

Virus entericos segmentados en materia fecal de diferentes especies convivientes en la provincia de La Rioja.

¹Cuffia V.I., ¹Silvera C.M.A., ¹Díaz Ariza M., ²Sabini L.I., ¹Cordoba P.A

¹Departamento de Investigación. Instituto Universitario Ciencias de la Salud
“Fundación H.A. Barceló” La Rioja.

²Departamento de Microbiología e Inmunología. Facultad de Cs. Exactas Fco. Qca. y Naturales. Universidad Nacional de Río Cuarto.

El noroeste del país se caracteriza por la convivencia de diferentes especies posibilitando un intercambio de segmentos virales entre las especies. Nuestro objetivo fue determinar las especies animales que comparten el hábitat con el hombre, los virus entéricos y sus características genéticas.

Se obtuvieron 241 muestras de materia fecal de niños (111muestras) y animales (130muestras) asintomático convivientes desde 95 hogares de La Rioja. Se obtuvieron 50 muestras de materias fecales de niños (46 muestras) y animales (4 muestras) sintomatológicos no convivientes. A todas las muestras obtenidas se les realizó electroforesis en gel de poliacrilamida con coloración de plata. La variabilidad genética de Rotavirus fue realizado por la técnica de RT-PCR.

Del total de hogares estudiados pudo demostrarse convivencia con animales en un 86,3%. En la capital el 78,2% cohabitan con animales, en el interior de la provincia fue superior (97.5%). Los animales convivientes con el hombre fueron perros (63%), aves(19%), animales de producción(13,1%), gatos (2,3%)y conejo(2,3%). En el 18,6% de las muestras se detectó virus entericos segmentado. En los niños asintomáticos encontramos Picobirnavirus (93,3%) y Rotavirus (6,7%), en los animales asintomáticos solo Picobirnavirus (100%). En los niños sintomáticos detectamos 96,8% de Rotavirus y 3,2% de Picobirnavirus, en los animales sintomáticos detectamos 4 segmentos de ARN. La variabilidad genética de Rotavirus en los niños asintomático fue G2, en niños sintomáticos G1(6,35 %), G2(36,50 %), G3(23,80%), G4(12,70%) y G9(20,63 %). El 65% de las infecciones fueron mixtas y el 6,45% de las cepas no pudieron ser genotipificadas.

En la provincia de La Rioja existe una alta convivencia simultánea de varias especies, En este hábitat circulan virus entéricos segmentados con alta variabilidad genética, esto permitiría la evolución genética del virus, provocando la aparición de nuevos genotipos virales de importancia médica.