargo, se desconoce su rol en la fisiología de la corteza adrenal humana. Resultados previos del laboratorio muestran que la corteza adrenal humana posnatal expresaría las enzimas para completar todas las reacciones de la vía alternativa, así como el receptor de andrógenos (AR), sin un claro patrón de expresión zonal. El objetivo fue evaluar el rol de DHT en la esteroidogénesis adrenal. La incubación con DHT (18hs), disminuyó la producción de cortisol y estimuló la secreción de progesterona (P) y aldosterona en condiciones basales (-1.3, +1.8 y +4 veces, respectivamente) y en presencia de 8-bromo-AMPC (-1.6, +2.2 y +2 veces, respectivamente) en células adrenocorticales humanas NCI-H295R de manera dosis-dependiente a partir de concentraciones ≥ 100 nM ($p < 0.05$), y este efecto no fue bloqueado por hidroxiflutamida, antagonista de AR. DHT no afectó la expresión de ARNm de CYP17A1 medida por RT-PCR en tiempo real. En estudios en función del tiempo, el aumento en la secreción de P se observó a partir de los 5 min, con un aumento significativo luego de 30 min de tratamiento con DHT ($p < 0.05$). Ensayos funcionales con y sin de DHT en células COS-7 transfectadas con el plásmido de CYP17 y utilizando P como sustrato mostraron que la actividad 17 α -hidroxilasa se inhibió un 50% ± 6 , $p < 0.05$. La androsterona (metabolito backdoor) estimuló la secreción de P ($p < 0.05$), mientras que no se hubo cambios significativos con T, DHEA y A (metabolitos vía clásica). Se podría postular a la DHT producida localmente como un regulador parácrino/autócrino de la esteroidogénesis, regulando la secreción de cortisol y aldosterona por inhibición post-transcripcional de la actividad de CYP17.

551 (659) ROL DE WNT3A Y β -CATENINA EN PROLACTINOMAS EXPERIMENTALES Y HUMANOS

Gianina Demarchi¹; Fiorella Spinelli¹; Daijana Vitale¹; Laura Alaniz¹; Silvia Berner²; Carolina Cristina¹
CENTRO DE INVESTIGACIONES BÁSICAS Y APLICADAS CIBA CITNOBA CONICET-UNNOBA¹ Servicio de Neurocirugía, Clínica Santa Isabel²

La vía de señalización Wnt promueve la autorrenovación y diferenciación celular. En la vía canónica los ligandos Wnt estabilizan a β -Catenina permitiendo su translocación al núcleo y la transcripción de genes diana. La desregulación de la vía y la localización nuclear de β -Catenina se asocian con la carcinogénesis. Se ha reportado la alteración de Wnt3a en algunos tipos de cáncer pero su papel en los tumores de hipófisis aún no ha sido estudiado. Estudios previos del laboratorio en modelos de prolactinomas murinos generados con Estradiol (E2) mostraron una relocalización de β -CATENINA desde la membrana hacia el núcleo y variaciones en la expresión de distintos componentes sugiriendo la activación de la vía Wnt en el modelo. Con tales antecedentes, en el presente trabajo nos propusimos estudiar el efecto del ligando Wnt3a en la activación de la vía y en el comportamiento de la línea de los lactotropos tumorales MMQ derivados de un prolactinoma de rata producido con E2. Adicionalmente determinamos la expresión de β -CATENINA en

prolactinomas de nuestra cohorte de adenomas hipofisarios humanos. Por qRT-PCR determinamos un aumento del ARNm de componentes de la vía canónica Wnt tales como β -Catenina ($N=3$, $p<0,05$;) y el gen diana *Ciclina D1* ($N=3$, NS) luego de 2hs de tratamiento con 0,25 y 1 ng/ml de Wnt3a. Asimismo el ligando modificó los niveles de expresión del ARNm de *Prolactina* en los lactotropos y de manera interesante aumentó los niveles del factor angiogénico *Vegf*. Mediante Western Blot determinamos que Wnt3a incrementó los niveles de β -CATENINA ($p=0,085$, $N=2$) y CICLINA D1. Entre las muestras de adenomas hipofisarios humanos detectamos por IHQ expresión de β -CATENINA con distintos niveles de localización en citoplasma, membrana y núcleo sugiriendo la activación de la vía Wnt en los prolactinomas. Concluimos que la vía canónica Wnt a través de Wnt3a y β -Catenina participaría en la tumorigénesis de los adenomas hipofisarios secretores de prolactina

552 (554) GENES CITOPROTECTORES Y SU RELACION CON LA DEFICIENCIA DE ANDRÓGENOS

Veronica Biaggio¹²; Silvana Piguillem²; María Verónica Pérez Chaca²; María Eugenia Ciminari²; Silvina Monica Alvarez¹²; Susana Ruth Valdez³; Nidia Noemi Gómez¹²
 IMIBIO-SL¹ Laboratorio de Anatomía y Fisiología- Universidad Nacional de San Luis² IMBECU³

Los andrógenos juegan un importante rol fisiológico en la función pulmonar. Sumado a ello, se sabe que hay un incremento de enfermedades pulmonares en hombres adultos mayores. Por otro lado, la expresión de las proteínas de shock calórico (Hsp) pueden ser utilizada como un biomarcador sensible cuando las células son sometidas a condiciones de estrés. Ratas macho de la cepa Wistar (200 \pm 20 g) fueron separadas en tres lotes: controles (Co), castradas (Ca), y un grupo de ratas castradas a las que se les administró Testosterona durante los últimos cinco días previos al sacrificio (Ca+T). Se obtuvo tejido pulmonar a los 30 y 90 días de tratamiento y se analizaron los cortes histológicos de pulmón en ambos tiempos, además de determinar niveles de andrógenos y TBARS. Se realizó inmunohistoquímica de Hsp27 y Hsp70i. Los niveles de andrógenos fueron significativamente menores en el grupo Ca ($p<0,0001$), con respecto al grupo Co y en el grupo Ca+T los valores tienden a alcanzar los valores de los Co, estando los niveles de TBARS incrementados en los Ca, al comparar con los respectivos controles. Hsp27 disminuye en Ca a los 30 días ($p<0,001$), mientras que a los 90 días aumenta en Ca ($p<0,05$). Ca+T sólo aumenta significativamente a los 90 días ($p<0,01$). Hsp 70i aumenta significativamente en Ca a los 30 días ($p<0,001$) mientras que disminuye en Ca+T ($p<0,01$). A los 90 días aumenta en Ca ($p<0,05$) y en Ca+T ($p<0,01$). A partir de la información analizada podemos sugerir que la actividad citoprotectora está disminuida en forma marcada a los 30 días de castración, pero no ocurre lo mismo a los 90 días. Estos resultados sugieren que la deficiencia de andrógenos induce estrés en el pulmón, con aumento de los niveles de TBARS en una situación de deficiencia androgénica, sincrónicamente con cambios en la expresión de marcadores de citoprotección. Esta situación es muy marcada en la primera etapa de la deficiencia, haciéndose menos evidente a medida que aumenta el tiempo de castración.

CARDIOVASCULAR 4

553 (85) COMPARACIÓN DE ISQUEMIA NO SIMULADA POR CESE DE FLUJO CON LA ISQUEMIA SIMULADA EN CORAZONES PERFUNIDOS DE RATÓN

Nehuén Salas¹; Ariel Escobar²; Yuriana Aguilar²; Alicia Mattiazzi¹; Carlos Valverde¹
 Centro de Investigaciones Cardiovasculares, UNLP/CCT La Plata CONICET¹ School of Engineering, UC Merced, Merced, Tx, EE.UU.²

Introducción: El corazón sometido a una isquemia sufre una disfunción en el manejo del calcio (Ca^{2+}) intracelular y en la función contráctil, que se recupera parcialmente durante la reper-

fusión del mismo. La magnitud de estas alteraciones se agrava en función del tiempo de duración de la isquemia. Para el estudio de esta patología se utilizan diferentes preparados, siendo el más común la retroperfusión aórtica (tipo Langendorff) del corazón aislado sometido a isquemia global o regional por cese de flujo. Algunos estudios requieren la utilización de cardiomiocitos aislados, los cuales por sus características son sometidos a una isquemia simulada químicamente. Objetivos: Comparar la función mecánica, el Ca^{2+} citosólico y la fosforilación de proteínas clave en el manejo del Ca^{2+} citosólico durante la isquemia global no simulada y la simulada químicamente. Materiales y métodos: Para el estudio se utilizaron ratones macho de la cepa Balb/c de 2 meses de edad. Luego de anestesiarlos con ketamina/diazepam (100 y 5 mg/Kg respectivamente) i.p., se practicó una toracotomía para extraer el corazón. El mismo se montó en un equipo de perfusión tipo Langendorff a flujo y temperatura constantes. Para evaluar la actividad mecánica (presión desarrollada por el ventrículo izquierdo, PDVI, y presión de fin de diástole, PFDVI) se colocó un globito de látex en el ventrículo izquierdo, conectado a un transductor de presión con registro por computadora. Para evaluar el Ca^{2+} citosólico en corazones intactos, los mismos se cargaron con el indicador fluorescente sensible a Ca^{2+} y se midió la fluorescencia por microscopía de campo local pulsado. Luego de un periodo de estabilización, los corazones se sometieron a dos técnicas de isquemia (15 minutos) y reperusión (3 minutos) (I/R), una por cese global de flujo (INS), y otra por isquemia simulada (IS) (pH 6,2, ausencia de glucosa, y reemplazo del O_2 por N_2). Para el estudio de fosforilación de proteínas, se congelaron corazones rápidamente en N_2 líquido a diferentes tiempos durante el protocolo de I/R (preisquemia, isquemia, y reperusión). Resultados: Durante la estabilización (preisquemia, PI) no hubo diferencias significativas en la actividad mecánica de ambos grupos de corazones. Durante la isquemia se observó una disminución en la PDVI en ambos protocolos (INS e IS), siendo menos pronunciada en la IS. Durante la reperusión los corazones con IS presentan una mayor recuperación contráctil que los INS (48,5 \pm 6,2 vs 11,9 \pm 6,6%, respectivamente, $P<0,05$). La contractura isquémica al final de la isquemia en los corazones IS fue menor que en los INS (29,0 \pm 5,5 vs. 56,6 \pm 3,1%, respectivamente, $P<0,05$), manteniéndose esta diferencia durante la reperusión. Adicionalmente se observó en la isquemia, una disminución en la amplitud de los transitorios de Ca^{2+} que acompañó lo observado en la PDVI. La fosforilación del residuo Thr¹⁷ de fosfolamban (proteína reguladora de la SERCA2a) por activación de la quinasa CaMKII (evidencia indirecta de aumento del Ca^{2+} intracelular) a los 3 minutos de reperusión fue mayor en la INS respecto a la IS (812 \pm 46 vs 155 \pm 26%, respectivamente, $P<0,05$). No se observaron cambios en la fosforilación (mediada por la quinasa PKA) del residuo Ser¹⁶ de PLN. Discusión y/o conclusiones: La isquemia simulada produce una alteración por isquemia y reperusión más leve que la isquemia no simulada. Estos resultados indican que al utilizar estos protocolos de I/R simulada se deben tener en cuenta las diferencias mecánicas y bioquímicas que presentan.

554 (211) EL ROL DE LA MITOCONDRIA Y METABOLISMO ENERGÉTICO EN DISTINTOS GRADOS DE ENDOTOXEMIA

Tamara Vico; Virginia Vanasco; Pablo Evelson; Silvia Alvarez
 IBIMOL

La endotoxemia se asocia con disfunción mitocondrial y estrés oxidativo. Procesos endotoxémicos leves se vinculan a desórdenes cardiometabólicos y envejecimiento, mientras que procesos endotoxémicos moderados a graves se vinculan a síndromes inflamatorios sistémicos como sepsis. El objetivo de este trabajo fue analizar la función mitocondrial en un modelo de endotoxemia leve, moderada y grave. Para ello se trataron ratas hembra Sprague-Dawley de 45 \pm 5 días de edad, con las siguientes dosis ip de LPS: 0; 0,5; 2; 4 y 8 mg/kg. A las 6 hs se sacrificaron los animales y se extrajo el corazón. Se utilizó el ventrículo izquierdo y se determinó el consumo de O_2 en cortes de tejido y mitocondrias aisladas, junto con la actividad de los complejos

mitocondriales. El consumo de O_2 en estado 3 (sustrato: malato-glutamato) mostró una relación inversa al aumentar el grado de endotoxemia (control: 153 ± 4 ; 0.5 mg/kg : 162 ± 8 y 8 mg/kg : $143 \pm 5 \text{ ng-at O/min.mg proteína}$; $p < 0.05$), mientras que la actividad de los complejos I (control: $484 \pm 22 \text{ nmol/min.mg proteína}$) y IV (control: $28.2 \pm 1.6 \text{ min}^{-1}/\text{mg proteína}$), si bien mostraron una tendencia a disminuir con la severidad del cuadro endotoxémico, las diferencias no fueron significativas. Los resultados muestran que la severidad del síndrome endotoxémico podría estar asociada a distintos grados de disfunción mitocondrial, destacando la importancia del status bioenergético celular.

555 (213) EFECTOS DE LA INHIBICIÓN DE LA FOSFODIESTERASA-5A (FDE5A) EN EL MIOCARDIO HIPERTRÓFICO DE RATAS SHR

Daiana Sabrina Escudero; Romina Gisel Díaz; María Soledad Brea; Enrique Leo Portiansky; Néstor Gustavo Pérez
Centro de Investigaciones Cardiovasculares

En un trabajo previo demostramos que el aumento de actividad de PKG por inhibición de FDE5A con sildenafil (SIL) inhibe al intercambiador Na^+/H^+ miocárdico (NHE1). Dado que la hiperactividad del NHE1 está vinculada al desarrollo de hipertrofia cardíaca, el objetivo de este trabajo fue estudiar los efectos de SIL en el miocardio hipertrofico de ratas SHR. Inicialmente se evaluó la capacidad inhibitoria de SIL ($1 \mu\text{M}$) sobre el NHE1 en cardiomiocitos aislados de SHR dado que no existían datos previos. Se midió el flujo de H^+ (J_{H^+}) a un pH_i común de ~ 6.8 durante la recuperación del pH_i post-acidosis (pulso de amonio) en ausencia de bicarbonato, donde el único mecanismo activo de regulación del pH_i es el NHE1. SIL disminuyó significativamente el J_{H^+} : (en mmol/L/min) 12.93 ± 3.80 , $n=5$ vs. 2.09 ± 0.87 , $n=4$ ($p < 0.05$), confirmando su efecto inhibitorio sobre el NHE1. Seguidamente tratamos ratas SHR de 8 meses de edad crónicamente (3 meses) con SIL (100 mg/Kg/día , $n=4$) y las comparamos con sus respectivos controles no tratados ($n=6$). El tratamiento disminuyó el cociente peso ventricular izquierdo/peso corporal (índice de hipertrofia) de $3.2 \pm 0.1 \text{ e}^{-3} \text{ mg/g}$ (SHR control) a $2.7 \pm 0.1 \text{ e}^{-3} \text{ mg/g}$ (SHR+SIL). En concordancia, cortes histológicos de ventrículo izquierdo mostraron una menor área de sección transversal de los cardiomiocitos en las ratas tratadas (688 ± 39 vs. $496 \pm 23 \mu\text{m}^2$, $p < 0.05$). Además, se observó una disminución significativa de la fibrosis miocárdica evaluada mediante porcentaje total de colágeno intersticial (7.01 ± 0.018 vs. $1.36 \pm 0.003\%$, $p < 0.05$), lo cual tuvo su correlato en una menor rigidez de la pared evaluada mediante la comparación de curvas longitud-tensión en músculos papilares aislados ($p < 0.05$, ANOVA de 2 vías). Los resultados muestran que la inhibición aguda de FDE5A por SIL inhibe la actividad del NHE1 en ratas SHR, sugiriendo que dicho efecto sería responsable de la mitigación de la hipertrofia cardíaca y la menor rigidez de los corazones tratados crónicamente con SIL.

556 (246) UNA MUTACIÓN QUE PREVIENE LA FOSFORILACIÓN POR PKA EN EL RECEPTOR DE RIANODINA CARDIACO (RYR2) INCREMENTA EL POTENCIAL ARRITMOGÉNICO DE LOS RYR2 QUE PRESENTAN UNA MUTACIÓN CANÓNICA PARA CPVT

*Julietta Palomeque*¹; Jonathan J Hernandez²; Francisco J Alvarado²; David J Bradley³; Roberto Ramos Mondragon²; Xi Chen²; Hector H Valdivia²
*Universidad Nacional de La Plata*¹ *University of Michigan-Center for Arrhythmia Research*² *University of Michigan-Pediatric Cardiology*³

Es confuso el efecto de la fosforilación por PKA sobre el fenotipo disfuncional de receptores de rianodina cardíacos (RyR2) mutantes en la Taquicardia Ventricular Polimórfica Catecolaminérgica (CPVT). Para develarlo estudiamos una familia de miembros heterocigotos para 1) una mutación canónica CPVT (Y4721C), 2) una mutación insensible a PKA (R2027H), o 3) ambas. Examinamos la historia clínica familiar. Y4721C y R2027H fueron generados por mutagénesis específica. Ratones knock-in RyR2-S2030A, RyR2-R4496C o combinados fueron

estudiados a nivel electrocardiográfico y celular. Se realizaron ensayos de unión de [^3H]rianodina y Western Blots (WB). El padre acarrea Y4721C, tuvo un síncope por esfuerzo de adolescente, comenzó con fibrilación auricular (FA) a los 40 años y presenta miocardiopatía dilatada. La madre, asintomática, porta R2027H. Dos de los hijos con ambas mutaciones tienen un fenotipo severo, con recurrentes resucitaciones. Las generaciones subsecuentes, asintomáticas, tienen las mutaciones aisladas. Los WB mostraron fosforilación por PKA del WT y del Y4721C, pero no del R2027H. La activación dependiente de Ca^{2+} de R2027H y WT fueron similares ($EC_{50} = 618 \pm 144$ y $728 \pm 56 \text{ nM}$) y menor en Y4721C ($434 \pm 56 \text{ nM}$); sin embargo, la co-expresión de ambas mutaciones produjo un desplazamiento mayor en la curva de afinidad por Ca^{2+} ($250 \pm 25 \text{ nM}$, $p < 0.05$, $n=6$). El electrocardiograma intracardiaco mostró una mayor incidencia de FA en los ratones con ambas mutaciones que en el resto. Las liberaciones de Ca^{2+} espontáneas de los miocitos fueron (Hz) para los WT: 0.04 ± 0.02 ; los R4496C: 0.04 ± 0.02 ; los S2030A: 0.15 ± 0.06 ; y para los R4496C-S2030A: 0.31 ± 0.03 ($p < 0.001$, $n=12-23$ células por grupo). La expresión de subunidades de RyR2 insensibles a PKA en el marco de una mutación CPVT ligeramente arritmogénica (Y4721C), aumenta la sensibilidad al Ca^{2+} e incrementa dramáticamente la severidad de la enfermedad. La fosforilación por PKA pareciera ser benéfica, para prevenir la arritmogénesis en CPVT.

557 (314) CITOQUINAS PRO-INFLAMATORIAS, APOPTOSIS Y TGF- β 1 EN UN MODELO DE PROGRAMACION FETAL DE ENFERMEDAD CARDIOVASCULAR INDUCIDA POR UNA DEFICIENCIA MODERADA DE ZINC DURANTE EL DESARROLLO Y EL CRECIMIENTO

*Lorena Vanesa Jurio*¹; Marina Dasso²; Melisa Saravia²; María Natalia Gobetto¹; Leandro Guttlein⁴; Jorge Toblli³; Rosana Elesgaray¹; Cristina Arranz¹; Analia Lorena Tomat¹
*Fac.de Farmacia y Bioquímica. Univ. de Buenos Aires. Iquimefa*¹ *Fac. de Farmacia y Bioquímica. Univ. de Buenos Aires*² *Htal. Alemán*³ *Instituto Leloir*⁴

La deficiencia moderada de zinc durante la vida fetal y postnatal es un modelo de programación de hipertensión arterial y enfermedad cardíaca en ratas macho, caracterizado por menor crecimiento, peso y contractilidad del ventrículo izquierdo (VI). Evaluar citoquinas pro-inflamatorias, apoptosis y factor de crecimiento transformante beta 1 (TGF- β 1) en VI de ratas adultas de ambos sexos expuestas a una deficiencia moderada de zinc durante la preñez y el desarrollo como posibles mecanismos involucrados en las alteraciones cardíacas observadas previamente. Ratas Wistar fueron expuestas, desde la preñez hasta el destete, a una dieta control (C, 30 ppm) o deficiente en zinc (B, 8 ppm). Luego del destete, las crías macho (m) y hembra (h) C continuaron con dieta C (CCm y CCh) y las crías B m y h continuaron con dieta B o C durante 60 días (BBm, BBh, BCm y BCh). A los 81 días de vida, se evaluó en VI: expresión proteica de TGF- β 1 (TGF- β 1/ β -actina; western blot), número células apoptóticas (NNA/área; TUNEL) y citoquinas pro-inflamatorias: interleuquina-6 y factor de necrosis tumoral- α (IL-6, TNF- α ; % tinción positiva/área; IHQ). BBm y h presentan un aumento en NNA/área (CCm: 5 ± 1 ; BBm: 43 ± 9 ; BCm: 4 ± 1 ; CCh: 5 ± 1 ; BBh: 20 ± 2 †; BCh: 6 ± 1) y de IL-6 (CCm: 1.8 ± 0.3 ; BBm: 21 ± 2 *; BCm: 2.8 ± 0.8 ; CCh: 1.7 ± 0.4 ; BBh: 21 ± 2 †; BCh: 2.5 ± 0.7) y TNF- α (CCm: 1.4 ± 0.4 ; BBm: 20 ± 2 *; BCm: 1.7 ± 0.3 ; CCh: 1.4 ± 0.3 ; BBh: 21 ± 2 †; BCh: 1.6 ± 0.4) vs CC. Siendo mayor el NNA/área en BBm vs BBh. Respecto a TGF- β 1, BBm y h presentan menor expresión proteica vs CCm y h (CCm: 1 ± 0.1 ; BBm: 0.2 ± 0.1 *; BCm: 0.8 ± 0.1 ; CCh: 1 ± 0.2 ; BBh: 0.5 ± 0.1 †; BCh: 0.7 ± 0.3)* $p < 0.05$ vs CCm; † $p < 0.05$ vs CCh; * $p < 0.05$ vs BBm. La deficiencia de zinc pre y postnatal determina alteraciones inflamatorias, apoptóticas y del TGF- β 1. Estas contribuirían al menor crecimiento, ausencia de remodelado hipertrofico y las alteraciones funcionales observadas en m. Sin embargo, en h, no serían suficientes para desencadenar alteraciones funcionales, observándose una menor susceptibilidad y/o protección.

559 (400) REGULACIÓN DE LA FUNCIÓN ENDOTELIAL MEDIA- DA POR EL PÉPTIDO NATRIURÉTICO TIPO C: PARTICIPACIÓN DE FACTORES VASOACTIVOS

Carolina C Caniffi¹; Susana Novella²; Carlos Hermenegildo Caudevilla²; Cristina Arranz¹
 Fac. Farmacia y Bioquímica, IQUIMEFA, CONICET-UBA¹
 Fac. de Medicina, Universidad de Valencia²

La producción y liberación de factores vasoactivos en células endoteliales (CE) contribuye a mantener una adecuada función e integridad de la pared vascular. Objetivo: evaluar el efecto del péptido natriurético tipo C (CNP) sobre la producción de óxido nítrico (NO), prostaciclina (PGI₂) y tromboxano A₂ (TXA₂) en CE. Materiales y métodos: se utilizaron CE de vena de cordón umbilical humano (HUVEC) incubadas (24 hs) con CNP (0,1 μM), cANP₍₄₋₂₃₎ (agonista selectivo del receptor natriurético tipo C (NPR-C), 0,01 μM), y/o L-NAME (inhibidor no selectivo de la NO sintasa (NOS), 0,1 mM). Se determinó (% respecto al control): producción de NO (sonda fluorescente DAF-FM 4-amino diacetato) y de prostanooides PGI₂ y TXA₂ (EIA). Se cuantificó (Western blot, UA): NOS endotelial (eNOS/actina), su fosforilación (eNOS-P/eNOS), ciclooxigenasas-1 y -2, y PGI₂ sintasa (densidad/actina). Los resultados se expresan como media±ESM, n=6/grupo. Análisis: ANOVA un factor, post-test Bonferroni. Resultados: (*p<0,01 vs CNP).

	CNP	cANP ₍₄₋₂₃₎	CNP+L-NAME
NO	168±17	170±13	99±7*
PGI ₂	190±37	91±13*	166±27
TXA ₂	94±10	78±19	82±19

El CNP aumentó la producción de NO respecto al control (p<0,01) y dicho aumento fue similar al observado con el agonista de NPR-C. Ambos péptidos aumentaron la fosforilación y el contenido total de eNOS con respecto al control (p<0,01). La producción de PGI₂ aumentó sólo en presencia de CNP, mientras que el TXA₂ no presentó diferencias con los tratamientos. Además, no se observaron diferencias en el contenido proteico de las enzimas responsables de la síntesis de prostanooides ante los distintos tratamientos frente al control. Conclusión: El CNP estimula positivamente mecanismos involucrados en la regulación de la homeostasis del sistema vascular. El aumento en la producción de NO y de PGI₂ podría favorecer el mantenimiento de una adecuada función endotelial.

560 (543) NITROSILACIÓN DE ACUAPORINA-1 CARDIACA EN RESPUESTA AL ESTRÉS OSMÓTICO DURANTE LA ETAPA DE CRECIMIENTO

Vanina A Netti^{1,2}; Agustina Iovane²; Elsa Zotta³; Andrea Fellet²; Ana María Balaszczuk²
 Laboratorio de Biomembranas, IFIBIO-HOUSSAY, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires¹ Cátedra de Fisiología, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA, IQUIMEFA-CONICET² Laboratorio de Fisiopatología, Facultad de Medicina, UBA³

La acuaporina-1 (AQP1) se expresa en el corazón y transportaría óxido nítrico (NO), un regulador de la función cardíaca. El objetivo de este trabajo fue estudiar los cambios en AQP1 y el sistema del NO en respuesta al estrés osmótico inducido por la restricción de agua durante el crecimiento. Ratas macho Sprague-Dawley de 25 y 50 días (n=10) fueron divididas en: R: restricción de agua 3 días; C: agua ad libitum 3 días. Se determinaron: actividad de NO sintasa (NOS), niveles proteicos, localización y nitrosilación de AQP1 y los efectos del dador de NO nitrospruato de sodio (SNP) sobre la permeabilidad osmótica al agua de vesículas de membrana de corazón. La restricción de agua indujo un estado de deshidratación en ambos grupos etarios. AQP1 se localizó en el endocardio y endotelio del corazón de animales controles de ambas edades. La hipovolemia no alteró la localización o abundancia de AQP1 en animales del grupo R25, pero en el grupo R50, AQP1 se localizó en la membrana de los cardiomiocitos y sus niveles proteicos se incrementaron. La actividad de NOS y la nitrosilación de AQP1 aumentaron en R25, sin haber diferencias entre animales C y R de 50 días. Por otra parte, las membranas cardíacas aisladas que expresan AQP1 presentaron un coeficiente de permeabilidad osmótica compatible con la presencia de acuaporinas funcionales (Pf: 326±17 μm/s,

n=6) y el pretratamiento con SNP disminuyó la permeabilidad al agua (Pf: 102±4 μm/s, n=5). Concluimos que los cambios en AQP1 y el sistema del NO cardíaco frente al estrés osmótico dependen de la edad estudiada. El aumento de la actividad de NOS en el grupo de 25 días podría inducir la nitrosilación de AQP1, descendiendo la permeabilidad osmótica al agua de las membranas e impactado negativamente en el balance de agua cardíaco. En el grupo de 50 días, los cambios en la abundancia y localización de AQP1 podrían contribuir al mantenimiento de la homeostasis hídrica cardíaca durante la hipovolemia.

561 (562) ALTAS DOSIS DE LA PROTEÍNA HIGH MOBILITY GROUP BOX-1 (HMGB1) INDUCEN LA EXPRESIÓN DE VEGF Y ANGIOGÉNESIS EN OVEJAS CON INFARTO AGUDO DE MIOCARDIO

Carlos Sebastián Giménez; Paola Locatelli; Anna Hnatiuk; Rodrigo Ramírez; María Del Rosario Bauzá; Elin Gennero; Alberto Crottogini; Luis Cuniberti; Fernanda Daniela Olea
 Universidad Favaloro

La cardiopatía isquémica sigue siendo la causa de morbimortalidad más frecuente a nivel mundial y local. Su complicación más grave, el infarto agudo de miocardio (IAM), y su consecuencia, la insuficiencia cardíaca, son responsables del 31% de las muertes en Argentina. La inducción a la angioarteriogénesis y a la miocardiogénesis aparecen como alternativas promisorias. Se ha demostrado que la administración de la proteína pro-inflamatoria HMGB1 en ratones con infarto agudo de miocardio (IAM) induce angiogénesis por sobreexpresión de VEGF y miocardiogénesis por proliferación de células madre cardíacas c-kit+ y su diferenciación a cardiomiocitos, mejorando la función ventricular. Se desconoce el efecto de HMGB1 en mamíferos grandes, lo cual dificulta que los resultados observados en ratones puedan ser extrapolados al hombre. Tampoco se sabe si el efecto de HMGB1 es dosis-dependiente. Nuestro objetivo, entonces, fue evaluar los efectos de dos dosis diferentes de HMGB1 en ovejas con IAM para una eventual traslación a la clínica. Para ello, se operaron 21 ovejas a las cuales se les inyectó a las 4 hs del IAM dosis altas (10 mg, n=7), y dosis bajas (1 mg, n=7) de HMGB1 o placebo (PBS, n=7) en el peri-IAM. A los 7 días los animales fueron sacrificados y se tomaron muestras de miocardio para cuantificar VEGF (RT-qPCR) y para cuantificar capilares (inmunohistoquímica anti-lectina). La densidad capilar fue mayor que en placebo (1,71±0,19 cap/mm²) en el grupo con altas dosis (2,88 ±0,5 cap/mm², p<0.05) pero no con bajas dosis (2,35 ±0,39 cap/mm², p=NS vs. placebo, X±DS, ANOVA-Bonferroni). Igualmente, la expresión del gen de VEGF fue 3,8± 2,9 veces mayor que en placebo en el grupo con alta dosis (p<0.01) y 2,2±1,8 veces mayor con bajas dosis (p=NS). Conclusión: dosis altas (pero no bajas) de HMGB1 inducen sobreexpresión de VEGF y angiogénesis en un mamífero grande con IAM.

562 (584) PARTICIPACIÓN DE LA QUINASA DEPENDIENTE DE CALCIO Y CALMODULINA (CAMKII) EN EL ESTRÉS DEL RETÍCULO ENDOPLASMÁTICO INDUCIDO POR ISQUEMIA Y REPERFUSIÓN DEL MIOCARDIO

Mariano Nahuel Di Carlo; Romina V Becerra; Juan I Mariangelo; Margarita A Salas; Cecilia Mundiña-Weilenmann; María M Said; Leticia Vittone
 Centro de Investigaciones Cardiovasculares CCT CONICET La Plata UNLP

Restablecer el flujo sanguíneo luego de una obstrucción coronaria, si bien es esencial para prevenir el daño miocárdico, da lugar a efectos adversos como disfunción contráctil, arritmias y muerte celular (injuria por isquemia y reperfusión, I/R). Durante la I/R aumentan las especies reactivas del oxígeno y se altera la homeostasis del Ca²⁺ intracelular, condiciones que pueden afectar la función de plegamiento de las proteínas por parte del retículo endoplasmático (RE) dando lugar al llamado estrés del RE. Ambas situaciones también activan a la proteína quinasa dependiente de Ca²⁺ y calmodulina tipo II (CaMKII). En respuesta al estrés del RE se sintetizan proteínas con el fin de revertirlo y normalizar la fun-

ción celular: GRP78 asociada a la supervivencia celular y CHOP promotora de muerte celular. Objetivo: identificar la presencia de estrés del RE a través de la expresión de estas proteínas y relacionarlo con la activación de CaMKII. Corazones aislados y perfundidos de rata, se sometieron a 45 min de isquemia global seguida de 15min de reperfusión, en presencia y ausencia del inhibidor de CaMKII: KN-93. Controles: corazones sin isquemia (Ctrl). Se evaluó la activación de CaMKII por su autofosforilación y la expresión de GRP78 por inmunodetección y el nivel relativo de ARNm de GRP78, CHOP y GAPDH (normalizador). A los 15min de reperfusión se detectó un aumento en la actividad de CaMKII. Al mismo tiempo se encontró un incremento en la expresión de GRP78 respecto a los valores controles, que disminuyó significativamente por el tratamiento con KN-93 (I/R: 131,4±6,5% vs I/RKN 96,8±8,2% n=5-10). El nivel de ARNm de GRP78 y CHOP aumentó en la I/R: Ctrl 0,48±0,07 UA vs I/R: 0,93±0,19 UA para GRP78 y Ctrl 0,35±0,04 UA vs I/R: 0,66±0,06 UA para CHOP. Los resultados muestran la presencia de estrés del RE durante la I/R y sugieren la participación de CaMKII en la producción del mismo. Disminuir el estrés del RE podría ser un blanco terapéutico en la cardiopatía isquémica.

563 (591) INTERACCIONES DE WNT Y EL RECEPTOR TIPO 1 DE ANGIOTENSINA 2 EN EL ENVEJECIMIENTO CARDÍACO

Julia M Gallino Fernandez; Florencia Amanda Marchese; Eduardo A. García Gras
CESyMA, ECyT, Universidad Nacional de San Martín

Las señales de wnt controlan la diferenciación de varios tipos celulares así como la homeostasis del tejido adulto. Asimismo varios estudios proponen un rol para esta señal en el proceso de envejecimiento. Pruebas experimentales y clínicas muestran claramente que la inhibición crónica del receptor tipo 1 de angiotensina 2 (A2T1R) previene varios efectos negativos asociados al envejecimiento cardiaco (fibrosis, arritmias, falla cardiaca, etc). Considerando la existencia de varios cruces intracelulares de las vías de transducción de las señales de wnt y A2T1R postulamos que al menos algunos de los efectos observados en la inhibición de la vía de A2T1R podrían estar mediados por cambios en las señales de wnt. Para evaluar esta hipótesis analizamos la evolución de los componentes de la señal de wnt en el tiempo en ratones machos BALB/C de 2, 6, 12 y 15 meses sin tratar y tratados con 0,3 mg/ratón/día de losartán a partir de los 2 meses. A las edades indicadas se analizó la expresión cardiaca de los genes de interés mediante PCR en tiempo real. La expresión de la mayoría de los componentes de las señales de wnt disminuye entre los 2 y los 15 meses de edad. Sin embargo algunos tienen un pico de expresión a los 6 meses y otros no cambian. Cabe destacar que existen al menos 3 vías de señalización de wnt que pueden ser alternativamente activadas según la identidad y concentración de los componentes. El tratamiento crónico con losartán retrasó la disminución de la expresión de los genes cuya expresión decae en el tiempo (ej FZD1, FZD7), o un aumento de la expresión de los que no varían (ej: LRP5, LRP6). Finalmente en otros casos no hubo respuesta al losartán (ej: FZD4, FZD5). En conclusión se observa una relación entre el tratamiento con losartán y el mantenimiento de una alta expresión tanto de los receptores como co-receptores de la vía de señalización de wnt. Estudios futuros podrán dilucidar si este patrón se observa también para targets río abajo de la vía.

564 (626) ROL DEL DÉFICIT DE GALECTINA-3 SOBRE EL REMODELAMIENTO VENTRICULAR EN UN MODELO CRÓNICO DE INFARTO DE MIOCARDIO EN RATONES

Nadia Laura Martinez Naya; Pablo Cassaglia; María E. Aruanno; Isaac L. Morgunovsky Michelli; Veronica Volberg; Celina Morales; German E. Gonzalez; Ricardo J. Gelpi
Instituto de Fisiopatología Cardiovascular (INFICA), Departamento de Patología, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires

Previamente mostramos que el déficit de Galectina 3 (Gal3) aumenta el tamaño de infarto (IM) y produce un efecto desfavora-

ble sobre el remodelamiento ventricular (RV) a los 7 días postIM. El objetivo del presente trabajo fue evaluar si el déficit de Gal3 modifica la evolución crónica del RV postIM en ratones. Métodos: Ratones C57 y Gal3 KO con ligadura permanente de la arteria coronaria o sham fueron divididos en 4 grupos: 1) C57 Sham; 2) Gal3 KO Sham; 3) C57+IM y 4) Gal3 KO+IM. A las 4 semanas post-cirugía se realizó ecocardiografía y se cuantificó el tamaño de IM (TIM, tricrómico de Masson), el espesor de cicatriz y la fibrosis en la cicatriz. Resultados: (Media ± ESM)

	C57 Sham(3)	Gal3 KO Sham(3)	C57 IM(6)	Gal3 KO IM(4)
TIM(%)	--	--	31±4	34±4
FE(%)	59±3	66±8	40±4*	36±4#
DDVI(mm)	4±0,1	4±0,2	5±0,1	6±0,3#
DSVI(mm)	3±0,1	3±0,4	4±0,3	5±0,3#
Fibrosis cicatriz(%)	--	--	85±1	74±3†
Espesor Septum(µm)	--	--	91±6	61±3†

FE: fracción de eyección; DSVI y DDVI: diámetro sistólico y diastólico del VI respectivamente; *p< 0,05 C57 Sham vs C57IM; #p< 0,05 Gal3KO Sham vs Gal3KO IM; † p< 0,05 C57 IM vs Gal3KO IM Conclusión: El déficit de Gal3 incrementó la dilatación ventricular y redujo el colágeno en la cicatriz a las 4 semanas. Aquí, no observamos la diferencia en la función ventricular (FV) entre C57 IM y Gal3 KO IM que previamente reportamos a los 7 días postIM. Esto sugiere que la atenuación del proceso reparativo producido por la falta de Gal3 desde el inicio del IM mantuvo deprimida la FV.

565 (277) LAS ESPECIES REACTIVAS DEL OXÍGENO SON LAS RESPONSABLES DEL FENÓMENO DE LA ESCALERA NEGATIVA EN LA RATA

María Sofía Espejo; E. Alejandro Aiello; Verónica C. De Giusti
Centro de Investigaciones Cardiovasculares Dr. Horacio E. Cingolani

La relación entre frecuencia de estimulación y fuerza (RE-F) es un importante mecanismo de regulación de la contractilidad cardíaca. Una RE-F positiva se refiere a que un aumento en la frecuencia de estimulación induce un aumento de la fuerza de contracción; mientras que en una RE-F negativa la fuerza de contracción disminuye. Las especies reactivas del oxígeno (ROS) son las mediadoras intracelulares del efecto inotrópico positivo inducido por Angiotensina II, Endotelina y Aldosterona. La formación de ROS durante la RE-F no ha sido investigada en su totalidad. El objetivo del presente trabajo es investigar la RE-F en ratas y la participación de los ROS en dicho fenómeno. Se aislaron miocitos ventriculares de ratas Wistar, que fueron expuestos a frecuencias de estimulación de 0.5, 1, 2 y 3 Hz en un medio HCO₃⁻/CO₂ 5%, y se evaluó la contractilidad. Los datos se expresan como el porcentaje de aumento con respecto a 0.5 Hz en 1, 2 y 3 Hz, respectivamente. * p<0.05 vs HCO₃⁻. En HCO₃⁻ la RE-F fue negativa (1Hz 0.63±3.34, n=11; 2Hz 6.55±4.46, n=10; 3Hz -5.77±5.11, n=10), mientras que en presencia de Cariporide 10µM la escalera fue positiva (1Hz 10.79±1.17*, n=15; 2Hz 28.33±4.88*, n=13; 3Hz 30.91±6.54*, n=9). Dado que el Cariporide es un inhibidor del intercambiador sodio/hidrógeno (NHE-1), pero también fue demostrado que previene la salida de ROS mitocondriales, quisimos evaluar si su efecto sobre la RE-F era debido a la inhibición de la actividad del NHE-1 o secundario a la prevención del aumento citosólico de ROS. Pre-incubamos a los miocitos con MPG 2 mM (secuestrador de ROS) o con Apocinina 300 µM (inhibidor de la NADPH oxidasa), y en ambas situaciones encontramos que se revertía la escalera negativa (MPG: 1Hz 10.29±3.23, n=4; 2Hz 22.02±6.52, n=4; 3Hz 31.66±8.86*, n=3; Apo: 1Hz 7.99±0.88, n=6; 2Hz 21.86±3.31, n=6; 3Hz 12.75±5.30, n=5). Concluimos que el aumento en la frecuencia de estimulación genera un incremento de ROS, generando un efecto negativo en la respuesta contráctil.

566 (664) ESTUDIO DEL TRÁFICO DEL RECEPTOR MAS A NIVEL NEURONAL Y SU RELACIÓN CON 3LA PATOGÉNESIS DE LA HIPERTENSIÓN ARTERIAL
Flavia Micaela Cerniello; Mariela Gironacci
IQUIFIB

El sistema renina angiotensina (SRA) consiste en dos ejes contrabalanceados: uno presor constituido por el eje Enzima Convertidora de Angiotensina I/ Angiotensina II/ Receptor AT1 y un eje depresor constituido por Enzima Convertidora de Angiotensina II/ Angiotensina-(1-7) (Ang-(1-7)/ Receptor Mas (RMas). En la hipertensión arterial existe un desbalance entre ambos brazos. Hipotetizamos que el tráfico del RMas está alterado en la hipertensión arterial a nivel central, y ello contribuiría al desbalance entre los dos brazos del SRA en la hipertensión. Nuestro objetivo es investigar el tráfico del RMas a nivel neuronal en la hipertensión arterial. Para ello trabajamos con cultivos primarios de neuronas de tallo cerebral de ratas Wistar-Kyoto (WKY) y espontáneamente hipertensas (SHR). Evaluamos el contenido del RMas por Western-Blot (WB), la afinidad de unión del RMas por su ligando y el contenido intraneuronal endógeno de Ang-(1-7) por radioinmunoensayo (RIA) y observamos: mayor expresión del RMas en neuronas de SHR con respecto a WKY pero menor afinidad de unión por su ligando y menores niveles endógenos de Ang-(1-7). Evaluamos luego colocalización con marcadores de tráfico en neuronas previamente estimuladas con Ang-(1-7) 1µM durante 15 y 30min. El RMas colocalizó con arrestina, EEA1, marcador de endosomas temprano, y Rab11, marcador de vesículas de reciclado lento a la membrana, mientras que no se observó colocalización con el marcador de lisosomas. Sorprendentemente, el estímulo indujo un aumento en el contenido del RMas en el núcleo de las neuronas de SHR, determinado por colocalización del RMas con una sonda marcadora de núcleo, no así en las de WKY. Esto último estuvo de acuerdo con los resultados obtenidos por WB del RMas y por RIA de Ang-(1-7) en fracciones nucleares de neuronas estimuladas 30min con Ang-(1-7). Nuestros resultados demuestran que el RMas es endocitado a endosomas tempranos y luego reciclado a la membrana plasmática. Una fracción del RMas es direccionado al núcleo en las neuronas de SHR, lo cual demuestra que el RMas es regulado diferencialmente en la hipertensión arterial.

97 (55) LA INHIBICIÓN DE LA ISOFORMA 1 DEL CONTRA-TRANSPORTE NA⁺/CO3H⁻ ELECTROGÉNICO (NBCE1) EN LA RE- PERFUSIÓN DISMINUYE EL TAMAÑO DEL INFARTO Y ME- JORA EL ESTADO MITOCONDRIAL
Alejandro Ciocci Pardo; Luisa F González Arbeláez; Ernesto A Aiello; Susana M Mosca
Centro de Investigaciones Cardiovasculares CCT-CO-NICET

En un estudio previo realizado en nuestro laboratorio demostramos que la inhibición del NBCe1 es una maniobra cardioprotectora. Con el objeto de examinar la participación de la mitocondria en esta intervención y las vías involucradas realizamos experimentos en corazones aislados de rata perfundidos por la técnica de Langendorff. Después de 20 minutos de estabilización, los corazones fueron asignados a los siguientes grupos experimentales: 1) Control (C): 110 min de perfusión; 2) Control isquémico: 30 min de isquemia global (interrupción total del flujo coronario) y 60 min de reperusión; 2) AL3: un anticuerpo contra el dominio extracelular 3 del NBCe1 fue administrado durante los 10 min iniciales de la reperusión. El tamaño del infarto (TI) fue medido por medio de la tinción con sales de tetrazolol. La presión desarrollada (PDVI) y la presión diastólica final (PDFVI) del ventrículo izquierdo fueron utilizadas para evaluar la función sistólica y diastólica, respectivamente. El estado mitocondrial fue determinado midiendo la respuesta al Ca²⁺ del poro de permeabilidad transitoria de la mitocondria (a través de la dispersión de la luz, DL), la capacidad de retención de Ca²⁺ (CRC, por el método de Calcium Green) y el potencial de membrana (ΔΨ_m, por medio de la rodamina) en mitocondrias aisladas de los distintos grupos experimentales. También se midió la expresión de las formas

fosforiladas de p38MAPK, ERK½, Akt y PKCe. AL3 disminuyó el TI (11 ± 2% vs 31 ± 2%) y mejoró la recuperación postisquémica de la función miocárdica (PDVI: 65 ± 3% vs 18 ± 5%; PDFVI: 22 ± 3 vs 52 ± 7 mmHg al final de la reperusión). El agregado de 200 µM de Ca²⁺ produjo una DL de 1.43 ± 0.10 u.a. en el grupo C, disminuyó a 0.27 ± 0.08 u.a. en CI y se recuperó hasta 1.27 ± 0.14 u.a. en el tratado con AL3. La CRC fue de 473 ± 9 en el grupo C, disminuyó en el grupo CI (5 ± 1) y se recuperó con AL3 llegando al valor de 466 ± 47 nmol/mg proteína. En CI se observó una despolarización que fue prevenida por el tratamiento con AL3 (-148 ± 4.mV vs -95 ± 6 mV, siendo de -145 ± 9.mV en el grupo C. La expresión de todas las quinasas mencionadas disminuyó en el grupo CI (entre 30 y 40%) y aumentó en el grupo tratado alcanzando valores mayores al 100%. Estos datos muestran que el bloqueo del dominio extracelular 3 del NBCe1 atenúa la muerte celular y mejora la función miocárdica postisquémica. Estas acciones beneficiosas van acompañadas de mejora del estado mitocondrial a través de vías que involucran a las quinasas p38MAPK, ERK½, Akt y PKCe.

NEUROCIENCIAS 6

567 (180) CARACTERIZACIÓN DE UN MODELO DE LESIÓN DE RETINA DE ZEBRAFISH ADULTO POR INYECCIÓN INTRAOCULAR DE COCL2
Matías Pedro Medrano; M Paula Faillace
IFIBIO Houssay

A diferencia de los mamíferos, los peces teleosteos regeneran su retina luego de un daño. Para lesionar la retina y estudiar la proliferación y diferenciación celular en la regeneración, se utiliza al zebrafish y la inyección intraocular de toxinas, daños mecánicos o lumínicos. En el *zebrafish*, la inyección intravítrea de ouabaína provoca distintos grados de lesión o se utilizan daños lumínicos extremos para dañar selectivamente los fotorreceptores. En murinos, se observó que una inyección intravítrea de Cloruro de Cobalto (CoCl₂) puede provocar serios daños que, en concentraciones adecuadas, induce hipoxia química afectando principalmente a los fotorreceptores. Se evaluó la capacidad del CoCl₂ para inducir muerte selectiva de fotorreceptores en el *zebrafish* adulto y caracterizar el proceso de regeneración inducido por este método y compararlo con otras lesiones. Se realizó una inyección única intravítrea de CoCl₂ a distintas concentraciones y se analizó la morfología retiniana. Se cuantificó la proliferación celular a 2, 4 y 10 días post lesión (dpi), mediante una única inyección de BrdU. Se analizó la expresión del marcador glial GFAP y se midió por qPCR la expresión de genes marcadores de activación mitótica de progenitores retinianos (*lin28*, *asc11a* y *pax6*). La inyección de 10mM de CoCl₂ eliminó la capa nuclear externa sin afectar mayormente a las otras capas retinianas e indujo una alta proliferación celular. Se describió un pico proliferativo alrededor de los 4 dpi. La expresión de GFAP fue inducida por el daño y se observó co-localización con glia de Müller BrdU+. La expresión de genes marcadores de proliferación aumentó significativamente. Una inyección única de 10mM de CoCl₂ genera una lesión reproducible que daña a la capa nuclear externa, haciendo de esta lesión una herramienta útil para el estudio del proceso de regeneración en *zebrafish* y como modelo de enfermedades neurodegenerativas en las que se dañan primariamente los fotorreceptores.

568 (446) EFECTO PROTECTOR DE COMPUESTOS POLIFENÓLICOS EN LA INDUCCIÓN DE SENESCENCIA PREMATURA EN CÉLULAS DE EPITELIO PIGMENTARIO DE LA RETINA
Pablo Sebastián Tate; Mariela C. Marazita; Melisa D. Marquioni Ramella; Angela M. Suburo
Universidad Austral

La degeneración macular asociada a la edad (DMAE) es una enfermedad crónica progresiva de la retina que lleva a la pérdida irreversible de la visión. Se postula que la senescencia celular

prematura del epitelio pigmentario de la retina (EPR) podría jugar un papel principal en la etiología de la AMD. Altos niveles de estrés oxidativo son característicos de la enfermedad. El daño oxidativo es un inductor conocido de senescencia celular. Objetivos: Estudiar el efecto de compuestos polifenólicos, presentes en la dieta, en la respuesta senescente promovida por daño oxidativo en células de epitelio pigmentario de la retina ARPE - 19. Hipótesis: Los compuestos polifenólicos disminuyen los efectos del daño oxidativo inducido por H_2O_2 , disminuyendo la activación del mecanismo de senescencia prematura. Metodología: Células ARPE-19 fueron tratadas con ácido caféico (12,5µg/ml) o ácido clorogénico (100 µM) durante 2 horas y luego expuestas a daño H_2O_2 (150 µM) por 90 minutos. Finalizado el daño, las células fueron incubadas por 24 horas en medio fresco con el agregado de los compuestos polifenólicos. Este protocolo fue repetido por 3 días. Se evaluó la inducción de senescencia mediante la detección de la actividad de β-galactosidasa (β-gal +) por tinción con el sustrato X-Gal. Se evaluó la expresión de otros dos marcadores característicos de senescencia, p21 y p16, por Western blot. Resultados: El tratamiento con ambos compuestos, ácido clorogénico y caféico, redujo significativamente (entre un 16 y 29% respectivamente, $p < 0,05$) el número de células β-gal + en respuesta al daño por H_2O_2 . Resultados similares se observaron en la expresión de p21 y p16. Conclusiones: Tanto el ácido caféico como el ácido clorogénico protegen contra el daño oxidativo en células ARPE-19, disminuyendo la inducción del fenotipo senescente. Estos tratamientos podrían tener implicancias en el control de la degeneración tisular característica de la DMAE.

569 (455) RETINOPATIA DIABÉTICA: CARACTERIZACIÓN DE UN NUEVO MODELO ANIMAL MURINO

María Constanza Paz¹; Paula Virginia Subirada¹; Magalí Evelin Ridano¹; Claudia Castro²; María Cecilia Sánchez¹
CIBICI-Dpto. Bioquímica Clínica, Facultad de Ciencias Químicas, UNC¹ CIBICI-Dpto. Bioquímica Clínica, Facultad de Ciencias Químicas, UNC²

La diabetes tipo 2, que constituye un síndrome metabólico (SM), desencadena a nivel retinal complicaciones microvasculares conocidas como retinopatía diabética (RD). Varios modelos animales de RD han sido estudiados pero ninguno ha podido reproducir en su totalidad esta patología. En este trabajo se propone caracterizar un modelo murino de RD que conjugue las alteraciones del SM y reproduzca las etapas observadas en humanos. Para ello se utilizaron ratones C57BL/6 (WT) y deficientes en Apolipoproteína E (ApoE-KO) alimentados con dieta normal (DN) o con dieta rica en fructosa (DF) (10%) suministrada en el agua de bebida a partir de los 2 meses (M). A los 8 M de edad se analizaron en sangre niveles de glucosa y lípidos y se realizaron estudios funcionales retinales (ERG). Sobre las retinas extraídas se realizaron análisis histoquímicos y de inmunofluorescencia (IF). Al tiempo evaluado tanto los ratones WT DF como los ApoE-KO DN y DF presentaron hiperglucemia y dislipemia, alteraciones significativas en la onda b del ERG y POs disminuidos en los ratones WT DF y ausentes en los ApoE-KO DN y DF, siendo revertidos bajo tratamiento con pioglitazona (20 mg/kg). El estudio histoquímico (flatmount) mostró una disminución en la densidad vascular en los ApoE-KO DN y DF y en el número de cél. musculares lisas (α-SMA) tanto en los ApoE-KO como en los WT DF. Al evaluar muerte celular, se observaron células TUNEL-positivas a nivel de la capa de CG en los WT DF, incrementando en los ApoE-KO DN y DF. Por IF se observó expresión de GFAP en astrocitos de WT DN, mientras que los WT DF mostraron además expresión en células de Müller activadas, siendo incrementada en los ApoE-KO DN y DF. Los resultados indican que al tiempo evaluado tanto ratones WT DF como ambos grupos ApoE-KO presentaron alteraciones compatibles con RD. Posteriores estudios permitirán caracterizar los mecanismos involucrados en el desarrollo de esta afección ocular en estos modelos animales.

571 (513) LA EXPOSICIÓN A AMBIENTE ENRIQUECIDO PREVIENE EL DAÑO ISQUÉMICO RETINIANO

María Florencia Gonzalez Fleitas; Hernan Hugo Dieguez; Damián Dorfman; María Inés Keller Sarmiento; Ruth E. Rosenstein
CEFYBO

La isquemia retiniana es un componente central de diversas enfermedades visuales que son causas prevalentes de ceguera irreversible. Al presente, no existen recursos eficaces para la prevención y terapéutica del daño isquémico retiniano. En trabajos previos, demostramos que la exposición a ambiente enriquecido (AE) *a posteriori* de un evento isquémico retiniano agudo, provee protección funcional e histológica respecto al daño observado en animales albergados en ambiente estándar (AS). El objetivo de este trabajo fue analizar el efecto de la exposición a AE en forma previa al daño isquémico retiniano. Para ello, ratas *Wistar* macho adultas fueron albergadas en AS o AE durante 3 semanas previas a la isquemia. El AE consistió en jaulas grandes conteniendo 6 animales/jaula, ruedas y objetos de diferentes formas, texturas y colores que se reposicionaron 1 vez/día y se sustituyeron completamente 1 vez/semana. El AS consistió en jaulas estándar de laboratorio que albergaron 2 animales/jaula. Luego de una isquemia retiniana unilateral (inducida por aumento de la presión intraocular a 120 mmHg durante 40 min), ambos grupos de animales se albergaron en AS. A las 3 semanas post-isquemia, se analizó la función (por electroretinografía, ERG) y la histología retinianas (análisis morfométrico y número de células ganglionares retinianas (CGRs) por inmunomarcación para Brn3a). En animales albergados en AS, la isquemia indujo una caída significativa en la amplitud de las ondas a y b del ERG ($P < 0,05$), una disminución significativa en el espesor total de la retina ($P < 0,01$) y en el número de CGRs ($P < 0,05$), respecto a retinas no isquémicas. La exposición a AE previno significativamente la disminución en la amplitud de las ondas a y b del ERG ($P < 0,01$), en el espesor total de la retina ($P < 0,01$) y en el número de CGRs ($P < 0,05$) inducidas por isquemia. Estos resultados sugieren que la exposición previa a AE podría disminuir la vulnerabilidad de la retina al daño isquémico.

572 (519) LAS METALOPROTEINASAS SON ESENCIALES PARA LA MIGRACIÓN DE LAS CÉLULAS GLIALES DE MÜLLER INDUCIDA POR ESFINGOSINA-1- FOSFATO

María Victoria Simon^{1,2}; Facundo H. Prado Spalm^{1,2}; Marcela Vera^{1,2,3}; Nora P. Rotstein^{1,2,3}
INIBIBB¹ Univ. Nac. del Sur² CONICET³

Las células gliales de Müller (CGM) son el principal tipo glial en la retina. Distintos daños a la retina inducen su activación, originando la "gliosis" reactiva, cuya proliferación y migración anormales son claves en el desarrollo de las enfermedades proliferativas de la retina. Poco se sabe sobre los mecanismos que regulan estos procesos. Recientemente determinamos que la esfingosina-1- fosfato (S1P), un esfingolípido bioactivo, promueve la migración de las CGM. Investigamos ahora las vías de señalización activadas por la S1P y si las metaloproteinasas, enzimas involucradas en la migración celular, median la migración glial inducida por S1P. Cultivos puros de CGM de retina de rata se sometieron al ensayo de cicatriz y luego se suplementaron o no con W146 (10 µM) o BML-241 (10 µM), antagonistas de los receptores de membrana para S1P (S1PR) 1 y 3, respectivamente; LY294002 (50 µM), U0126 (10 µM) y SB203580 (1 µM), inhibidores de las vías de la PI3K, ERK/ MAPK y p38 MAPK, respectivamente; o TIMP-1 (300 ng/ml), pan inhibidor de las metaloproteinasas. Se incubaron después con S1P 5 µM, analizando la migración glial luego de 17 hs. Los cultivos suplementados con S1P mostraron una marcada migración de las CGM. El agregado de BML-241 disminuyó marcadamente la migración glial, tanto en cultivos controles como tratados con S1P, mientras que el W146 no afectó dicha migración. La pre-incubación con LY294002 o U0126 redujo en más de 60% la migración glial inducida por S1P, mientras que la disminución con SB203580 no fue significativa. El pre-tratamiento con TIMP-1 prácticamente bloqueó la migración de las CGM, inducida con S1P, reduciéndola a la observada en los controles. Nuestros resultados indican que la S1P activa al S1PR3

y las vías de señalización PI3K y ERK/MAPK para estimular la migración glial. También sugieren que las metaloproteinasas son esenciales en este proceso y que la S1P regularía su activación o su expresión para promover la migración glial.

573 (539) ROL DE LOS RECEPTORES X RETINOIDEOS EN LA SUPERVIVENCIA DE LAS CÉLULAS DEL EPITELIO PIGMENTADO DE LA RETINA

Victoria B Ayala-Peña¹; María F Pilotti²; Olga L German¹
INIBIBB¹ Univ. Nac. del Sur²

La degeneración de la mácula relacionada a la edad (AMD) es una de las principales causas que llevan a la ceguera en la población adulta y actualmente no posee cura ni tratamiento efectivo. En la AMD la degeneración por apoptosis de las células del epitelio pigmentado de la retina (EPR) resulta en la desaparición progresiva e irreversible de las neuronas fotorreceptoras con la consecuente pérdida gradual de la visión, donde el estrés oxidativo juega un papel importante. En las células del EPR se ha demostrado que los receptores X retinoideos (RXR) intervienen en la maduración de las mismas y en el ciclo visual de los retinoideos y se sabe que la activación de los RXR protege a las neuronas fotorreceptoras de la muerte por apoptosis inducida por distintos tipos de estrés oxidativo. Dado que para cumplir su función estos receptores se homo- o hetero-dimerizan, en este trabajo utilizamos diversos agonistas con diferentes afinidades por los RXR homo o heterodimerizados con otros receptores nucleares, y un antagonista de los mismos. Evaluamos la incumbencia de los RXR en la prevención de la muerte por apoptosis ante un daño oxidativo con H₂O₂ en las células D-407 (línea celular de epitelio pigmentado humano). Se estudió la supervivencia celular mediante el ensayo de MTT, fragmentación y pignosis nuclear y la expresión de caspasa-3 clivada mediante citoquímica, y la presencia de la escalera nuclear. El tratamiento con los agonistas de los homodímeros (RXR-RXR) y heterodímeros (RXR-PPAR) previnieron la muerte por apoptosis ante el daño oxidativo y el antagonista logró neutralizar esa protección. Sin embargo, un agonista de los RXR-RAR no previno la muerte en ninguna de las dosis ensayadas. Estos resultados sugieren que tanto los RXR homodimerizados como heterodimerizados con los PPAR participarían activamente en la protección del daño oxidativo en las células D-407.

574 (624) NANOMEDICINA: IDENTIFICACION DE BLANCOS TERAPÉUTICOS EN LA ENFERMEDAD DE ALZHEIMER

María Eugenia Navas Guimaraes¹²; María Beatriz Bistué Millón¹²; Eduardo Fernández-Megía³; Michael Wempe⁴; Claudio Cuello⁵; Martín Alejandro Bruno¹²⁵
Laboratorio de Neurociencias, Facultad de Ciencias Médica, Universidad Católica de Cuyo¹ CONICET² Departamento de Química Orgánica (CIQUS), Universidad de Santiago de Compostela, España.³ Department of Pharmaceutical Sciences, University of Colorado, Denver, Co, USA.⁴ Pharmacology and Therapeutics, McGill University, Montreal, Canadá.⁵

El inicio y la progresión de la Enfermedad de Alzheimer (EA) están relacionados con procesos neuroinflamatorios, de estrés oxidativo y asociados con el metabolismo del colesterol, los cuales se modulan a través de receptores X del hígado (LXR) presentes en el cerebro. Específicamente, la activación de los LXRs cerebrales inducen un aumento en la expresión de la lipoproteína ApoE, la cual facilita la degradación proteolítica de la proteína beta amiloide (Aβ) presente en el cerebro de pacientes con dicha patología. Agonistas de LXRs disminuyen el procesamiento amiloideogénico de la proteína precursora amiloide (APP), reduciendo los niveles cerebrales de Aβ, revirtiendo déficit de la memoria contextual en modelos transgénicos de EA. El presente proyecto está dirigido a evaluar los efectos cerebrales; en un ratón transgénico de AD, de la administración de un agonista de LXRs (llamado DMHCA) en forma diaria durante 28 días. Debido a que el mismo (por su carácter hidrofóbico), tiene limitada llegada al cerebro, se utilizaron nanocarriers (dendrímeros transportadores) los cuales

son administrados vía intranasal donde su farmacocinética y biodistribución en zonas críticas afectadas por la patología amiloide son mayores respecto a la vías de administración sistémica. Con ésta alternativa terapéutica se observó una disminución en la acumulación cortical de Aβ, aumentando los niveles de ABCA1 (intermediario post activación de LXRs) y ApoE, disminuyendo marcadores de neuroinflamación y estrés oxidativo tales como COX-2, Interleuquina 1-beta, iNOS, mejorando significativamente aspectos patológicos crónicos característicos de la enfermedad.

575 (638) EFECTO MODULADOR DE LAS PURINAS ENDÓGENAS SOBRE LA SECRECIÓN EVOCADA DE ACETILCOLINA

Javier Alberto González Sanabria; Maximiliano Hurtado Paso; Julieta Cavallucci; Adriana Losavio
Laboratorio de Neurofisiología - Instituto de Investigaciones Médicas Alfredo Lanari - IDIM-CONICET

Anteriormente demostramos que, en sinapsis neuromuscular de mamífero, el ATP/ADP y su metabolito adenosina modulan la liberación de ACh al activar receptores (R) presinápticos inhibitorios P2Y₁₂₋₁₃ y A₁, respectivamente. Asimismo, hallamos que en terminales nerviosas despolarizadas por alto K⁺, los antagonistas de dichos R aumentan la secreción asincrónica de ACh. Nuestro objetivo fue analizar el efecto de las purinas endógenas en preparaciones frénico-diafragma de ratones CF1 cuando las terminales nerviosas son despolarizadas por estimulación del nervio frénico. Estudiamos el efecto de antagonistas selectivos de los RP2Y₁₂₋₁₃ (2 μM AR-C69931MX) y RA₁ (0.1 μM DPCPX) sobre la amplitud de los potenciales de placa (EPPs) cuando el nervio es estimulado a 0.5, 5 ó 50 Hz (tren ó *bursts*). Se sabe que, dependiendo del patrón de estimulación, se produce fatiga de la neurotransmisión (la amplitud de los EPPs decrece un 25-75% durante los primeros 10 estímulos). Encontramos que AR-C69931MX y DPCPX no modificaron la amplitud de los primeros EPPs en ninguna de las frecuencias estudiadas. A 50 Hz (tren 750 pulsos ó 5 *bursts* de 150 pulsos) los antagonistas disminuyeron la depresión de la amplitud de los EPPs (últimos 20 EPPs/1^o EPP, tren: control 15.5±1.0%, AR-C69931MX 29.9±4.2%, p<0.05, n:6; control 8.4±0.7%, DPCPX 10.1±0.9%, p<0.05, n:4; promedio 5 *bursts*: control 26.1±1.1%, AR-C69931MX 37.4±2.3%, p<0.05, n:5; control 17.5±1.2%, DPCPX 21.1±1.3%, p<0.05, n:3). No hubo diferencias significativas a 0.5 y 5 Hz. Los resultados demuestran que en terminales nerviosas estimuladas a 50 Hz (tren o *bursts*), las purinas generadas endógenamente inducen inhibición de la secreción de ACh al activar RP2Y₁₂₋₁₃ y RA₁, ya que la incubación con AR-C69931MX o DPCPX redujo el decremento de la amplitud de los EPPs. Este dato podría ser de utilidad para aquellas enfermedades neuromusculares (Miastenia Grave, etc) donde el factor de seguridad de la transmisión neuromuscular está comprometido.

576 (658) EFECTO DE STX2 Y LPS EN LAS ALTERACIONES NEUROLÓGICAS DEL TÁLAMO CAUSADO POR LA ENCEFALOPATÍA ASOCIADA AL SÍNDROME URÉMICO HEMOLÍTICO EN UN MODELO MURINO

David Arenas - Mosquera¹²; Alipio Pinto¹²; Clara Berdasco¹²; Patricia A. Geoghegan³; Adriana Cangelosi³; Gabriela Brenner²; Jorge Goldstein¹²
IFIBIO HOUSSAY¹ Lab. de Neurofisiopatología, Depto. de Fisiología, Fac. de Medicina, Universidad de Buenos Aires² Centro Nacional de Control de Calidad de Biológicos - ANLIS "Dr. Carlos G. Malbrán" C.A.B.A.³

El síndrome urémico hemolítico es producido por la *Escherichia coli enterohemorrágica* que secreta los neurotóxicos Toxina Shiga (Stx) y lipopolisacárido (LPS). Con el objetivo de determinar la alteración de la unidad neurovascular de los núcleos ventral anterior y lateral del tálamo por estas toxinas, se utilizaron ratones machos Swiss-NIH (n=4 por tratamiento) y se les inoculó Stx2 (1ng/animal) y/o LPS (800 ng/animal) o vehículo (sc. fisiológica), y al día 4 del tratamiento se perfundieron intracardiacamente con paraformaldehído 4% en b. fosfato 0,1 M. Se realizaron

inmunofluorescencias anti-NeuN para detectar neurodegeneración, anti-GFAP para evaluar reacción astrocitaria, lectinas para observar cambios en la microvasculatura, Gb_3 para identificar los receptores de membrana para Stx2. Se capturaron imágenes por microscopía de fluorescencia y analizadas con el programa Image-J. Se realizaron los tests Anova y Bonferroni's Multiple Comparison para encontrar diferencias significativas entre los tratamientos. El número de núcleos neuronales con fenotipo anormal Gb_3 inmunopositivos fue significativo ($p < 0.05$) para los animales tratados con Stx2 y Stx2+LPS respecto al vehículo y los tratados con Stx2 y Stx2+LPS respecto al LPS. La astrogliosis observada fue significativa ($p < 0.05$) en los tratamientos de Stx2+LPS con respecto a los de Stx2. En la microvasculatura se observaron diferencias significativas ($p < 0.05$) en el área ocupada por los microvasos en los tratamientos con LPS respecto al vehículo, de LPS respecto a Stx2+LPS, y Stx2 con respecto a Stx2+LPS. El tamaño promedio de los vasos presentó diferencias significativas ($p < 0.05$) entre los tratamientos con Stx2+LPS, Stx2 y LPS respecto al vehículo. Se concluye que la Stx2 afecta la unidad neurovascular de los núcleos talámicos, incluyendo astrogliosis, neurodegeneración y daño microvascular por la presencia de las neurotoxinas, y que el LPS exacerba el daño ocasionado al contribuir con procesos neurodegenerativos.

577 (662) LA LEVOCABASTINA, ANTAGONISTA DEL RECEPTOR NEUROTENSINÉRGICO NTS2, INHIBE LA PRODUCCIÓN DE ÓXIDO NÍTRICO Y AUMENTA LA CAPTACIÓN DE NORADRENALINA A NIVEL DEL SISTEMA NERVIOSO CENTRAL

Alicia Angela Gutnisky¹; Analia G. Karadayian²; Sandra Hope³; Marcelo Vatta³; Silvia Lores-Arnaiz²; Georgina Rodríguez De Lores Arnaiz¹

Instituto de Biología Celular y Neurociencias "Prof. E. De Robertis", Facultad De Medicina, UBA.¹ Instituto de Bioquímica y Medicina Molecular, Facultad de Farmacia

y Bioquímica, UBA² Cátedra de Fisiología, IQIMEFA-CONICET, Facultad de Farmacia y Bioquímica, UBA³

La neurotensina puede actuar como neuromodulador o como neurotransmisor. Sus receptores principales son el NTS1 y NTS2, que unen al péptido con alta y baja afinidad, respectivamente. La neurotensina modula la actividad de Na/K-ATPasa, enzima esencial para el mantenimiento de los gradientes iónicos. Las propiedades de la Na/K-ATPasa neuronal se modifican por la administración de L-NAME, inhibidor de la síntesis de óxido nítrico (NO) y por la administración de levocabastina, bloqueante del receptor NTS2. Con el objetivo de estudiar la posible interacción entre el receptor a la neurotensina NTS2 y la óxido nítrico sintasa (NOS), se administró levocabastina y se evaluó la actividad de la NOS en membranas sinaptosomales de corteza cerebral. Dada la estrecha relación entre los sistemas catecolaminérgicos y la neurotensina y considerando la acción de las catecolaminas sobre la actividad de la NOS, fue de interés estudiar la posible relación entre el receptor NTS2 y la captación de 3H-noradrenalina a cortes de hipotálamo. Se administró levocabastina (50 $\mu\text{g}/\text{kg}$, i.p., 30 min) o vehículo (solución fisiológica) a ratas Wistar macho. Parte de los animales se empleó para obtener membranas sinaptosomales de corteza cerebral mediante centrifugación diferencial y en gradiente y evaluar la actividad de NOS. De otro grupo de animales, se disecaron las porciones anterior y posterior del hipotálamo, que se procesaron para determinar la captación de 3H-noradrenalina. La actividad de la NOS en las membranas sinaptosomales disminuyó alrededor de 50% por el tratamiento con la levocabastina o por el agregado in vitro de levocabastina 10-5M. La administración de levocabastina produjo un aumento de 35% y de 12% en la captación de 3H-noradrenalina en hipotálamo anterior y posterior, respectivamente. Estos resultados sugieren una interrelación en el funcionamiento del receptor NTS2 con la regulación de la síntesis de NO y los niveles de noradrenalina a nivel del sistema nervioso central.

INDICE DE AUTORES

- Abalo, Rocío 84 (669)
 Abalovich, Marcos 317 (340)
 Aban, Cyntia 287 (334)
 Aban, Cyntia 357 (253)
 Abascal, María Florencia 1 (57); 252 (145); 524 (545); 525 (553)
 Abba, Martín Carlos 187 (112); 202 (264); 210 (323); 337 (516); 512 (510); 524 (545)
 Abbate, María Mercedes 209 (321)
 Abeledo, Alejandra 234 (533); 388 (505); 248 (501)
 Abelleyro, Martín 63 (270)
 Abelleyro, Miguel 64 (281)
 Abiuso, Adriana María Belén 230 (123); 417 (64)
 Abramovich, Dalhia 17 (136); 442 (355); 443 (448); 16 (84)
 Abruzzese, Giselle Adriana 370 (535); 378 (547)
 Aburto Santiago, 312 (546)
 Facundo Alberto
 Accialini, Paula 16 (84)
 Acosta, A Gabriela 210 (323)
 Acosta, Juan Manuel 315 (148); 331 (138); 347 (92)
 Acquier, Andrea B. 536 (634)
 Acuña, Andrés 220 (165)
 Acuña, Miguel 303 (158)
 Adermatten, Romina 424 (193)
 Adler, Natalia Sol 215 (67)
 Agnetti, Lucrecia 466 (451); 467 (453)
 Agotegaray, Mariela A 169 (406)
 Aguilar, Yuriana 553 (85)
 Aguilera Braico, Diego Maximo 459 (394); 150 (244)
 Aguilera, Cristina 51 (585)
 Aguirre-Ghiso, Julio 479 (524)
 Aiello, Ernesto Alejandro 97 (55); 93 (305); 565 (277)
 Airaldi, Romina 316 (226)
 Aisemberg, Julieta 21 (616); 241 (445); 324 (596); 374 (580)
 Aisicovich, Maia 170 (10); 432 (256)
 Alaimo, Agustina 137 (65); 213 (46)
 Alaniz, Laura 551 (659); 7 (582)
 Albanese, Adriana Andrea 47 (497)
 Albanese, Alfonso 212 (38)
 Albanese, Eduardo 212 (38)
 Alberto Lazarowski, 295 (156)
 Alberto, María F. 110 (346)
 Alberto, Marina 47 (497)
 Albertoni Borghese, M Florencia 181 (389)
 Alcaraz, Graciela 317 (340)
 Alfaro, Natalia 327 (25)
 Aliberti, Paula 550 (657)
 Allasia, María Belén 293 (103)
 Allegri, Ricardo 59 (95)
 Allemand, Daniel 59 (95)
 Almada, Evangelina 135 (306); 504 (275); 506 (286); 509 (413)
 Aloisi, Natalia 56 (668)
 Alonso Burgos, María Cecilia 550 (657)
 Alonso, Carlos Agustín Isidro 356 (150); 439 (139)
 Alonso, Daniel Fernando 14 (526); 66 (530); 470 (459); 479 (524)
 Alonso, Eliana Noelia 103 (419); 185 (101); 461 (417); 522 (532)
 Alonso, Guillermo 391 (601)
 Alonso, Rodrigo 66 (530)
 Altalef, Rocío 436 (536)
 Altamirano, Gabriela A. 148 (98); 495 (94)
 Altamirano, Karina 501 (534)
 Altieri, Saverio 343 (403)
 Alvarado, Cecilia V 14 (526)
 Alvarado, Francisco J 556 (246)
 Alvares, Javier 406 (386)
 Alvarez, Cora Lilia 319 (424)
 Alvarez, Edgardo O. 136 (54); 214 (52)
 Alvarez, Elida M 102 (333); 346 (581); 457 (387); 526 (558)
 Alvarez, Gloria 153 (393)
 Alvarez, Laura 500 (517); 534 (615)
 Alvarez, María De Lujan 80 (587); 136 (54); 186 (110); 299 (245); 393 (261); 469 (458); 544 (433)
 Alvarez, Michelle 38 (364); 341 (248)
 Alvarez, Romina Soledad 38 (364)
 Alvarez, Sergio 11 (399); 52 (588); 193 (162)
 Álvarez, Silvia 350 (402); 434 (388); 554 (211)
 Alvarez, Silvina 154 (397); 57 (223); 72 (20); 157 (628); 496 (187); 552 (554)
 Alves, Ana C 66 (530)
 Alzamendi, Ana 224 (39); 384 (374); 447 (204); 542 (272)
 Amable, Gastón Federico 507 (342)
 Amaral, María Marta 38 (364); 241 (445)
 Ambrosis, Mariana R. 38 (364)
 Amorena, Carlos 117 (470)
 Amorós, Mariana 489 (312)
 Amweg, Ayelen Noelia 20 (563); 364 (409)
 Analía G. Karadayian, 261 (430)
 Anaya, Laura Inés 507 (342)
 Andermatten, Romina Belén 306 (301); 307 (302)
 Andreotti, Carolina Soledad 36 (114); 44 (466)
 Andreu, Adriana B. 401 (661)
 Anselmino, Nicolas 208 (319); 211 (326); 255 (269); 255 (269); 453 (332); 456 (366); 468 (456)
 Antico Arciuch, Valeria G. 127 (122)
 Antona, María E 73 (90)
 Antunica Nogueroles, María 124 (48)
 Anzoise, María Laura 398 (557)
 Aquino, Jorge B. 428 (481)
 Arana, Maite Rocío 164 (4); 308 (356)
 Aranda, Marcos 257 (16); 420 (69)
 Araoz, Alicia 121 (625); 118 (595)
 Araujo, Dayana Da Silva 488 (298)
 Araujo, María B 66 (530)
 Arbe, María Florencia 467 (453)
 Arbelbide, Jorge A. 467 (453)

- Arboatti, Ainelen 80 (587); 544 (433)
 Arce, Santiago 415 (97)
 Arena, Ángeles R. 65 (492)
 Arenas - Mosquera, David 576 (658)
 Arenas, Gabriela 361 (378)
 Ares, Sandra 576 (658)
 Arese, Marzia 322 (523)
 Arevalo, Julian 103 (419); 461 (417)
 Argibay, Pablo 29 (185)
 Arias, Agustina 308 (356); 429 (567)
 Arias, Pablo 320 (439)
 Arismendi Sosa, Andrea Celeste 51 (585)
 Armada Mariana, 400 (631)
 Armesto, Arnaldo R. 242 (598); 65 (492)
 Aromando, Romina F 343 (403)
 Arranz, Cristina 318 (392); 559 (400); 557 (314); 71 (12)
 Arreche, Noelia 436 (536); 94 (489)
 Arrizurieta, Elvira Emilia 179 (243); 180 (284)
 Artur De La Villarmois, Emilce 142 (294)
 Aruanno, María E. 96 (632); 564 (626)
 Arzt, Eduardo 124 (48); 127 (122); 416 (32)
 Asad, Antonela S. 101 (254); 254 (250); 476 (503)
 Aschero, María Del Rosario 2 (71)
 Asensio, Cristian Jorge Alejandro 10 (66); 42 (423); 45 (482); 68 (622); 48 (527); 126 (61); 131 (188)
 Asensio, Joana 141 (274)
 Asorey, Lucas G 144 (328)
 Asorey, Lucas G 261 (430)
 Astarita, Graciela 317 (340)
 Asuaje, Agustín 500 (517)
 Atorrasagasti, Catalina 428 (481); 310 (474); 425 (343)
 Ávila Maniero, Mariángeles 530 (586)
 Avila, Aylén 293 (103)
 Ayala, Miguel 460 (416)
 Ayala-Peña, Victoria B 573 (539)
 Azurmendi, Pablo Javier 31 (295); 178 (237); 179 (243); 180 (284)
 Azzolina, Alejandro 136 (54)
 Baccarini, Leticia 236 (651)
 Bachor, Tomas 236 (651)
 Bacigalupo, María Lorena 5 (242); 203 (265); 304 (209); 451 (257)
 Baez, María Del Carmen 407 (422)
 Baglioni, María Virginia 6 (258); 342 (292)
 Bahamonde, Javiera 177 (59)
 Baiardi, Gustavo 140 (239)
 Bajicoff, Sofa 347 (92)
 Bal De Kier Joffé, Elisa 159 (420); 188 (115); 254 (250); 478 (521); 528 (574); 533 (609)
 Balaña, María Eugenia 379 (290)
 Balarino, Natalia Patricia 184 (28); 340 (19)
 Balaszczuk, Ana María 94 (489); 95 (529); 436 (536); 560 (543)
 Balcarcel, Noelia 399 (612)
 Balceda, Ariel 407 (422)
 Balconi, Silvia 373 (571)
 Baldi, Alberto 340 (19); 485 (234)
 Balestrini, Paula 280 (268)
 Balogh, Gabriela Andrea 459 (394); 150 (244)
 Banchio, Claudia Elena 23 (227); 429 (567)
 Bannoud, Nadia 471 (462)
 Bañares, Virginia G 66 (530)
 Baquedano, María Sonia 550 (657)
 Barakian, Benjamín 174 (432)
 Baraño, Lino 33 (479); 34 (514); 490 (461); 492 (550)
 Baraño, Rosa Inés 354 (37); 358 (283)
 Baravalle, Celina 36 (114); 49 (538)
 Baravalle, María Eugenia 271 (124)
 Barbeito, Claudio 281 (287)
 Barbero, Gastón Alexis 123 (33)
 Barbich, Mariana 483 (198)
 Barbieri Van Haaster, Matias 399 (612)
 Barbini, L 401 (661)
 Barchuk Magalí, 401 (661)
 Bare, Patricia 56 (668)
 Bariandarán, Aldana 322 (523)
 Bariani, María Victoria 21 (616); 324 (596); 374 (580); 376 (597)
 Barosso, Ismael R 307 (302); 306 (301); 424 (193)
 Barreda Frank, Mariángeles 431 (247)
 Barreiro Arcos, María Laura 2 (71); 546 (528); 386 (463)
 Barrientos, Natalia 55 (655)
 Barrio-Real, Laura 202 (264)
 Barrios, Marcela 360 (359); 274 (167); 286 (331)
 Bartke, Andrzej 264 (5)
 Bas, Diana 16 (84)
 Basmadjian, Martin 140 (239)
 Bastón, Juan Ignacio 18 (218); 282 (289); 354 (37); 358 (283)
 Bataille, Amy 168 (43)
 Batlle, Alcira 37 (313); 69 (640); 194 (171); 198 (215); 326 (614); 529 (583)
 Battistone, María Agustina 107 (352); 289 (351)
 Bauzá, María Del Rosario 561 (562)
 Bayo, Juan 7 (582); 428 (481)
 Beauquis, Juan 428 (481)
 Beccaria, Camila 49 (538)
 Becerra, Romina V 562 (584)
 Becú Villalobos, Damasia 236 (651)
 Bejarano, Claudio A 236 (651)
 Belforte, Fiorella 482 (149); 183 (17)
 Belgorosky, Alicia 230 (123); 233 (504); 391 (601); 417 (64); 547 (593); 550 (657)
 Belgorosky, Denise 184 (28); 249 (8); 340 (19)
 Belisario Fernández, Enrique 115 (377); 182 (525)
 Bellizzi, Yanina 205 (279)
 Belloso, Waldo H. 205 (279); 298 (201)
 Beloscar, Juan 430 (233)
 Belotti, Eduardo Matías 271 (124); 359 (354); 375 (590)
 Beltrame, Jimena Soledad 362 (383); 367 (502); 439 (139)
 Benzo, Yanina 353 (570)
 Berardi, Damian Emilio 478 (521); 528 (574); 533 (609)
 Berdasco, Clara 576 (658)
 Berensztejn, Esperanza 230 (123); 233 (504); 417 (64)
 Berg Gabriela, 417 (64)
 Bergadá, Ignacio 391 (601)
 Bergman, Ionatan 360 (359)
 Bergoc, Rosa 534 (615)
 Bergonzi, Fernanda 328 (77)
 Bernabeu, Ramon 221 (190)
 Bernal, Claudio A. 76 (291)
 Bernatene, Eduardo 435 (490)
 Berner, Silvia 551 (659)
 Berra, Alejandro 497 (325)
 Besio Moreno, Marcos 417 (64); 230 (123); 225 (147)
 Besso, María José 1 (57); 252 (145); 524 (545); 525 (553)
 Biaggio, Veronica 552 (554); 501 (534)
 Bianchi, Liz 400 (631)
 Bianchi, MS 227 (177)
 Bianchi, Stefania 390 (577)
 Bianciotti, Liliana 86 (50)
 Bianconi, Santiago 355 (89); 377 (620); 410 (478)
 Bibe, Solange 410 (478); 410 (478)
 Bigliani, Maricel 320 (439)
 Bilotas, Mariela 18 (218); 354 (37); 358 (283); 503 (627)
 Bisagno, Vernica 263 (2)
 Bistué Millón, María Beatriz 414 (637); 574 (624)
 Bizzozzero, Marianne 325 (606)

- Blanco, Guillermo 41 (373); 457 (387)
 Blanco, Horacio 196 (199); 536 (634)
 Blanco, Julieta 21 (616); 536 (634)
 Blank, Viviana 205 (279)
 Blasco, Romina 35 (68)
 Blencio, Sergio 407 (422)
 Blengini, María Laura 512 (510)
 Blidner, Ada 512 (510); 193 (162)
 Boggian, Dora 205 (279)
 Boggio, Verónica 311 (509)
 Boldrini, Gabriel 57 (223); 154 (397); 157 (628); 496 (187)
 Bolontrade, Marcela F. 489 (312)
 Bonadeo, Nadia 236 (651)
 Bonaventura, María Marta 236 (651); 325 (606); 542 (272)
 Bonetto, Julian 156 (589); 498 (473)
 Bonifacino, Graciela 349 (320)
 Bontempi, Iván 320 (439)
 Borge, Mercedes 11 (399)
 Borner, Christoph 348 (130)
 Bortolussi, Silva 343 (403)
 Bosch, María Pilar 360 (359)
 Bottino, María Cecilia 234 (533); 248 (501); 388 (505)
 Bourbon, Mafalda 66 (530)
 Bourguignon, Nadia 325 (606); 549 (629); 502 (607)
 Boveris, Alberto 175 (435); 315 (148); 331 (138); 347 (92); 176 (440)
 Bracalante, Candelaria 518 (36)
 Bradley, David J 556 (246)
 Bramuglia, Guillermo F 295 (156)
 Bramuglia, Guillermo Federico 191 (157)
 Brandani, Javier Nahuel 452 (327)
 Brandt, Macarena 399 (612)
 Braunsteni, Y 227 (177)
 Brea, María Soledad 227 (177); 555 (213)
 Bregonzio, Claudia 140 (239)
 Brener, Gabriela 576 (658)
 Bret, Carolina 472 (468)
 Brites, Fernando 472 (468)
 Brivanlou, Ali 34 (514)
 Brocca M. Elvira, 138 (132)
 Broussalis, Adriana M. 297 (182)
 Brukman, Nicolás 279 (259); 284 (309)
 Brunello, Franco 71 (12)
 Bruno, Leandro 46 (485)
 Bruno, Luciana 208 (319)
 Bruno, Martín Alejandro 535 (617); 414 (637); 574 (624)
 Bruque, Carlos David 339 (646); 538 (660)
 Bruzzzone, Ariana 8 (656); 418 (304); 538 (660)
 Buchholz, Bruno 435 (490); 175 (435)
 Budziński, Maia Ludmila 124 (48)
 Buffone, Mariano Gabriel 19 (434); 372 (559); 441 (330); 366 (477)
 Buonanotte, Carla 407 (422)
 Buonanotte, Federico 407 (422)
 Buonfiglio, Paula 58 (72)
 Burballa, Andrea Cecilia 241 (445)
 Burghi, Valeria 381 (339); 545 (499)
 Burgos, Juan Ignacio 90 (197); 92 (228)
 Busch, G 227 (177)
 Bustamante, Juanita 261 (430); 403 (225)
 Buzaleh, Ana María 69 (640); 326 (614)
 Buzzalino, Noem 338 (575)
 Buzzola, Fernanda 37 (313)
 Caballero, Fabiana Alejandra 82 (639)
 Cabanillas, Ana María 335 (183); 253 (196)
 Cabilla, Jimena 353 (570)
 Cacciagu, Leandro 118 (595); 317 (340); 329 (91); 449 (515)
 Cáceres, Evelyn 320 (439)
 Cáceres, Lourdes 350 (402); 434 (388)
 Cadavid Vargas, Juan F 460 (416)
 Cadena, Vanesa 22 (15)
 Cadet, Jean Luc 263 (2)
 Caeiro, Ximena 116 (467)
 Caffaratti, Julia Marina 430 (233)
 Calabrese, Cristina 317 (340)
 Calabrese, Graciela C 174 (432); 322 (523)
 Calabro, Valeria 74 (134)
 Calandra, Ricardo Saul 226 (56); 264 (5); 272 (152); 542 (272)
 Calanni, Juan Salvador 420 (69)
 Callero, Mariana 188 (115)
 Calo, Guillermina 368 (506)
 Caltana L, 313 (565)
 Calvino, Luis F 36 (114); 44 (466); 49 (538)
 Calvo, Gustavo 37 (313); 194 (171); 198 (215)
 Calvo, Juan Carlos 108 (379); 199 (217); 276 (200); 361 (378); 440 (241);
 Calvo, Natalia G 128 (127)
 Cambados, Nadia 458 (391)
 Camberos, María 268 (73)
 Del Carmen
 Cambiasso, Maite Yael 108 (379)
 Cambiasso, María Julia 116 (467)
 Camilletti, María Andrea 234 (533); 248 (501); 388 (505); 476 (503)
 Camisay, María Fernanda 508 (412); 511 (476)
 Campelo, Adrián E 169 (406); 173 (191); 446 (195)
 Campisano, Sabrina 84 (669)
 Campo Verde Arbocco, 548 (611)
 Fiorella
 Campos De Carvalho, Antonio Carlos 488 (298)
 Campos, Jorge 59 (95)
 Campos, Ludmila E. 11 (399); 193 (162)
 Camussone, Cecilia María 44 (466)
 Cancio, Carla Estefanía 10 (66); 125 (60); 126 (61); 131 (188)
 Candolfi, Marianela 254 (250); 101 (254); 245 (251); 419 (344); 476 (503)
 Canedo, Lucia 183 (17); 482 (149)
 Canellada, Andrea 41 (373)
 Cangelosi, Adriana 576 (658)
 Caniffi, Carolina C 559 (400)
 Canizo, Jessica 492 (550)
 Cantarella, M. Florencia 60 (118)
 Cantero, María Del Rocio 515 (561)
 Cantiello, Horacio 515 (561)
 Cantor, Federico 521 (347)
 Cantu, Silvana María 75 (160); 182 (525)
 Canzoneri, Romina 337 (516)
 Cao, Gabriel 500 (517)
 Capelli, Mariana 60 (118)
 Capiglioni, Alejo Matías 299 (245); 393 (261); 469 (458)
 Capobianco, Carla Sabrina 479 (524)
 Capobianco, Evangelina 273 (164); 265 (14)
 Capria, Juan José 295 (156)
 Capurro, Claudia 505 (280); 119 (599); 120 (613); 145 (335)
 Caputto, Beatriz 465 (450); 380 (329)
 Caraballo, Lucía 293 (103)
 Carabias, Pablo 5 (242); 203 (265); 304 (209)
 Caramelo, Julio Javier 284 (309)
 Carbone, Cecilia 460 (416)
 Carbone, Silvia 144 (328); 387 (495); 540 (137)
 Cardelli Alcalde, Daniela 318 (392)
 Cardozo, Rubén M 55 (655)
 Carestia, Agustina 158 (113)
 Carlini, Valeria Paola 142 (294); 355 (89); 410 (478)
 Carnovale, Cristina Ester 80 (587); 89 (104); 299 (245); 544 (433)
 Carón, Rubén Walter 323 (576); 462 (427); 473 (487); 530 (586); 548 (611)

- Carozzo, Alejandro 155 (472)
 Carranza, Andrea 398 (557)
 Carrera Silva, 240 (428); 242 (598)
 Eugenio Antonio
 Carriere, Pedro 128 (127)
 Carrillo, María Cristina 299 (245); 186 (110); 393 (261); 469 (458); 544 (433)
 Carvajal, Guillermo 279 (259); 284 (309)
 Carvalho, Adriana Bastos 488 (298)
 Carvelli, Flavia Lorena 471 (462)
 Casais, Marilina 282 (289)
 Casanova, Verónica 433 (322)
 Casares, Noelia 254 (250)
 Casarsa, Brenda S. 140 (239)
 Casas, Adriana G 37 (313); 194 (171); 198 (215)
 Casas, Sebastian Marcelo 140 (239)
 Casinelli, Mara M. 110 (346)
 Cassaglia, Pablo 564 (626); 96 (632)
 Cassinotti, Luis Roberto 86 (50)
 Castañón, Agustina 318 (392)
 Castellano, Luciana 356 (150); 439 (139)
 Castilla Lozano, María Del Rocío 500 (517)
 Castillo, Ana Fernanda 122 (6); 104 (222)
 Castillo, Jorge 46 (485)
 Castro Parodi, Mauricio 118 (595); 315 (148)
 Castro, Claudia 569 (455)
 Castro, Marcelo 316 (226)
 Castro, María Ester 190 (121)
 Castro, María Graciela 254 (250); 476 (503)
 Castro, María Victoria 123 (33)
 Castro, Melina 11 (399); 193 (162)
 Castro, Olga A 210 (323)
 Castro Ríos, Miguel 158 (113)
 Cataldi, Angel 47 (497)
 Catania, Viviana Alicia 164 (4); 168 (43)
 Catrinacio, Cintia 311 (509); 345 (552); 427 (464)
 Cattáneo, Elizabeth 394 (363)
 Cavallucci, Julieta 575 (638)
 Cayrol, María Florencia 2 (71); 489 (312)
 Ceaglio, Natalia 291 (83)
 Ceballos, María Paula 80 (587); 186 (110); 299 (245); 393 (261); 469 (458)
 Cebral, Elisa 281 (287); 440 (241)
 Celía, Alejandro Fabián 179 (243)
 Cella, Maximiliano 367 (502)
 Celuch, Stella Maris 95 (529)
 Cenciarini, Mauro Ezequiel 95 (529); 204 (266)
 Cepeda, Sabrina Belén 173 (191); 446 (195)
 Cerbino, Gabriela Nora 82 (639)
 Cerchietti, Luciana 386 (463)
 Cerliani, María Belen 109 (169)
 Cernadas, Gustavo 94 (489); 436 (536)
 Cerniello, Flavia Micaela 566 (664)
 Cerrone, Gloria Edith 328 (77); 83 (649)
 Ceruti, Julieta María 379 (290)
 Ceruti, María Jose 430 (233)
 Cervino, Iván Andrés 381 (339); 545 (499)
 Cesatti Lalue, Nahuel 342 (292)
 Cevallos, Cintia 514 (542)
 Chamorro, María Eugenia 111 (484); 160 (471)
 Chantada, Guillermo 547 (593)
 Charif, Santiago Elías 228 (74); 285 (311); 382 (349); 541 (229)
 Charo, Nancy Lorena 450 (573)
 Charreau, Eduardo Hernán 454 (337)
 Chasseing, Norma Alejandra 199 (217)
 Chauchereau, Anne 199 (217)
 Chavero, Paula 242 (598)
 Chavier, Philippe 250 (47)
 Chen, Wayne 85 (44)
 Chen, Xi 556 (246)
 Chertkoff, Lilien 67 (618)
 Chervo, María Florencia 454 (337)
 Chianelli, Monica S. 454 (337)
 Chiappetta, Diego A 295 (156)
 Chiappini, Florencia 503 (627); 155 (472)
 Chiaramello, Mariana 464 (449)
 Chiarella, Paula 464 (449)
 Chiauzzi, Violeta Alicia 454 (337)
 Chicco, Adriana 314 (21)
 Chiesa, Ignacio 70 (647)
 Chisari, Andrea 84 (669)
 Choi, Marcelo 95 (529); 115 (377); 182 (525)
 Chrem-Méndez, Patricio 59 (95)
 Christensen, María José 120 (613)
 Chuguransky, Sara 247 (437)
 Ciancio, María C 93 (305)
 Ciavarelli, Patricia 531 (600)
 Cicale, Eliana 175 (435)
 Cicconi, Nadia 161 (494)
 Cifuentes, Diego 40 (371)
 Cimato, Alejandra 294 (146)
 Ciminari, María Eugenia 57 (223); 552 (554)
 Cimmino, Carlos 300 (303)
 Ciocci Pardo, Alejandro 87 (51); 97 (55)
 Ciriaci, Nadia 168 (43); 306 (301); 307 (302); 424 (193)
 Cirigliano, Stéfano 478 (521); 528 (574); 533 (609)
 Claudia P, Radic 64 (281)
 Clauzure, Mariangeles 10 (66); 68 (622); 126 (61); 131 (188); 125 (60)
 Cocca, Claudia 155 (472); 502 (607); 503 (627)
 Cochón, Adriana 539 (667)
 Coco, Fabian 105 (26)
 Coco, Roberto 105 (26)
 Codagnone, Martín Gabriel 27 (630)
 Codesido, María Magdalena 349 (320); 352 (555)
 Codina, Ana V 238 (421); 239 (426)
 Coeli Dos Santos 28 (9)
 Goldenberg, Regina
 Cohen, Débora J. 289 (351); 107 (352)
 Colás, Eva 525 (553)
 Cólica, Victoria 191 (157)
 Collombo, Lucas L 343 (403)
 Colobig, María Sol 499 (486)
 Colombero, Cecilia 102 (333)
 Colombo, María I. 345 (552)
 Compagno, Daniel Georges 206 (316)
 Contartese, Daniela S. 262 (500)
 Contrera Rolon, Nicolas 227 (177)
 Cordo Russo, Rosalía Inés 192 (161); 454 (337)
 Cordoba, Marta 336 (511)
 Cornaló, Lorelei 331 (138)
 Cornejo Maciel, Fabiana 513 (512)
 Cornier, Patricia 205 (279)
 Corominas, Ana Irene 373 (571)
 Coronel, María Florencia 215 (67)
 Corradi, Gerardo 319 (424)
 Corral, Pablo 66 (530)
 Corrales, Fernando 425 (343)
 Correa, Fernando 376 (597); 411 (483)
 Correa, Julieta 138 (132)
 Corso, Clara 228 (74); 285 (311); 541 (229)
 Cortes, María A. 192 (161)
 Cortez, Analia E 149 (151); 278 (249)
 Corti, Marcelo 56 (668)
 Cortizo, Ana Mara 247 (437)
 Cosentino, Soledad 33 (479); 34 (514); 490 (461); 492 (550)

- Coso, Omar 201 (236); 512 (510)
 Costa, Ana Paula 256 (324)
 Costa, Lidia E. 171 (53)
 Costa, Lucas Damian 61 (142)
 Costantino, Susana N 457 (387); 526 (558)
 Costanzo, Mariana 547 (593); 233 (504)
 Costas, M.A 14 (526); 134 (297)
 Cotignola, Javier 209 (321); 211 (326); 255 (269); 452 (327); 453 (332); 456 (366); 468 (456); 521 (347)
 Cozzarin, María Eugenia 201 (236)
 Cremaschi, Graciela 2 (71); 4 (208); 386 (463); 489 (312); 546 (528)
 Creus, Agustina 327 (25)
 Cristina, Carolina 236 (651); 551 (659)
 Cristofaro, Ilaria 189 (117)
 Croce, Mara V 187 (112)
 Crocenzi, Fernando 424 (193)
 Croci Russo, Diego 193 (162); 260 (252); 358 (283)
 Crosetti, Diego 89 (104)
 Crottogini, Alberto 561 (562)
 Cruz, Fernando E.S. 488 (298)
 Cuadrado, Damián 295 (156)
 Cuasnicu, Patricia Sara 107 (352); 279 (259); 284 (309); 289 (351)
 Cuello, Claudio 414 (637); 574 (624)
 Cuello, Hector A 279 (259)
 Cuestas, María Lujan 39 (365)
 Cueto, Juan Agustin 237 (181)
 Cuevas, Ada 66 (530)
 Cufre, Ingrid 297 (182)
 Cumino, Andrea C 165 (22); 166 (30)
 Cuniberti, Luis 561 (562)
 Curci, Ludmila 289 (351)
 Curino, Alejandro Carlos 103 (419); 185 (101); 461 (417); 522 (532); 527 (572); 523 (544)
 Curotto, Paula 343 (403)
 Cutini, Pablo H 173 (191); 446 (195)
 Cutrera, Rodolfo A 144 (328); 261 (430)
 Cymeryng, Cora 21 (616); 420 (69)
 Czerniczyniec, Analia 171 (53); 403 (225)
 D Alessandro, Mara Eugenia 444 (63)
 D'annunzio, Verónica 433 (322); 176 (440)
 Da Ros, Vanina Gabriela 284 (309)
 Daccorso, Norma 284 (309)
 Dadam, Florencia 116 (467)
 Dain, Liliana 338 (575); 339 (646)
 Dalamon, Viviana 58 (72)
 Dallard, Bibiana Elisabet 36 (114); 44 (466); 49 (538)
 Dalotto, Tomas 537 (648)
 Dalton, Nicolas 474 (491); 475 (493); 477 (507); 519 (78)
 Damiano, Alicia 106 (317); 118 (595); 287 (334); 315 (148); 357 (253); 373 (571)
 Daneri Becerra, Cristina Del Rosario 385 (381); 409 (454)
 Danielli, Mauro 301 (106); 302 (120)
 D'Annunzio, Verónica 434 (388)
 Daray, Federico M. 65 (492)
 D'Arrigo, Mabel 430 (233)
 Darszon, Alberto 19 (434); 107 (352); 289 (351); 441 (330)
 Dasso, Marina 557 (314)
 Dattilo, Melina 104 (222)
 Dávila, Valeria A 165 (22)
 Davio, Carlos 133 (263); 356 (150)
 Davison, Mario 167 (31)
 Daz, Pablo Uriel 269 (111)
 De Ambrosi, Bruno 59 (95)
 De Brasi, Carlos 63 (270)
 De Brasi, Carlos D 64 (281)
 De Dios, Nataly 419 (344)
 De Giusti, Verónica C. 565 (277)
 De La Canal, Laura 300 (303); 292 (88)
 De La Rosa, Laura 547 (593)
 De La Vega-Beltran, José L. 289 (351); 107 (352)
 De Larraaga, Gabriela 242 (598)
 De Laurentiis, Andrea 411 (483)
 De Leo, Sonia Alejandra 508 (412); 511 (476)
 De Lorenzi, Andrea 508 (412)
 De Luca, Paola 477 (507); 475 (493); 474 (491); 519 (78)
 De Martino, María 200 (219); 454 (337); 195 (178)
 De Nicola, Alejandro Federico 24 (288); 25 (293); 138 (132); 219 (140)
 De Paul, Ana Lucía 223 (23); 422 (436); 543 (414)
 De Santibañes, Martin 483 (198)
 De Siervi, Adriana 475 (493); 1 (57); 519 (78); 519 (78); 477 (507); 474 (491)
 De Vito, Eduardo Luis 31 (295); 415 (97)
 De Zuñiga, Ignacio 415 (97)
 Del Giudice, Antonela 344 (411); 463 (438)
 Del Grosso, María Agustina 123 (33)
 Del Mauro, Julieta Sofia 172 (129); 182 (525); 398 (557)
 Del Rio, Marianela Victoria 292 (88)
 Del Valle, Silvia 507 (342)
 Delconte, Melisa 148 (98); 495 (94)
 Delea, Marisol 338 (575); 339 (646)
 Della Penna, Silvana Lorena 115 (377)
 Della Vedova, María Cecilia 52 (588); 81 (602)
 Delloca, Nicolás 66 (530)
 Delpiccolo, Carina 205 (279)
 Demarchi, Gianina 551 (659)
 Demarziari, G 449 (515)
 Denegri, Carlos 415 (97)
 Desimone, Martín 331 (138); 350 (402)
 Devis, Laura 252 (145)
 Di Bari, María 189 (117)
 Di Carlo, María B 313 (565); 404 (370)
 Di Carlo, Mariano 562 (584)
 Di Ciano, Luis Alberto 31 (295); 179 (243); 180 (284); 181 (389)
 Di Giorgio, Noelia Paula 204 (266); 228 (74); 382 (349)
 Di Girolamo, Guillermo 395 (396); 396 (398)
 Di Giusto, Gisela 120 (613); 505 (280); 119 (599); 145 (335)
 Di Masso, Ricardo 239 (426); 238 (421)
 Di Mattía, Romina A 93 (305)
 Di Paola, Mauricio 106 (317)
 Di Pietro, Mariana 17 (136); 442 (355); 443 (448)
 Di Venosa, Gabriela 37 (313); 194 (171); 198 (215)
 Díaz Bessone, María Inés 478 (521); 528 (574); 533 (609)
 Díaz De Barboza, Gabriela Edith 79 (496)
 Díaz Flaque, María Celeste 2 (71); 386 (463)
 Díaz Nebreda, Antonela 133 (263)
 Díaz Pacífico, Fernando 293 (103)
 Díaz, Emilce Silvina 439 (139)
 Díaz, Luis 350 (402)
 Díaz, Mariángel 346 (581)
 Díaz, Pablo Uriel 283 (300); 359 (354); 364 (409)
 Díaz, Romina Gisel 283 (300); 555 (213)
 Díaz-Torga, Graciela 234 (533); 248 (501); 388 (505)
 Dibo, Marcos Javier 147 (520)
 Dieguez, Hernan Hugo 295 (156); 571 (513)
 Dietrich, Valeria 106 (317)
 Diez, Emiliano 98 (642)
 Diez, Roberto A 395 (396); 396 (398); 402 (663)
 Dimopoulos, Nicolás Alexis 216 (108); 486 (273); 487 (282)
 Diviani, Romina 430 (233)
 Dmytrenko, Ganna 190 (121); 402 (663)
 Domené, Horacio Mario 244 (308)
 Domené, Sabina 244 (308)

- Dominguez Rubio, Ana Paula 21 (616); 324 (596); 374 (580)
 Dominici, Fernando Pablo 381 (339); 545 (499); 435 (490)
 Dominighini, Alicia 89 (104)
 Donadío, M. Luján 316 (226)
 Donato, Martín 172 (129); 175 (435); 436 (536)
 Donoso, A. S. 75 (160)
 Dorfman, Damián 257 (16); 571 (513)
 Dorfman, Verónica Berta 228 (74); 262 (500); 274 (167);
 285 (311); 382 (349); 541 (229)
 Dos Santos Claro, Paula Ayelén 9 (35)
 Dos Santos, Célia 110 (346)
 Drago, Daniela 165 (22)
 Duarte, Eliana 319 (424)
 Dubra, Gerónimo 336 (511)
 Ducatelli, María Eugenia 105 (26)
 Dugour, Andrea 50 (569)
 Durando, Patricia E. 570 (480)
 Durantini, Edgardo 37 (313); 198 (215)
 Dure, A 36 (114)
 Duvilanski, Beatriz H. 353 (570)
 Dyner, Luis 77 (341)
 Echaide Mariana, 400 (631)
 Echarte, Stella Maris 84 (669)
 Echeverría, Emiliana 133 (263); 381 (339)
 Edelsztejn, Nadia Y. 15 (80)
 Eguibar, Nair Magali 39 (365)
 Eijan, Ana María 184 (28); 249 (8); 250 (47); 340 (19)
 Eizayaga F, 313 (565)
 Elbert, A 449 (515)
 Elesgaray, Rosana 557 (314)
 Elgoyhen, Ana Belen 58 (72)
 Elia, Andrés 58 (72)
 Elikir, Gerardo 66 (530)
 Elizalde De Bracco, M Marta 56 (668)
 Elizalde, Patricia Virginia 66 (530); 192 (161); 195 (178);
 200 (219); 204 (266); 454 (337)
 Elola, María Teresa 5 (242); 203 (265); 304 (209); 518 (36)
 Ennis, Irene Lucia 91 (203); 92 (228)
 Erlejman, Alejandra G. 511 (476); 508 (412)
 Ernesto, Juan Ignacio 107 (352)
 Errasti, Andrea E. 65 (492); 242 (598); 240 (428)
 Errecalde, Ana Lia 32 (465)
 Escobar, Ariel 553 (85)
 Escobar, Erica 220 (165)
 Escobar, Miguel 415 (97)
 Escudero, Daiana Sabrina 555 (213)
 Español, Alejandro J 189 (117)
 Espejo, María Sofía 565 (277)
 Espelt, María Victoria 5 (242); 203 (265); 304 (209); 319
 (424)
 Espinosa, Joaquin 183 (17)
 Etchegoyen, Melisa 171 (53)
 Etcheverría, Analía 77 (341)
 Etcheverrigaray, Marina 291 (83)
 Etcheverry, Susana B 460 (416)
 Etulain, Julia 161 (494)
 Evelson, Pablo 434 (388); 350 (402); 172 (129); 554 (211);
 433 (322)
 Ezquer, Fernando 177 (59)
 Ezquer, Marcelo 177 (59)
 Fabian Buontempo, 295 (156)
 Fabin, Loild 220 (165)
 Facchinetti, María Marta
 Facchinetti, María Marta 103 (419); 185 (101); 461 (417);
 522 (532); 523 (544); 527 (572)
 Facorro, Graciela 294 (146)
 Facundo H. Prado Spalm, 572 (519); 217 (109)
 Failla, Juan I. 364 (409)
 Faillace, María Paula 139 (202); 567 (180)
 Fainstein, Diego 139 (202); 139 (202)
 Fajas, Lluís 383 (372)
 Faletti, Alicia Graciela 149 (151); 278 (249); 493 (29)
 Fall, Yagamare 461 (417); 527 (572)
 Fanelli, Mariel Andréa 462 (427)
 Fanovich, Alejandra 485 (234)
 Fantinelli, Juliana C 87 (51)
 Faraoni, Erika 234 (533); 248 (501); 388 (505); 476 (503)
 Farías, Rubén O 343 (403)
 Farina, Hernan Gabriel 470 (459); 478 (521); 479 (524)
 Farina, Mariana 106 (317); 287 (334); 357 (253)
 Farré, Paula Lucía 519 (78)
 Fassio, Eduardo 329 (91); 332 (350)
 Favre, Cristian 135 (306); 504 (275); 509 (413); 506 (286)
 Federicci, Fernando 13 (469)
 Felcher, Carla M 210 (323)
 Feldman, Sara 46 (485)
 Felice, Juan Ignacio 46 (485)
 Felipoff, Ana Lía 316 (226)
 Feliu, María Susana 330 (119)
 Fellet, Andrea 94 (489); 95 (529); 436 (536); 560 (543)
 Feltrer Ribis, Ana Laura 436 (536)
 Ferella, Luciana 18 (218); 358 (283)
 Fermento, María Eugenia 103 (419); 185 (101); 461 (417);
 522 (532)
 Fernandez Brando, Romina 47 (497)
 Fernandez Espinosa, Damián Darío 455 (360); 207 (318);
 486 (273)
 Fernández Larrosa, Pablo Nicolás 14 (526); 134 (297); 514
 (542)
 Fernandez Pazos, 88 (70); 558 (375)
 María De Las Mercedes
 Fernández, Cecilia Soledad 339 (646)
 Fernandez, Inés 321 (522); 330 (119)
 Fernandez, Juan 145 (335)
 Fernandez, Marisa 518 (36)
 Fernandez, Natalia 133 (263); 155 (472); 381 (339)
 Fernández, Nicolás 396 (398)
 Fernández-Megía, Eduardo 574 (624)
 Ferragut, Fátima 518 (36)
 Ferramola, Florencia Fatima 51 (585)
 Ferraris, Jimena 245 (251); 419 (344); 476 (503)
 Ferrarotti, Nidia 315 (148)
 Ferrary, Teresita 400 (631)
 Ferreira Cordoneda, María Del Rosario 72 (20)
 Ferreira, María R. 327 (25)
 Ferreira, Sabrina 464 (449)
 Ferreira, Sandra M 78 (410); 222 (405); 405 (382); 497
 (325)
 Ferreira, Silvana Rocio 371 (540); 378 (547)
 Ferreiro, María Eugenia 369 (531)
 Ferreiro, Veronica 60 (118)
 Ferrer Marcela, 62 (175); 531 (600)
 Ferretti, Anabella 135 (306); 504 (275); 506 (286); 509
 (413)
 Ferreyra Solari, 183 (17); 482 (149)
 Nazarena Eugenia
 Ferreyra, Darío 198 (215); 37 (313)
 Ferro, María Emilia 368 (506)
 Ferronato, María Julia 103 (419); 185 (101); 461 (417); 522
 (532); 527 (572)
 Figari, Alejandra 300 (303)
 Figueiras-Fierro, Dulce 289 (351); 107 (352)
 Figueroa, Juan M. 50 (569)
 Filippa, Verónica 193 (162)
 Finkelstain, Gabriela 391 (601)
 Finocchiaro, Liliana M. E. 466 (451); 467 (453); 517 (3)
 Fiol De Cuneo, Marta 410 (478)

- Fiore, Ana Zulma 122 (6)
 Fiore, Esteban 7 (582); 425 (343); 428 (481)
 Fisch, Paul 313 (565); 426 (362)
 Fischerman, Laura 445 (194)
 Flamini, Marina I. 12 (442)
 Fleischman, Silvana J 316 (226)
 Fletcher, Sabrina 199 (217)
 Flumian, Carolina 478 (521); 478 (521); 528 (574); 533 (609)
 Foglino, Eugenia 322 (523)
 Fógola, Agustina 65 (492)
 Foncuberta, María E 67 (618)
 Fondello, Chiara 467 (453); 517 (3)
 Fontana, Vanina Andrea 440 (241); 511 (476)
 Fontao, Fernando Martin 61 (142)
 Ford, Paula 120 (613); 505 (280); 145 (335); 119 (599)
 Fornari, M.Cecilia 540 (137)
 Fornes, Daiana 265 (14); 273 (164); 439 (139)
 Fortino, María A 314 (21)
 Fraga, Adriana R 178 (237)
 Fraga, César G 445 (194)
 Fraga, Cesar G. 74 (134)
 Frahm, Isabel 178 (237)
 Frances, Daniel Eleazar 80 (587); 168 (43); 544 (433)
 Franchi, Ana María 21 (616); 241 (445); 287 (334); 324 (596); 362 (383); 367 (502); 374 (580); 376 (597); 411 (483)
 Francia, Marcos 492 (550); 33 (479); 490 (461)
 Francio, Julián 159 (420)
 Frankon, Lucia 144 (328)
 Fraunhoffer, Nicolas 286 (331); 274 (167); 360 (359)
 Frechtel, Gustavo Daniel 70 (647); 83 (649); 328 (77); 507 (342)
 Friedman, Silvia M 73 (90)
 Frungieri, Mónica Beatriz 264 (5); 272 (152)
 Frydman, Mario 317 (340)
 Fuentes, Cynthia 251 (125)
 Fuertes, Mariana 127 (122); 416 (32)
 Fuhrmann, Laetitia 250 (47)
 Fukuda, Haydee 529 (583)
 Funez, Florencia 174 (432)
 Furlong, Laura 524 (545)
 Furmento, Verónica A
 Furmento, Verónica Alejandra 207 (318); 216 (108); 487 (282); 455 (360)
 Fusco, Alfredo 243 (58)
 Gabach, Laura A. 142 (294)
 Gabri, Mariano Rolando 142 (294); 470 (459)
 Gabrielli, Matias 349 (320); 352 (555)
 Galardo, María Noel 267 (45); 268 (73)
 Galarza, Rocio Alejandra 149 (151); 278 (249); 493 (29)
 Galdopórpura, Juan Manuel 331 (138)
 Galeano, Jesica A 547 (593)
 Galigniana, Mario Daniel 13 (469); 385 (381); 409 (454); 508 (412); 511 (476)
 Galigniana, Natalia Maricel 335 (183)
 Galizia, Luciano 130 (176)
 Gallano, Pía 67 (618)
 Galleano, Monica 74 (134)
 Galliano, Sebastian 89 (104)
 Galliano, Silvia 274 (167); 286 (331)
 Gallino Fernandez, Julia M 563 (591)
 Gallino, Lucila 368 (506)
 Galotto, Camila 361 (378); 276 (200)
 Gambino, Yesica 270 (116)
 Gandini, Norberto Ariel 103 (419); 185 (101); 461 (417); 522 (532); 523 (544)
 Garabalino, Marcela A 343 (403); 46 (485)
 Garate, Ximena 30 (262); 32 (465); 491 (475)
 Garay, Laura Inés 24 (288); 25 (293); 491 (475)
 Garces, Mariana 350 (402); 434 (388)
 Garcia Ceriani, Virginia 218 (128)
 García Fabiani, María B 394 (363)
 García Gras, Eduardo 117 (470); 563 (591)
 García Lazaro, Rocio Soledad 470 (459)
 Garcia Sola, Martin 512 (510)
 García, Alejandro 112 (633)
 Garcia, Carolina 207 (318); 486 (273)
 García, Gloria 89 (104)
 García, Luciana Noemí 389 (564)
 Garcia, Marcela 32 (465)
 Garcia, Mariana 7 (582); 425 (343); 428 (481); 489 (312)
 García, Rodolfo C. 45 (482); 48 (527); 42 (423)
 García, Sebastián 323 (576)
 Garcia, Silvia Inés 170 (10); 432 (256)
 García, Silvina 81 (602)
 Garcia-Rill, Edgar 263 (2)
 Gareis, Natalia Carolina 283 (300); 359 (354); 363 (404); 375 (590)
 Garelli, Andres 412 (541)
 Garg, Nisha J 55 (655)
 Gargiulo, Lucia 8 (656); 418 (304); 538 (660)
 Gargiulo-Monachelli, Gisella 8 (656)
 Gass, Hugo 8 (656)
 Gassen, Nils 124 (48)
 Gatti, David A 46 (485)
 Gazza, Elías 236 (651)
 Gazzaniga, Silvina 539 (667)
 Geffner, Jorge 53 (653)
 Gelpi, Ricardo J. 172 (129); 175 (435); 96 (632); 435 (490); 564 (626); 176 (440); 434 (388); 433 (322)
 Gennero, Elin 561 (562)
 Genoud, Valeria 160 (471)
 Genoula, Melanie 292 (88)
 Gentile, Emiliano Alberto 292 (88)
 Gentile, Teresa 41 (373)
 Gentili, Claudia 128 (127)
 Gentilini, Lucas Daniel 128 (127)
 Geoghegan, Patricia A. 576 (658)
 Gercovich Felipe Gustavo, 576 (658)
 German F. Burguener, 336 (511)
 German, María Jose 81 (602)
 German, Olga Lorena 147 (520); 412 (541); 573 (539)
 Germano, María Jose 52 (588)
 Gerometta, Rosana 192 (161)
 Gerrard, Gabriela 430 (233)
 Gerschcovsky, Natasha 89 (104)
 Ghanem, Carolina I 404 (370); 426 (362)
 Ghera, Federica 282 (289)
 Ghersevch, S 438 (100)
 Ghiaccio, Valentina 7 (582)
 Gigena, Nicolás 546 (528)
 Gil Deza, Ernesto 276 (200)
 Gil Moreno, Antonio 252 (145); 525 (553)
 Gil, Santiago 276 (200)
 Gili, Juan Antonio 109 (169)
 Giliberto, Florencia 62 (175); 109 (169); 334 (87)
 Giliberto, Florencia 64 (281)
 Gimenez, Carla A 29 (185)
 Giménez, Carlos Sebastián 298 (201); 561 (562)
 Gimenez, María Isabel 298 (201)
 Gimenez, María Sofia 72 (20); 154 (397); 157 (628); 496 (187); 501 (534)
 Giojalas, Laura 107 (352)
 Giordanengo, Sergio 321 (522)
 Giorgi, Gisela 113 (635); 163 (636); 523 (544)
 Giovambattista, Andres 224 (39); 384 (374); 383 (372); 447 (204); 540 (137); 542 (272)

- Girard, Magalí Celeste 38 (364)
 Girardi, Elena 258 (75)
 Girardini, Javier 23 (227)
 Giraud-Billoud, Maximiliano Germán 177 (59)
 Giribaldi, Laura 177 (59)
 Gironacci, Mariela 566 (664); 318 (392)
 Girouard, Julie 249 (8)
 Gismondi, Fernando 105 (26)
 Giudice, Jimena 105 (26)
 Giudice, Jimena 208 (319)
 Giulianelli, Sebastian 3 (76); 341 (248)
 Giusto, Norma María 163 (636)
 Glembotsky, Ana 112 (633); 158 (113); 162 (498)
 Glikin, Gerardo Claudio 466 (451); 467 (453); 517 (3)
 Gobбини, Romina 124 (48)
 Gobetto, María Natalia 318 (392); 557 (314)
 Goddio, M Victoria 210 (323)
 Goette, Nora Paula 31 (295); 112 (633); 162 (498)
 Goffin, Victor 476 (503)
 Goffin, Vincent 419 (344)
 Gogorza, Sebastian 276 (200)
 Goldschmidt, Ezequiel 53 (653)
 Goldstein, Jorge 576 (658)
 Gomes, Valdirene 292 (88)
 Gómez Bustillo, Sofía 428 (481)
 Gómez Mejiba, Sandra 52 (588)
 Gómez Patti, Laura 105 (26)
 Gómez Poviña, Juan Cruz 204 (266); 204 (266); 454 (337)
 Gómez, Anabella 176 (440); 433 (322)
 Gómez, Ayelén 148 (98); 495 (94)
 Gómez, Daniel Eduardo 14 (526); 470 (459); 479 (524)
 Gómez, Diego Sebastian 494 (41)
 Gómez, Elena 212 (38)
 Gómez, Generosa 527 (572)
 Gómez, Laura C 99 (18)
 Gómez, Nidia 51 (585); 57 (223); 81 (602); 154 (397); 496 (187); 501 (534); 552 (554)
 Gómez-Mejiba, Sandra E. 81 (602)
 Gonano, Luis Alberto 85 (44); 90 (197)
 Gondolesi, Julieta 71 (12)
 Gongora, Adrian 340 (19); 277 (216)
 Gonzales Mansilla, Noelia Luz 31 (295)
 Gonzales-Billaud, Christian 31 (295)
 Gonzalez Arbelaez, Luisa Fernanda 87 (51); 97 (55)
 Gonzalez Baró, María R 394 (363)
 Gonzalez Deniselle, 24 (288); 25 (293); 394 (363)
 María Claudia
 Gonzalez Fleitas, María F. 571 (513)
 Gonzalez Fleitas, María Florencia 571 (513)
 González Maglio, Daniel 434 (388); 435 (490)
 González Pardo, Verónica 510 (443)
 González Pérez, Ignacio 510 (443)
 Gonzalez Sampaio, E 227 (177)
 González Sanabria, Javier Alberto 575 (638)
 Gonzalez, A I 449 (515)
 González, Agustín 202 (264)
 González, Alejandro 18 (218); 358 (283)
 González, Barbara J 144 (328)
 González, Betina 263 (2)
 González, Candela Rocío 263 (2)
 Gonzalez, Debora 399 (612)
 Gonzalez, German E. 96 (632); 564 (626)
 González, Lorena 231 (207)
 Gonzalez, Marcela A. 76 (291)
 González, Paula M 73 (90)
 Gonzalez, Pedro 39 (365); 343 (403); 564 (626)
 González, Rodrigo 39 (365)
 Gonzalez, Sara J 343 (403)
 Gonzalez, Susana 219 (140)
 González, Susana Laura 215 (67)
 Gonzalez, Jose 89 (104)
 Gonzalez Giqueaux, Paula 24 (288)
 Gorga, Agostina 267 (45); 268 (73)
 Gorojod, Roxana Mayra 213 (46); 137 (65)
 Gorostiaga, María 3 (76)
 Gorostizaga, Alejandra B. 536 (634)
 Gorustovich, Alejandro 485 (234)
 Gorzalczany, Susana 398 (557); 426 (362)
 Gottardo, María Florencia 101 (254); 245 (251); 254 (250); 419 (344); 476 (503)
 Gottifredi, Vanesa 455 (360)
 Goya, Rodolfo G. 28 (9)
 Goyeneche, María Ailín 172 (129)
 Granata, Bárbara Xoana 82 (639)
 Grasso, Daniel 423 (82)
 Grazziotin Mondadori, Andressa 105 (26); 266 (27)
 Grendas, Leandro 65 (492)
 Grinman, Diego 448 (376)
 Grodzielski, Matias 162 (498); 112 (633)
 Grosembacher, Luis 483 (198); 29 (185)
 Guaglianone, Alejandro 350 (402)
 Gualano, Gisela 332 (350)
 Gualdoni, Gisela S. 275 (192)
 Guazzone, Vanesa A. 275 (192)
 Guberman, Alejandra 492 (550); 491 (475); 33 (479); 490 (461); 34 (514)
 Guennoun, Rachida 25 (293)
 Guercio, Gabriela 233 (504)
 Gueron, Geraldine 468 (456); 521 (347); 452 (327); 456 (366); 211 (326); 208 (319); 209 (321); 206 (316); 255 (269); 453 (332); 477 (507); 454 (337)
 Guevara, Darío 179 (243)
 Gugliotta, Agustina 291 (83)
 Guichard, Alan 250 (47)
 Guido, Carolina 223 (23); 380 (329); 422 (436); 543 (414); 246 (425)
 Guidobaldi, Héctor A. 107 (352)
 Guil, María Julia 86 (50)
 Guillardoy, Tomas 3 (76)
 Guiñazú Natalia, 152 (315); 151 (310); 499 (486); 494 (41)
 Guolo, Marcelo Néstor 82 (639)
 Gupta, Jagdish 226 (56)
 Gutierrez, Alicia 534 (615)
 Gutierrez, Jessica V. 57 (223)
 Gutierrez, Luciana M 489 (312)
 Gutiérrez, Mariana Liliana 244 (308)
 Gutierrez, Silvia 317 (340)
 Gutierrez, Silvina 223 (23); 380 (329); 422 (436); 543 (414)
 Gutnisky, Alicia Angela 577 (662)
 Guttlein, Leandro 557 (314)
 Guzmán, Pablo 454 (337)
 Haase, Santiago 28 (9)
 Hajos, Silvia Elvira 346 (581)
 Halperín, Julia 228 (74); 285 (311); 541 (229)
 Hamelin-Morissete, Jovane 249 (8)
 Hapon, María Belen 548 (611)
 Haro Durand, Luis Alberto 485 (234)
 Hauk, Vanesa 365 (452); 368 (506)
 Heber, María Florencia 370 (535); 371 (540); 378 (547)
 Hein, Gustavo Juan 283 (300); 363 (404)
 Helfenberger, Katia Estefania 122 (6)
 Heller, Paula Graciela 112 (633); 158 (113); 162 (498)
 Herlax, Vanesa 287 (334); 319 (424)
 Hermann, Romina 88 (70); 431 (247); 558 (375)
 Hermenegildo Caudevilla, Carlos 559 (400)
 Hernandez, Jonathan J 556 (246)
 Hernández-Cruz, Arturo 19 (434)
 Herrera, Julian 53 (653)

- Hewitt, Stephen 53 (653)
 Hidalgo, Florencia 135 (306); 504 (275); 506 (286); 509 (413)
 Higa, Romina 288 (336)
 Higuera, Javier 288 (336)
 Hinrichsen, Lucila 239 (426); 238 (421)
 Hisano, Noriyuki 312 (546)
 Hnatiuk, Anna Pavlovna 312 (546); 561 (562)
 Höcht, Christian 172 (129)
 Hope, Sandra 577 (662)
 Horacek, Eduardo 84 (669)
 Hosoon, Choi 199 (217)
 Hoyos Obando, Andres 294 (146)
 Huber, Emilia 363 (404)
 Hurtado Paso, Maximiliano 575 (638)
 Hvozda Arana, Ailen G 78 (410)
 Hyon, Sung Ho 483 (198)
 Iaquinandí, Agustina 406 (386)
 Ibarra, Cristina 38 (364); 43 (457); 47 (497); 241 (445)
 Ibarra, Fernando 114 (367); 179 (243); 180 (284); 181 (389)
 Ibarra, Luis 532 (608)
 Ibarra, Mariano Esteban 181 (389)
 Ielpi, Marcelo 29 (185); 483 (198)
 Iglesias Molli, Andrea Elena 83 (649); 328 (77)
 Illesca, Paola 72 (20); 444 (63)
 Imsen, Mercedes 549 (629)
 Inda, Carolina 9 (35)
 Indelman, Paula 238 (421); 239 (426)
 Infante, Elvira 250 (47)
 Inserra, Pablo Ignacio Felipe 541 (229); 285 (311); 228 (74); 382 (349)
 Inurrigarro, Gloria 228 (74)
 Iovane, Agustina 560 (543)
 Irigoyen, María H. 156 (589)
 Irizarri, Martín 419 (344)
 Irondelle, Marie 250 (47)
 Irusta, Griselda 250 (47); 443 (448); 17 (136); 16 (84)
 Itoiz, María E 343 (403)
 Itzcovich, Tatiana 59 (95)
 Iulita, Florencia 414 (637)
 Izzo, Franco 454 (337); 454 (337); 204 (266)
 Jacobo, Patricia 275 (192); 369 (531)
 Jahn, Graciela Alma 26 (385); 548 (611)
 Jaime, Mariana 280 (268); 480 (126)
 Jaita, Gabriela 245 (251); 101 (254)
 Janezic, Natasha 497 (325)
 Jankilevich, Gustavo 191 (157)
 Jannes, Cinthia 66 (530)
 Jasper, Héctor Guillermo 244 (308)
 Jawerbaum, Alicia 273 (164); 265 (14); 288 (336); 439 (139)
 Jaworski, Felipe 206 (316); 468 (456)
 Jove, Felipe 118 (595); 121 (625)
 Jovellano, Julieta 76 (291)
 Juanes, Matías 233 (504)
 Juan-Mateu, Jonàs 67 (618)
 Juarez, Andrea Virginia 256 (324)
 Juarez, Leonardo 258 (75)
 Juarez, Rolando P 303 (158)
 Juárez, Yamila Raquel 108 (379); 276 (200)
 Julianelli, Vanina 108 (379); 276 (200); 361 (378)
 Jungsuwadee, Paiboon 429 (567)
 Jure, Ignacio 219 (140)
 Juriol, Lorena 318 (392); 557 (314)
 Jusim, Pablo 143 (307)
 Juvenal, Guillermo 197 (212); 243 (58)
 Kaen, Diego Lucas 243 (58)
 Kalstein, Maia 145 (335)
 Karabatas, Liliana Margarita 244 (308)
 Karadayian, Analia 403 (225); 577 (662)
 Kasai Brunswick, Tais Hanae 488 (298)
 Kass, Laura 148 (98); 495 (94)
 Katunar, María Rosa 495 (94)
 Kauffman, Marcelo 336 (511)
 Kaufman, Tomas 495 (94)
 Kaverina, Irina 509 (413)
 Keller Sarmiento, María Ines 571 (513)
 Keller, Guillermo A 395 (396); 396 (398)
 Kelly, Jazmín 435 (490)
 Kempfer, Ana C. 110 (346)
 Kierbel, Arlinet 504 (275)
 Klecha, Alicia 2 (71); 386 (463); 546 (528)
 Kleiman, Diana 155 (472); 500 (517)
 Klein, Graciela 109 (169)
 Kleinerman, Eugenie S. 489 (312)
 Kler, Agustina 76 (291)
 Kobayashi, Ken 482 (149)
 Konopka, Hector 220 (165)
 Kordon, Edith C 210 (323); 448 (376); 457 (387); 458 (391); 512 (510)
 Kotler, Mónica Lidia 213 (46); 137 (65); 457 (387)
 Kotsias, Basilio 130 (176)
 Kouyoumdzian, Nicolás Martín 95 (529); 115 (377); 182 (525)
 Kovalevski, Leandro 182 (525)
 Kratje, Ricardo 291 (83)
 Kravetz, María Cecilia 182 (525); 295 (156)
 Kusinsky, Ana Gabriela 379 (290)
 La Colla, Anabela 516 (652)
 La Padula, Pablo H 171 (53)
 La Spina, Florenza Antonella 366 (477); 372 (559); 441 (330)
 Labombarda, Florencia 138 (132); 219 (140)
 Labourdette, Verónica 312 (546)
 Lacunza, Ezequiel 337 (516); 187 (112)
 Ladelfa, Fatima 129 (173); 472 (468)
 Laderach, Diego Jose 206 (316); 206 (316)
 Lage Vickers, Sofía 211 (326); 453 (332); 468 (456)
 Lago, Néstor 118 (595); 121 (625); 313 (565)
 Laguens, Rubén 313 (565)
 Laino, Carlos 296 (163)
 Laiseca, Julieta 129 (173); 472 (468)
 Lamb, Caroline 340 (19); 418 (304); 341 (248); 251 (125)
 Lamberti, María Julia 100 (189); 464 (449)
 Lambertucci, Flavia 80 (587); 469 (458); 393 (261); 544 (433)
 Lanari, Claudia 537 (648); 537 (648); 340 (19); 418 (304); 251 (125); 341 (248); 3 (76); 520 (260); 520 (260)
 Lancuza, Ezequiel 524 (545)
 Landa, María Silvina 170 (10); 432 (256)
 Langini, Silvia H 316 (226)
 Langle, Yanina Veronica 184 (28); 340 (19)
 Lapyckyj, Lara 252 (145)
 Lara, Angela 202 (264)
 Lardo, Mabel 507 (342)
 Lardo, Marta M 316 (226)
 Larocca, Cecilia 135 (306); 301 (106); 504 (275); 506 (286); 509 (413)
 Larrayoz, Ignacio 262 (500)
 Larripa, Irene 63 (270); 64 (281)
 Las Heras, Marcos 298 (201)
 Lasagni Vitar, Romina M 78 (410); 405 (382); 497 (325); 222 (405)
 Lasarte, Juan José 254 (250)
 Lascano, Elena 254 (250); 254 (250); 254 (250)
 Lassalle, Verónica 169 (406)
 Lauri, Natalia 319 (424)
 Lavandera, Jimena 76 (291); 326 (614); 69 (640)
 Lavobsky, Vivian 199 (217)

- Lazzari, Mara A. 110 (346)
 Leal Denis, Mara Florencia 319 (424)
 Leal, Rodrigo Bairy 256 (324)
 Ledesma, Facundo 303 (158)
 Lee, Hyun Jin 75 (160); 182 (525)
 Leguizamón, Gustavo 287 (334)
 Lehmann, Marianne 28 (9)
 Leimgruber, Carolina 235 (566); 389 (564)
 Leiros, Gustavo 379 (290)
 Leiva, Cristian Jesus 283 (300)
 Lenz, Guido 33 (479); 492 (550)
 León, Ignacio E 460 (416)
 Leonardi, Daiana Beatriz 209 (321); 255 (269); 452 (327); 456 (366)
 Lerman, Andrea 300 (303)
 Lerner, Fabián 222 (405); 405 (382)
 Lev, Paola 112 (633); 158 (113); 162 (498)
 Levi, Valeria 208 (319)
 Liberman, Ana Clara 124 (48)
 Libertun, Carlos 325 (606)
 Linares, Laura M 392 (62)
 Linari, María Amelia 83 (649); 328 (77)
 Linenberg, Ivana 265 (14); 273 (164)
 Lioi, Susana 430 (233)
 Lira, María Cecilia 134 (297)
 Llauro, Marta 252 (145)
 Llesuy, Susana F 78 (410); 222 (405); 405 (382); 497 (325)
 Llorens, María Candelaria 253 (196)
 Lo Presti, Silvina 35 (68)
 Loaiza Perez, Andrea 188 (115)
 Locatelli, Paola 188 (115); 561 (562)
 Lodillinsky, Catalina 250 (47)
 Loidl, Cesar Fabian 143 (307); 181 (389); 262 (500)
 Lois, Marcos 527 (572)
 Lombardi, Antonella 450 (573); 333 (518)
 Lombardi, M. Gabriela 402 (663)
 Lombardi, Paulina 261 (430)
 Lombardo, Daniel 284 (309); 279 (259)
 Lombardo, Tomas 41 (373); 457 (387); 526 (558)
 Lombardo, Yolanda 72 (20); 327 (25); 444 (63)
 Lompardía, Silvina Laura 346 (581)
 Loos, Julia A 165 (22)
 Lopez Bergami, Pablo 11 (399); 123 (33); 360 (359); 286 (331)
 Lopez Fontana, Constanza Matilde 530 (586); 462 (427); 323 (576); 473 (487)
 Lopez Graciela, 473 (487)
 Lopez Leon, Micaela 28 (9)
 Lopez Romero, Alejandro 461 (417)
 López, Ariel Pablo 70 (647)
 López, Ester María 258 (75)
 López, Graciela I 332 (350)
 López, Gustavo H 332 (350)
 López-Costa, Juan José 258 (75)
 Lopez-Mejia, Isabel 383 (372)
 Lorenzetti, Florencia 299 (245); 383 (372); 393 (261)
 Lores Arnaiz, Silvia 403 (225); 577 (662); 171 (53)
 Loresi, Monica 483 (198)
 Loreti, Nazareth 60 (118)
 Losavio, Adriana 575 (638)
 Lotersztejn, Vanesa 58 (72)
 Lozano, Esteban 40 (371)
 Lubieniecki, Fabiana 67 (618)
 Luce, Leonela 62 (175); 334 (87)
 Lucero, Diego 71 (12); 329 (91); 332 (350)
 Luciana, Dalessio 220 (165)
 Lufi, Eduardo 54 (654)
 Lukin, Jeronimo 22 (15)
 Luna, José Domingo 260 (252)
 Luque, Enrique H. 148 (98); 495 (94)
 Luque, Guillermina María 366 (477); 372 (559); 441 (330)
 Luquita, Alejandra 89 (104)
 Lustig, Livia 369 (531); 275 (192)
 Luthy, Isabel 520 (260); 538 (660); 418 (304); 8 (656)
 Lux-Lantos, Victoria 8 (656); 542 (272); 228 (74); 325 (606); 382 (349); 502 (607); 549 (629)
 Luzzani, Carlos 32 (465); 491 (475); 30 (262)
 Lyardet, Leandro 167 (31)
 Macchione, Ana Fabiola 217 (109)
 Maceiras, Mercedes 550 (657)
 Maclean, Paul 448 (376)
 Macor, Lorena 532 (608)
 Macri, Eisa V 73 (90)
 Madanes, Daniela 354 (37)
 Magnani, Natalia 434 (388); 350 (402)
 Magnarelli, Gladis 152 (315); 351 (415)
 Magnifico, María Chiara 322 (523)
 Maidágan, Paula M 307 (302)
 Majem, Blanca 252 (145)
 Majowicz, Mónica P 181 (389)
 Malchiodi, Emilio L. 518 (36)
 Maldonado, Cristina 235 (566); 389 (564)
 Maloberti, Paula Mariana 104 (222)
 Maltaneri, Romina Eugenia 111 (484); 160 (471)
 Malvicini, Mariana 7 (582); 425 (343); 428 (481)
 Mambrin, María Cecilia 330 (119)
 Mamone, Leandro 37 (313); 194 (171); 198 (215)
 Manautou, José Enrique 168 (43); 404 (370)
 Mangone, Franco 41 (373)
 Manrique, Guillermo 77 (341)
 Mansilla, Sabrina Florencia 455 (360)
 Manzano, Vernica 455 (360)
 Manzi, Malena 5 (242); 203 (265); 304 (209)
 Marafetti, Lucas 218 (128)
 Marazita, Mariela C. 50 (569); 408 (441); 568 (446)
 Marchese, Florencia Amanda 563 (591)
 Marchese, Natalia A. 140 (239)
 Marchini, Timoteo 172 (129); 434 (388); 350 (402); 433 (322)
 Marchionatti, Ana 305 (232); 309 (357)
 Marchione, Vanina 63 (270)
 Marchione, Vanina D 64 (281)
 Marcial Lopez, Agustina 542 (272); 226 (56)
 Marcipar, Iván 320 (439)
 Marcos, Alejandra Lucía 230 (123); 417 (64)
 Marcotegui A, 313 (565)
 Marelli, Belkis E. 20 (563); 364 (409)
 Maresca, Nahuel Rafael 296 (163)
 Maríangelo, Juan I 562 (584)
 Marin Briggiler, Clara 277 (216)
 Marin Oyarzun, Cecilia Paola 158 (113)
 Marina Prendes, María Gabriela 88 (70); 431 (247); 558 (375)
 Marinelli, Raul Alberto 301 (106); 302 (120)
 Marino, Gabriela 130 (176)
 Marino, Roxana 233 (504); 391 (601); 547 (593)
 Marinzalda, María De Los Angeles 140 (239)
 Markert, Udo 367 (502)
 Marks, María Paula 199 (217)
 Marquez Lara, Juan Pablo 535 (617)
 Marquez, Laura B 114 (367)
 Marquioni Ramella, Melisa D. 408 (441); 50 (569); 568 (446)
 Marrone, Julieta 301 (106); 302 (120)
 Marta, Rosana 112 (633); 158 (113); 162 (498)
 Marti, Marcelo 336 (511)
 Martignone, Noelí 258 (75)
 Martin Molinero, Glenda Daniela 157 (628); 57 (223); 496 (187)

- Martín, Gabriela 534 (615)
 Martín, María Julia 128 (127)
 Martin, Pedro 500 (517)
 Martin, Rodolfo S 178 (237)
 Martinefski, Manuela 413 (560)
 Martinel Lamas, Diego 4 (208); 196 (199)
 Martinel, Diego 546 (528)
 Martinelli, Jessica 294 (146)
 Martinetto, Horacio 59 (95); 455 (360); 207 (318); 183 (17)
 Martínez Domínguez, Andrea 527 (572)
 Martínez Naya, Nadia Laura 96 (632); 564 (626)
 Martínez Pulido, Paola 402 (663)
 Martínez Sarrasague, María Margarita 294 (146)
 Martínez, Alfredo 262 (500)
 Martínez, Carolina S. 421 (345)
 Martínez, Jimena Hebe 213 (46)
 Martínez, Leandro Marcelo 199 (217); 538 (660)
 Martínez, María 401 (661)
 Martínez, María Del Carmen 326 (614); 529 (583)
 Martínez, María F 178 (237)
 Martínez, Nora 287 (334)
 Martínez, Nora 373 (571); 357 (253)
 Martínez, Paula 421 (345)
 Martini, Claudia Noemi 349 (320); 352 (555)
 Martinoli, Celeste 338 (575)
 Martin-Sanz, Paloma 336 (511)
 Martucci, Lucia Camila 244 (308)
 Marzi, Marta M 290 (49); 293 (103)
 Masat, Eduardo 148 (98)
 Mascaró, Marilina 346 (581)
 Maschi, Fabricio 460 (416)
 Masillo, Cintia 474 (491)
 Maskin, Bernardo 270 (116); 280 (268); 480 (126); 106 (317)
 Massa, Estefanía 438 (100)
 Massari, Noelia 196 (199)
 Mase Ederra, Catalina 68 (622)
 Massheimer, Virginia L 169 (406); 173 (191); 446 (195)
 Massillo, Cintia 446 (195); 475 (493); 477 (507); 519 (78)
 Massip Copiz, María M.
 Massip Copiz, María Macarena 10 (66); 68 (622); 125 (60); 126 (61); 131 (188)
 Massó, Mariana Guillermina 43 (457)
 Mata, Ernesto 205 (279)
 Mata, Pedro 66 (530)
 Matar, Pablo 7 (582)
 Maté, Sabrina 287 (334)
 Matiller, Valentina 269 (111)
 Matos, María Laura 252 (145)
 Mattiazzi, Alicia 85 (44); 553 (85); 553 (85); 553 (85); 553 (85)
 Mattiazzi, Marcelo 252 (145)
 Matzkin, María Eugenia 263 (2); 264 (5)
 May, María 251 (125); 341 (248); 418 (304)
 Mayerhofer, Artur 272 (152)
 Maymó, Julieta 480 (126)
 Mazaira, Gisela I 13 (469); 511 (476)
 Mazo, Tamara 176 (440); 433 (322)
 Mazziotta, Lucía 545 (499); 381 (339)
 Mazzocchi, Gabriela 381 (339); 381 (339)
 Mazzolini, Guillermo 428 (481); 310 (474); 489 (312); 425 (343); 7 (582)
 Mazzucco, María Belén 265 (14); 288 (336)
 Mazzuocolo, Luis D 178 (237)
 Mc Callum, Gregorio Juan 132 (205); 231 (207); 421 (345)
 Mccarthy, Antonio 247 (437)
 Mebert, Andrea 350 (402)
 Medeiros, Ana M 66 (530)
 Medina, Andres Javier 91 (203)
 Medina, María Victoria 512 (510)
 Medina, Nancy 82 (639)
 Medina, Vanina A 4 (208); 196 (199)
 Medrano, Matias Pedro 139 (202); 567 (180)
 Meilerman Abuelafia, Analia 274 (167); 286 (331); 360 (359)
 Meiss, Roberto 274 (167); 529 (583)
 Mejas, María Pilar 241 (445)
 Melendi, Santiago 118 (595); 121 (625)
 Melillo, Claudia Marisa 229 (93)
 Melito, Viviana 69 (640); 82 (639)
 Mello, Érica 292 (88)
 Melucci Ganzarain, Claudia Del Carmen 165 (22)
 Menacho-Márquez, Mauricio 6 (258); 344 (411); 342 (292); 463 (438)
 Menafrá, Martín 463 (438)
 Mencucci, María Victoria 1 (57); 524 (545); 525 (553)
 Mendes Garrido, Facundo 71 (12)
 Mendez Diodati, Nahuel 435 (490)
 Mendez, Carlos F 536 (634)
 Mendez, Cinthia Soledad 369 (531)
 Mendez, Mariana 298 (201)
 Mendivil, Tomás 119 (599)
 Mengual Gómez, Diego 14 (526)
 Mercáu, María Elisa 420 (69)
 Mercogliano, María Florencia 195 (178); 200 (219); 204 (266); 420 (69)
 Merech, Fátima 365 (452)
 Meresman, Gabriela 282 (289); 354 (37); 358 (283); 18 (218)
 Merino, Florencia 549 (629)
 Merlo, Alicia Beatriz 212 (38)
 Merlo, J. S. 75 (160)
 Meroni, Silvina Beatriz 267 (45); 268 (73)
 Mesch, Viviana 436 (536)
 Mesias, Andrea 55 (655)
 Mesquiatti, Denise 442 (355); 17 (136)
 Mesquita, Fernanda 491 (475); 30 (262)
 Mestre Cordero, Victoria 88 (70); 431 (247); 558 (375)
 Mestre Gimenez, María Belen 535 (617)
 Meyer, María 25 (293)
 Miano, Joseph 389 (564)
 Miatello, Roberto Miguel 98 (642)
 Micucci, Giannina P. 231 (207)
 Miguel, Ignacio 109 (169)
 Mihalez, Cintia Y 457 (387); 526 (558)
 Miksztowicz, Veronica 526 (558)
 Milanese, Lorena 516 (652)
 Milei, Jose 171 (53)
 Miler, Noemi 35 (68)
 Milesi, Veronica 500 (517)
 Milla, Laura 465 (450)
 Millán, Andrea 83 (649); 328 (77)
 Miño, Jorge 212 (38); 297 (182)
 Miquet, Johanna Gabriela 132 (205); 231 (207); 264 (5); 421 (345); 451 (257)
 Miret, Noelia Victoria 155 (472); 503 (627)
 Miriuka, Santiago 33 (479); 486 (273); 487 (282); 488 (298); 32 (465); 489 (312); 30 (262); 491 (475); 492 (550)
 Miszczuk, Gisel 424 (193)
 Modarelli, María Fernanda 387 (495)
 Moine, Luciana Beatriz 79 (496)
 Moiola, Cristian 477 (507); 477 (507); 474 (491); 475 (493); 525 (553); 1 (57)
 Moiraghi, Beatriz 158 (113)
 Moirón, Gisele 180 (284)
 Molina, Gabriel 293 (103)
 Molinas Zocche, Santiago David 61 (142)
 Molinas, Felisa 112 (633); 158 (113); 162 (498)
 Molinolo, Alfredo 61 (142)

- Monczor, Federico 133 (263)
Mondillo, Carolina 417 (64); 230 (123)
Monges, Soledad 67 (618)
Mónica Galleano, 445 (194)
Monnerat Cahli, Gustavo 488 (298)
Montanaro, Mauro A 394 (363)
Montaner, Aneley N. 23 (227)
Monte, Martin 129 (173); 472 (468); 508 (412)
Montero, Veronica 162 (498)
Monti Hughes, Andrea 343 (403); 46 (485)
Monti, Juan Alberto 89 (104); 299 (245); 544 (433)
Monzani, María Cecilia 56 (668)
Monzon, Casandra 225 (147)
Mora, Emilce 64 (281)
Morales, Celina 564 (626); 96 (632)
Morales, Vanina Paola 86 (50)
Morán, Yanina S. 345 (552)
Morel Vulliez, Gastón 415 (97)
Morell, Malena 90 (197)
Moreno Ayala, Mariela Alejandra 245 (251); 101 (254); 254 (250); 476 (503)
Moreno, Ignacio A 107 (352)
Moresco, Angélica 67 (618)
Moretta, Rosalía 117 (470)
Morgan, Patricio Eduardo 117 (470)
Morgunovsky Michell, Isaac L. 96 (632); 564 (626)
Mori Sequeiros, Mercedes 510 (443)
Mori, Consuelo 10 (66); 131 (188); 126 (61); 125 (60)
Moriondo Marisa, 171 (53)
Moro, Lucia 491 (475); 32 (465)
Morris Hanon, Olivia 207 (318); 455 (360)
Mosca, Susana M 87 (51); 97 (55)
Mosqueira, Celeste 191 (157)
Motino, Omar 191 (157)
Motta, Alicia Beatriz 370 (535); 371 (540); 378 (547)
Motta, Estela 84 (669)
Mottino, Aldo Domingo 308 (356); 397 (551); 429 (567); 469 (458)
Moya, Mónica 407 (422)
Muchnik, Carolina 178 (237)
Muia, Nadia Vanina 132 (205); 231 (207); 421 (345)
Mukdsi, Jorge 380 (329)
Mumbach, Aizhar 317 (340)
Mundiña-Weilenmann, Cecilia 317 (340); 562 (584)
Munoz, Marina 421 (345); 435 (490)
Muñiz, Javier Andrs 263 (2)
Muñoz Bernart, Melina Daniela 450 (573)
Muñoz Contreras, Ivonne 123 (33)
Muñoz De Toro, Mónica 148 (98); 495 (94)
Muñoz, Marcos 52 (588); 81 (602)
Muñoz, Mariana 381 (339); 545 (499); 513 (512)
Murta, Veronica 22 (15); 259 (220)
Musacco Sebio, Rosario 347 (92); 331 (138); 315 (148); 118 (595)
Mutto, Adrian 29 (185)
Muzzio, Luz 317 (340); 449 (515)
Nadin, Silvina B 99 (18)
Nadra, Alejandro Daniel 339 (646)
Naipauer, Julian 512 (510)
Nand, Kripa 226 (56)
Napoli, Cristian D 321 (522)
Navas Guimaraes, María Eugenia 574 (624)
Negroni, Jorge 574 (624); 574 (624); 574 (624)
Neiman, Gabriel 32 (465); 30 (262); 488 (298); 491 (475)
Neira, Flavia J. 12 (442)
Neme, Daniela 56 (668)
Nemirovsky, Sergio I 336 (511)
Nerst, Glenda 53 (653)
Nesse, Alcira Beatriz 111 (484); 160 (471)
Netti, Vanina A 560 (543); 145 (335)
Neuman, María Isabel 513 (512)
Neuspiller, Nicolas 105 (26)
Nicola, Juan Pablo 422 (436)
Nicolao, M. Celeste 166 (30)
Nicoud, Melisa 4 (208); 196 (199)
Nieto, Leandro E. 127 (122)
Nieves, Luciano 319 (424)
Nigg, David W 343 (403)
Nino, Viviana 53 (653)
Nogués, Martín 59 (95)
Notaro, Ulises S 375 (590)
Noto, Mariana 143 (307)
Novack, Gisela 353 (570)
Novaro, Virginia 341 (248); 341 (248)
Novella, Susana 559 (400)
Novick, Paul 237 (181)
Nowicki, Susana 102 (333); 180 (284)
Nuevo, María Jimena 119 (599)
Nuñez Burgos, Julio 55 (655)
Nuñez, Marco Tulio 113 (635)
Nuñez, Mariel 502 (607)
Nusblat, Alejandro 39 (365)
O Farrell, Candelaria 195 (178)
Oberkersch, Roxana Elena 322 (523); 174 (432)
Obiol, Diego Javier 185 (101); 461 (417); 103 (419); 522 (532); 523 (544); 527 (572)
Obregón, Gabriela 67 (618); 391 (601); 547 (593)
Ochman, Dalila Yael 228 (74)
Ochoa, Federico 121 (625); 118 (595)
Oddo, Elisabet Mónica 178 (237); 179 (243); 180 (284)
Oggero Eberhardt, Marcos 291 (83)
Ogonowski, Natalia 94 (489); 95 (529); 436 (536)
Ojeda, Mara 506 (286)
Olea, Fernanda Daniela 506 (286); 561 (562)
Olguin, María Catalina 312 (546)
Oliva, María E. 327 (25)
Olivares, Carla Noemí 18 (218); 354 (37)
Olivera, Nancy M. 153 (393); 396 (398)
Olivieri, Conrado Marco 521 (347)
Olmos, Valentina 498 (473)
Onorato, Agustina 310 (474)
Orbea, Lisandro 313 (565); 426 (362)
Orlando, Ulises Daniel 104 (222)
Orlova, María 104 (222)
Orlowski, Alejandro 93 (305)
Orman, Betina 399 (612); 400 (631)
Orqueda, Andres Javier 481 (135)
Orqueda, Tamara 423 (82)
Orrillo, Santiago 55 (655); 419 (344)
Orta, Gerardo 107 (352); 289 (351)
Ortega, Hugo 20 (563); 49 (538); 271 (124); 359 (354); 363 (404); 269 (111); 283 (300); 364 (409); 375 (590)
Orti, Roberto 525 (553)
Ortiz, Emiliano Germán 211 (326); 453 (332); 468 (456); 208 (319)
Ortiz, María 181 (389); 373 (571)
Ortiz, Natalia 323 (576)
Orza, Juan Victoriano 339 (646)
Ostera Juan Manuel, 156 (589); 498 (473)
Osycka-Salut, Claudia Elena 356 (150); 439 (139)
Otamendi, Esteban 295 (156)
Oteiza, Patricia 445 (194)
Otero, Silvia 191 (157)
Otero, Silvina 203 (265); 451 (257)
Otero, Victoria 451 (257)
Oviedo, Ángela Paula 344 (411)
Paccola Mesquita, Fernanda Cristina 488 (298)
Pacienza, Natalia Alejandra 484 (224)

- Paez, Alejandra 211 (326); 208 (319); 255 (269); 468 (456); 477 (507); 484 (224); 453 (332)
- Paez, Diamela T 175 (435)
- Paglia Nora, 171 (53)
- Paglini, Patricia 35 (68)
- Pagura, Lucas 344 (411)
- Paiva, Juvenal 110 (346)
- Palacio, María Inés 77 (341)
- Palacios, Rodrigo 532 (608)
- Palermo, Marina 47 (497); 241 (445)
- Pallaro, Anabel 321 (522)
- Pallavicini, Carla 208 (319)
- Palma, Alejandra 130 (176)
- Palma, Sabina 187 (112)
- Palomeque, Julieta 556 (246); 556 (246)
- Pandolfo, Marcela 115 (377)
- Panelo, Laura C. 14 (526); 134 (297)
- Papademetrio, Daniela 102 (333); 346 (581); 457 (387); 526 (558)
- Paparini, Daniel 365 (452)
- Parborell, Fernanda 16 (84); 17 (136); 362 (383); 443 (448); 442 (355)
- Paredes Fleitas, Paola 347 (92)
- Parera, Victoria 69 (640); 82 (639)
- Parma Diana, 62 (175)
- Parody, Juan Pablo 186 (110); 299 (245); 469 (458); 469 (458); 393 (261)
- Parolini, Ornella 480 (126)
- Parrado, Andrea Cecilia 41 (373)
- Pascuali, Natalia M 41 (373); 17 (136); 442 (355)
- Pascucci, Franco 129 (173)
- Pasquini, Juana María 129 (173)
- Pasquini, Laura Andrea 129 (173)
- Paulazo, Alejandra 2 (71); 386 (463)
- Pavicic, Walter 109 (169)
- Paz, Cristina 536 (634); 510 (443)
- Paz, Leonardo Agustín 31 (295)
- Paz, María Constanza 260 (252); 569 (455)
- Paz, Mariela L 434 (388)
- Pecci, Adali 448 (376)
- Peche, Leticia 129 (173)
- Peinetti, Nahuel 235 (566); 389 (564)
- Peixoto, Estanislao 310 (474); 428 (481); 425 (343)
- Pellegrini, Gretel 167 (31)
- Pellizas, Claudia 546 (528)
- Pellizzari, Eliana 267 (45)
- Pelorusso, Facundo G. 242 (598)
- Penas Steinhart, Alberto 328 (77); 83 (649)
- Penissi, Alicia 51 (585)
- Pennachio, Gisela 26 (385); 323 (576)
- Pennisi, Patricia A. 421 (345)
- Peña, Elena 143 (307)
- Perazzo, Juan C 4 (208); 313 (565); 426 (362); 546 (528)
- Perazzo, Priscila 39 (365)
- Perdomo, Virginia Gabriela 168 (43)
- Perea, Silvio 478 (521)
- Peredo, H. A. 75 (160)
- Peres Diaz, Ludmila 432 (256)
- Pereyra Bonnet, Federico 483 (198); 29 (185)
- Pereyra, Elba Nora 225 (147)
- Pereyra, Elizabet 36 (114); 44 (466)
- Pereyra, Gabriela 54 (654)
- Perez Castro, Carolina 183 (17); 482 (149)
- Perez Chaca, María V 154 (397)
- Perez Chaca, María Verónica 501 (534)
- Perez Chaca, Veronica 51 (585)
- Perez Chaca, Veronica 57 (223); 552 (554)
- Perez Dias, Ludmila S. 170 (10)
- Perez Garrido, Natalia 391 (601); 233 (504); 547 (593)
- Pérez Leirós, Claudia 365 (452); 368 (506)
- Perez Martinez, Silvina 356 (150); 439 (139)
- Pérez Piñero, Cecilia 3 (76); 8 (656); 520 (260)
- Pérez, Adriana 79 (496); 305 (232); 309 (357)
- Perez, Betiana 317 (340)
- Peréz, María J 404 (370)
- Perez, María Laura 298 (201)
- Perez, María Silvia 70 (647)
- Perez, Mariela F 410 (478)
- Perez, Mariela F. 142 (294)
- Perez, Matias Nicolas 420 (69)
- Pérez, Néstor Gustavo 555 (213)
- Perez, Pablo 223 (23); 380 (329)
- Perez, Paula 515 (561)
- Perez, Virginia 172 (129); 176 (440); 433 (322); 434 (388)
- Pérez-Pérez, Antonio 270 (116); 437 (34); 280 (268); 480 (126)
- Perona, Marina 197 (212)
- Perosi, Francisco 436 (536)
- Perou, Charles 436 (536)
- Perris, Paula Daniela 330 (119)
- Perrone, María Cecilia 236 (651)
- Perrone, Sofía 236 (651)
- Pessah, Débora 94 (489)
- Petiti, Juan Pablo 223 (23); 246 (425); 422 (436); 543 (414)
- Petrone, María Victoria 33 (479); 490 (461); 492 (550)
- Peverini, Agustina 222 (405)
- Piazza, Verónica Gabriela 132 (205); 421 (345); 231 (207); 451 (257)
- Pibuel, Matías 346 (581)
- Piccioni, Flavia 7 (582)
- Picech, Florencia 422 (436); 223 (23); 543 (414)
- Picon, Claudia 338 (575)
- Pierdominici, Marta 112 (633); 162 (498)
- Pietranera Luciana, 138 (132)
- Pignataro, Omar Pedro 417 (64); 230 (123); 225 (147)
- Piguillem, Silvana 552 (554); 51 (585); 501 (534); 154 (397)
- Piloni, Natacha Estefania 146 (338)
- Piloti Fiorella, 412 (541); 573 (539)
- Pinedo, Marcela 292 (88); 300 (303)
- Pinto, Alipio 576 (658)
- Pinto, Nicolás A. 441 (330)
- Piñeiro De Calvo, Lucrecia 276 (200); 361 (378); 108 (379)
- Piotrkowski, Barbara 74 (134)
- Pires, Miryam S 290 (49)
- Piro, Giselle 94 (489)
- Pirola, Carlos José 170 (10)
- Pisani, Gerardo Bruno 299 (245); 186 (110); 544 (433)
- Pisarev, Mario 197 (212); 243 (58)
- Pisera Fuster, Antonella 221 (190)
- Pisera, Daniel Alberto 419 (344); 476 (503)
- Piskulic, Laura 293 (103)
- Pissinis, Moira 195 (178)
- Pistone Creydt, Virginia 473 (487); 462 (427); 530 (586)
- Piwién-Pilipuk, Graciela 335 (183); 333 (518); 450 (573)
- Pizzoni, Alejandro 119 (599); 145 (335); 505 (280)
- Plateo Pignatari, María Gabriela 81 (602); 157 (628); 496 (187)
- Poderoso, Cecilia 122 (6)
- Podestá, Ernesto Jorge 104 (222); 122 (6)
- Podestá, María Fernanda 27 (630)
- Politi, Luis 147 (520); 412 (541)
- Polo, María Laura 147 (520)
- Pomilio, Carlos Javier 147 (520)
- Ponce Zalda, Mara Eugenia 338 (575)
- Ponce Zumino, Amira Zulma 98 (642)
- Pons, Patricia 256 (324)
- Pontillo, Carolina 153 (393); 155 (472)
- Ponzio, Rodrigo 532 (608)

- Ponzo, Osvaldo J. 227 (177); 540 (137); 387 (495)
 Porcal, Gabriela 532 (608)
 Poretti, María Belén 410 (478)
 Porretti, Juliana 474 (491); 475 (493); 519 (78); 477 (507)
 Portales, Andrea 224 (39); 383 (372); 384 (374)
 Porte Alcon, Soledad 137 (65); 213 (46)
 Portiansky, Enrique Leo 555 (213)
 Posadas, Marta 312 (546)
 Possidoni, Cristina 321 (522)
 Potilinski, María Constanza 117 (470)
 Pozner, Roberto 539 (667)
 Pozzi, Emiliano Cc 343 (403)
 Prack Mc Cormick, Barbara Patricia 184 (28); 340 (19)
 Prado, Natalia Jorgelina 98 (642)
 Preliasco, Mariana 167 (31)
 Prenner, Paola Claudia 229 (93)
 Prez, G. 438 (100)
 Prez, Pablo 543 (414)
 Prince, Paula D 445 (194)
 Proietti, Cecilia Jazmín 438 (100); 438 (100); 204 (266); 454 (337)
 Proietto, Sofía 228 (74); 285 (311); 541 (229)
 Pronsato, Lucía 516 (652)
 Prucca, Cesar 465 (450)
 Prueba, Alberto 465 (450)
 Puchulu, Bernardita 94 (489); 436 (536)
 Puga Molina, Lis Del Carmen 19 (434); 366 (477); 372 (559); 441 (330)
 Puntarulo, Susana 73 (90); 146 (338)
 Puntel, Mariana 254 (250)
 Puppo, Soledad 65 (492)
 Puricelli, Lydia 159 (420)
 Puyo, Ana María 75 (160); 182 (525)
 Quaglia, Nora B 293 (103); 290 (49)
 Quevedo, Mario Alfredo 461 (417)
 Quinta, Hector Ramiro 461 (417)
 Quintana, Irene 160 (471)
 Quintana, María Martha 351 (415)
 Quintar, Amado Alfredo 389 (564); 235 (566)
 Quinteros Villarruel, Emmanuel 399 (612); 400 (631)
 Quiroga, Ariel 80 (587); 393 (261); 469 (458); 299 (245); 186 (110); 302 (120); 302 (120)
 Quiroga, Diego Tomas 396 (398)
 Quiroga, Patricia 156 (589); 396 (398)
 Rabinovich, Daniel R 514 (542)
 Rabinovich, Gabriel
 Rabinovich, Gabriel Adrian
 Rabinovich, Gabriel Adrián 5 (242); 260 (252); 304 (209); 358 (283); 546 (528); 518 (36); 203 (265); 193 (162)
 Rabinovitz, Bettina C 47 (497)
 Racana Narvaez, Camila 549 (629)
 Radic, Pamela 63 (270)
 Raggio, María Celeste 215 (67)
 Raices, Trinidad 225 (147)
 Raimondi, Ana R. 201 (236)
 Rajoy, Juana 505 (280)
 Ramhorst, Rosanna 368 (506); 365 (452)
 Ramirez, Carolina 61 (142)
 Ramirez, Dario Ceferino 52 (588); 81 (602)
 Ramirez, Pablo 547 (593); 233 (504); 391 (601)
 Ramírez, Rodrigo 561 (562)
 Ramírez-Gómez, Héctor 19 (434)
 Ramos Mondragon, Roberto 556 (246)
 Ramos Nieto, María Rosa 502 (607)
 Ramos, Alberto Javier 22 (15); 259 (220)
 Ramos, Cecilia 73 (90)
 Randi, Andrea 155 (472); 534 (615); 153 (393); 502 (607); 503 (627)
 Ranuncolo, Stella Maris 159 (420)
 Rasente, Rita Yanina 174 (432)
 Rask-Andersen, Mathias 410 (478)
 Ratner, Laura Daniela 226 (56); 388 (505); 542 (272)
 Ratti, Silvia G. 136 (54); 214 (52)
 Raud, Brenda 291 (83)
 Rauschemberger, María B 173 (191); 446 (195)
 Razori, Ma. Valeria 306 (301)
 Real, Alejandrina 425 (343)
 Rebok, Federico 65 (492)
 Reca, Alejandra 357 (253)
 Recouvreur, María Sol 232 (407)
 Redal, María Ana 61 (142)
 Regente, Mariana 292 (88); 300 (303)
 Regueira, Mariana 268 (73); 267 (45)
 Reides, Claudia G 78 (410); 405 (382); 497 (325); 222 (405)
 Rein, Theo 124 (48)
 Reinés, Analía 27 (630); 413 (560)
 Reingruber, Hernán 539 (667)
 Reinoso, Gabriela 54 (654)
 Remaley, Alan T 329 (91)
 Renna, Felipe Javier 311 (509); 427 (464)
 Renna, María Sol 36 (114); 44 (466); 49 (538)
 Repetto, Esteban Martín 420 (69)
 Repetto, Marisa 331 (138); 315 (148); 348 (130); 118 (595); 347 (92)
 Reppetti, Julieta 357 (253)
 Resasco, Agustina 460 (416)
 Reventós, Jaume 252 (145); 525 (553)
 Rey Álvarez, Lucía 481 (135)
 Rey Ares, Verónica 272 (152)
 Rey Funes, Manuel 181 (389); 262 (500)
 Rey Valzacchi, Gastón 361 (378)
 Rey, Amanda 224 (39); 384 (374)
 Rey, Florencia 363 (404); 271 (124); 20 (563); 283 (300); 359 (354); 375 (590); 364 (409); 269 (111)
 Rey, Jorge A 316 (226)
 Rey, Osvaldo 507 (342)
 Rey, Rodolfo Alberto 15 (80); 244 (308)
 Reyes Toso, Carlos 392 (62); 540 (137)
 Reyes Toso, María L 392 (62)
 Reyes, X 66 (530)
 Reyes-Moreno, Carlos 249 (8)
 Reynoso, Roxana. 227 (177); 540 (137)
 Rey-Roldan, Estela 41 (373)
 Reznik, Federico 88 (70); 558 (375)
 Rhon Calderón, Eric Alejandro 149 (151); 278 (249); 493 (29)
 Ribeiro, María Laura 367 (502); 362 (383)
 Ribeiro, Suzzana 292 (88)
 Ricci, Analia 354 (37); 358 (283)
 Richard, Silvina 109 (169)
 Rico, María José 6 (258); 342 (292); 344 (411); 463 (438)
 Ridano, Magali Evelin 260 (252); 569 (455)
 Ridolfi, Adriana 153 (393)
 Riedel, Rodrigo 480 (126)
 Riera, María Fernanda 268 (73); 267 (45)
 Rigalli, Juan Pablo
 Rigalli, Juan Pablo 164 (4); 168 (43); 308 (356); 429 (567); 397 (551); 397 (551)
 Rigau, Marina 252 (145)
 Riggio, Marina 251 (125); 341 (248)
 Rinaldo Tosi, Martin 52 (588); 81 (602)
 Rindone, Gustavo 267 (45); 268 (73)
 Ríos, José Luis 87 (51)
 Rivarola, H. Walter 35 (68)
 Rivarola, Marco Aurelio 230 (123); 391 (601); 547 (593); 233 (504); 417 (64); 550 (657)
 Rivarola, Valeria 119 (599); 505 (280); 120 (613); 145 (335)

- Rivarola, Viviana Alicia 100 (189); 345 (552); 427 (464); 464 (449); 465 (450); 532 (608)
- Rivarola, Walter 40 (371)
- Rivas, Martín Alfredo 145 (335)
- Rivera, Elena 4 (208); 196 (199)
- Rivero Osimani, Valeria Leticia 152 (315)
- Rivero, Cynthia Vanesa 237 (181)
- Rivero, Ezequiel 418 (304); 8 (656); 538 (660)
- Riveros, Dardo 112 (633)
- Riviere, Stephanie 500 (517)
- Rivoira, María Angelica 309 (357); 305 (232)
- Rizzo, Miguel 7 (582)
- Roa, Juan Carlos 454 (337)
- Robello, Elizabeth 146 (338)
- Roberti, Sabrina 288 (336)
- Rocco, Rodrigo 539 (667)
- Rodante, Demián 65 (492)
- Rodeles, Luz María 320 (439)
- Rodríguez Ceschan, María Itati 450 (573)
- Rodríguez De Loes Arnaiz, Georgina 577 (662)
- Rodríguez Del Valle, Nicolas 39 (365)
- Rodríguez Girault, María Eugenia 153 (393)
- Rodríguez R, Christian 165 (22)
- Rodríguez Varela, María Soledad 216 (108); 487 (282)
- Rodríguez, Cristina 188 (115)
- Rodríguez, Fernanda 283 (300); 20 (563); 269 (111); 363 (404)
- Rodríguez, Horacio 502 (607)
- Rodríguez, José Manuel 172 (129)
- Rodríguez, Lorena 361 (378)
- Rodríguez, Lucia 465 (450)
- Rodríguez, Marcelo 425 (343); 428 (481)
- Rodríguez, María Jimena 314 (21)
- Rodríguez, María Sol 520 (260)
- Rodríguez, Matias E. 427 (464)
- Rodríguez, Matías Ezequiel 345 (552)
- Rodríguez, Silvia 314 (21)
- Rodríguez, Valeria A 309 (357); 305 (232)
- Rodríguez, Yamila 11 (399); 193 (162)
- Roggero, Eduardo 80 (587); 463 (438)
- Roguín, Leonor 205 (279)
- Rojas, Francisca 507 (342)
- Rojas, Paola 205 (279)
- Rojas-Bilbao, Erica 159 (420)
- Rolando, Romina 361 (378)
- Rolon, Federico 262 (500)
- Romanato, Marina 361 (378); 108 (379); 276 (200)
- Romano, Patricia Silvia 237 (181)
- Romanowski, Victor 28 (9)
- Romarowski, Ana 19 (434); 366 (477); 372 (559); 441 (330)
- Romay S, 313 (565)
- Romeo, Ana 54 (654)
- Romeo, Horacio 218 (128)
- Romero Caimi, Giselle 500 (517)
- Romorini, Leonardo 486 (273); 32 (465); 216 (108); 491 (475); 30 (262); 487 (282)
- Ronchetti, Sonia 353 (570)
- Ronco, María Teresa 80 (587); 89 (104); 299 (245); 168 (43); 544 (433)
- Ropolo, Alejandro 311 (509); 423 (82); 427 (464)
- Roque, Marta Elena 163 (636); 523 (544); 113 (635)
- Rosa, F.D. 134 (297)
- Rosciszewski, Gerardo Ariel 22 (15)
- Rosell, Silvio 161 (494)
- Rosenstein, Ruth Estela 161 (494); 420 (69); 257 (16); 571 (513); 406 (386)
- Rosón, María Inés 115 (377); 95 (529)
- Rossetti, Liliana 63 (270)
- Rossetti, Liliana 64 (281)
- Rossetti, María Victoria 69 (640); 82 (639)
- Rossi, Alicia R 259 (220)
- Rossi, Mario 183 (17)
- Rossi, Soledad Paola 272 (152)
- Rossich, Luciano 197 (212); 243 (58)
- Rosso, Diego A 240 (428)
- Rosso, Marina 252 (145); 525 (553); 524 (545); 1 (57)
- Rotstein, Nora P 217 (109); 572 (519)
- Rotstein, Nora Patricia 147 (520); 412 (541)
- Rouvier, Edgardo, 182 (525)
- Rovedatti Mara Gabriela, 351 (415)
- Rozados, Viviana Rosa 6 (258); 342 (292); 344 (411); 463 (438)
- Rubinstein, Natalia 201 (236)
- Rubio Miguel, 14 (526)
- Rubio, María Fernanda 14 (526); 134 (297)
- Rudolph, Michael 448 (376)
- Rufolo, Cecilia A 483 (198)
- Ruggiero, Raul 483 (198)
- Rugna, Ana 41 (373)
- Ruiz, María Laura 397 (551); 308 (356); 168 (43); 164 (4); 429 (567); 307 (302)
- Rukavina Mikusic, Natalia Lucia 95 (529); 115 (377); 182 (525)
- Rulli, Susana Beatriz 226 (56); 388 (505); 542 (272)
- Rumie Vittar, Natalia Belén 100 (189); 464 (449)
- Ruspini, Silvina 69 (640); 326 (614)
- Russo, María Julieta 59 (95)
- Ruz Grecco, Marina 14 (526)
- Saba, Silvia 109 (169)
- Sabatino, María Eugenia 223 (23); 543 (414)
- Sacco, Sofía 44 (466); 49 (538)
- Sacerdoti, Flavia 38 (364); 241 (445)
- Sacerdoti, Mariana 319 (424)
- Sáenz, Daniel 37 (313); 194 (171); 198 (215)
- Sahores, Ana 251 (125); 340 (19); 341 (248); 537 (648); 537 (648)
- Said, Matilde 340 (19); 562 (584)
- Sain, Juliana 76 (291)
- Salas, Margarita A 562 (584)
- Salas, Nehuén 553 (85)
- Salatino, Lucia 139 (202)
- Salatino, Mariana 537 (648)
- Salaverry, Luciana Soledad 41 (373)
- Salcedo, Mariana 481 (135)
- Saldías, Patricia 191 (157)
- Salem, Agustina R 189 (117)
- Sales, María Elena 189 (117); 190 (121); 402 (663)
- Salinas Ibañez, Angel Gabriel 51 (585)
- Salvarredi, Leonardo 243 (58)
- Salvetti, Nattalia 271 (124); 283 (300); 364 (409); 359 (354); 375 (590); 363 (404); 269 (111); 20 (563)
- Samaniego, Yanina Alejandra 387 (495); 540 (137)
- Samara, Mariana Cecilia 60 (118)
- Samassa, Paula 413 (560)
- Sambuco, Lorena 534 (615)
- Sambuelli, Alicia 242 (598)
- Sampayo, Rocío 437 (34)
- Sanahuja, María Del Carmen 330 (119)
- Sanchez Eluchans, Nahuel M. 75 (160)
- Sánchez Pozzi, Enrique 306 (301); 307 (302); 424 (193)
- Sanchez Puch, Silvia 420 (69)
- Sanchez, Angel M. 12 (442)
- Sanchez, Carolina 191 (157)
- Sanchez, Marcela Susana 503 (627)
- Sánchez, María Cecilia 260 (252); 569 (455)
- Sanchez, Marisa 298 (201)
- Sanchez, Melisa Celeste 440 (241)
- Sánchez, Victoria 151 (310)

- Sánchez-Cárdenas, Claudia 19 (434)
 Sanchez-Luceros, Analía 110 (346)
 Sánchez-Margalet, Víctor 270 (116); 437 (34); 280 (268); 480 (126)
 Sande, Pablo H. 257 (16); 406 (386)
 Sandes, Eduardo 184 (28); 340 (19)
 Sandoval, Marisa J 173 (191); 446 (195)
 Sanjuan, Norberto 54 (654); 53 (653)
 Santa Coloma, Tomas Antonio 126 (61); 459 (394); 10 (66); 125 (60); 131 (188); 68 (622); 150 (244)
 Santa Cruz, Diego Mario 484 (224)
 Santa María, Victoria 31 (295)
 Santalla, Hugo 527 (572)
 Santamans, Ayelen 512 (510)
 Santamarina, Clarisa 502 (607)
 Santiano, Flavia Eliana 323 (576); 530 (586); 462 (427); 473 (487)
 Santillan, María Emilia 355 (89); 377 (620)
 Santin, Natalia Lucia 30 (262)
 Santos, Raúl 66 (530)
 Sapochnik, Daiana 512 (510)
 Sapochnik, Melanie 416 (32)
 Saporito Magri, Christian 347 (92); 315 (148)
 Saporito Magriñá, Christian 118 (595); 331 (138); 348 (130)
 Saraco, Nora 550 (657); 233 (504)
 Saravia, Flavia Eugenia 233 (504)
 Saravia, Melisa 557 (314)
 Sarotto, Anibal 262 (500)
 Sarti, Paolo 322 (523)
 Sasso, Corina Verónica 323 (576); 462 (427); 473 (487); 530 (586); 548 (611)
 Saucedo, Lucia 277 (216)
 Savino, Enrique 88 (70); 431 (247); 558 (375)
 Scacchi Bernasconi, Pablo Antonio 218 (128); 227 (177)
 Scaglia, Paula Alejandra 244 (308)
 Scalerandi, María Victoria 235 (566); 389 (564)
 Scalise, Georgina 477 (507); 519 (78); 519 (78)
 Scassa, María Elida 216 (108); 487 (282); 455 (360); 207 (318); 486 (273)
 Scazziota, Alejandra 404 (370)
 Schander, Julieta Aylen 21 (616); 376 (597)
 Schanton, Malena 270 (116)
 Scharovsky, O. Graciela 6 (258); 344 (411); 342 (292); 463 (438)
 Schattner, Mirta 158 (113); 161 (494)
 Schere Levy, Carolina 458 (391)
 Schiappacasse, Agustina 111 (484); 160 (471)
 Schillaci, Roxana 195 (178); 200 (219); 454 (337); 454 (337); 454 (337); 204 (266)
 Schimpl, Andrea 396 (398)
 Schinella, Guillermo 87 (51)
 Schiöthb, Helgi B 410 (478)
 Schmidt, Alejandro 285 (311); 382 (349)
 Schreier, Laura 66 (530); 329 (91); 332 (350); 449 (515); 71 (12); 317 (340)
 Schreier, Laura E
 Schteingart, Helena F. 15 (80)
 Schumacher, Michael 25 (293)
 Schuman, Mariano Luis 170 (10); 432 (256)
 Schuster, Federico 170 (10); 255 (269); 211 (326); 208 (319); 453 (332); 468 (456)
 Schwarzbaum, Pablo Julio 319 (424)
 Schwint, Amanda E 46 (485); 343 (403)
 Scibona, Paula 298 (201); 298 (201)
 Scolari, Hugo 46 (485)
 Scotti, Leopoldina 46 (485); 442 (355); 17 (136); 443 (448); 362 (383)
 Scotto, Florencia 41 (373)
 Scribano-Parada, María De La Paz 407 (422)
 Sebastiano, Vanesa 316 (226)
 Sedlmeier, María Guillermina 80 (587)
 Segatori, Valeria I 80 (587)
 Seilicovich, Adriana 419 (344); 101 (254); 476 (503); 245 (251); 254 (250); 549 (629)
 Selenscig, Dante Alejandro 444 (63)
 Seltzer, Alicia 141 (274)
 Selva, Bruno 35 (68)
 Semino, Silvana Noemí 473 (487)
 Senin, Sergio 9 (35); 124 (48); 416 (32)
 Seoane, Eduardo 220 (165)
 Sepúlveda, Marisa 85 (44); 416 (32)
 Sequeira, Gonzalo 85 (44); 341 (248); 537 (648)
 Serrano, Ayelen 343 (403)
 Sevlever, Gustavo
 Sevlever, Gustavo Emilio 30 (262); 489 (312); 455 (360); 59 (95); 32 (465); 183 (17); 491 (475); 486 (273); 207 (318); 216 (108); 487 (282)
 Seyahian, Erika Abril 118 (595); 121 (625)
 Shayo, Carina 133 (263)
 Shortrede, Jorge E. 12 (442)
 Sierra, Romina 428 (481)
 Silberstein, Claudia 114 (367)
 Silberstein, Susana 9 (35)
 Silva Cousido, Jasmin 436 (536)
 Silva, Emanuel 59 (95)
 Silvestrini, Paula 49 (538)
 Silvia Lores-Arnaiz, 261 (430)
 Silvia, Kochen 220 (165)
 Simian, Marina 232 (407); 437 (34)
 Simon, M. Victoria 217 (109)
 Simon, María Victoria 147 (520); 572 (519)
 Simonovich, Ventura 298 (201)
 Singla, José Javier 18 (218); 354 (37); 358 (283)
 Sitruk-Ware, Regine 25 (293)
 Skerl J, 313 (565)
 Slimo, Aldana 188 (115)
 Slobodianik, Nora 330 (119)
 Smoler, Mariano 515 (561)
 Soaje, Marta 26 (385); 323 (576)
 Sobarzo, Cristian 275 (192); 277 (216); 281 (287); 369 (531); 440 (241)
 Soifer, Matias 298 (201)
 Sokn, Clara 124 (48)
 Solano, Angela Rosaria 104 (222)
 Solari, Claudia 33 (479); 34 (514); 492 (550); 490 (461)
 Soliño, Manuel 258 (75)
 Solis, María Del Rosario 355 (89); 377 (620)
 Sommese, Leandro 377 (620); 377 (620)
 Sordelli, Andrea 39 (365)
 Sordelli, Micaela 362 (383); 367 (502)
 Sosa Escudero, Miguel Angel 471 (462)
 Sosa, Ezequiel J 336 (511)
 Sosa, Liliana 380 (329); 543 (414); 422 (436); 256 (324); 246 (425)
 Sosa, Miguel 40 (371); 141 (274)
 Sotelo, Ana Isabel 451 (257); 132 (205); 231 (207)
 Sottile Fleury, Mayra L 99 (18)
 Souto Pa, 313 (565)
 Spalvieri, Mónica 328 (77)
 Speche, Lucia 60 (118)
 Spina, Renata 40 (371)
 Spinedi, Eduardo 384 (374); 447 (204); 224 (39); 542 (272)
 Spinelli, Fiorella 551 (659)
 Stassi, Antonela Florencia 271 (124); 359 (354); 375 (590)
 Stedile, Micaela 201 (236)
 Stella, Ines 286 (331); 274 (167)
 Sterle, Helena 4 (208); 2 (71); 546 (528)
 Stevens, Guillermina 226 (56); 542 (272)

- Stoll, Mario 66 (530)
 Stoyanoff, Tania Romina 192 (161)
 Strauss, Mariana 40 (371)
 Stur, Mariela 46 (485)
 Stutz, Graciela 355 (89); 377 (620); 410 (478)
 Suares, Alejandra 510 (443)
 Suarez Ortega, Ana 542 (272)
 Suárez, Marta M. 570 (480)
 Subirada, Paula Virginia 569 (455); 260 (252)
 Suburo, Angela M. 408 (441); 568 (446); 50 (569)
 Suescun, María Olga 229 (93)
 Surace, Ezequiel I. 59 (95)
 Szijan, Irene 62 (175); 531 (600); 334 (87)
 Szijan, Irene 64 (281)
 Szpilbarg, Natalia 373 (571)
 Taborda, Diego 424 (193)
 Tallis S, 313 (565)
 Talwar, Gursaran P 226 (56)
 Tarán, Mariana 407 (422)
 Tarcaya, Verónica P. 297 (182)
 Taruselli, Agustina 533 (609)
 Tasat, Deborah 434 (388)
 Tata, Ada M 189 (117)
 Tate, Pablo Sebastián 408 (441); 568 (446)
 Tau, Julia 497 (325)
 Taveira, Gabriel 292 (88)
 Teijo, María Julieta 529 (583)
 Tesone, Marta 17 (136); 442 (355); 16 (84); 443 (448)
 Tessone, Licina 240 (428); 242 (598)
 Tetzlaff, Tomas 63 (270)
 Teviño, Claudia L. 441 (330)
 Theas, M. Susana 275 (192); 369 (531)
 Thomasz, Lisa 197 (212); 243 (58)
 Thompson, Andres 360 (359)
 Thorp, Silvia 343 (403)
 Ticchi, Ana Julia 300 (303)
 Tkach, Mercedes 200 (219)
 Toblli, Jorge Eduardo 182 (525); 115 (377); 557 (314)
 Tocchetti, Guillermo Nicolás 164 (4); 429 (567); 397 (551); 308 (356)
 Tocci, Johanna M 210 (323)
 Todaro, Laura 528 (574); 478 (521); 478 (521); 533 (609); 232 (407)
 Tolaba, Norma 338 (575)
 Toledo, María Eugenia 296 (163)
 Tolosa De Talamini, Nori Graciela 79 (496); 309 (357); 305 (232)
 Tomat, Analía 71 (12); 557 (314); 318 (392)
 Toneatto, Judith 333 (518); 450 (573)
 Tonn, Carlos 40 (371)
 Tonucci, Facundo 135 (306); 504 (275); 506 (286); 509 (413)
 Toro, Ayelen Rayen 437 (34); 365 (452); 280 (268)
 Torralba Agu, Valeria 459 (394)
 Torres Rodríguez, Paulina 441 (330)
 Torres, Alicia 246 (425); 380 (329); 223 (23); 422 (436); 256 (324); 543 (414)
 Torres, Jordi 53 (653)
 Torres, Pablo 279 (259); 284 (309)
 Torres, Perla 167 (31)
 Torres-Batán, Javier 392 (62)
 Tottef, Tamara 85 (44)
 Touzon, María S 233 (504)
 Traetta, Maríanela Evelyn 27 (630); 413 (560)
 Treviño, Claudia L. 19 (434)
 Trigubo, Denise 287 (334)
 Trionfini, Valentina 363 (404)
 Tripodi, Valeria 413 (560)
 Trivillin, Verónica Andrea 46 (485); 343 (403)
 Trobo, Sofia 70 (647)
 Troncoso, María Fernanda 203 (265); 451 (257); 518 (36); 5 (242); 304 (209)
 Troncoso, Mariana Elizabeth 141 (274)
 Trosin, Sara 237 (181)
 Trujillo, Verónica 570 (480)
 Truyen, Susana 507 (342)
 Turjanski, Adrian 336 (511)
 Turyrn, Daniel 132 (205); 264 (5); 421 (345); 231 (207)
 Tuttolomondo, Mara Victoria 331 (138)
 Uccelli, Nonthué Alejandra 27 (630); 413 (560)
 Uchitel, Osvaldo 59 (95)
 Uez, Osvaldo 300 (303)
 Urbano, Francisco Jos 263 (2)
 Urli, Leda 89 (104)
 Urrutia, Pamela 113 (635)
 Urtreger, Alejandro 528 (574); 478 (521); 533 (609)
 Uzair, Ivonne D. 12 (442)
 Vaca, Alicia 380 (329); 422 (436); 246 (425)
 Vaccaro, María Inés 311 (509); 423 (82); 427 (464); 345 (552)
 Vachetta, Vanina 281 (287)
 Vaglianti, María Victoria 253 (196)
 Vaiani, Elisa 547 (593)
 Valdez, Laura 175 (435)
 Valdez, Laura 176 (440)
 Valdez, Susana Ruth 26 (385); 552 (554)
 Valdivia, Hctor H 556 (246)
 Valdivieso, Angel Gabriel 10 (66); 68 (622); 126 (61); 125 (60); 131 (188)
 Valenzuela, Jose Ignacio 320 (439)
 Valeri, Clara 15 (80)
 Vallcaneras, Sandra 282 (289)
 Vallecorsa, Pablo 194 (171); 37 (313)
 Vallecorsa, Pablo 198 (215)
 Valli, Eduardo 2 (71); 386 (463); 546 (528)
 Valverde, Carlos 553 (85)
 Vanasco, Virginia 434 (388); 554 (211)
 Vanrell, María Cristina 237 (181)
 Varela, Alicia 431 (247); 88 (70); 558 (375)
 Vargas Roig, Laura María 99 (18); 471 (462)
 Vargas, Gabriela 485 (234)
 Varone, Cecilia 270 (116); 280 (268); 480 (126); 365 (452); 437 (34)
 Vasconi, María Delia 238 (421); 239 (426)
 Vasconsuelo, Andrea 516 (652)
 Vasen, Gustavo 107 (352)
 Vatta, Marcelo Sergio 86 (50); 577 (662)
 Vazquez Echegaray, Camila 34 (514); 33 (479); 490 (461); 492 (550)
 Vazquez, Adriana 317 (340)
 Vazquez, Carolina 255 (269)
 Vazquez, Elba Susana 468 (456); 456 (366); 211 (326); 521 (347); 453 (332); 452 (327); 452 (327); 209 (321); 206 (316); 208 (319); 255 (269)
 Vazquez, Martin 336 (511)
 Vazquez, Pablo 143 (307)
 Vázquez-Cárdenas, Alejandra 66 (530)
 Vazquez-Levin, Monica 1 (57); 252 (145); 524 (545); 277 (216); 525 (553)
 Vega, Alba Edith 51 (585)
 Velazquez, Daniela 35 (68)
 Velazquez, Fabiola 380 (329); 465 (450)
 Velázquez, Melisa 283 (300)
 Velez, Debora 88 (70); 431 (247); 558 (375)
 Velez, Leandro Martín 370 (535); 378 (547)
 Vellicce, Alejandra 316 (226)
 Vellón, Luciano 199 (217)
 Vena, Rodrigo 135 (306); 504 (275)

- Ventura, Clara 155 (472); 502 (607)
 Ventureira, Martín R 281 (287)
 Venturutti, Leandro 192 (161); 200 (219); 454 (337); 454 (337); 195 (178)
 Vera Mesones, Rosa 485 (234)
 Vera, Berta 351 (415); 499 (486)
 Vera, Marcela 217 (109)
 Vera, Marcela 572 (519)
 Vercellini, María C 460 (416)
 Vicco, Miguel Hernn 320 (439)
 Vicens Sánchez, Alberto 441 (330)
 Vico, Tamara 554 (211)
 Vidal, Luciano 31 (295)
 Videla Richardson, Guillermo
 Videla Richardson, Guillermo Agustín 455 (360); 486 (273); 207 (318); 216 (108); 487 (282)
 Vidueiros, Silvina Mariela 321 (522)
 Vigo, María B 404 (370)
 Vila Petroff, Martín 85 (44); 90 (197); 92 (228)
 Vila, María Del Carmen 349 (320); 352 (555)
 Villa Abrille, María Celeste 396 (398)
 Villa, María Cecilia 396 (398)
 Villaamil Lepori, Edda 156 (589); 498 (473)
 Villanueva, María Belén 123 (33)
 Villanueva, Silvina Stella Maris 429 (567); 164 (4); 308 (356); 397 (551)
 Villar, Silvina 123 (33); 80 (587)
 Villaverde, Marcela Solange 467 (453); 466 (451)
 Villegas, María Emilia 466 (451); 522 (532)
 Villodre, Emilly 492 (550); 33 (479)
 Vincent-Salomon, Anne 250 (47)
 Vinuesa, Angeles 250 (47)
 Viotti Manuel, 250 (47)
 Visconti, Pablo E. 441 (330)
 Vitale, Daiana 551 (659)
 Vittone, Leticia 562 (584); 562 (584)
 Vittori, Daniela Cecilia 111 (484); 160 (471)
 Vitullo, Alfredo 274 (167); 360 (359); 286 (331); 382 (349); 541 (229); 285 (311); 228 (74); 263 (2)
 Vivas, Laura 116 (467); 116 (467)
 Vlachovsky, Sandra 180 (284)
 Volberg, Veronica 564 (626); 96 (632)
 Volonté, Yanel Andrea 147 (520); 412 (541)
 Volpi, Nicola 174 (432)
 Vore, Mary 429 (567)
 Vota, Daiana Marina 365 (452); 368 (506)
 Wagner, Marcelo 89 (104)
 Wainstok, Rosa 539 (667)
 Waisman, Ariel 33 (479); 34 (514); 490 (461); 492 (550)
 Wallinger, Marina L 392 (62)
 Walther, Thomas 458 (391)
 Waschek, James 368 (506)
 Weigel Muñoz, Mariana 107 (352); 279 (259); 289 (351)
 Weiss, Johanna 164 (4)
 Weisstaub, Adriana 77 (341)
 Weitz, Darío 293 (103)
 Wempe, Michael 574 (624)
 Wernicke, Alejandra 525 (553)
 Wertheimer, Eva 202 (264)
 White, Verónica 288 (336); 273 (164)
 Wiczorko, Nadia 54 (654)
 Wilensky, Luciana 96 (632)
 Wilson, Carlos 96 (632)
 Windschuettl, Stefanie 272 (152)
 Wolfenstein, Carlota 5 (242); 203 (265); 304 (209); 518 (36)
 Wolfson, Manuel Luis 21 (616); 376 (597)
 Yaful, Graciela 167 (31)
 Yankelevich, Lorena 228 (74)
 Yannarelli, Gustavo Gabriel 484 (224)
 Yeves, Alejandra Del Milagro 91 (203); 92 (228)
 Yuschak, Sonia 174 (432)
 Zabornyj, Tamara 175 (435)
 Zaffanella, Belén 191 (157)
 Zago, M. Paola 55 (655)
 Zago, Valeria 332 (350)
 Zaiat, Jonathan 336 (511)
 Zalazar, Florencia 55 (655)
 Zaobornyj, Tamara 176 (440)
 Zappia, Daniel 133 (263)
 Zárate, Sandra 245 (251); 549 (629)
 Zeni, Susana Noemi 167 (31)
 Zerga, Marta 159 (420)
 Zgajnar, Nadia Romina 385 (381); 409 (454)
 Zili, Zhai 52 (588)
 Zin, Yael 360 (359)
 Zorrilla Zubilete, María Aurelia 360 (359)
 Zotta, Elsa 115 (377); 118 (595); 43 (457); 560 (543); 503 (627); 121 (625); 227 (177)
 Zubeldía Brenner, Lautaro 236 (651)
 Zubiría, Guillermina 447 (204); 384 (374)
 Zubiría, María G 224 (39)
 Zuccoli, Johanna 69 (640); 326 (614)
 Zuleta, Angela 77 (341)
 Zumoffen, C 438 (100)
 Zwenger, Ariel O. 187 (112)
 Zyla, Leila Ester 462 (427); 473 (487); 323 (576); 530 (586)